醫學統計與R

林建甫, Chien-Fu Jeff Lin, MD. PhD. ¹

September 13, 2006

¹國立台北大學統計系 (cflin@mail.ntpu.edu.tw). http://web.ntpu.edu.tw/~cflin

第 1 章: R 簡介

1: Introduction to R

R 系統是由 Ross Ihaka 與 Robert Gentleman 從 S 語言所發展出來, 主要是爲了統計分析與統計繪圖. R 除了資料處理與分析, R 擁有一完整陣列和矩陣的操作運算, 完整圖形工具, 也是一種相當完善的程式設計語言. S 語言在 1980 年代末期, 由 AT&T 實驗室, Rick Becker, John Chambers, 與 Allan Wilks 發展用來進行統計分析與統計繪圖, Insightful 公司將 S 商品化, 並加入許多方便的操作介面, 稱爲 S-PLUS. R 可視爲統計數學軟體, 也是一種程式語言. R 與 S (或 S-PLUS) 語法大多相近, 但是 R 是一個免費 (open-source, GNU General Public License) 的統計分析軟體, 目前由一群跨國際的志工人員組成的 R 核心發展組織 (R core-development team) 所維持, 運作與持續更新發展. R 計畫的網址在 http://www.r-project.org. 在這網址上可獲的更多有關 R 的資訊. R 與 S 都是以物件導向爲主的程式語言, 透過交互作用方式很容易地進行統計分析與統計繪圖, 這與 SAS, SPSS 的方式有所不同.

1.1 下載與安裝 R

R 有各種版本, 可以在 Microsoft Window XP, Unix, Linux, Apple Mac OS 等作業性系統運行, 當今的最新版是 R 2.3.1 (2006-06-01), 約 27.3M, (R 時常有更新版本), 下載與安裝簡述如下:

- 1. 上網至 http://www.r-project.org
- 2. 按滑鼠點選網頁左邊連結 (Link) 下載區 Download "CRAN"
- 3. 按滑鼠點選網頁 CRAN Mirrors 中的任一鏡像網址, 如 US http://cran.us.r-project.org/ (Pair Networks, Pittsburgh, PA)
- 4. 按滑鼠點選網頁 Frequently used pages 中的 Windows (95 and later)
- 5. 按滑鼠點選網頁 R for Windows 中的 base
- 6. 按滑鼠右鍵, 點選網頁, R-2.3.1 for Windows 中的 R-2.3.1-win32.exe, 儲存至個人檔案夾內
- 7. 至下載的檔案夾內, 按滑鼠點擊 R-2.3.1-win32.exe 兩次, 即可進行安裝.
- 8. 可選擇中文或英文進行安裝.

· 2 · 1.2 簡單實例

- 9. 硬碟空間許可下, base 套件全部安裝.
- 10. 從桌面, 點擊 R-2.3.1 圖像兩次, 開啓程式.
- 11. 從程式視窗上端, 點選表單-編輯, 最下方-GUI 偏好設定
- 12. GUI 偏好設定, 可點選 SDI mode, 改變顏色等.

1.2 簡單實例

學習 R 最好的方法, 就是要開始使用 R, 初學者要了解 R, 可先進行一些簡單實例的演練.

> setwd("X://temp//RData")

改變執行中的檔案夾目錄

1+2

> help.start()

發出 超文字連結-網頁流覽器介面 (html one-line help), 線上協助 (需使用網瀏覽器).

> x < - rnorm(50)

> y < -rnorm(x)

產生 2 維的隨機變數向量 \underline{x} 和 y.

> plot(x, y)

對 \mathbf{x} 和 \mathbf{y} 做圖,圖案結果會視窗會自動地出現.

> ls()

檢查看 R 工作空間中, 有哪些物件

> rm(x, y)

移除不再需要的物件

> x < -1:25

產生向量數列 $\underline{\mathbf{x}} = (1, 2, \dots, 25)$.

$> z < -x^2$

向量 \underline{z} 爲 \underline{x} 的變數轉換, $\underline{z} = \underline{x}^2$.

