# 붓꽃의 품종 판별- 분류

# 분류(Classification)

- 지도학습(Supervised Learning)
- 주어진 데이터를 **미리 정의된 클래스 레이블 중 하나로 분류**하 는 문제
- 입력 데이터와 해당 데이터의 정답인 클래스 레이블 사이의 관 계를 학습하여 새로운 데이터에 대한 클래스를 예측

### 붓꽃 데이터 분류 예측을 위한 과정

- 1. 데이터 준비 : 분류 모델을 학습하기 위해 입력 데이터와 클래스 레이블을 준비
- 2. 데이터셋 분리 : 전체 데이터를 학습 / 테스트 데이터로 분리
- 3. 모델 선택 & 학습 : 적절한 모델을 선택 & 학습 데이터로부터 모델 학습
- 4. 모델 예측 : 학습된 모델을 이용해 테스트 데이터의 분류를 예측
- 5. 모델 평가 : 예측된 결괏값과 테스트 데이터의 실제 결괏값을 비교해 모델 성능 평가

# 붓꽃이란?

- 꽃받침(sepal)과 꽃잎(petal) 으로 구성되어 있음,
- 이러한 특징을 기반으로 붓꽃의 품종을 식별
- **1.Setosa (세토사)**: Setosa는 붓꽃 중에서 가장 작은 꽃잎과 꽃받침을 가지고 있다. 꽃잎과 꽃받침이 비교적 짧고 뾰족한 모습을 갖고 있으며, 주로 흰색 또는 연한 분홍색.
- 2.Versicolor (버시컬러): Versicolor는 Setosa보다 크고 긴 꽃잎과 꽃받침을 가지고 있다. 꽃잎의 색은 보통 연한 보라색이며, 중간 크기의 붓꽃.
- 3.Virginica (버지니카): Virginica는 붓꽃 중에서 가장 크고 긴 꽃잎과 꽃받침을 가지고 있다. 꽃잎의 색은 주로 짙은 보라색이며, 다른 품종들에 비해 상대적으로 더 큰 크기를 갖고 있다.

### 라이브러리 설치

파이썬 패키지 관리자인 pip를 사용하여 설치

!pip install pandas

!pip install scikit-learn



- -pandas 라이브러리 : 데이터를 구조화하고 조작하는 데에 효 과적인 도구를 제공하는 라이브러리
- -scikit-learn 라이브러리 : 오픈소스로 공개된 머신러닝 라이브 러리
- matplotlib 라이브러리 : 파이썬에서 2D 형태의 그래프, 이미지 등을 그릴 때 사용하는 라이브러리





### 라이브러리 불러오기

from sklearn.datasets import load\_iris # 붓꽃 데이터 생성 라이브러리

**from** sklearn.model\_selection **import** train\_test\_split # 데이터셋을 학습, 테스트, 예측 데이터로 분 리하는 라이브러리

**from** sklearn.tree **import** DecisionTreeClassifier # 트리기반 ML 알고리즘(의사결정나무)을 불러오는 라이브러리

from sklearn.metrics import accuracy\_score # 정확도 평가 라이브러리 import pandas as pd # pandas 라이브러리

from 파일명(라이브러리) import 함수이름

### 데이터 준비

iris = pd.read\_csv('/kaggle/input/iris-data/lris.csv')
#pd.read\_csv () 함수를 사용하여 경로에 있는 데이터를 가져오기

iris.head()

	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm	Species
0	5.1	3.5	1.4	0.2	Iris-setosa
1	4.9	3.0	1.4	0.2	Iris-setosa
2	4.7	3.2	1.3	0.2	Iris-setosa
3	4.6	3.1	1.5	0.2	Iris-setosa
4	5.0	3.6	1.4	0.2	Iris-setosa

꽃 받침 길이 (cm), 꽃 받침 너비(cm), 꽃 잎 길이(cm), 꽃잎 너비(cm), 붓꽃 종류

### 데이터 분석

shape :행과 열의 개수를 반환

iris.shape (150, 5) dtypes : 열을 기준으로 데이터 형태 반환

iris.dtypes

SepalLengthCm float64
SepalWidthCm float64
PetalLengthCm float64
PetalWidthCm float64
Species object
dtype: object

Describe(): 데이터프레임의 숫자형 열에 대한 통계 요약.각 열의 개수, 평균, 표준편차, 최솟값, 1사분위수, 중앙값 (2사분위수), 3사분위수, 최댓값 등을 반환

