

2016125003  
소프트웨어학과  
구영민

# IPython과 Numpy로 이미지 가지고 놀기

## 0. 사용할 라이브러리 import하기

```
import numpy as np
```

```
import matplotlib.pyplot as plt
```

```
from scipy.misc import imread
```

```
from scipy.stats import norm
```

```
# Normal Distribution의 PDF를 그리기 위해 사용합니다.
```

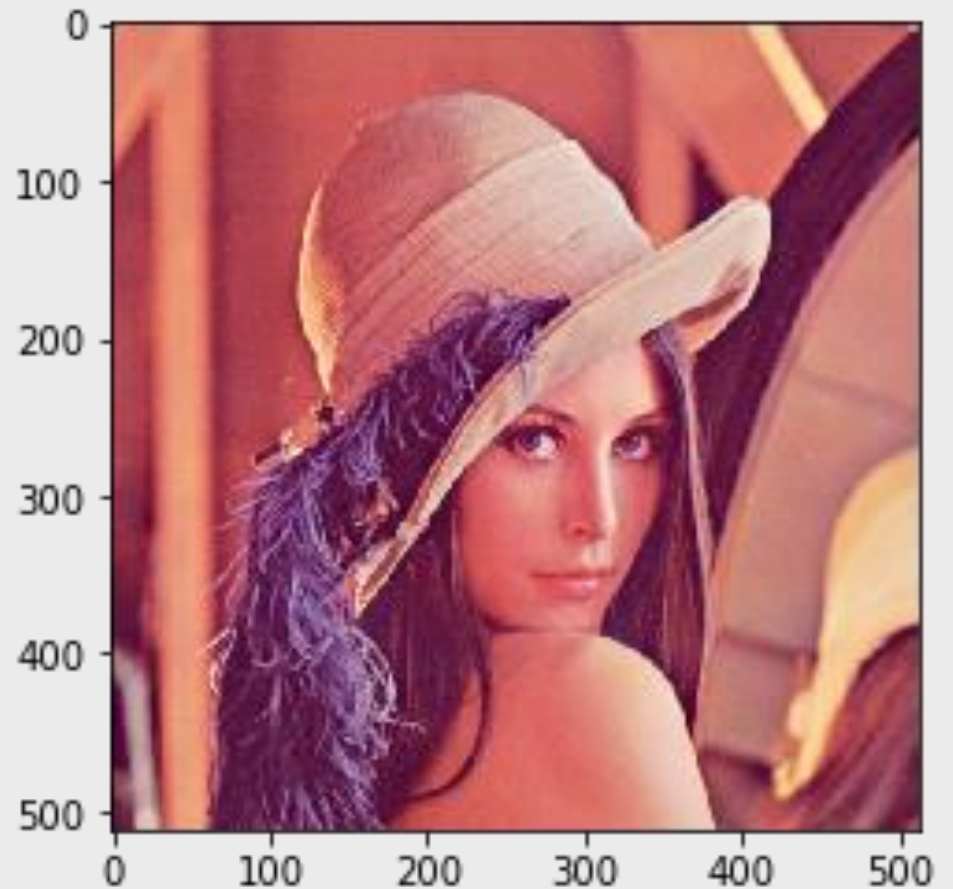
# 1. Image를 읽어 Numpy Array로 읽기

In [1]:

```
img = imread("lena.tiff")  
plt.imshow(np.uint8(img))  
plt.show()
```

scipy.misc.imread 모듈을 이용하여  
이미지 파일을 읽을 수 있습니다.

