研究生算法课课堂笔记

上课日期: 10月24日 第(2)节课

组长学号及姓名: 1601214455 陈震鹏 组员学号及姓名: 1601214451 常媛 1601214468 刘雨轩

1.k 段和代码:

2.RNA

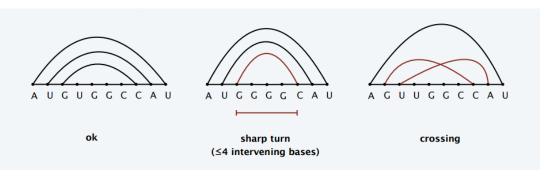
2.1 问题描述:

一条长长的 RNA 序列,求上面的基因,能匹配上的最多对数。匹配条件有三个: 1) A 和 U 匹配,G 和 C 匹配,U 和 A 匹配,C 和 G 匹配。2) 两个匹配的节点间距离至少是 5。

3) 匹配的关系不能交叉。即如果将匹配的两个点连线,那么所有连线不能交叉。

2.2 问题本质:

矩阵乘法加括号



如图,图一为规范匹配实例,图二两个匹配的点之间距离小于 5,不合法。图三两对匹配的点连线交叉

注:一维动规和二维动规区别:是从一端遍历还是两端遍历 子问题划分:

划分成从第 i 个点,到第 j 个点之间,最多能有多少对匹配。记为 OPT(i,j). 有三种情况:

1) 两个点之间距离小于 5, 那么 OPT(i,j) = 0.

- 2) 节点 j 无法匹配, 那么 OPT(i,j) = OPT(i,j-1)
- 3) 节点 j 可以匹配多个点。那么 OPT(i,j) = 1+max_t {OPT(i,t-1), OPT(t+1,j-1)}

其中 t 为可以和节点 j 匹配的节点, 且 i≤t<j-4.

2.3 递推公式:

其实就是上述情况三

$$f(i,j) = \max \begin{cases} f(i,j-1) \\ \max_{i \le k < j} f(i,k-1) + f(k+1,j-1) + 1 \end{cases}$$

f(i,j) 为从第 i 个点,到第 j 个点之间,最多能有多少对匹配。 因此第一种情况是不要 j 节点。第二种情况是 j 节点和 k 匹配。 如果是长为 n 的 RNA 序列,OPT(1,n)即为最后所求。

2.4 复杂度分析

空间复杂度就是开一个二维数组,为 n^2。

时间复杂度其实是有技巧的, 先算长度为 2 的子段, 再算长度为 3 的子段, 依次类推, 最后算长度为 n 的整体 RNA。这样每次拆分的时候, 子段的结果都已经知道了。但是每次查找哪个节点和 i 节点匹配的时候, 还是要搜一遍, 因此时间复杂度还是 n^3.

3.矩阵乘法(参照屈婉玲所著《算法设计与分析》)

问题描述:

设 A_1 , A_2 , ..., A_n 为 n 个矩阵的序列,其中 A_i 为 $P_{i-1} \times P_i$ 阶矩阵,i=1, 2, ..., n. 这个矩阵链的输入向量 $P=<P_0$, P_1 , ..., $P_n>$ 给出,其中 P_0 是矩阵 A_1 的行数, P_i (i=1, 2, ..., n-1)既是矩阵 A_i 的列数也是矩阵 A_{i+1} 的行数,最后的 P_n 是矩阵 A_n 的列数. 计算这个矩阵链需要做 n-1 次两个矩阵的相乘运算,可以用 n-1 对括号表示运算的顺序,因为矩阵乘法满足结合律,无论采用哪种顺序,最后的结果都是一样的. 但是,采用不同的顺序计算的工作量却不一样.

两个矩阵相乘的工作量定义如下: 假设矩阵 A_1 与 A_2 相乘,其中 A_1 是 i 行 j 列的矩阵, A_2 是 j 行 k 列的矩阵,那么它们的乘积 A_1A_2 是 i 行 k 列的矩阵,含有 i*k 个元素. 以元素相乘作为基本运算,乘积中每个元素的计算都需要做 j 次乘法,于是计算 A_1A_2 总共需要 i*j*k 次乘法. 举例说明:

假设输入的是 P=<10, 100, 5, 50>, 这说明有 3 个矩阵相乘,其中 $A_1:10*100$, $A_2=100*5$, $A_3=5*50$

有两种乘法次序,即(A₁A₂)A₃和 A₁(A₂A₃).

如果采用第一种次序,执行的基本运算次数是: 10*100*5+10*5*50=7500;

如果采用第二种次序,执行的基本运算次数是: 10*100*50+100*5*50=75000.

目标:

给定向量 P, 确定一种乘法次序, 使得基本运算的总次数达到最少.

子问题的划分:

用 $A_{i...i}$ 定义矩阵链 $A_iA_{i+1}...A_i$ 相乘的子问题, m[i,j]表示得到乘积 $A_{i...i}$ 所用的最少基本运算

次数. 假设其最后一次相乘发生在矩阵链 $A_{i...k}$ 和 $A_{k+1...i}$ 之间,即

$$A_i A_{i+1} ... A_i = (A_i A_{i+1} ... A_k)(A_{k+1} A_{k+2} ... A_i)$$
 $k=i, i+1, ..., j-1$

那么子问题 $A_{i...j}$ 依赖于子问题 $A_{i...k}$ 和 $A_{k+1...j}$ 的计算结果. 即 m[i, j]的值依赖于 m[i, k]和 m[k+1, j]的值,具体的依赖关系可以表示为

$$\mathbf{m}[\mathbf{i},\mathbf{j}] = \begin{cases} 0 \ (if \ i == j) \\ \min_{i \leq k < j} \{ m[i,k] + m[k+1,j] + P_{i-1}P_kP_j \} \ (if \ i < j) \end{cases}$$

上式中的 k 代表问题的划分位置,应该考虑所有可能的划分,即 $i \le k < j$ 从中比较出较 小的值; $P_{i-1}P_kP_i$ 是最后把两个子矩阵链 $A_{i...k}$ 和 $A_{k+!...i}$ 的结果矩阵相乘所需要的基本运算次数. 当 i=j 时,矩阵链只有一个矩阵 A_i,这时乘法次数为 0,对应了递推式的初值。从公式中可 以得出当 m[i, j]达到最小值时,子问题的优化函数值 m[i, k]和 m[k+1, j]也是最小的。如若不 然,假设存在 m'[i, k]小于 m[i, k], 那么必然存在 m'[i, j]= m'[i, k]+m[k+1, j]比 m[i, j]小。

伪码实现:

```
目标: 计算矩阵连 A<sub>i...i</sub> 所需要的最少乘法运算次数的函数
输入: P=<p<sub>i-1</sub>, p<sub>i</sub>, ..., p<sub>i</sub>>
输出:最少乘法运算次数 m[i,j]
伪码:
令所有 m[i,j]初值为 0
                                                  //r 为计算的矩阵链的长度
for r = 2 to n:
                                                  //n-r+1 为最后一个长 r 的链的起始位置
    for i = 1 to n-r+1:
                                                  //计算链 i-i
        j=i+r-1
         m[i,j]=m[i+1,j]+pi-1*pi*pj
                                                 //Ai(Ai+1...Aj)
                                                 //k 为分割位置
         for k = i+1 to i-1:
             cost = m[i,k] + m[k+1,j] + pi-1*pk*pj //(Ai...Ak)(Ak+1...Aj)
             if cost < m(i,j):
                  m[i,j] = cost
```

复杂度: 算法时间复杂度 $O(n^3)$, 空间复杂度是 $O(n^2)$