Hands on Machine Learning with Scikit-Learn & Tensol Flow Chapter 2

End-to-end Machine Learning project
Created by Yusuke FUJIMOTO

はじめに

- この資料は「<u>Hands-On Machine Learning with</u>
 <u>Scikit-Learn and TensorFlow O'Reilly Media</u>」
 を読んだ際の(主にソースコードに関する)簡単な解説を残したものです。
- 全部を解説したわけではないので注意
- 余裕があればソースコード周りの背景知識もまと めたい
- 何かあったら yukkyo12221222@gmail.com まで

Chapter 2 End-toend Machine Learning project

Get the data

```
import os
import tarfile
from six.moves import urllib
# ダウンロード元
DOWNLOAD_ROOT = "https://raw.githubusercontent.com/"
                      + "ageron/handson-ml/master/"
# os 依存したパス構造を考慮
HOUSING_PATH = os.path.join("datasets", "housing")
# 実際にダウンロードするファイル名
HOUSING_URL = DOWNLOAD_ROOT +
               "datasets/housing/housing.tgz"
```

Get the data (続き)

```
def fetch_housing_data(housing_url=HOUSING_URL,
   # ディレクトリが無かったら作る
   if not os.path.isdir(housing_path):
       os.makedirs(housing_path)
   tgz_path = os.path.join(housing_path, "housing.tgz")
   # housing_url にアクセスして取ってきて tgz_path に配置
   urllib.request.urlretrieve(housing_url, tgz_path)
   housing_tgz = tarfile.open(tgz_path)
   # tgz ファイルの展開
   housing_tgz.extractall(path=housing_path)
   housing_tgz.close()
```

```
# For illustration only. Sklearn has train_test_split()
def split_train_test(data, test_ratio):
  # 0 から len(data) までの値をランダムに並べたもの
  shuffled_indx = np.random.permutation(len(data))
  test_set_size = int(len(data) * test_ratio)
  test_indx = shuffled_indices[:test_set_size]
  train_indx = shuffled_indices[test_set_size:]
  # python は一度に複数の値を返せる
  return data.iloc[train_indx], data.iloc[test_indx]
```

```
import hashlib
# この id のデータはテストデータか否かを返す
# 変数名が良くない -> is_test_data とかの方が良い
def test_set_check(identifier, test_ratio, hash):
   ident_int = np.int64(identifier) # 64bit整数に変換
   # 与えられた関数 hash を適用してダイジェスト(結果)表示
   hashed_obj = hash(ident_int).digest()
   # 最後の一文字を数値にしたもの。0から255までのばらけた数
   hashed_num = hashed_obj[-1]
   # 右辺の数より小さいか否か(True, False)を返す
   return hased_num < 256 * test_ratio</pre>
```

```
def split_train_test_by_id(data, test_ratio,
   ids = data[id_column] # id とする列を指定
   # ids 内の各id に対して、テストデータか否かを求めた結果
   in_test = ids.apply(
                lambda id_: test_set_check(
                                         id_{-},
                                         test_ratio,
                                         hash
   # トレーニングデータとテストデータを返す
   return data.loc[~in_test], data.loc[in_test]
```

- apply: それぞれに関数を適用する関数
- lambda: lambda a: aの計算結果 は a を引数に aの計算結果 を返す名前のない関数を表す
 - apply の中に入れる時などは便利
- ~: ビット反転。True なら False になる
 - o ~np.array([True, False, False]) の結果は np.array([False, True, True]) となる

```
from sklearn.model_selection \\
    import StratifiedShuffleSplit
# クロスバリデーション用オブジェクト
splitter = StratifiedShuffleSplit(
          n_{splits=1}, # 何回再シャッフルするか
           test_size=0.2, # テストデータ比率
           random_state=42 # 乱数シード
# splitter.split (データ、ラベル) で分割結果を返す
split_result = splitter.split(housing,
                           housing["income_cat"])
# 各ラベルについて、なるべく test と train 両方に割り振る
for train_index, test_index in split_result:
   strat_train_set = housing.loc[train_index]
   strat_test_set = housing.loc[test_index]
```