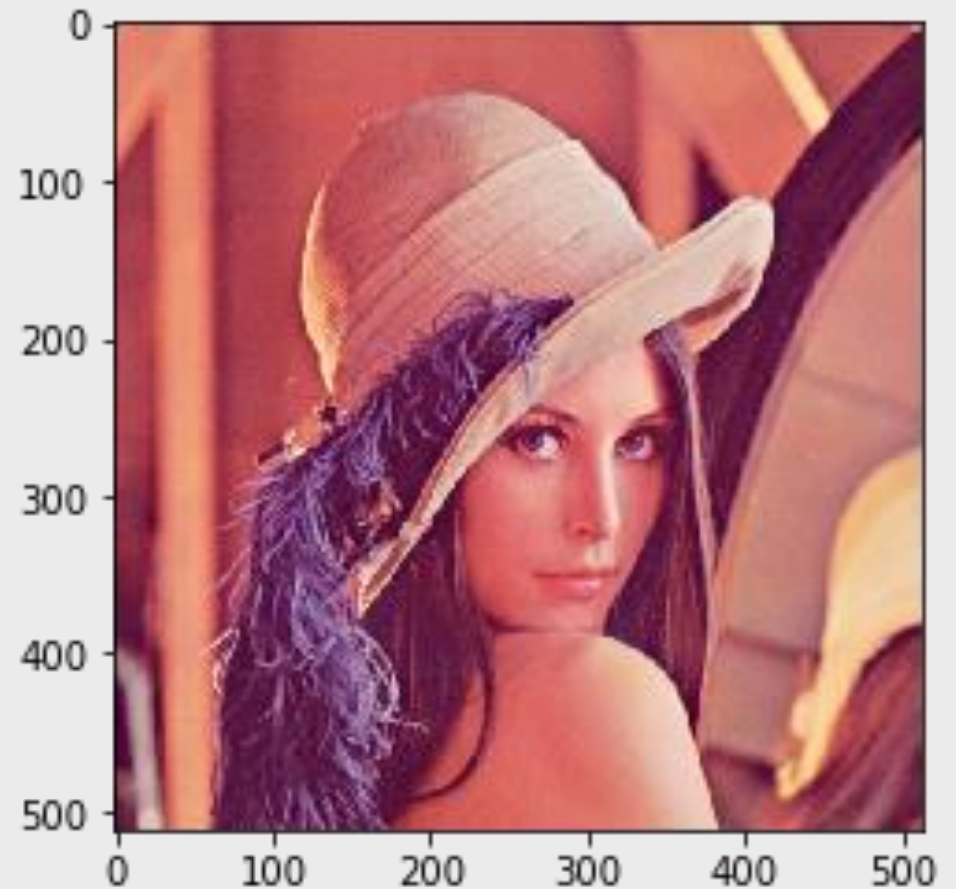
Out[1]:



# 1. Image를 읽어 Numpy Array로 읽기

```
In [2]: img.dtype, img.shape  
Out[2]: (dtype('uint8'),  
         (512, 512, 3))
```

어떤 모양을 가지는지 확인해 보았더니,  
512 by 512 by 3 모양을 가지고 있음을  
알 수 있습니다. 마지막의 3개에는 각각  
Red, Green, Blue 값이 저장되어 있습니다.



