

*© Programa Site1 - Solução Numérica para Equilíbrio de Interação*

*© José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva  
© Departamento de Bioquímica  
© Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG  
© email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br*

```
« → 10 r0 kd
  « { } DUP 'Lr' STO 'Ll' STO 10 'L0' STO r0 'R0' STO kd 'Kd' STO
  n n 0. L0 L0
  8. / SEQ 'lL0' STO 1. 8.
    FOR j j lL0 SWAP GETI 'L0i' STO L0i R0 Kd → 10 r0 kd
    'r+r*1/kd-r0=0.' L0i
    R0 Kd → 10 r0 kd '1+r*1/kd-10=0.' 2. →ARRY [ 'r' 'l' ] [ 2.5 5. ]
    .01 XLIB 1040
  0 DROP OBJ→ DROP Ll SWAP AUGMENT 'Ll' STO Lr SWAP AUGMENT 'Lr'
  STO DROP DROP
    NEXT CLEAR Ll DUP Lr * Kd / DUP 'Llr' STO AXL SWAP AXL SWAP
  2. COL→ DUP
  STOΣ SCATTER 1. XCOL 2. YCOL AUTO SCATTER 2. ERASE DRAX DRAW DROP
  { L0i ΣPAR
ΣDAT } PURGE { Site1 Llr Ll Lr lL0 L0 R0 Kd } ORDER PICTURE
  »
  »
```