

@ Programa 2ANAVA1matrix - Análise de Variância de 2 Critérios

@ José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva

@ Departamento de Bioquímica

@ Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG

@ email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br

```

« → mt
  « mt DUP 'm' STO OBJ→ EVAL 'k' STO 'r' STO CLEAR m OBJ→ ILLIST
  DUP 'n' STO
  →LIST → ly
    « ly ΣLIST SQ n / → c
    « ly SQ ΣLIST c - → sqt
    « m TRAN AXL DUP → kdat
    « 0. 'ΣT2' STO kdat EVAL 1. k
    FOR j ΣLIST SQ 'ΣT2' STO+
    NEXT ΣT2 r / c - → sqtr
    « CLEAR m AXL → kdat2
    « 0. 'ΣB2' STO kdat2 EVAL 1. r
    FOR j ΣLIST SQ 'ΣB2' STO+
    NEXT ΣB2 k / c - → sqb
    « sqt sqtr - sqb - → sqr
    « k 1. - → gltr
    « r 1. - → glb
    « k 1. - r 1. - * DUP → glr
    « 'gl' STO n 1. - → glt
    « sqtr gltr / → qmtr
    « sqb glb / → qmb
    « sqr glr / 'qmr' STO qmtr qmr / →
    ftr
      « qmb qmr / → fb
      « gltr glr ftr UTPF → p
      « glb glr fb UTPF → pb
      « sqtr 'sqtr' →TAG sqb
'sqb' →TAG sqr
'sqr' →TAG sqt 'sqt' →TAG qmtr 'qmtr' →TAG qmb 'qmb' →TAG qmr
'qmr' →TAG ftr
'Ftr' →TAG fb 'Fbl' →TAG p 'p' →TAG pb 'pbl' →TAG sqtr sqt / 'R2'
→TAG { ΣB2
ΣT2 } PURGE

```

»
»
»
»