言いたいこと:自作の train_test_split 関数(ランダムに振り分ける)だと内訳の比率が良くないよね

```
def income_cat_proportions(data):
   # 各内訳の比率を返す
    return data["income_cat"].value_counts() / len(data)
train, test = train_test_split(housing, test_size=0.2,
                              random_state=42)
# cp = compare_props
cp = pd.DataFrame({
    "Overall": income_cat_proportions(housing),
    "Stratified": income_cat_proportions(strat_test_set),
    "Random": income_cat_proportions(test),
}).sort_index() # index 順に並べ替え
```

Imputer (欠損値の扱い方を決める)

```
from sklearn.preprocessing import Imputer
impute = Imputer(strategy="median") # mean, most_frequent
```

LabelEncoder(数値に変換)

```
import numpy as np
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
encoder = LabelEncoder()
sample = np.array(["a", "b", "c", "b", "c"])
sample2 = encoder.fit_transform(sample)
print(sample2)
# => array([0, 1, 2, 1, 2])
```

OneHotEncoder (OneHot ベクトルに変換)

LabelBinarizer (0か1のOntHot 表現に変換)

```
from sklearn.preprocessing import LabelBinarizer
LabelBinarizer().fit_transform(sample) # 上と同じ書き方もok
```

平均家族数等を計算して付け足す

```
from sklearn.base import BaseEstimator, TransformerMixin

# column index
rooms_ix, bedrooms_ix, population_ix, household_ix = \\
3, 4, 5, 6
```

• python では複数の変数に同時に代入できる

続き

```
## 一部省略(クラス定義部分とか)
def transform(self, X, y=None):
   # 世帯あたりの部屋数、家族人数の計算
   rooms_per_household = \\
       X[:, rooms_ix] / X[:, household_ix]
   population_per_household = \\
       X[:, population_ix] / X[:, household_ix]
   # フラグに応じて追加したデータを返す
   if self.add_bedrooms_per_room:
       bedrooms_per_room = \\
           X[:, bedrooms_ix] / X[:, rooms_ix]
       return np.c_[X, rooms_per_household,
                    population_per_household,
                    bedrooms_per_room]
   else:
       return np.c_[X, rooms_per_household,
                    population_per_household]
```

複数の(sklearn の)手続きを一連の流れにまとめる

【翻訳】scikit-learn 0.18 User Guide 4.1. パイプラ インとFeatureUnion:推定器の組み合わせ-Qiita

数値かカテゴリ列を選択するためのクラス

```
from sklearn.base import BaseEstimator, TransformerMixin
# Create a class to select
# numerical or categorical columns
# since Scikit-Learn doesn't handle DataFrames yet
# クラス定義のカッコ内は、継承元を表す
# うまく継承すると 先ほどの Pipeline 等に組み込める
class DataFrameSelector(BaseEstimator, TransformerMixin):
   def __init__(self, attribute_names):
       self.attribute_names = attribute_names
   def fit(self, X, y=None):
       return self
   def transform(self, X):
       return X[self.attribute_names].values
```

数値かカテゴリ列を選択するためのクラス

```
num_attribs = list(housing_num)
cat_attribs = ["ocean_proximity"]
# 実際に Pipeline に組み込んでいる例
num_pipeline = Pipeline([
        ('selector', DataFrameSelector(num_attribs)),
        ('imputer', Imputer(strategy="median")),
        ('attribs_adder', CombinedAttributesAdder()),
        ('std_scaler', StandardScaler()),
    ])
cat_pipeline = Pipeline([
        ('selector', DataFrameSelector(cat_attribs)),
        ('label_binarizer', LabelBinarizer()),
    ])
```

補足: パイプラインについて

- **利便性**: 推定器のシーケンス全体に合わせるためには、fit を呼び出してデータを一度 predict する
- ジョイントパラメータの選択:パイプライン内のすべての推定器のパラメータを一度にグリッドで検索できる

最後のパイプライン以外はすべて変換器でないといけない(transform メソッドが必要 → 継承しなきゃ)。最後の推定器は、任意のタイプ(変換器、分類器)であってよい

