기초통계 및 ML 과제 - 이재열

1. Iris 데이터셋을 활용해 클래스별 변수 평균 차이를 검정

1. 먼저

S	epal length s	sepal width p	etal length p	petal width	species			
0	5.1	3.5	1.4	_	setosa			
1	4.9	3.0	1.4	0.2	setosa			
2	4.7	3.2	1.3	0.2	setosa			
3	4.6	3.1	1.5	0.2	setosa			
4	5.0	3.6	1.4	0.2	setosa			
	sepal_length	sepal_width	petal_length	petal_widt	h species			
145	6.7	3.0	5.2	2.	3 virginica			
146	6.3	2.5	5.0	1.	9 virginica			
147	6.5	3.0	5.2	2.	0 virginica			
148	6.2	3.4	5.4	2.				
149	5.9	3.0	5.1	1.	8 virginica			
<class 'pandas.core.frame.dataframe'=""></class>								
RangeIndex: 150 entries, 0 to 149								
Data columns (total 5 columns):								
#	Column	Non-Null Cou	nt Dtype					
0		150 non-null						
1	. –	150 non-null						
2		150 non-null						
3	. –	150 non-null						
4		150 non-null	object					
dtypes: float64(4), object(1)								
memory usage: 6.0+ KB								
None								

Iris 데이터셋을 "iris" 라는 이름으로 불러오고, .head(), .tail(), .info() 를 각각 출력한 결과. Dtype이라고 되어 있는 자료형에 맞게 데이터가 제대로 들어가 있는 것까지 확인할 수 있습니다.

2. 기술통계량 산출

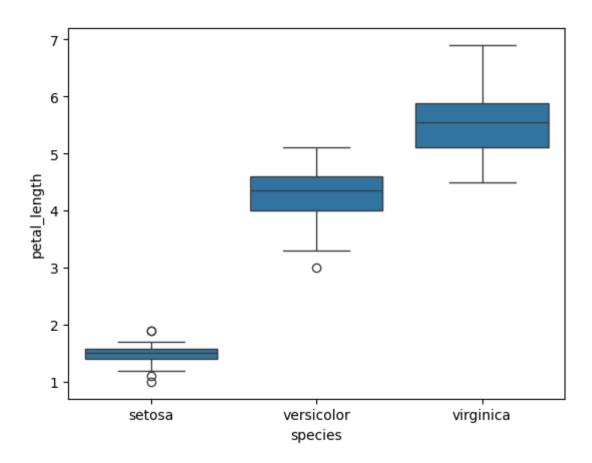
다음 페이지에 나와 있는 사진처럼, 최댓값, 최솟값, 평균, 표준편차, 그리고 사분위수를 각각 출력했습니다. Pandas를 쓰는 건 이번이 처음인데 SQL과 닮은 점이 여러모로 있는 것 같아요.

```
Maximum
species
setosa
             1.9
versicolor
             5.1
virginica
             6.9
Name: petal_length, dtype: float64
Minimum
species
setosa
             1.0
versicolor
             3.0
             4.5
virginica
Name: petal_length, dtype: float64
Mean
species
setosa
             1.462
versicolor
             4.260
virginica
             5.552
Name: petal_length, dtype: float64
Sigma
species
setosa
             0.173664
versicolor
             0.469911
             0.551895
virginica
Name: petal_length, dtype: float64
Quartile
           Q1
                  Q2
                         Q3
species
           1.4 1.50 1.575
setosa
versicolor 4.0 4.35 4.600
virginica 5.1 5.55 5.875
```

3. 시각화

matplotlib.pyplot의 Boxplot 기능을 이용해 시각화한 결과입니다.

한눈에 봐도 setosa, versicolor, virginica 로 갈수록 petal_length 값이 커지는 것을 알 수 있습니다.



4. 정규성 검정

Shapiro-Wilk 검정은 데이터가 주어졌을 때 그 데이터가 정규분포를 따르는지 안 따르는 지를 확인하는 검정 방법입니다.