> y < -(2+rnorm(x)) + (4+rnorm(x))*z + (rnorm(x)*sd(z))

向量 y 爲 z (x) 的線性組合加上隨機變數向量

> plot(x, y)

<u>x</u>對 y 做圖

> simple.data <- data.frame(x=x, y=y, z=z)

產生一組資料 (one set of data frame), 名叫 simple.data 內含 x, y, z 三個變數, 從原先三個 向量 \underline{x} , \underline{y} , \underline{z} 合成.

> fit.lm <- lm(y x, data=simple.data)

配適 y 對 x 簡單的線性迴歸.

> summary(fit.lm)

摘要配適的結果

© Jeff Lin 醫學統計與 R

第1章: R: 簡介 $\cdot 3$ \cdot

> rm(x, y, z)

移除原先三個向量物件,<u>x</u>,y,<u>z</u>.

> attach(simple.data)

在 R 中, 貼上 simple.data 資料, 可直接使用 x, y, z.

> fit.lowess < – lowess(x, y)

配適一各非參數迴歸分析.

> plot(x, y)

<u>x</u>對 y 做圖

> lines(x, fit.lowess\$y)

加上非參數迴歸線.

> abline(coef(fit.lm), col = "red")

加上簡單線性迴歸線.

- > detach() 移除 simple.data 資料, 不可再直使用.
- > plot(fitted(fit.lm), resid(fit.lm),
- + xlab="Fitted Values",
- + ylab="Residuals",
- + main="Residuals v.s. Fitted")

標準線性回歸殘差圖做診斷,可見配適不好.

> qqnorm(resid(fit.lm), main="Residuals QQ Plot")

檢驗殘差的常態分配狀態

> rm(fit.lm, fit.lowess, simple.data)

移除不再需要的物件.

1.3 R 常用指令

1.3.1 物件命名與指令使用

R 與 S 都是以物件導向爲主的程式語言, R 中, 每一樣 "東西", 都叫做 "物件", 物件可以是向量 (vector), 矩陣 (matrix), 陣列 (array), 列表 (Lists), 或 資料框架 (data frames) 等. 透過指令, 很容易地對物件進行統計分析與統計繪圖. 須特別注意, 在 R 指令的英文大小寫有差異, s 與 S 是不同的, R 也保留一些物件與指令名稱, 如 c, s, C, T, codeF 等, 這些叫做 "保留名字 reserved names

FALSE Inf NA NaN NULL TRUE break else for function if in next repeat while F $\ensuremath{\text{T}}$

另外一些系統常用的指令名稱,如

c q s t C D F I T diff mean pi range rank var

醫學統計與 R © Jeff Lin

 \cdot 4 \cdot

初學者對物件命名時盡量避免定義一個物件,與現有的物件同名. 所以命名時要避免重覆,以免後來引起錯亂. 對物件命名時,物件名稱起始位置須以文字或 "." (句點),若物件名稱以 "." 爲起始,名稱第二個位置需爲文字,物件名稱其餘位置,以文字 (A-Z 或 a-z),數字 (0-9), "/", ".",或 "-",皆可.中間不可有空格或 "-" (underscore).

R 基本介面是一個互動式指令視窗, 指令可分成 **運算式 expression** 如 1+2 或 **指派運算 (賦值運算) assignment**, 如 x<−1+2. 當一個 R 程式需要你輸入指令時, 它會顯示指令提示號, 指令提示符號 通常是一個 > (大於符號), 完整 **運算式** 指令輸入後的結果, 馬上顯示在指令下方. **指派運算** 同樣會做運算式, 並且把結果 (値) 傳給變數, 但結果不會自動顯示在視窗螢幕上.

指派運算符號通常是 "<-",一個小於符號和一個短線符號組成,如 x<-1+2,讀成 x "得到" (1+2). 若要重複一個指令,或是叫回過去的指令,可以用鍵盤上 "向上" \uparrow 箭頭,調出前面用過,便可顯示回過去的指令,再利用鍵盤上 $\langle DEL \rangle$ 更改.