## 2. Image를 grayscale하기

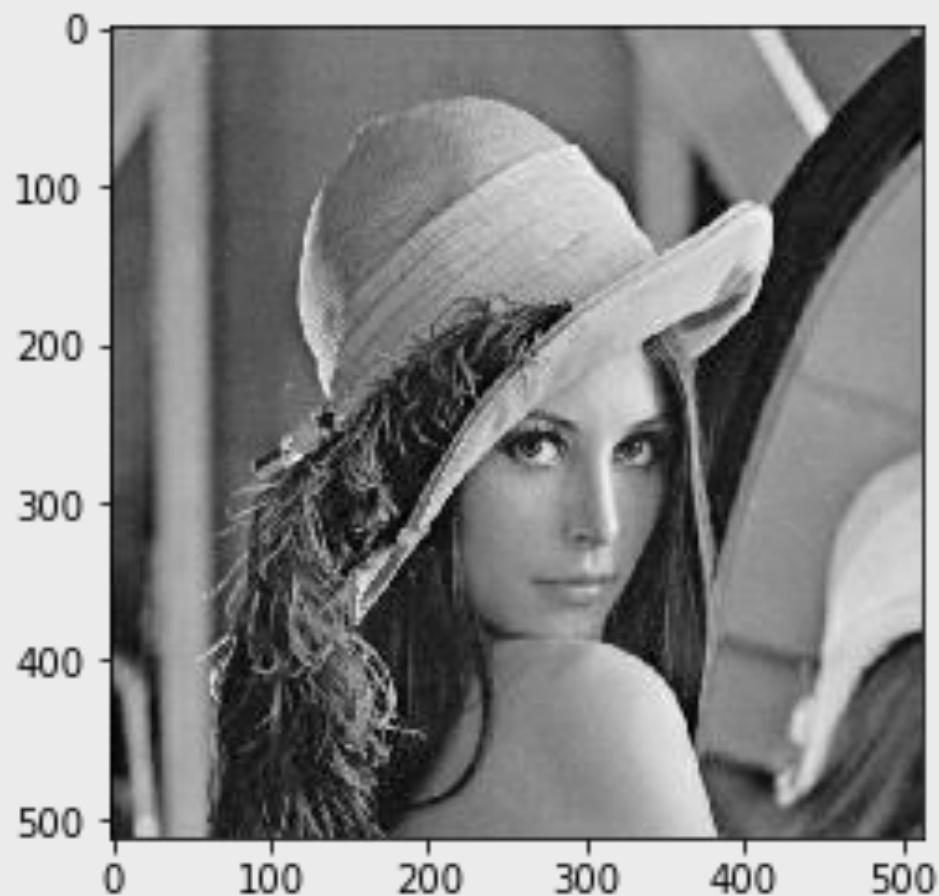
In [3]:

```
grayscale =  
    np.uint8(  
        img.dot([1./3, 1./3, 1./3]))  
plt.imshow(grayscale,  
    cmap=plt.get_cmap('gray'))  
plt.show()
```

RGB 부분과 적절한 가중치를 주는 행렬을 dot product 해 주면 이미지가 grayscale됩니다. Color map을 지정하지 않으면 이상한 색으로 출력되기 때문에 gray로 설정합니다.

출처: <http://stackoverflow.com/questions/12201577/how-can-i-convert-an-rgb-image-into-grayscale-in-python>

Out[3]:



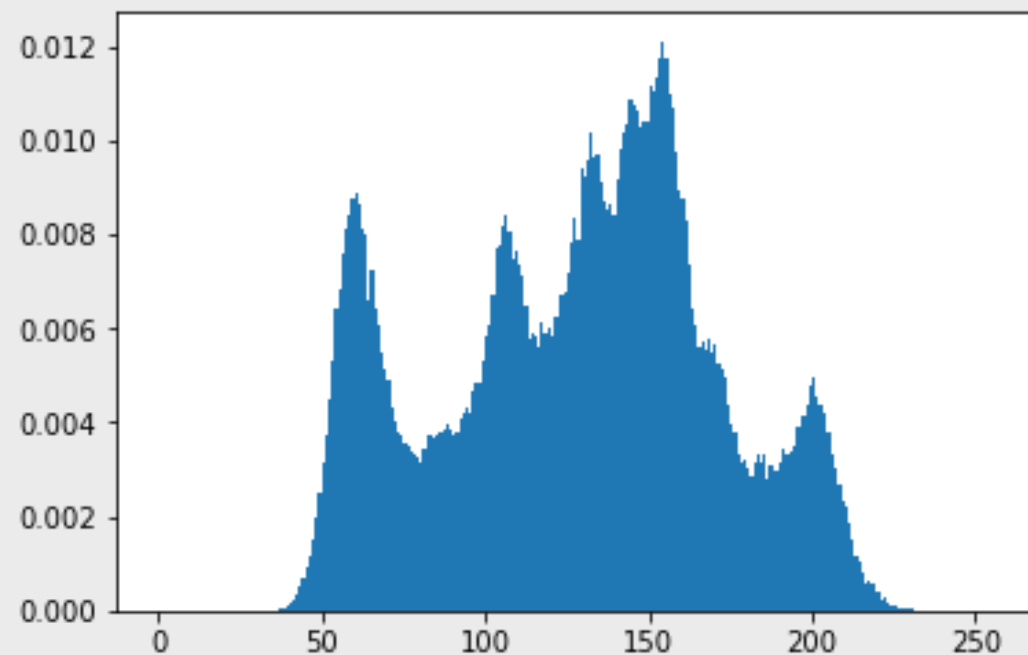
### 3. 히스토그램 생성

In [4]:

```
flat = grayscale.flatten()  
plt.hist(flat, bins=256,  
         range=[0, 256], normed=True)  
plt.show()
```

