Python

-Calcular el porcentaje de bases de G y C en una secuencia de ADN

```
#Calcular el porcentaje de GC en una secuencia de ADN Ginger Yereni
Cedeño Belalcazar

CONTENIDO = "TATGCTG"

total_nucleotidos = len(CONTENIDO)

num_g = CONTENIDO.count('G')

num_c = CONTENIDO.count('C')

porcentaje_gc = ((num_g + num_c) / total_nucleotidos) * 100

print(f"Porcentaje de GC: {porcentaje_gc:.2f}%")
```

```
[8] #Calcular el porcentaje de GC en una secuencia de ADN Ginger Yereni Cedeño Belalcazar

CONTENIDO = "TATGCTG"

total_nucleotidos = len(CONTENIDO)

num_g = CONTENIDO.count('G')

num_c = CONTENIDO.count('C')

porcentaje_gc = ((num_g + num_c) / total_nucleotidos) * 100

print(f"Porcentaje de GC: {porcentaje_gc:.2f}%")

♣ Porcentaje de GC: 42.86%
```

-Determinar un programa....

```
#Buscar un motivo en una secuencia de ADN Ginger Yereni Cedeño

ginger_secuencia = "TATGCTG"

motivo = "GC"

posicion = ginger_secuencia.find(motivo)

if posicion != -1:

    print(f"El motivo '{motivo}' se encuentra en la posición {posicion}

de la secuencia de ADN.")

else:

    print(f"El motivo '{motivo}' no se encuentra en la secuencia de

ADN.")
```

```
#Buscar un motivo en una secuencia de ADN Ginger Yereni Cedeño
ginger_secuencia = "TATGCTG"
motivo = "GC"
posicion = ginger_secuencia.find(motivo)
if posicion != -1:
    print(f"El motivo '{motivo}' se encuentra en la posición {posicion} de la secuencia de ADN.")
else:
    print(f"El motivo '{motivo}' no se encuentra en la secuencia de ADN.")

El motivo 'GC' se encuentra en la posición 3 de la secuencia de ADN.
```

link de bioPython:

https://colab.research.google.com/drive/1vEbTZmQZpkLg0YVw_Sp1J4tgK3T4Ly2Y?usp=sharing

los comandos a utilizar fueron

git clone https://github.com/yiyiC3/Casa.git git status git commit -m Version1 git push origen