# Inteligência Artificial

Aula 25- Aprendizagem de Máquina: Agrupamento <sup>1</sup>

Sílvia M.W. Moraes

Faculdade de Informática - PUCRS

June 12, 2017

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>Este material não pode ser reproduzido ou utilizado de forma parcial sem a permissão dos autores.

### Sinopse

- Nesta aula, continuamos a falar sobre aprendizagem de máquina.
- Este material foi construído com base no material sobre Data Mining dos professores Rodrigos Barros, Duncan e Renata de Paris e também nos capítulos:
  - 11 Inteligência Artificial: Uma abordagem de Aprendizagem de Máquina: Facelli e outros.
  - 10 do livro Inteligência Artificial: Luger
  - 18 do livro Artificial Intelligence a Modern Approach: Russel
    & Norvig

#### Sumário

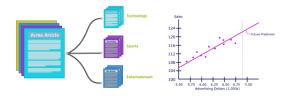
- 1 O que vimos ...
- Revisando: Paradigmas, Tarefas e Processo de Aprendizagem
- 3 Agrupamento

#### Aulas anteriores

- Agente Reativos e Cognitivos
- Solução de Problemas: Algoritmos de busca
- Planejamento Clássico
- Introdução à Raciocínio Probabilistico
- Introdução à Aprendizagem de Máquina
  - Pré-processamento

- Paradigma de aprendizagem é definido pela natureza do problema. Tipo de realimentação usada pelo algoritmo para aprender.
  - Podem ser:
    - Supervisionado: aprendizagem de uma função h a partir de exemplos (amostras rotuladas), de entradas (x) e saídas correspondentes (f(x)). Com crítica referente ao erro da saída.
    - Não-supervisionado: aprendizagem a partir de as amostras não são rotuladas. Essa abordagem não usa os atributos de saída. Sem critica, usa regularidades e propriedades estatísticas dos dados.
    - Por reforço: processo de aprendizagem baseado em punição e recompensa. Reforça uma ação positiva e penaliza, uma negativa. Critica apenas de desempenho.

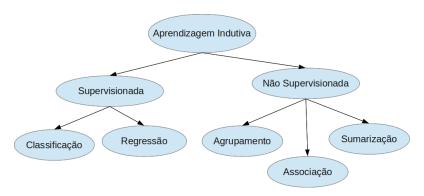
- As tarefas de aprendizagem podem ser: preditivas ou descritivas
  - preditivas: tarefa supervisionada, sua meta é encontrar uma função (modelo ou hipótese) a partir dos dados de treino que possa ser usada para prever um rótulo (classe) ou valor de um novo exemplo.
    - Ex: classificação (rótulos discretos), regressão (rótulos contínuos)



- As tarefas de aprendizagem podem ser: preditivas ou descritivas
  - descritivas: tarefa não supervisionada, sua meta é explorar ou descrever um conjunto de dados. (não usam atributos de saída)
    - Ex: agrupamento (divisão em grupos baseada em similaridade), sumarização (descrição simples e compacta), associação (relações frequentes entre dados)

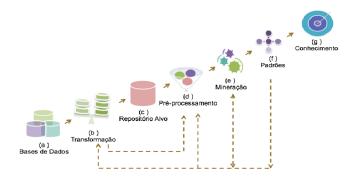


Resumo:



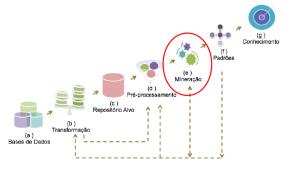
### Processo de Descoberta de Conhecimento

 Knowledge Discovery in Databases (KDD): consiste em uma série de passos bem definida cujo meta é transformar dados em conhecimento.



#### Processo de Descoberta de Conhecimento

- Knowledge Discovery in Databases (KDD):
  (e) Mineração :
  - Usa Algoritmos de aprendizado de máquina
  - Análise de uma séries de dados para compreensão do domínio
  - Resultados compreensíveis e especialmente úteis



#### Conceito

- Objetivo: organizar dados (não classificados, sem rótulos) em grupos de acordo com alguma medida de similaridade, tal que exista:
  - Alta similaridade intra-grupo.
  - Baixa similaridade entre grupos.