grayscale은 512 by 512 배열입니다. flatten() 함수는 이를 크기가 262144인 1차원 배열로 만들어줍니다. 이렇게 만들어진 배열을 plt.hist에 넘기면 친절하게도 빈도수를 세어서 히스토그램을 그려 줍니다.

Out[4]:



## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

In [5]:

```
hist, bin_edges =  
    np.histogram(flat, bins=256,  
                 range=[0, 256], density=True)  
cumsum = np.cumsum(hist)
```

CDF를 먼저 구해야 합니다. 고맙게도, Numpy에는 누적 합을 구하는 함수가 준비되어 있습니다. 이를 이용하면 CDF를 매우 쉽게 구할 수 있습니다.

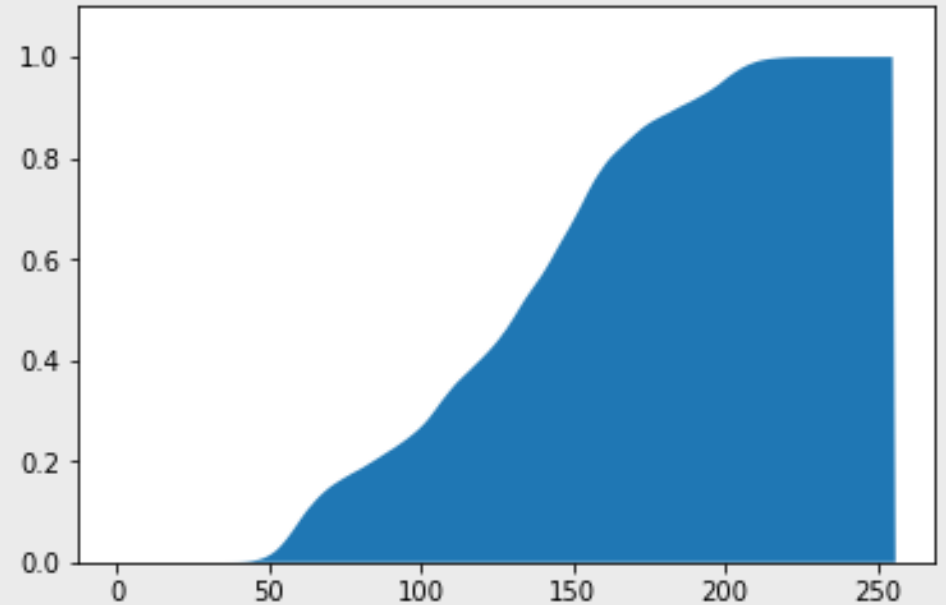
matplotlib에도 hist 함수가 있고, numpy에도 histogram 함수가 있습니다. matplotlib.hist은 즉시 그래프를 그려주지만, numpy.histogram은 히스토그램의 구성 요소인 배열 두 개를 반환합니다. 여기서는 누적 합을 구하기 위해 numpy.histogram을 사용하였습니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

Out[6]:

In [6]:

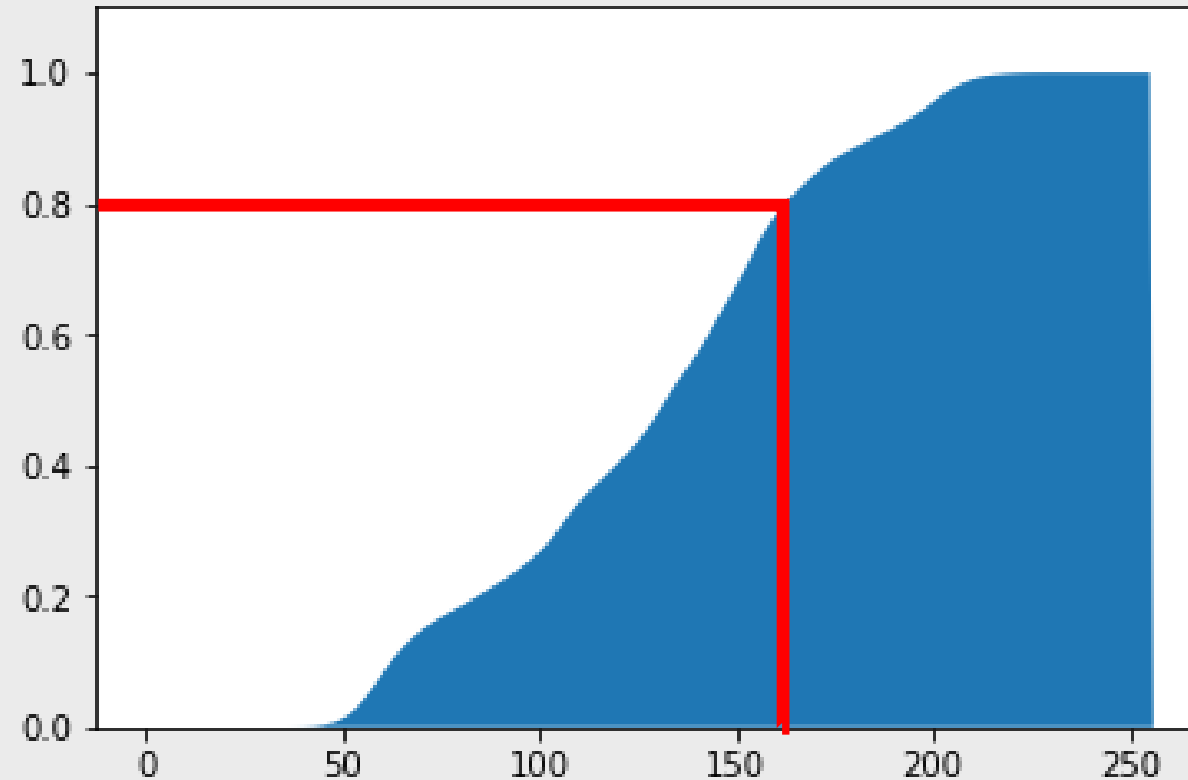
```
plt.fill(bin_edges, cumsum)  
plt.ylim(0, 1.1)  
plt.show()
```



CDF를 시각화해 보았습니다.



## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성



히스토그램에서 많이 나온 부분은 많이 뽑고, 적게 나온 부분은 적게 뽑기 위하여, 0에서 1 사이의 값을 넣으면 x축과 만나는 부분의 값을 반환하는 함수를 만들어야 합니다. 예를 들면,  $CDF(0.8) = 163$ 와 같은 함수를 만들면 됩니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

In [7]:

```
def cdf(x):  
    for index, value in enumerate(cumsum):  
        if x <= value:  
            return index  
    return 0
```

cumsum 배열에서 x보다 커지는 가장 작은 index를 반환하는 함수를 구현하는 식으로 간단하게 구현하였습니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

In [8]:

```
def clt():  
    return np.vectorize(cdf)(np.random.sample(10)).mean()  
clt_values = np.array([clt() for _ in range(20000)])
```

