

# 于吉军

电话: 15701571374 | 邮箱: [yijunyu@outlook.com](mailto:yijunyu@outlook.com)

个人主页: <https://yujun.github.io/>

单位: 军事科学院军事医学研究院毒物药物研究所

年龄: 26岁 | 性别: 男 | 籍贯: 山西太原 | 政治面貌: 中共党员



## 教育经历

军事科学院军事医学研究院毒物药物研究所 硕博连读	免疫学/ 生物信息学 (导师: 冯健男研究员)	2015.08-至今
Harvard Medical School Visiting Scholar	生物信息学 (指导老师: 刘小乐教授)	2019.02 - 2020.02
同济大学 Training	生物信息学 (进修)	2018.07 - 2018.09
西安交通大学 本科	电子科学与技术	2011.09 - 2015.06

## 研究经历

### 1. Establishment of Cancer Peptides Database and Analysis Pipelines (Cancer Neoantigen Research) 2019.05 - 至今

#### 独立研究-项目负责人

博士期间, 围绕癌症抗原肽数据库和分析算法开展工作, 主要研究癌症抗原肽相关性质和新抗原(neoantigen)预测算法, 以期提升以癌症抗原肽为基础的抗癌药物的预测精度, 助力抗癌疫苗药物的研发。目前, 共收集了上百万条癌症抗原肽, 且将数据和相应分析工具整合到了数据库中, 建立了泛癌症抗原肽数据平台 (<http://cnrd.bio-it.cn/#/home>)。这部分结果已经以第一发明人申请了两个软件著作权(肿瘤抗原数据检索系统v1.0: 2021R11L1090881; 肿瘤抗原数据分析系统v1.0:2021R11L1080854); 文章也在整理投稿阶段。

数据整理完毕以后, 建立了肿瘤新抗原预测云平台(华为云), 已能够成功进行癌症新抗原预测; 同时, 正在进行算法改进工作, 以期进一步提升肿瘤新抗原预测精度和效率。

### 2. Study on the Pathogenesis of Behcet's Disease (Bulk-seq and ScRNA-seq analysis) 2019.10 - 至今

#### Co-worker

合作单位:北京协和医学院

本项目与北京协和医院刘德培院士和风湿科郑文洁教授课题组进行合作, 在项目中主要承担PBMC bulk-seq 和 Monocyte scRNA-seq 分析任务, 致力于发现与白塞病相关的疾病亚型、标志基因、细胞演化方向等。通过生物信息学相关分析, 发现了新的白塞病特异性亚型和病理学相关通路, 分析结论已得到相关实验验证; 图片整理和文章撰写工作也已基本完成, 相关结果正在整理投稿到 Annals of the Rheumatic Disease(ARD) [IF:16.102]杂志。

### 3. A Study of Immune Cells in the Brain Associated with Depression (ScRNA-seq analysis) 2020.04 - 至今

#### Co-worker

合作单位:军事认知与脑科学研究所

本项目与军事科学院军事认知与脑科学研究所张纪岩教授课题组合作, 在项目中主要承担脑部immune-related cells scRNA-seq分析任务, 旨在通过在单细胞层面对脑部免疫细胞进行分析, 探索影响记忆和抑郁的脑部免疫细胞群落和相关生物学通路。目前第一阶段的测序和单细胞分析工作已经完成, 发现一类对记忆和抑郁的有重要影响作用的免疫细胞亚型, 结论已得到部分实验印证; 新一批数据也即将送往测序, 以期进一步验证相关结果。

### 4. Proteomic data analysis and exploration of liver matrigel in rat (MS data analysis) 2020.08 - 至今

#### Co-worker

合作单位:毒物药物研究所

本项目与北京交通大学王海滨副教授课题组合作, 在项目中主要承担质谱来源的蛋白质组学数据分析任务, 旨在通过对鼠肝脏脱细胞基质胶和公司来源的人工基底膜蛋白质组学数据进行比较, 统计分析来源不同的基质在蛋白质组学层面的差异, 为后续细胞培养等实验提供指导; 目前, 所有的生信分析和实验验证已基本整理完毕, 正在进行文章撰写, 预计投稿Biomaterials [IF:10.317]杂志。