#statistical information about the data

iris.describe().T

T: 전치

 count
 mean
 std
 min
 25%
 50%
 75%
 max

 SepalLengthCm
 150.0
 5.843333
 0.828066
 4.3
 5.1
 5.80
 6.4
 7.9

 SepalWidthCm
 150.0
 3.054000
 0.433594
 2.0
 2.8
 3.00
 3.3
 4.4

 PetalLengthCm
 150.0
 3.758667
 1.764420
 1.0
 1.6
 4.35
 5.1
 6.9

 PetalWidthCm
 150.0
 1.198667
 0.763161
 0.1
 0.3
 1.30
 1.8
 2.5

### 데이터 분석

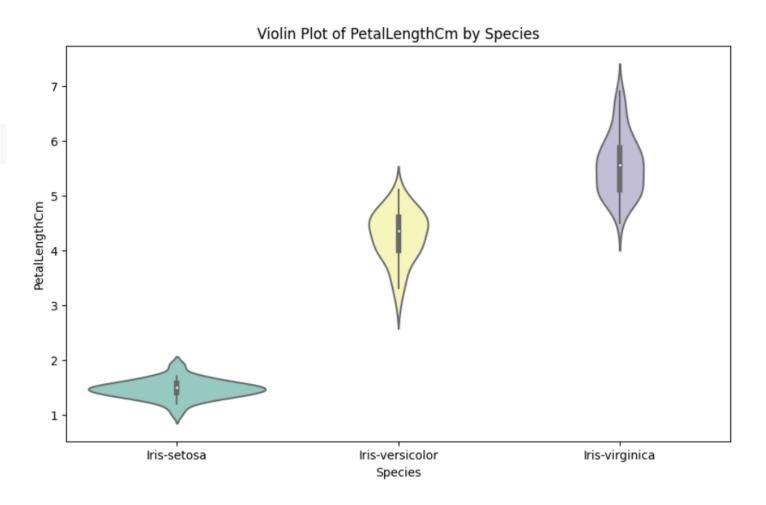
### #품종별 꽃받침 길이

```
plt.figure(figsize = (10, 6))

sns.violinplot(x = 'Species',
y = 'SepalLengthCm',
data = iris, palette =
'Set3')

plt.title('Violin Plot of
SepalLengthCm by
Species')
```

plt.xlabel('Species')
plt.ylabel('SepalLengthCm')
plt.show()



### 데이터 분석

#### #품종별 꽃잎 너비

```
plt.figure(figsize = (10, 6))
```

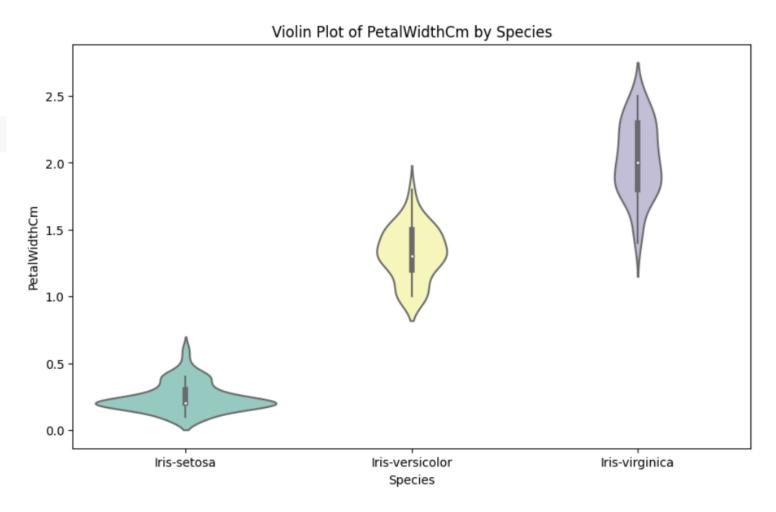
sns.violinplot(x = 'Species', y
= 'PetalWidthCm', data =
iris, palette = 'Set3')

plt.title('Violin Plot of PetalWidthCm by Species')

plt.xlabel('Species')

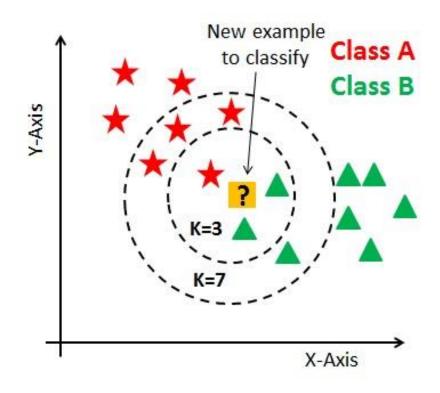
plt.ylabel('PetalWidthCm')

plt.show()