#### Características

#### Características:

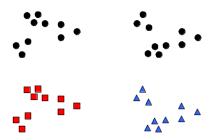
- Técnica aplicada para organizar os dados quando não há classe para predizer.
- Grupos: formados por dados (objetos) que compartilham características (podem ser mais genéricos ou mais especializados, diferentes níveis de refinamento).
- Pode ser usado como uma etapa anterior a alguma tarefa, como por exemplo: sumarização.



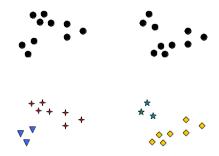
• Quantos grupos há nessa imagem ?



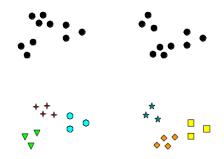
• Quantos grupos há nessa imagem ? 2.



• Quantos grupos há nessa imagem ? 4.

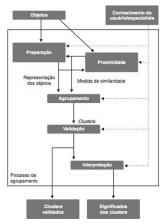


• Quantos grupos há nessa imagem ? 6.



# Etapas do Processo de Agrupamento

• O processo de agrupamento inclui as etapas: preparação, proximidade, agrupamento, validação e interpretação.

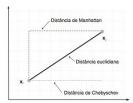


# Etapas do Processo de Agrupamento

- O processo de agrupamento inclui as etapas: preparação, proximidade, agrupamento, validação e interpretação.
  - Preparação: inclui pré-processamento (ex: normalizações, conversão de tipos e redução de dimensionalidade) e forma de representação dos dados (ex: matriz de similaridade) para que o algoritmo de agrupamento possa ser usado.
  - Proximidade: definição de medidas de proximidade apropriadas ao domínio e ao tipo de informação que se deseja extrair dos dados.
    - Existem medidas para atributos quantitativos e qualitativos.

# Etapas do Processo de Agrupamento: Proximidade

- Proximidade Medidas para Atributos Quantitativos:
  - Medidas de Distância: atributos contínuos e racionais:
    - Manhattan:  $d(x_i, x_j) = \sum_{l=1}^{d} |x_i^l x_j^l|$  (usual para binários)
    - Euclidiana:  $d(x_i, x_j) = \sqrt{\sum_{l=1}^{d} (x_i^l x_j^l)^2}$
    - ullet Chebyschev (ou supremum):  $d(x_i, x_j) = \max_{1 \leq l \leq d} |x_i^l x_j^l|$



# Etapas do Processo de Agrupamento: Proximidade

- Proximidade Medidas para Atributos Quantitativos:
  - Medidas de Similaridade:
    - Separação angular (cosseno):  $cos(x_i, x_j) = \frac{\int\limits_{l=1}^d x_i^l x_j^l}{\sqrt{\int\limits_{l=1}^d x_i^2 \int\limits_{l=1}^d x_j^2}}$
    - Pearson:  $p(x_i, x_j) = \frac{\int\limits_{l=1}^{d} (x_i^l \overline{x_i})(x_j^l \overline{x_j})}{\sqrt{\int\limits_{l=1}^{d} (x_i^l \overline{x_i})^2 \int\limits_{l=1}^{d} (x_j^l \overline{x_j})^2}}$  (quando magnitude não é importante, mas sim o grau de variação. Ex: Bioinformática)

cosseno

# Etapas do Processo de Agrupamento: Proximidade

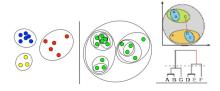
- Proximidade Medidas para Atributos Qualitativos:
  - São obtidas a partir da soma das contribuições individuais de todos os atributos.
  - Para atributos nominais, a distância mais usada é a de Hamming.

$$d(x_i, x_j) = \sum_{l=1}^d a(x_i^l, x_j^l) \text{ , onde } a(x_i^l, x_j^l) = \begin{cases} 1 & \text{se } x_i^l \neq x_j^l \\ 0 & c.c \end{cases}$$

# Etapas do Processo de Agrupamento

- O processo de agrupamento inclui as etapas: ...
  - agrupamento: nessa etapa um ou mais algoritmos de agrupamento são usados para gerar os grupos.
  - validação: etapa que verifica se os grupos gerados são significativos. Ajuda a determinar o número adequado de grupos, quando esse número não é conhecido.
  - interpretação: processo de examinar o grupo em relação aos outros com o objetivo de rotulá-lo, indicando a natureza do grupo.