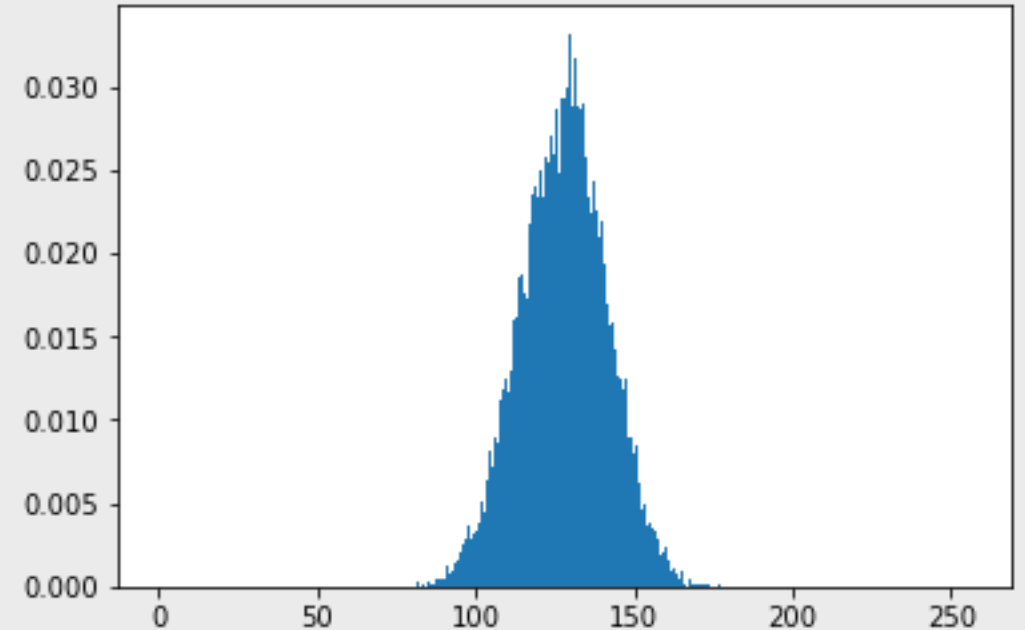
이제 본격적으로 랜덤으로 추출하였을 때 CLT의 내용처럼 Normal Distribution 모양으로 나오는지 확인하기 위해 코드를 작성했습니다. `clt()` 함수는 `cdf()` 함수를 10번 호출해 그 결과값의 평균을 내는 함수입니다. `clt_values`에는 `clt()` 함수를 20,000번 호출해 나온 결과를 저장합니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

Out[9]:

In [9]:

```
plt.hist(clt_values, bins=512,  
         range=[0, 256], normed=True)  
plt.show()
```



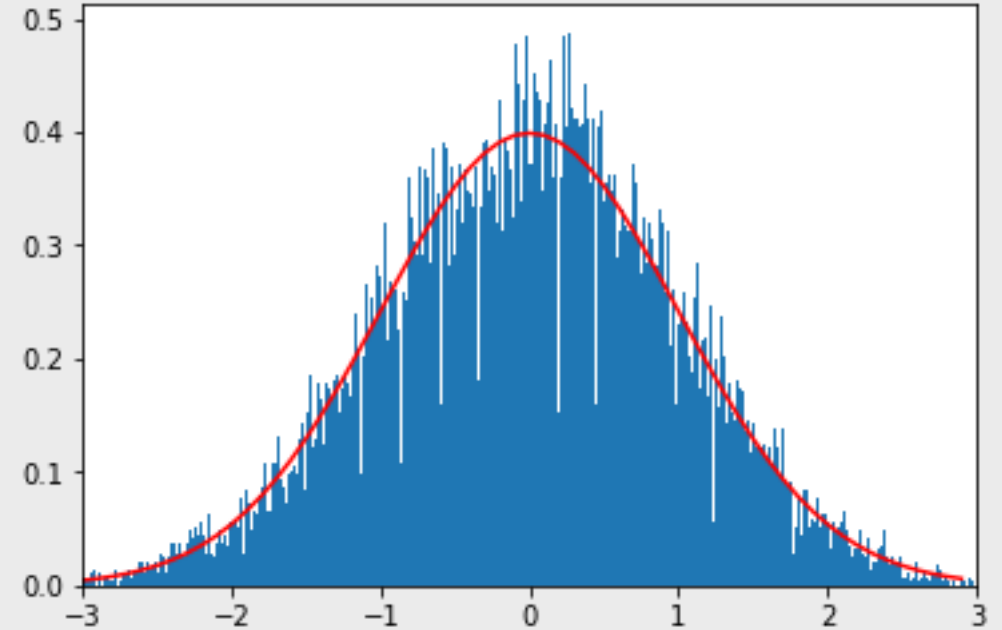
clt\_values로 히스토그램을 그렸더니, 깔끔한 종 모양이 나왔습니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