如果一條指令在一行結束的時候,在語法上還不完整,R 會給出另一個不同的提示符號,通常是 +,該提示符號 +,會出現在第二行,和隨後的行中,持續等待輸入指令,當一指令在語法上是完整的時候,才執行指令.不同的完整指令再同一行時,可用;(分號)隔開,或是另起一新輸入行.指令可以放入大括弧內,{},放在一起,構成一個複合運算式 (compound expression). 注釋 (commands) 幾乎可以放在任何地方,任何一行中,注釋從 # (井號) 開始,到句子收尾之間的語句就是是注釋.

1.3.2 解説與輔助文件

R 有良好的解說文件, 最常使用的線上協助爲啓動網頁流覽器

> help.start()

若知某一特定函式名稱,則可直接輸入下列任一種指令

- > help(mean)
- > ?mean

注意對於有特殊含義的字元,可以加上雙引號或者單引號,即"字串";查詢特殊符號也要用雙引號(")括起來,

- > help("if")
- > ?"=="

另一協助指令 help.search()可以讓人尋找某一特定主題,允許你用任何方式搜尋輔助文檔,如

> help.search("linear models")

指令 example() 可以執行某一特定函式輔助文件中的例子,如

> example(plot)

指令 data() 可以顯示 R 目前所有的資料組,以及載入謀特定資料組,如

- > data()
- > data(Titanic) # 載入 Titanic 這組資料

© Jeff Lin 醫學統計與 R

第1章: R: 簡介 · 5 ·

1.3.3 顯示物件與移除物件

在 R 中產生和控制的實體稱爲"物件",它們可以是向量,陣列,字串,函式等 R 指令 object()或 ls() 可以顯示當前保存在 R 環境中的物件名稱.

- > object() # 顯示當前保存所有物件 > ls() # 顯示當前保存所有物件
- > ls(x,y) # 顯示 x 與 y 物件是否存在

透過指令 rm, 可以刪除物件

> rm(x, y)

R 工作中產生的所有物件,可以永久地保存在當前工作目錄下一個文字檔案中,以便於以後的 R 使用. 在每一次 R 工作結束的時候,你可以保存所有當前可用的物件.這些物件會寫入當前工作目錄下,一個叫 .RData 的文字檔案中,並且所有在這次工作中用過的指令,都會被保存在工作目錄,一個叫 .Rhistory 的文字檔案中.當 R 再次在同一工作目錄下啓動時,這些物件將從這些檔案中,重新引入使用,同時,相關的歷史指令檔案,也會被引入使用.使用 R 做統計資料分析,不同的分析資料計畫,最好用不同的工作目錄,在分析資料過程中,將物件命名爲 x 和 y 等,是一件常見的事,在任一次的分析計畫中,這樣的命名是有其特定含義的,但不同分析資料計畫,在一個工作目錄下進行時,區別資料內相同物件名稱,是一件非常困難的事情.

1.3.4 中斷執行中的程式

許多時候, 由於程式寫作不當, 造成 R 永無止境的執行運算, 若要中斷執行中的程式, 可以按 ESC 鍵, 如

> for (in in 1:100000) print (i) # 請按 ESC 鍵

請按 ESC 鍵中斷.

1.3.5 函式 Functions

R 語言中有許多內部 **函式** (function) 物件,並且可以用在其他的運算式中. 透過函式,擴展了 R 在程式語言的功能性,便利性. 大多是函式都作爲 R 系統的一部分提供,如 sum(), mean(), var() 等等. 這些函數都是用 R 寫成的. 一個函式內通常需輸入 **引數** (argument),以下面的語句形式使用

> function.name(arg_1, arg_2, ...)

