



Original

ϕ/ψ distribution of G₇ from cyclo-(SESEG4)

AA

P

A

L

M

E

Ι

W

C

V

F

Q

Y

R

K

S

H

T

D

N

G

Conformer Probability P_{II}

0.80

0.46

0.43

0.40

0.40

0.39

0.39

0.38

0.37

0.35

0.35

0.34

0.34

0.34

0.33

0.30

0.29

0.29

0.24

0.21

 β

00.0

0.23

0.21

0.24

0.22

0.36

0.26

0.31

0.39

0.33

0.26

0.32

0.27

0.26

0.25

0.30

0.28

0.09

0.15

0.09

 α_{R}

0.15

0.21

0.26

0.21

0.28

0.20

0.23

0.18

0.19

0.20

0.26

0.21

0.26

0.29

0.33

0.22

0.38

0.43

0.30

0.09

 α_{L}

0.00

0.02

0.02

0.03

0.03

0.00

0.03

0.03

0.00

0.03

0.04

0.03

0.04

0.04

0.02

0.06

00.0

0.05

0.13

0.27

Zhou, C.-Y., Jiang, F. & Wu, Y.-D. J. Phys. Chem. B. 119, 1035-1047 (2015)

Linker sequence selection is

informed by aa's intrinsic propensity

Background	Project Description	Results	Conclusion
------------	---------------------	---------	------------

Conformer Definition

AA

D

T

S

N

K

E

L

Q

R

W

H

A

M

Y

I

F

V

C

P

G

Conformer Probability P_{II}

0.29

0.29

0.33

0.24

0.34

0.40

0.43

0.35

0.34

0.39

0.30

0.46

0.40

0.34

0.39

0.35

0.37

0.38

0.80

0.21

 β

0.09

0.28

0.25

0.15

0.26

0.22

0.21

0.26

0.27

0.26

0.30

0.23

0.24

0.32

0.36

0.33

0.39

0.31

0.00

0.09

 α_{R}

0.43

0.38

0.33

0.30

0.29

0.28

0.26

0.26

0.26

0.23

0.22

0.21

0.21

0.21

0.20

0.20

0.19

0.18

0.15

0.09

 $\alpha_{\rm L}$

0.05

0.00

0.02

0.13

0.04

0.03

0.02

0.04

0.04

0.03

0.06

0.02

0.03

0.03

0.00

0.03

00.0

0.03

00.0

0.27