複数の変換器の出力を組み合わせる

Select and train a model

```
#線形回帰
from sklearn.linear_model import LinearRegression
lin_reg = LinearRegression()
lin_reg.fit(housing_prepared, housing_labels)
# let's try the full pipeline on a few training instances
some_data = housing.iloc[:5] # テストデータ
some_labels = housing_labels.iloc[:5] # そのラベル
some_data_prepared = full_pipeline.transform(some_data)
print("Predicts:", lin_reg.predict(some_data_prepared))
# 平均二乗誤差 と 平均絶対値誤差
from sklearn.metrics import mean_squared_error
from sklearn.metrics import mean_absolute_error
```

Select and train a model

```
# 決定木を用いた学習
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
# モデル定義と学習
tree_reg = DecisionTreeRegressor(random_state=42)
tree_reg.fit(housing_prepared, housing_labels)
# 予測
housing_predicts = tree_reg.predict(housing_prepared)
# 平均二乗誤差
tree_mse = mean_squared_error(
              housing_labels, housing_predicts)
tree_rmse = np.sqrt(tree_mse) # 平方根
```

```
# クロスバリデーション
from sklearn.model_selection import cross_val_score
scores = cross_val_score(
                       # 学習モデル
           tree_reg,
           housing_prepared, # データ
           housing_labels, # データのラベル
           # この score は何故 negative ??? -> 要確認
           scoring="neg_mean_squared_error",
           cv=10
                       # 分割数
# 平方根
tree_rmse_scores = np.sqrt(-scores)
```

ランダムフォレスト回帰とサポートベクター回帰

```
# ランダムフォレスト回帰(回帰とか分類の違いは知っている前提)
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
forest_reg = RandomForestRegressor(random_state=42)
forest_reg.fit(housing_prepared, housing_labels) # 学習
predicts = forest_reg.predict(housing_prepared) # 予測
# サポートベクター回帰
from sklearn.svm import SVR
svm_reg = SVR(kernel="linear") # SV 系は要カーネル指定
svm_reg.fit(housing_prepared, housing_labels) # 学習
predicts = svm_reg.predict(housing_prepared) # 予測
```

良いパラメータを探す

```
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
# どこら辺を探索するか定義する
# それぞれのパラメータの意味はそのうち調べる
param_grid = [
   # try 12 (3×4) combinations of hyperparameters
    {'n_estimators': [3, 10, 30],
    'max_features': [2, 4, 6, 8]},
   # then try 6 combinations with bootstrap set as False
    {'bootstrap': [False], # 重複を許して新しいサンプルを作る
    'n_estimators': [3, 10],
    'max_features': [2, 3, 4]},
```

良いパラメータを探す(続き)

```
forest_reg = RandomForestRegressor(random_state=42)
# train across 5 folds,
# that's a total of (12+6)*5=90 rounds of training
# 探索モデル作成
grid_search = GridSearchCV(
                forest_reg, # モデル
                param_grid, # 探索するパラメータ一覧
                cv=5, # クロスバリデーション分割数
                scoring='neg_mean_squared_error'
#探索実行
grid_search.fit(housing_prepared, housing_labels)
```

良いパラメータを探す(ランダム探索)

```
from sklearn.model_selection import RandomizedSearchCV
from scipy.stats import randint
# パラメータの分布を定義する。分布に沿った乱数で探索
param_distribs = {
        'n_estimators': randint(low=1, high=200),
        'max_features': randint(low=1, high=8),
forest_reg = RandomForestRegressor(random_state=42)
rnd_search = RandomizedSearchCV(
                 forest_reg,
                 param_distributions=param_distribs,
                 n_{iter=10}, cv=5,
                 scoring='neg_mean_squared_error',
                 random_state=42)
rnd_search.fit(housing_prepared, housing_labels)
```

- **やりたいこと**:前処理と学習も一つの pipeline で まとめたい
- これまでの処理は以下の通り

• もとの LabelBinarizer の fit_transform() は一つの パラメータしか受け付けない。

```
# 0 か 1 からなる One-hot vector に変換する
from sklearn.preprocessing import LabelBinarizer
LabelBinarizer().fit_transform(sample) # 引数がひとつだけ
```

