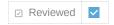


mel谱图的读取、对数据集进行交叉验证分类

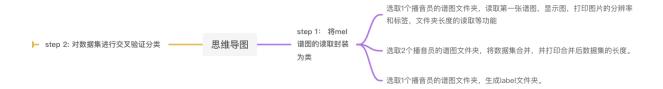


实验报告

实验进展:

已完成基础部分和提高部分所有实验内容

实验思维导图



实验内容:

1) 将mel谱图的读取封装为类

step1: 选取1个播音员的谱图文件夹,读取第一张谱图,显示图,打印图片的分辨率和标签,文件夹长度的读取等功能

step2: 选取2个播音员的谱图文件夹,将数据集合并,并打印合并后数据集的长度。

step3: 选取1个播音员的谱图文件夹,生成label文件夹。

2) 提高任务:

对数据集进行交叉验证分类(可以把这个功能封装为类),输出trainset长度和validationset长度。

将mel谱图的读取封装为类

import os
import cv2
import numpy as np

```
from torch.utils.data import Dataset

class MelSpectrogramDataset(Dataset):
    '''该类封装了读取谱图的功能'''

def __init__(self, root_dir):
    '''初始化类MelSpectrogramDataset'''
    self.root_dir = root_dir
    self.file_list = sorted(os.listdir(self.root_dir))

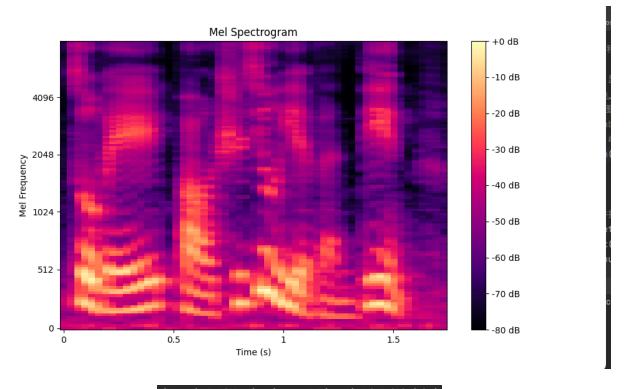
def __len__(self):
    '''返回谱图文件夹中文件的数量'''
    return len(self.file_list)

def __getitem__(self, index):
    '''根据索引读取文件并返回文件和标签。'''
    file_path = os.path.join(self.root_dir, self.file_list[index])
    label = file_path.splitt("/")[-1][:-4] # 文件夹名即标签,通过文件路径获取标签
    image = cv2.imread(file_path) # 读取图片
    return image, label # 返回图片和标签
```

1、选取1个播音员的谱图文件夹,读取第一张谱图,显示图,打印图片的分辨率和标签,文件夹长度的读取等功能

```
# 选取1个播音员的谱图文件夹,读取第一张谱图,显示图,打印图片的分辨率和标签,文件夹长度的读取 dataset = MelSpectrogramDataset("Boyin_mel_save/haixia") image, label = dataset[0] # 获取第一张图片和对应的标签 print(f"Image shape: {image.shape}, Label: {label}") # 打印图片尺寸和标签 cv2.imshow("Mel Spectrogram", image) # 展示图片 print(f"Length of haixia_dataset: {len(dataset)}") # 打印Boyin_mel_save/haixia/文件夹的长度 # cv2.waitKey(0) # 等待按键 cv2.destroyAllWindows() # 关闭所有窗口
```

输出结果:



/Users/palekiller/opt/anaconda3/envs/YuYinShiBie/bin/p Image shape: (600, 1000, 3), Label: haixia001_0 Length of haixia_dataset: 200

2、选取2个播音员的谱图文件夹,将数据集合并,并打印合并后数据集的长度。

```
# 选取2个播音员的谱图文件夹,将数据集合并,并打印合并后数据集的长度
kanghui_dataset = MelSpectrogramDataset("Boyin_mel_save/kanghui")
haixia_dataset = MelSpectrogramDataset("Boyin_mel_save/haixia")
merged_dataset = np.concatenate((kanghui_dataset, haixia_dataset))
print(f"Merged dataset length: {len(merged_dataset)}")
```

输出结果:

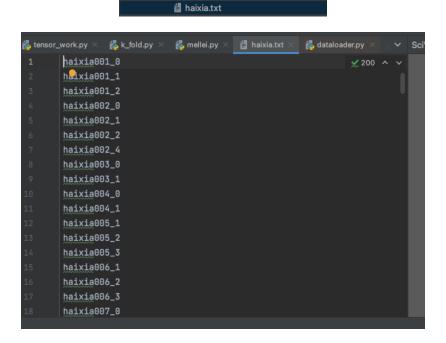
Merged dataset length: 400

3、选取1个播音员的谱图文件夹,生成label文件夹。

```
# 选取1个播音员的谱图文件夹,生成label文件夹
if not os.path.exists("labels"):
    os.mkdir("labels")
with open("labels/haixia.txt", "w") as f:
    for i in range(len(haixia_dataset)):
    label = haixia_dataset[i][1]
    f.write(f"{label}\n")
```

labels

输出结果:



对数据集进行交叉验证分类(可以把这个功能封装为类),输出trainset长度和validationset长度。

```
class KFoldSplitter:

'''
为了实现交叉验证,我们可以先将数据集进行随机划分,
然后每次选取其中一部分作为验证集,
其余部分作为训练集。
```

```
def __init__(self, dataset, num_folds=5, shuffle=True):
       self.dataset = dataset
       self.num\_folds = num\_folds
       self.shuffle = shuffle
   def split(self):
       indices = list(range(len(self.dataset)))
       if self.shuffle:
          random.shuffle(indices)
       fold_size = len(self.dataset) // self.num_folds
       for i in range(self.num_folds):
          start = i * fold_size
           end = (i+1) * fold_size if i < self.num_folds-1 else len(self.dataset)</pre>
           val_indices = indices[start:end]
          train_indices = list(set(indices) - set(val_indices))
          yield train_indices, val_indices
dataset = MelSpectrogramDataset("Boyin_mel_save/kanghui") # mel谱图数据集
splitter = KFoldSplitter(dataset, num_folds=5, shuffle=True) # 创建交叉验证实例
# 循环迭代器返回的每一个训练集和验证集的索引
for fold, (train_indices, val_indices) in enumerate(splitter.split()):
   这里使用了 splitter.split() 返回的迭代器,
   每次迭代都会返回一个元组,其中包含训练集和验证集的索引,
   enumerate() 函数用于将迭代器中的每个元素与其对应的索引进行关联,并返回一个元组。
   trainset = [dataset[i] for i in train_indices] # 获取训练集(将训练集的索引 train_indices 与数据集实例 dataset 关联起来,获取训练集数据。)
   valset = [dataset[i] for i in val_indices] # 获取验证集(将验证集的索引 val_indices 与数据集实例 dataset 关联起来,获取验证集数据。)
   print(f"Fold {fold+1}: trainset length: {len(trainset)}, validationset length: {len(valset)}") # 输出当前交叉验证的折数 fold,以及训练集和验计
```

```
Fold 1: trainset length: 160, validationset length: 40
Fold 2: trainset length: 160, validationset length: 40
Fold 3: trainset length: 160, validationset length: 40
Fold 4: trainset length: 160, validationset length: 40
Fold 5: trainset length: 160, validationset length: 40
Process finished with exit code 0
```