

***ϕ/ψ* distribution of G_5 from cyclo-(SESEG4)**

Conformer definition of L-a's

Conformer definition D-a's

**Linker sequence selection is
informed by aa's intrinsic propensity**

Background

Project Description

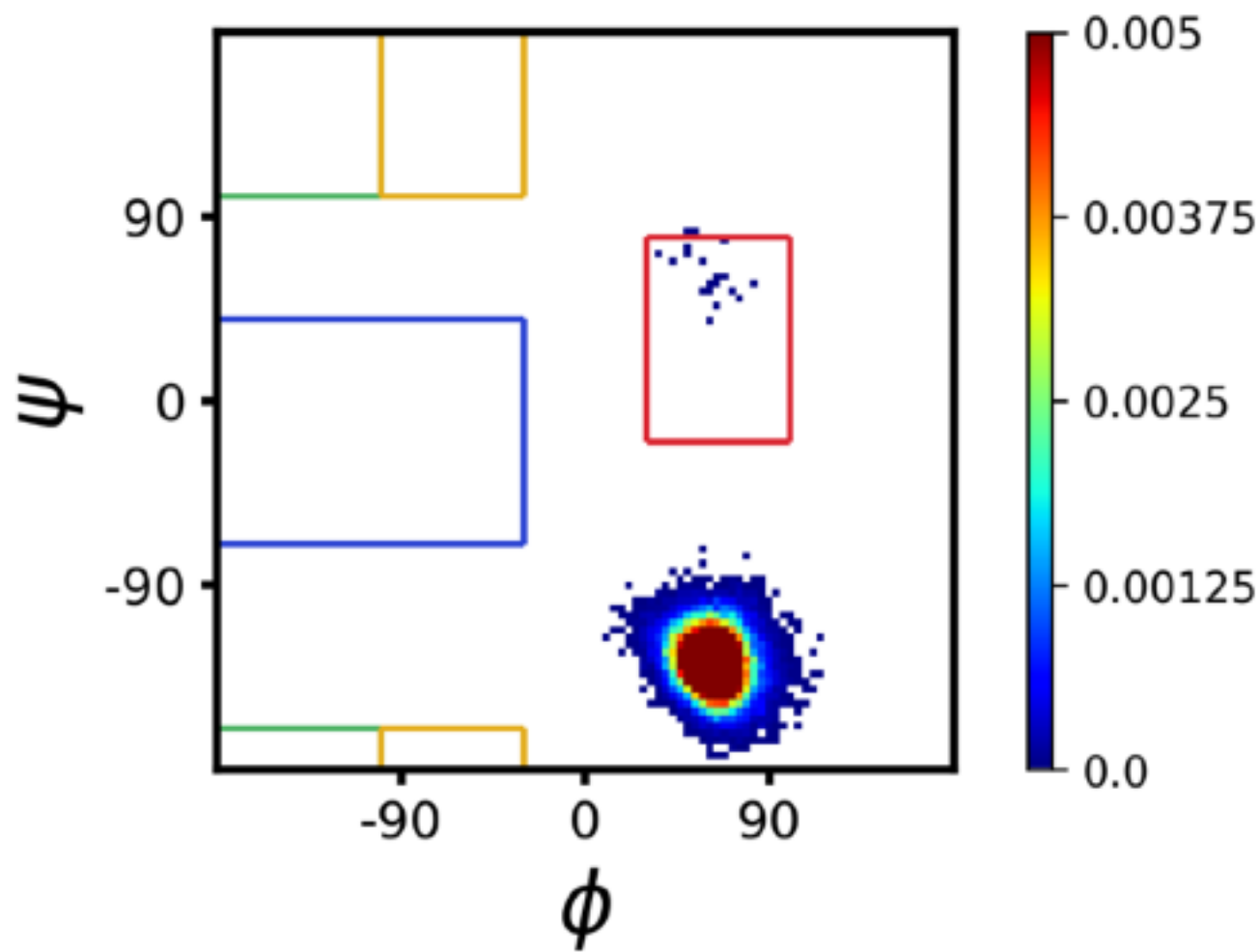
Results

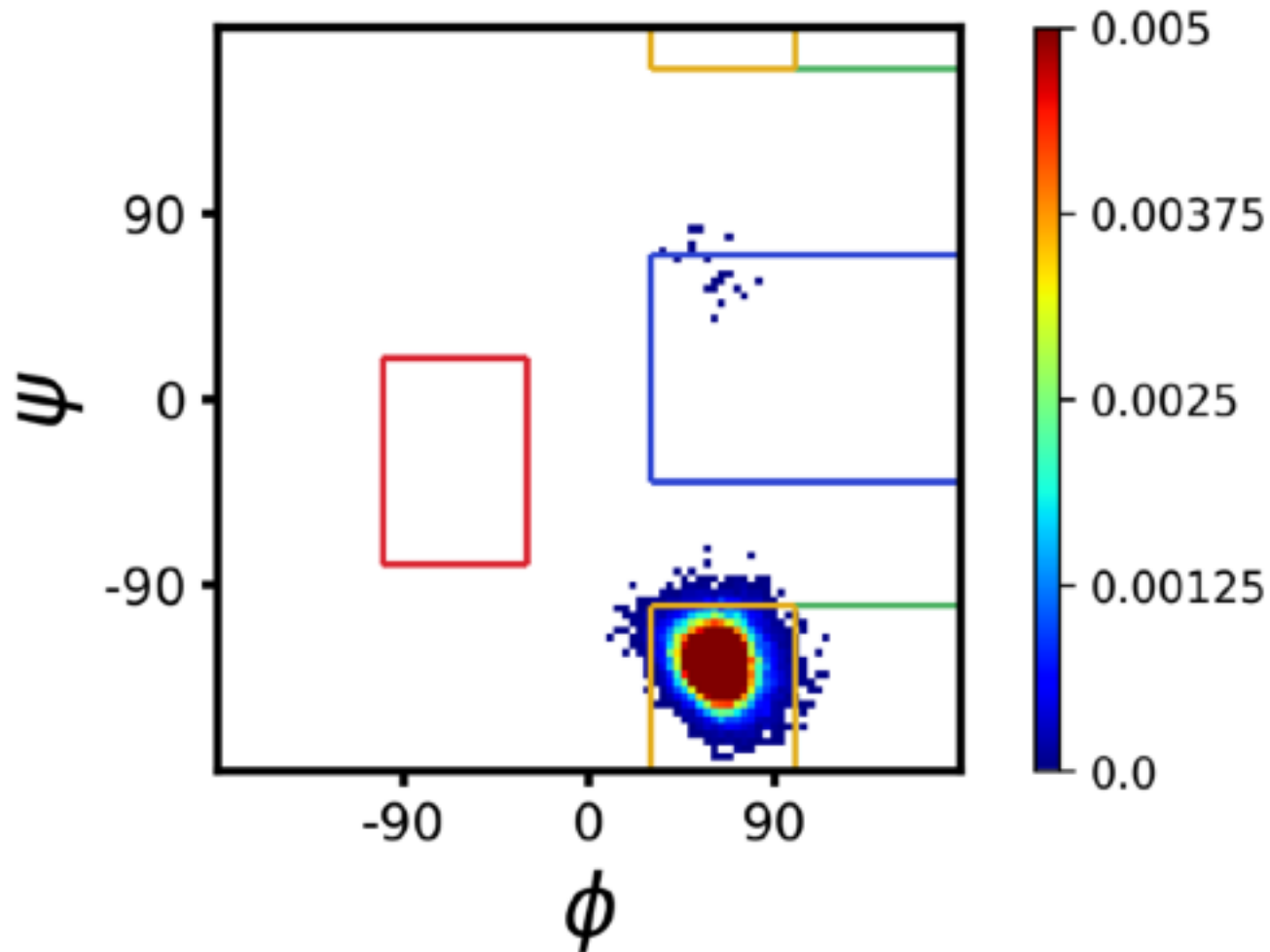
Conclusion

Conformer Probability (PII)				
AA	P _{II}	β	α_R	α_L
P	0.80	0.00	0.15	0.00
A	0.46	0.23	0.21	0.02
L	0.43	0.21	0.26	0.02
M	0.40	0.24	0.21	0.03
E	0.40	0.22	0.28	0.03
I	0.39	0.36	0.20	0.00
W	0.39	0.26	0.23	0.03
C	0.38	0.31	0.18	0.03
V	0.37	0.39	0.19	0.00
F	0.35	0.33	0.20	0.03
Q	0.35	0.26	0.26	0.04
Y	0.34	0.32	0.21	0.03
R	0.34	0.27	0.26	0.04
K	0.34	0.26	0.29	0.04
S	0.33	0.25	0.33	0.02
H	0.30	0.30	0.22	0.06