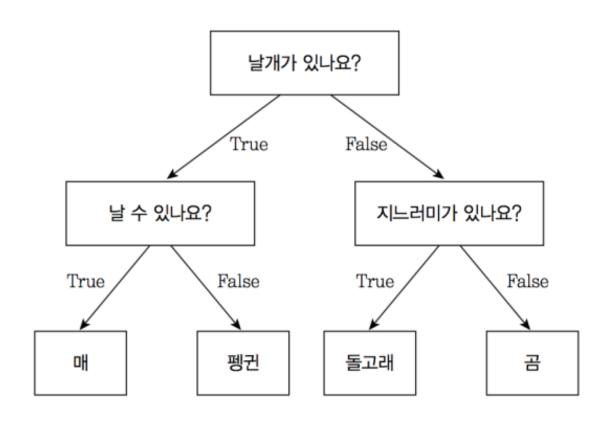
## K-Nearest Neighbor (KNN)

- 어떤 데이터가 주어지면 그 주변(이 웃)의 데이터를 살펴본 뒤 더 많은 데이터가 포함되어 있는 범주로 분류 하는 방식
- KNN은 훈련이 따로 필요 없다.



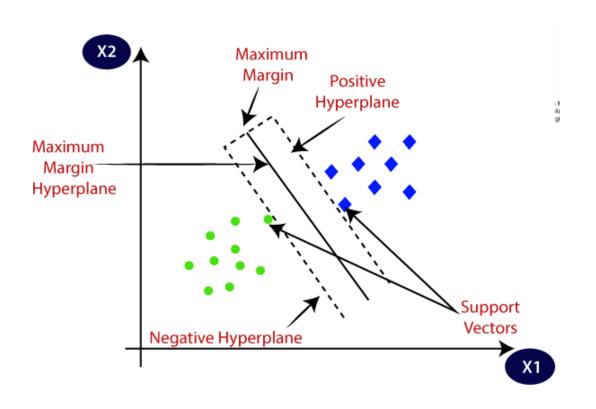
### **Decision Tree**

- 결정 트리는 스무고개 하듯이 예 /아니오 질문을 이어가며 학습
- 한번의 분기 때마다 변수 영역을 두 개로 구분
- 질문이나 정답을 담은 네모 상자 를 노드(Node)



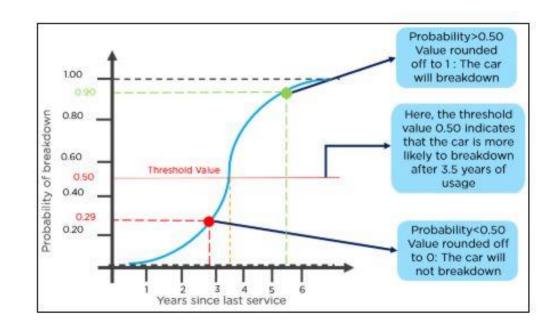
### Support Vector Machine (SVM)

- 주어진 데이터가 어느 카테고리에 속할지 판단하는 이진 선형 분류 모델
- 가운데 선이 두 데이터를 더 적절 히 구분하는 선
- 가운데 선이 Margin(선과 가장 가 까운 양 옆 데이터와의 거리)을 최 대
- 선과 가장 가까운 포인트를 서포트 벡터(Support vector)



## Logistic Regression

- 로지스틱 회귀 모델은 일종의 확률 모델로서 독립 변수의 선형 결합을 이용하여 사건의 발생 가능성을 예 측하는데 사용되는 통계기법
- 종속 변수가 범주형 데이터를 대상으로 하며 입력 데이터가 주어졌을 때 해당 데이터의 결과가 특정 분류로 나뉘기 때문에 일종의 분류 (classification) 기법
- 로지스틱 함수는 시그모이드 함수라 고도 불리며, 이 함수의 값은 0과 1 사이에 위치



### 데이터 전처리

#### 중복 데이터 제거

```
#check if there are any duplicated rows
iris.duplicated().sum()
```

```
iris.drop_duplicates(inplace = True)
```

```
iris.duplicated().sum()
```

#### 결측치 확인

```
#number of nulls in each column
iris.isnull().sum()
```

```
#check unbalance in target
iris['Species'].value_counts()
```