우선 귀무가설은 "데이터가 정규분포를 따른다" 로 설정하고, 이에 따라 대립가설은 "데이터가 정규분포를 따르지 않는다" 로 설정합니다. 그 후 scipy를 이용해 검정을 실시합니다.

p-value of setosa: 0.054811 p-value of versicolor: 0.158478 p-value of virginica: 0.109775

모든 species에 대해 p-value가 0.05를 넘는 모습을 볼 수 있었습니다. 이는 귀무가설을 채택해야 함을, 즉 데이터가 정규분포를 어느 정도 따름을 의미합니다.

5. 등분산성 검정

정규성 검정은 완료되었고, 등분산성 검정을 시행합니다. Levene 검정 또한 scipy를 이용해 할 수 있습니다.

귀무가설은 "데이터가 등분산성을 만족한다", 이에 따라 대립가설은 "데이터가 등분산성을 만족하지 않는다"로 설정합니다. 그 후 scipy를 이용해 검정을 실시합니다.

p-value == 0.000000

P == 0이 나온 것으로 보아, 이번에는 귀무가설을 기각해야 함을, 즉 데이터가 등분산성을 만족하지 않음을 의미합니다.

6. 가설 수립

다음에 ANOVA 검정을 할 차례이고 ANOVA 검정은 평균을 비교하는 검정 방법이므로, 평균과 관련된 가설을 수립해야 합니다.

H0: 3개의 species에 대해 petal_length의 평균이 모두 같다.

H1: 3개 중 적어도 하나는 petal_length의 평균이 다르다.

이렇게 가설을 수립하고 ANOVA 검정을 진행합니다.

7. ANOVA 실행

One-way ANOVA를 하려면 등분산성이 있어야 한다고 알고 있지만, 우선 이후 분석은 등분산성을 만족한다고 가정하고 한다고 5번 항목에서 명시해 두었기 때문에 등분산성을 만족한다고 치고 ANOVA를 실행합니다.

p-value == 0.000000

P가 이번에도 0이 나왔습니다. 귀무가설을 기각하고, 적어도 하나는 petal_length가 다르다고 결론지을 수 있겠습니다.

이 결과는 3번 (시각화) 항목에서도 확인할 수 있는데, box plot에서도 분명하게 평균이 차이나는 것을 볼 수 있습니다.

8. 사후검정 (Tukey HSD)

Tukey HSD를 이용해 사후검정을 실행합니다. statsmodels 이라는 라이브러리를 불러오면 파이썬으로 쉽게 할 수 있습니다.

```
Multiple Comparison of Means - Tukey HSD, FWER=0.05

group1 group2 meandiff p-adj lower upper reject

setosa versicolor 2.798 0.0 2.5942 3.0018 True
setosa virginica 4.09 0.0 3.8862 4.2938 True
versicolor virginica 1.292 0.0 1.0882 1.4958 True
```

모든 세 쌍에 대해 reject가 True로 나왔습니다. 이 말은 어느 쌍을 골라도 유의미하게 평균이 차이난다는 말이 됩니다.

9. 결과 요약

이제 Boxplot, ANOVA, 사후검정 결과를 조합해 petal_length 값에 대한 결과를 요약합니다.

Boxplot에서 setosa, versicolor, verginica로 갈수록 petal_length 값이 전반적으로 커짐을 알 수 있었습니다.

등분산성을 만족하지는 않는 것으로 드러났지만 그래도 ANOVA를 돌렸을 때 p==0이나온 것을 보면 통계적인 방법을 사용했을 때도 평균이 최소한 모두 같지는 않다는 결론을 얻을 수 있었습니다. 마지막으로 Tukey HSD 사후검정을 돌렸을 때도 모든 쌍에 대해평균이 많이 차이난다는 결론을 얻을 수 있었습니다. 세 가지 방법 모두에서 저는 세 species간에 petal_length가 유의미한 차이가 난다는 결론으로 마무리지을 수 있겠습니다.

