```
@ Programa mlFIT - Ajuste Multilinear

@ José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva
@ Departamento de Bioquímica
@ Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG
@ email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br


« → x y
  « x SIZE EVAL DROP → n
    « y x LSQ → cf
      « x cf * → yp
        « yp →COL DROP AXL y →COL DROP AXL - SQ ΣLIST DUP → sse
          « n 3. - / → s2
            « -105. SF s2 x TRAN x * INV * →DIAG AXL √ → se
              « y →COL DROP AXL SQ ΣLIST y →COL DROP AXL ΣLIST SQ
n / - → sst
                « cf →COL DROP AXL → coef
                  « sst sse - 2. / → qmreg
                    « 2. qmreg * sst / → r2
                      « qmreg s2 / → F
                        « n n F EVAL UTPF → pv
                          « coef 'coef' →TAG se 'se' →TAG qmreg
'qmreg' →TAG
sse 'sqres.sse' →TAG s2 'qmres.s2' →TAG sst 'sst' →TAG r2 'r2'
→TAG F 'F' →TAG
pv 'pval' →TAG 2000. .4 BEEP
                          »
                        »
                      »
                    »
                  »
                »
              »
            »
          »
        »
      »
    »
  »
»
```