



T.C. SAKARYA ÜNİVERSİTESİ
BİLGİSAYAR VE BİLİŞİM BİLİMLERİ FAKÜLTESİ
BİLGİSAYAR MÜHENDİSLİĞİ BÖLÜMÜ

VERİ YAPILARI 1. ÖDEV RAPORU

G221210008- Yusuf Taha EZGİN (2-B)

Dersi Veren: Dr.Öğr.Üyesi HÜSEYİN DEMİRCİ

ÖZET

Ödevde tek yönlü ve dairesel iki yönlü bağıl liste veri yapılarını kullandım. Dosyadaki verileri tutarken her bir satırı bir dairesel iki yönlü bağıl liste olarak tuttum. Dairesel iki yönlü bağıl listenin düğümünün önceki, sonraki işaretçisi bulunmakta ve verisi ise txt dosyası içindeki harf olacak şekilde ayarladım. Yani ödev raporu formatındaki kromozom yapısı dairesel iki yönlü bağıl listem oldu, gen ise bu listenin düğümü oldu. Tüm dairesel iki yönlü bağıl listeleri tutmak için ise en dışta bir tek yönlü bağıl liste veri yapısı oluşturdum. Bu tek yönlü bağıl listenin her bir düğümü de veri olarak dairesel iki yönlü bağıl listenin ilk düğümünün adresini içinde tutuyor. Bu şekilde tek yönlü bağıl listeden ilgili kromozoma(satıra) erişip istenilen işlemler uygulanabiliyor. Verilen probleme bu şekilde iki farklı bağıl liste veri yapısı kullanarak çözüm bulmaya çalıştım. Ödevimi çöp kalmayacak şekilde oluşturmaya özen gösterdim. Ödevde en çok zorlandığım kısım bu senaryoyu en hızlı ve basit şekilde hangi bağıl liste veri yapılarını kullanarak çözebileceğimi kurgulamak oldu.

ÇIKTILAR

Verilen farklı dosya yollarını göre çıktılar aldım. Bu dosya yollarını küçük ve büyük verileri içerecek şekilde denedim.

SONUÇ

Ödevi yapmak bana bağıl liste veri yapılarını var olan probleme göre en doğru şekilde kurgulamayı nasıl yapacağımı daha net bir şekilde anlamamı sağladı.