Out[10]:

In [10]:

```
clt_mean = clt_values.mean()
clt_var = clt_values.var()
clt_Z = (clt_values - clt_mean) / (clt_var ** 0.5)
plt.hist(clt_Z, bins=512, normed=True)
plt.plot(np.arange(-3, 3, 0.1),
         norm.pdf(np.arange(-3, 3, 0.1), 0, 1), 'r')
plt.xlim(-3, 3)
plt.show()
```



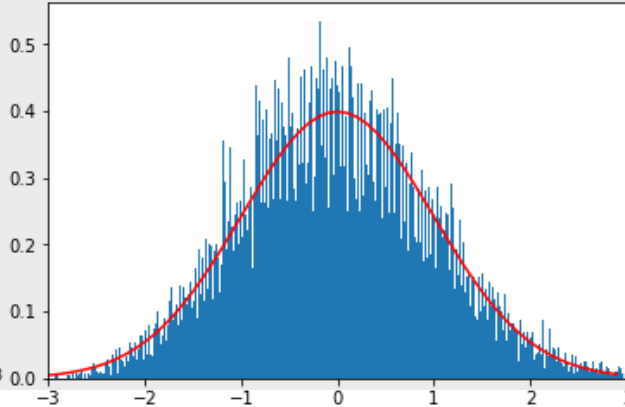
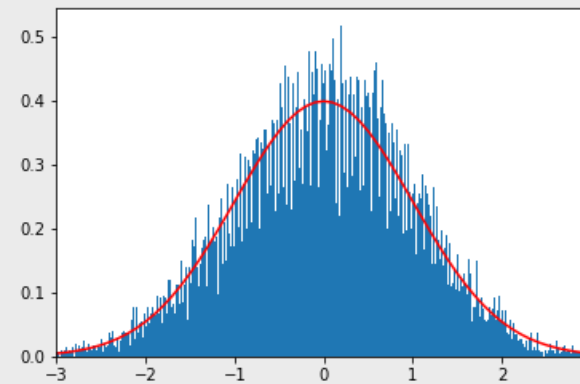
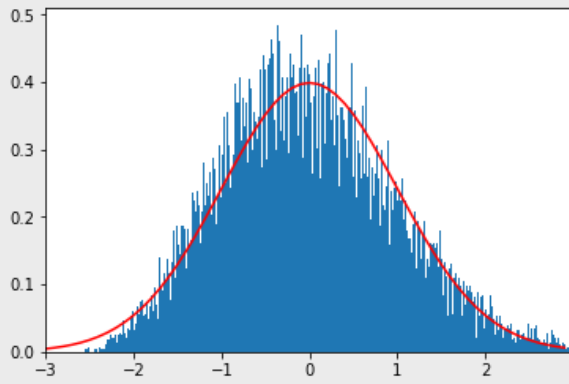
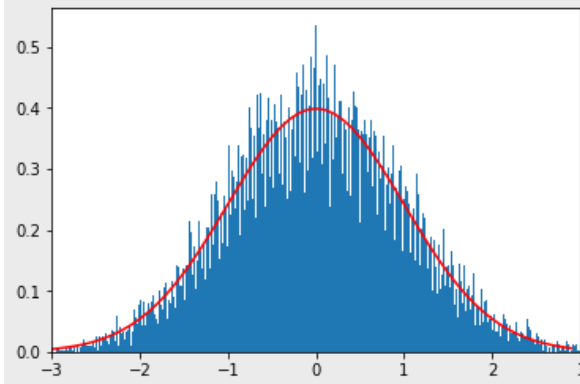
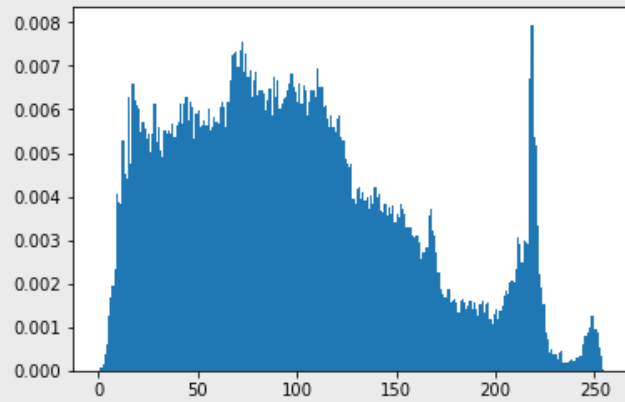
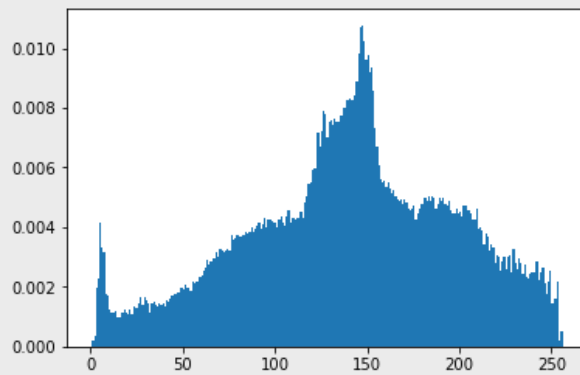