よってそのまままとめるとエラーになる。(余裕 があれば実行結果載せる)

- 補足:最後以外のパイプラインの要素には transform()が必要。実際には fit_transform()が全 体パイプラインの fit() 実行時に呼び出されてい る模様?
- つまりどういうことだってばよ?
 - → LabelBinarizer を継承して fit_transform() を うまく書き換えたクラスを作ってパイプライン につっこめばOK

- クラス継承らへんは[Python]クラス継承(super) Qiita などを見て勉強してください。
- 以下のように拡張したクラスを定義する。

```
# SFLB : SupervisionFriendlyLabelBinarizer の略
# クラス定義の引数部分は継承元
class SFLB(LabelBinarizer):
# 引数が二つあっても良いように定義している
# デフォルト引数を定義しているので、引数一つにも対応している
def fit_transform(self, X, y=None):
# super() は自身の親クラスを呼び出している
# よって親クラス (LabelBinarizer) の fit_transform
# を呼び出している
# Python3 からは super() のみで良い模様
return super(SFLB, self).fit_transform(X)
```

```
# Replace the Labelbinarizer with a SFLB
cat_pipeline.steps[1] = ("label_binarizer", SFLB())
# これで全体パイプラインが作成できる
# cat_pipeline は full_pipeline 内にはいっていることに注意
# hint: 参照渡し
full_pipeline_with_predictor = Pipeline([
       ("preparation", full_pipeline),
       ("linear", LinearRegression())
   ])
# データの前処理と学習
full_pipeline_with_predictor.fit(housing, housing_labels)
# 予測
full_pipeline_with_predictor.predict(some_data)
```

Extra: Model persistence using joblib

```
# モデル(学習した後等の)は下記のように保存・読み込みができる
from sklearn.externals import joblib
joblib.dump(my_model, "my_model.pkl") # 保存
my_model_loaded = joblib.load("my_model.pkl") # 読み込み
```

Extra: Example SciPy distributions for RandomizedSearchCV

```
from scipy.stats import geom, expon
# geometric : 幾何分布。
# ベルヌーイ試行で初めて成功させるまでの回数
geom_distrib=geom(0.5).rvs(10000, random_state=42)
# exponential : 指数分布
expon_distrib=expon(scale=1).rvs(10000, random_state=42)
```

Exercise solutions: 1

- 問題1: Support Vector Machine regressor (サポートベクター回帰)を用いて最もパフォーマンスが良いものを探せ。カーネルは linear と rbf の二種類選べる。
- rbf カーネルとか指定するとどうなる?
 - 各点を高次元に写像することで、これまでできなかった分類ができるようになったりする
 - ただし linear よりは計算量が多くなる

Exercise solutions: 1

```
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
param_grid = [
    {'kernel': ['linear'],
     'C': [10., 30., 100., 300., 1000.,
          3000., 10000., 30000.0]},
    {'kernel': ['rbf'],
    'C': [1.0, 3.0, 10., 30., 100., 300., 1000.0],
     # rbf の方がパラメータが増えている
     'gamma': [0.01, 0.03, 0.1, 0.3, 1.0, 3.0]}]
svm_reg = SVR()
grid_search = GridSearchCV(
                  svm_reg, param_grid, cv=5,
                  scoring='neg_mean_squared_error',
                  verbose=2, n_jobs=4)
grid_search.fit(housing_prepared, housing_labels) #
```

Exercise solutions: 2

• 問題2 : GridSearch の代わりに RandomizedSearch を使ってみる

```
from sklearn.model_selection import RandomizedSearchCV
from scipy.stats import expon, reciprocal
# Note: gamma is ignored when kernel is "linear"
param_distribs = {
        'kernel': ['linear', 'rbf'],
        'C': reciprocal(20, 200000),
        'gamma': expon(scale=1.0)}
svm_reg = SVR()
rnd_search = RandomizedSearchCV(
                 svm_reg, n_iter=50, cv=5,
                 param_distributions=param_distribs,
                 scoring='neg_mean_squared_error',
                 verbose=2, n_jobs=4, random_state=42)
rnd_search.fit(housing_prepared, housing_labels)
```