

© Programa linFIT - Ajuste Linear Ponderado

© José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva
 © Departamento de Bioquímica
 © Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG
 © email: je.dasilva@unifal-mg.edu.br

```
« → d e f
  « d 'x' STO e 'y' STO f 'w' STO x AXL y AXL 2. COL→ DUP STOΣ 'data
a' STO ΣDAT
→COL DROP 1. COL→ 'mY' STO AXL DUP DUP / SWAP AXL SWAP AXL SWAP 2.
COL→ 'mX'
STO w w SIZE 'N' STO AXL { N N } DIAG→ 'wd' STO mX TRAN wd * mX * IN
NV DUP
'mcov' STO mX TRAN wd * mY * * DUP 'mcoef' STO OBJ→ DROP 'b' STO 'a
' STO mY mX
mcoef * - TRAN wd * mY mX mcoef * - * OBJ→ DROP DUP 'SSE' STO N 2.
- / √ 'RSE'
STO mcov OBJ→ DROP √ RSE * 'seb' STO DROP DROP √ RSE * 'sea' STO SSE
E seb SQ /
DUP 'SSX' STO b * DUP 'SSXY' STO b * 'SSR' STO SSE N 2. - * b SSXY
* + 'SSY'
STO SSR SSY / √ 'R' STO SSR SSE / 'F' STO 1. N 2. - F UTPF 'pval' ST
TO SSXY N 1.
- / 'covXY' STO RSE SQ 's2' STO SSX N 1. - / 's2x' STO SSY N 1. - /
's2y' STO
covXY 'covXY' →TAG s2x 's2x' →TAG s2y 's2y' →TAG s2 's2' →TAG F 'F'
→TAG a
'intcp' →TAG sea 'se' →TAG b 'slope' →TAG seb 'se' →TAG R 'R' →TAG
RSE 'ChiSQ'
→TAG pval 'pval' →TAG { a b sea seb RSE R F pval x y pred res covXY
s2 s2x s2y
SSE SSR SSX SSY SSXY mcov PPAR0 ZPAR X EQ ΣPAR wd ΣDAT w } PURGE 200
00. .2 BEEP
»
»
```