該函式運算的最終結果 (值), 就是函式返回給的物件, 如

```
x<-c(1, 2, 3, 4, 5) # 函 c() 式返回一個向量</li>x[1] 1 2 3 4 5
```

> mean(x) # 函式 mean() 計算平均值後, 返回一個平均值結果的向量

[1] 3

 \cdot 6 ·

1.3.6 套件 Packages

有些學者針對特定分析,寫成專用的 R 函式,這些學者將特定的統計分析方法許多專用的函式集合成一組"**套件**" (**package**),如 survival 套件,專用來進行存活分析.在 R 中,由一些標準 (基本) 套件構成 base R,包含 R 可以進行一些標準統計和繪圖所需的的基本函數,在任何 R 的安裝版本中,都會被自動安裝與載入.另外,許多不同作者爲 R 貢獻了好幾百個 (非基本) 套件,若在 R 第一次使用某一特定 (非基本) 套件,須先連接網際網路,使用上方表單中程式套件表單,自動安裝和更新套件.若在 R中,要使用某一特定 (非基本) 套件,須先載入此特定套件,才能使用此特定套件內的函式,這樣做一是爲了提高效率,並防止物件名稱的名字互相衝突.

可以使用 library(),指令中沒有參數的指令,查看當前工作環境中所安裝的套件

> library()

爲了載入某特定套件,如 survival 套件,使用以下的指令

- > library(survival)
- > library("survival")

若要取的相關套件的輔助文件,可用下的指令

```
library(MASS) # 載入 MASS 套件
library(help=MASS) # 一般描述 MASS 套件
help(lda, package="MASS") # lda 是 MASS 套件中的一個函式
help(lda) # 如果已經載入 MASS 套件
```

要查看或使用套件中的內建資料框架 (data.frame), 可用以下的指令

- > library(stats) # 載入 stats 套件
- > data() # 查看現有資料框架
- > data(Puromycin)# 查看 Puromycin 資料框架
- > # Alternative way
- > data(package="stats")
- > data(Puromycin, package="stats")
- > Puromycin

```
conc rate state
1 0.02 76 treated
2 0.02 47 treated
3 0.06 97 treated
4 0.06 107 treated
5 0.11 123 treated
```

1.3.7 輸入指令檔案與輸出結果

指令可以用文件編輯軟體先輸入儲存成 ASCII 文字檔, 然後再 R 中叫入執行, 可在視窗左上方表單 檔案 點選輸入 R 程式碼, 或用下列指令

© Jeff Lin 醫學統計與 R

第1章: R: 簡介 · 7 ·

> source("commands.R")

函式 sink() 可以將以執行的指令,程式碼與結果輸出至檔案儲存,如下

> sink("record.out")

1.3.8 Rcmdr 套件文字編輯軟體

由 John Fox, McMaster university (英國) 所寫的 **Rcmdr** 套件, 提供如 SPSS 圖形使用者界面 (GUI, Graphics User Interface), 方便資料處裡與常用的統計分析, 可用以下的指令載入, R 會自動 安裝與載入其他必要套件. (第一次使用 套件, **Rcmdr** 須先連接網際網路, 安裝和更新套件.)

library("Rcmdr")

使用 Rcmdr GUI 表單點選, R 會自動產生相關指令,使用者可以在指令視窗中做修改.

1.3.9 文字編輯軟體

R 有簡單的內建文字編輯器, 先從程式視窗上端, 點選表單-編輯, 最下方-GUI 偏好設定, GUI 偏好設定, 可點選 MDI mode 之後, 在視窗上端表單-檔案, 可點選 建立新的指令檔案 或 開啓指令檔案, 就可開啓一(新)文字檔案, 容許輸入指令, 當點選並反白所要執行的指令程式碼, 再點選視窗上端表單下, 小的執行圖示-執行程式列-(類似 <=>), 即可執行指令.

用 記事本 (Notepad) 或 Wordpad 等文字編輯軟體,可先寫入指令程式碼,然後點選並反白所要執行的指令程式碼,在文字編輯軟體點選複製,然後在 R 點選小的執行圖示—貼上—,即可執行指令.

有許多文字編輯軟體用來支援 R 的使用, 常見如 Xemacs, SciViews R GUI, WinEdt, Tinn-R 等. 對粗學者而言, Tinn-R 是一個小, 但是免費的軟體, 主要用來支援 R 而設計, 可以在下列網址 http://http://www.sciviews.org/Tinn-R/下載.

醫學統計與 R © Jeff Lin