- 2. 실제 신용카드 사기 데이터셋을 활용해 클래스 불균형 상황에서 분류 모델을 학습
- 1. 데이터 로드 및 기본 탐색

Drive에 올라와 있던 creditcard.csv 파일을 불러와서 head(), info(), describe()를 실행해보고, 정상거래와(Class == 0) 사기거래(Class == 1)이 각각 몇 개나 되는지 알아봤습니다.

Class
0 284315
1 492
Name: count, dtype: int64

Column 개수가 많아서 그런지 output 길이가 정말 길어져서 마지막에 Class별 value_counts() 실행결과만 첨부합니다.

2. 샘플링

명세에 써 있는 대로 샘플링을 진행했고, 그에 따라 만들어진 새로운 데이터프레임에서 value_counts() 실행결과가 다음과 같이 바뀌는 것을 확인했습니다.

Class 0 10000 1 492 Name: count, dtype: int64

샘플링할 때 정상 데이터는 10000개만 뽑았기 때문에 자연스럽게 샘플링된 데이터에서 정상 데이터가 10000개임을 확인했습니다.

3. 데이터 전처리

Amount_Scaled라는 새로운 변수를 만들고 원래 있던 Amount는 제거했습니다.

Dataframe.drop() 함수에 inplace라는 인자를 주면 리턴값 없이 준 데이터프레임을 바꿀지 아니면 새로운 데이터프레임을 리턴해줄지를 결정할 수 있어서 inplace 인자를 적극적으로 활용해보았습니다.

4. 학습 데이터와 테스트 데이터 분할

명세에 나와 있는 대로 sklearn.model_selection.train_test.split을 이용해 테스트 데이터가 20%가 되도록 나누고, 클래스 비율을 출력했습니다. normalize=True라는 인자가 있더군요...

train data ratio: Class

0 0.953056 1 0.046944

Name: proportion, dtype: float64

test data ratio: Class

0 0.953311 1 0.046689

Name: proportion, dtype: float64

5. SMOTE 적용

지금까지 만든 데이터는 사기 거래 (Class == 1)인 데이터의 양이 현저히 적어서 사기 거래 패턴 학습이 어렵다는 단점이 있었습니다. 그렇기 때문에 SMOTE를 사용해서 사기 거래 데이터를 새로 생성해야 합니다.

```
Before SMOTE Counter({0: 7999, 1: 394})
After SMOTE Counter({0: 7999, 1: 7999})
```

다음 사진에서 볼 수 있듯, SMOTE 적용 전후 사기 거래 데이터 수는 394에서 7999로 수십 배 늘어난 것을 확인할 수 있습니다.

6. 모델 학습

Logistic Regression 모델을 선정했습니다.

처음부터 짰으면 굉장히 복잡했을 거 같은데 라이브러리로 이렇게까지 쉽게 된다는 게 신기하네요.

처음에 max_iter=1000으로 설정했다가 ConvergenceWarning: lbfgs failed to converge (status=1) 이런 경고를 만나서 max_iter을 10000으로 조절했더니 같은 경고가 뜨지 않았습니다.

	precision	recall	f1-score	support			
0	1.00	0.99	0.99	2001			
1	0.82	0.93	0.87	98			
accuracy			0.99	2099			
macro avg	0.91	0.96	0.93	2099			
weighted avg	0.99	0.99	0.99	2099			
0.9550235754867127							

7. 최종 성능 평가

저번 페이지에 첨부한 사진에서 볼 수 있듯, Recall, F1 값은 Class 1 (사기 거래)에서 F1=0.87이 뜬 점을 제외한다면 기준을 달성했다고 볼 수 있겠습니다.

PR-AUC같은 경우 Class1은 위 사진에서 볼 수 있듯 0.955 정도, Class0은 ipynb에 있는 마지막 코드에서 알 수 있듯 0.998로 매우 높게 나왔고, 기준을 달성했다고 볼 수 있겠습니다.

Class1의 경우 F1값을 올릴 방법은... 아직 제 부족한 지식으로는 잘 모르겠습니다.