#### Species

Iris-setosa 50 Iris-versicolor 50 Iris-virginica 50

Name: count, dtype: int64

### 데이터 전처리

### Scaling

```
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler

#features of the dataset
features = ['SepalLengthCm', 'SepalWidthCm', 'PetalLengthCm', 'PetalWidthCm']
```

#### 결과

#scale features using Min-Max scaler				
scaler = MinMaxScaler()				
<pre>iris[features] = scaler.fit_transform(iris[features])</pre>				

- -변수의 범위를 조절해주는 과정
- -기본값은 0~1
- -X: 데이터 셋 / x: 데이터 샘플

$$z = \frac{x - mean(X)}{std(X)}$$

	SepalLengthCm	${\sf SepalWidthCm}$	PetalLengthCm	PetalWidthCm	Species
0	0.222222	0.625000	0.067797	0.041667	Iris-setosa
1	0.166667	0.416667	0.067797	0.041667	Iris-setosa
2	0.111111	0.500000	0.050847	0.041667	Iris-setosa
3	0.083333	0.458333	0.084746	0.041667	Iris-setosa
4	0.194444	0.666667	0.067797	0.041667	Iris-setosa
145	0.666667	0.416667	0.711864	0.916667	Iris-virginica
146	0.555556	0.208333	0.677966	0.750000	Iris-virginica
147	0.611111	0.416667	0.711864	0.791667	Iris-virginica
148	0.527778	0.583333	0.745763	0.916667	Iris-virginica
149	0.444444	0.416667	0.694915	0.708333	Iris-virginica

147 rows × 5 columns

### 데이터 전처리

### Lable Encoding

```
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder, OneHotEncoder
```

```
#encode the target variable using LabelEncoder
label_encoder = LabelEncoder()
iris['Species'] = label_encoder.fit_transform(iris['Species'])
```

-문자를 0부터 시작하는 정수형 숫자로 바 꿔주는 기능

#### 결과

	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm	Species
0	0.222222	0.625000	0.067797	0.041667	0
1	0.166667	0.416667	0.067797	0.041667	0
2	0.111111	0.500000	0.050847	0.041667	0
3	0.083333	0.458333	0.084746	0.041667	0
4	0.194444	0.666667	0.067797	0.041667	0
145	0.666667	0.416667	0.711864	0.916667	2
146	0.555556	0.208333	0.677966	0.750000	2
147	0.611111	0.416667	0.711864	0.791667	2
148	0.527778	0.583333	0.745763	0.916667	2
149	0.444444	0.416667	0.694915	0.708333	2

147 rows × 5 columns

### 모델 불러오기

**from** sklearn.linear\_model **import** LogisticRegression # for Logistic Regression algorithm

**from** sklearn.model\_selection **import** train\_test\_split #to split the dataset for training and testing

from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier # for K nearest neighbours
from sklearn import svm #for Support Vector Machine (SVM) Algorithm
from sklearn import metrics #for checking the model accuracy
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier #for using Decision Tree Algorithm

### 학습 테스트 세트 분리

```
train, test = train_test_split(iris, test_size = 0.3) # in this our main data is split into train and test

# the attribute test_size=0.3 splits the data into 70% and 30% ratio. train=70% and test=30% print(train.shape)

print(test.shape
```

```
train_X = train[['SepalLengthCm','SepalWidthCm','PetalLengthCm','PetalWidthCm']]
# taking the training data features

train_y=train.Species# output of our training data

test_X= test[['SepalLengthCm','SepalWidthCm','PetalLengthCm','PetalWidthCm']]
# taking test data features

test_y =test.Species #output value of test data
```

# 학습 테스트 세트 분리

 $train_X.head(2)$ 

	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm
128	0.583333	0.333333	0.779661	0.833333
109	0.805556	0.666667	0.864407	1.000000

 $test_X.head(2)$ 

	${\sf SepalLengthCm}$	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm
75	0.638889	0.416667	0.576271	0.541667
25	0.194444	0.416667	0.101695	0.041667

train\_y.head() ##output of the training data

Name: Species, dtype: int64

### 모델 예측 & 성능 평가

model = svm.SVC() #select the algorithm

model.fit(train\_X,train\_y) # train the algorithm with the training data and the training output

prediction=model.predict(test\_X) #pass the testing data to the trained algorithm

print('The accuracy of the SVM is:',metrics.accuracy\_score(prediction,test\_y))

#check the accuracy of the algorithm.

### 결과

The accuracy of the SVM is: 0.95555555555556

### 모델 예측 & 성능 평가