



袁嗣隆

1999.09.03

男

13737140938

广西百色市

共青团员

leslieryan199909@gmail.com

教育背景

- 2018.09-2022.06 四川大学 医学信息工程（卓越工程师班） 学士**
- GPA: 3.32 主修课程: 数字图像处理、医学传感检测技术、人工智能与机器学习、医学信号处理、医学图像处理
- 2022.09-2025.06 广西大学 生物技术与工程（国家重点实验室） 硕士研究生**
- 研究方向: 生物信息学 导师: 陈玲玲老师
 - GPA: 3.77 (专业前 5%) 主修课程: 生物信息学、分子生物学、高级生物化学

科研经历

- 2020.10 - 2021.02 课程设计: 车道线、交通灯检测; 心电、脑电信号预处理**
- 首先对图像进行预处理, 通过霍夫变换和曲线拟合判断车道线的方向, 通过颜色检测判断交通灯的颜色, 最终通过机器学习的方法判断车道线和交通灯的方向, 具有较高准确率。
 - 使用多种滤波器对心电信号进行过滤, 去除各种噪声、肌电干扰、工频干扰和基线漂移。
- 2021.11 - 2022.03 本科毕业设计《皮肤病变区域创面愈合的无损评估》**
- 完成小鼠皮肤切割实验, 计算小鼠皮肤伤口面积, 通过 HE 染色法估算染色细胞数目, 以此来评估愈合程度。
 - 通过比较多种图像预处理和分割方法, 选择出最合适处理方式, 脚本可以根据颜色分割图像, 较准确地划分出创面区域, 并计算出创面面积、周长和愈合率。
- 2023.03-2023.06 《甘蔗白疹病菌的基因组组装》**
- 完成甘蔗白疹病菌染色体级别的基因组组装, 并结合多种方法完成基因组评估和功能注释。
- 2023.08-至今 《高良姜基因组组装及代谢产物研究》(拟投稿于 the plant journal, 第一作者, 现已完成初稿)**
- 完成高杂合、高重复的中草药植物高良姜染色体级别的基因组组装, 基因组大小为 2.5G, 并进行基因组评估。通过多种注释结果结合的方法完成高良姜基因组的注释; 进行基因组进化分析, 估算其分化时间和 WGD 事件。
 - 结合多个数据库完成基因组的功能注释, 并完成 GO 和 KEGG 富集分析。完成差异表达基因与差异代谢物的关联分析, 构建代谢通路的调控网络, 找到重要调控基因并绘制进化树。绘制转录因子与结构基因的共表达网

活动及实习经历

- | | | |
|--|---------|-----------------|
| • 四川大学电气工程学院学生助理 | 年级负责人 | 2018.10-2020.09 |
| • 四川大学电气工程学院团委学生会实践部 | 副部长 | 2019.09-2020.09 |
| • 广西壮族自治区百色市红十字会 | 优秀志愿者 | 2022.02-2022.03 |
| • 广西大学生科院研究生会 | 主席团执行主席 | 2022.10-2023.10 |
| • 中国人民解放军西部战区总医院: 在各个科室轮流实习, 操作核磁共振仪和超声仪等; 协助外科手术的进行 (2021.07-2021.08) | | |
| • 成都瀚辰光翼生物工程有限公司: 深入学习了核磁共振仪、CT 机和呼吸机的研究、开发过程及应用 (2021.08-2021.09) | | |

技能&荣誉

已获证书: CET-4 英语四级、跆拳道黑带一段等证书

专业技能 (生物学、计算机及信息技术的基本理论及技能):

- 熟悉医疗器械工作原理, 熟悉图像、医学信号处理和分析方法; 具备分子生物等生物学基础, 熟悉二、三代测序数据、RNA-seq 等分析流程。
- 熟练使用各种生物信息学软件、工具和数据库, 掌握生信数据的检索和分析。
- 熟悉 Windows、Linux 操作系统, 掌握 Python、Matlab、C++、R、Perl、LabVIEW、Multisim 和 HTML 语言; 具备英文文献搜集、整理及阅读能力。

- 2018-2019 四川大学优秀学生
- 2019-2020 四川大学优秀学生干部
- 2020-2021 四川大学单项一等奖学金
- 2022 广西大学学业奖学金三等奖
- 2023 广西大学学业奖学金一等奖、优秀接新志愿者、优秀学生干部、庞博奖学金