

@ Programa Site1 - Solução Numérica para Equilíbrio de Interação

@ José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva

@ Departamento de Bioquímica

@ Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG

@ email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br

```

« → l0 r0 kd
  « { } DUP 'Lr' STO 'Ll' STO l0 'L0' STO r0 'R0' STO kd 'Kd' STO
n n 0. L0 L0
8. / SEQ 'lL0' STO 1. 8.
  FOR j j lL0 SWAP GETI 'L0i' STO L0i R0 Kd → l0 r0 kd
  'r+r*l/kd-r0=0.' L0i
R0 Kd → l0 r0 kd 'l+r*l/kd-l0=0.' 2. →ARRY [ 'r' 'l' ] [ 2.5 5. ]
.01 XLIB 1040
0 DROP OBJ→ DROP Ll SWAP AUGMENT 'Ll' STO Lr SWAP AUGMENT 'Lr'
STO DROP DROP
  NEXT CLEAR Ll DUP Lr * Kd / DUP 'Llr' STO AXL SWAP AXL SWAP
2. COL→ DUP
STOΣ SCATTER 1. XCOL 2. YCOL AUTO SCATTER 2. ERASE DRAX DRAW DROP
{ L0i ΣPAR
ΣDAT } PURGE { Site1 Llr Ll Lr lL0 L0 R0 Kd } ORDER PICTURE
  »
»

```