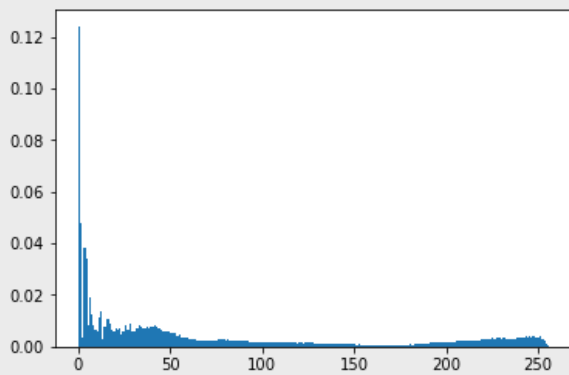
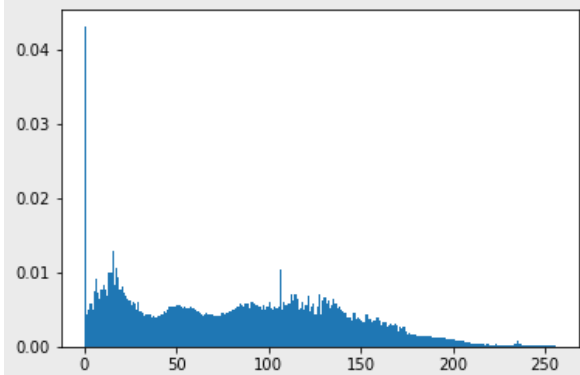
나온 히스토그램이 얼마나 정확하게 종 모양을 따르는지 확인해 보고 싶었습니다. 그러기 위해서는 데이터 집단을 정규화하면 됩니다. 정규화한 후 Normal Distribution을 같이 그려보았습니다. 표본의 크기가 커서 그런지, 상당히 정확하게 잘 따르는 모습을 볼 수 있었습니다.

## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

Lena 이미지는 색분포가 비교적 균일하기 때문에,  
CLT를 취해도 종 모양에 가깝게 결과가 나왔습니다.

우연의 일치일까요?

다른 이미지로도 실험해 보았습니다.



## 4. 생성한 히스토그램으로 Normal Distribution 생성

여러 가지 분포를 가진 히스토그램으로  
확인해 보아도 결국 종 모양이 만들어짐을  
확인할 수 있었습니다.