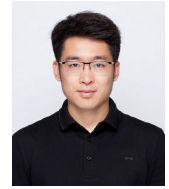


于吉军

15701571374 | jijunyuedu@outlook.com
北京市海淀区太平路27号院
https://yujijun.github.io/
年龄: 26岁 | 男 | 中共党员



教育经历

西安交通大学

2011年09月 - 2015年06月

电子科学与技术

西安

西安交通大学励志书院“优秀学生干部”、西安交通大学国防生军事训练“先进个人”、连续三年获得西安交通大学“思源奖学金”并以专业总成绩86.9获免试资格进入军事医学科学院就读。

军事科学院军事医学研究院

2015年08月

生物信息学/免疫学

北京

获2015年、2017年度“优秀学员”称号

Harvard Medical School (Visiting Scholar)

2019年02月 - 2020年02月

Bioinformatics (Dana-Farber Cancer Institute)

Boston

研究经历

1. A Study of Immune Cells in the Brain Associated with Depression (ScRNA-seq analysis)

2020年04月 - 至今

Co-worker

合作单位: 军事认知与脑科学研究所

在项目中主要承担immune-related scRNA-seq分析任务, 有望通过对脑部免疫细胞的单细胞分析, 探索与抑郁相关的脑部免疫细胞群落和相关生物学通路的变化。

2. Establishment of Cancer Neo-antigens Database and Pipelines (Cancer Neo-antigens)

2019年08月 - 至今

独立研究-项目负责人

本项目在哈佛医学院交流期间调研确定, 在伯晓晨教授和冯健男教授的支持下, 独立开展癌症新抗原数据库和分析算法研究; 目前新抗原数据库建立完毕, 正在进行Neoantigen pipeline的建立和评估工作。

3. Study on the Pathogenesis of Behcet's Disease (ScRNA-seq analysis)

2019年07月 - 至今

Co-worker

合作单位: 北京协和医学院-清华大学医学部

在项目中主要承担PBMC bulk RNAseq、PBMC 和 Monocyte scRNA-seq 生物信息学分析任务, 致力于发现与白塞病相关的疾病亚型、致病基因、标志性biomarkers等。相关分析已基本完成, 发现了新的疾病相关亚型和通路, 正在进行结果整理和文章撰写等工作。

4. A Web Server for Consensus Molecular Subtypes of Cancer (Cancer Subtypes)

2018年03月 - 2019年02月

Co-worker

合作单位: 辐射医学研究所

在项目中主要承担数据收集、预处理, 共识算法建立等工作。网站平台已经建立完毕, 共识算法和泛癌症亚型的网站展示结果已整理发表。

5. Study on Structure and properties of Single Domain Antibody

2016年02月 - 2017年05月

独立研究

本项目在冯健男教授指导下, 探索单域抗体结构和性质, 以期从头设计新的单域抗体。单域抗体结构和性质调研结果整理成综述文章发表。

个人总结

以第一作者或共同作者身份参与发表文章情况如下:

- COMSUC: a web server for the identification of consensus molecular subtypes of cancer based on multiple methods and multi-omics data [PLOS Comp Biol](submitted)
- Cross-site concordance evaluation of tumor DNA and RNA sequencing platforms for the CIMAC-CIDC network[Clin Cancer Res](submitted)
- CRISP-view: a database of functional genetic screens spanning multiple phenotypes [Nucleic Acids Res](submitted)
- 骆驼来源单域抗体的研究进展 【国际药学杂志】