## Tipos de Agrupamentos



#### Agrupamento Particional

 Divisão dos objetos de dados em subconjuntos (grupos) sem sobreposição tal que cada objeto de dados está em exatamente um único grupo.

#### Agrupamento Hierárquico

• Um conjunto de grupos aninhados na forma de uma árvore hierárquica.



- k-means: Algoritmo de agrupamento particional.
  - Características:
    - Cada grupo está associado a um centroide (objeto central).
    - Cada objeto é atribuído ao grupo com o centroide mais próximo.
    - Número de grupos (k) deve ser especificado
    - 1. Selecione k objetos como centroides iniciais.
    - 2. Repita
    - 3 Forme k agrupamentos vinculando todos os objetos aos centroides mais próximos.
    - Recalcule o centroide de cada agrupamento.
    - 5. Até que os centroides não mudem.

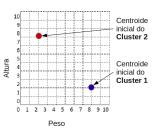
#### Características:

- Centroides iniciais são geralmente aleatórios.
- Agrupamento varia conforme a inicialização.
- Centroides são (tipicamente) a média de todos os objetos do grupo.
- A medida de distância geralmente empregada é a distância Euclidiana.
- k-means geralmente converge com poucas iterações.
- Complexidade é O(n × k × i × d), onde n = número de objetos, k = número de grupos, i= número de iterações e d= número de atributos

#### • Exemplo:

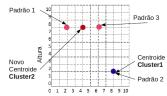
- Considere o conjunto de dados abaixo, o qual possui 6 registros de peso(atributo1) e altura (atributo2) normalizados para o intervalo 0 a 10.
- Supondo que o Padrão1 é o centroide inicial do cluster1 e o Padrão2 é o centroide inicial do cluster2, quais serão os valores dos centroides dos dois clusters, ao final da execução do algoritmo?

Padrão	Peso(Atributo1)	Altura(Atributo2)
1	2	8
2	8	2
3	6	8
4	2	7
5	8	4
6	2	6



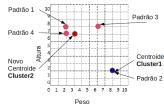
- Considerando, a distância euclidiana a medida de proximidade:
  - E sabendo que o centróide do cluster1 (C1) é definido por (8,2) e do cluster2 (C2) é (2,8)
  - Analisando o Padrão 3: (6,8)
    - ① Calcula a proximidade do padrão em relação aos centróides: distância de C1:  $\sqrt{(8-6)^2+(2-8)^2}=6,32$  distância de C2:  $\sqrt{(2-6)^2+(8-8)^2}=4$
    - 2 Recalcula o centróide do mais próximo ao padrão, usando média  $\overline{x}(k) = \frac{1}{n_k} \sum_{x_i \in C_k} x_i$ :

$$C2=(\frac{2+6}{2},\frac{8+8}{2})=(4,8)$$



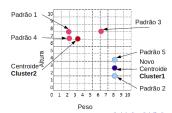
- Considerando, a distância euclidiana a medida de proximidade:
  - E sabendo que novo centróide do cluster1 (C1) é definido por (8,2) e do cluster2 (C2) é (4,8)
  - Analisando o Padrão 4: (2,7)
    - ① Calcula a proximidade do padrão em relação aos centróides: distância de C1:  $\sqrt{(8-2)^2+(2-7)^2}=7,81$  distância de C2:  $\sqrt{(4-2)^2+(8-7)^2}=2,23$
    - 2 Recalcula o centróide do mais próximo ao padrão, usando média:

$$C2 = (\frac{2+6+2}{3}, \frac{8+8+7}{3}) = (3,7)$$



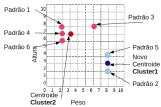
- Considerando, a distância euclidiana a medida de proximidade:
  - E sabendo que novo centróide do cluster1 (C1) é definido por (8,2) e do cluster2 (C2) é (3,7)
  - Analisando o Padrão 5: (8,4)
    - ① Calcula a proximidade do padrão em relação aos centróides: distância de C1:  $\sqrt{(8-8)^2+(2-4)^2}=2$  distância de C2:  $\sqrt{(3-8)^2+(7-4)^2}=5.83$
    - Recalcula o centróide do mais próximo ao padrão, usando média:

$$C1 = (\frac{8+8}{2}, \frac{2+4}{2}) = (8,3)$$

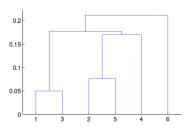


- ...E sabendo que centróide do cluster1 (C1) é (8,3) e do cluster2 (C2) é (3,7).
  - Analisando o Padrão 6: (2,6)
    - **1** Calcula a proximidade do padrão em relação aos centróides: distância de C1:  $\sqrt{(2-8)^2 + (6-3)^2} = 6,70$  distância de C2:  $\sqrt{(2-3)^2 + (6-7)^2} = 1,41$
    - Recalcula o centróide do mais próximo ao padrão, usando média:

$$C2 = \left(\frac{2+6+2+2}{4}, \frac{8+8+7+6}{4}\right) = (3,7)$$



- Produz um conjunto de grupos aninhados, organizados como uma árvore.
- Pode ser visualizado por um dendograma.
  - Uma árvore como um diagrama que mostra as sequências de combinações ou partições.



- Vantagens desse tipo de agrupamento:
  - Não é necessário assumir um número particular de grupos
  - Qualquer número de grupos desejado pode ser obtido ao 'cortar' o dendograma no nível apropriado.
  - Podem corresponder a taxonomias úteis. Exemplos em ciências biológicas (e.g., reino animal, reconstrução filogênica, ...)

- Tipos: Aglomerativo ou por Divisão
  - Aglomerativo:
    - Inicia com cada objeto representando um grupo individual.
    - A cada passo, combina o par mais próximo de grupos, até que somente um grupo (ou k grupos) reste ou algum critério de parada seja atingido.
  - Por Divisão:
    - Inicia com todos os objetos representando um único grupo.
    - A cada passo, divide o grupo até que cada grupo contenha um objeto (ou k grupos) ou algum critério de parada seja atingido.
  - Algoritmos hierárquicos tradicionais usam a matriz de similaridade ou distância



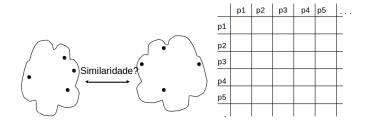
Os algoritmos aglomerativos são mais usados

Algoritmo Básico Calcular a matriz de distância entre os dados Cada ponto inicialmente é considerado um cluster Repetir

Juntar os dois clusters mais próximos Atualizar a matriz de distâncias Até que reste apenas um cluster

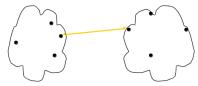
- A operação-chave é a distância entre os dois clusters
- A diferença entre os algoritmos que seguem essa abordagem está justamente no cálculo dessa distância.

- Similaridade baseada nas distâncias entre os elementos ou centróides dos clusters.
- Em geral usam uma matriz de similaridade.

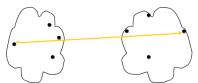


- Tipos:
  - Single-link, Complete-link, Average-link, Distance Between Centroids e outros.

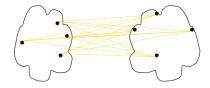
- Tipos:
  - **Single-link**: baseado na **menor distância** entre dois clusters C1 e C2 (usa os dados mais próximos, um de cada cluster).



 Complete-Link: baseado na maior distância entre dois clusters C1 e C2 (usa os dados mais afastados, um de cada cluster).



- Tipos:
  - Average-link: baseado na distância média entre dois clusters C1 e C2.



• Distance Between Centroids: baseado na distância entre os centróides de dois clusters C1 e C2.