T	0.29	0.28	0.38	0.00
D	0.29	0.09	0.43	0.05
N	0.24	0.15	0.30	0.13
G	0.21	0.09	0.09	0.27

Conformer Probability (β)				
AA	P_{II}	β	α_R	α_L
V	0.37	0.39	0.19	0.00
I	0.39	0.36	0.20	0.00
F	0.35	0.33	0.20	0.03
Y	0.34	0.32	0.21	0.03
C	0.38	0.31	0.18	0.03
H	0.30	0.30	0.22	0.06
T	0.29	0.28	0.38	0.00
R	0.34	0.27	0.26	0.04
W	0.39	0.26	0.23	0.03
Q	0.35	0.26	0.26	0.04
K	0.34	0.26	0.29	0.04
S	0.33	0.25	0.33	0.02
M	0.40	0.24	0.21	0.03
A	0.46	0.23	0.21	0.02
E	0.40	0.22	0.28	0.03
L	0.43	0.21	0.26	0.02
N	0.24	0.15	0.30	0.13
D	0.29	0.09	0.43	0.05
G	0.21	0.09	0.09	0.27
P	0.80	0.00	0.15	0.00

ϕ/ψ distribution of G_5 from cyclo-(SESEG4)





ϕ/ψ distribution of G_6 from cyc-(SESEG4)

informed by a's intrinsic propensity

Linkersequenzen selection