

© Programa linFIT - Ajuste Linear Ponderado

© José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva
 © Departamento de Bioquímica
 © Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG
 © email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br

```
« → d e f
  « d 'x' STO e 'y' STO f 'w' STO x AXL y AXL 2. COL→ DUP STOΣ
  'data' STO ΣDAT
  →COL DROP 1. COL→ 'mY' STO AXL DUP DUP / SWAP AXL SWAP AXL SWAP
  2. COL→ 'mX'
  STO w w SIZE 'N' STO AXL { N N } DIAG→ 'wd' STO mX TRAN wd * mX *
  INV DUP
  'mcov' STO mX TRAN wd * mY * * DUP 'mcoef' STO OBJ→ DROP 'b' STO
  'a' STO mY mX
  mcoef * - TRAN wd * mY mX mcoef * - * OBJ→ DROP DUP 'SSE' STO N
  2. - / √ 'RSE'
  STO mcov OBJ→ DROP √ RSE * 'seb' STO DROP DROP √ RSE * 'sea' STO
  SSE seb SQ /
  DUP 'SSX' STO b * DUP 'SSXY' STO b * 'SSR' STO SSE N 2. - * b
  SSXY * + 'SSY'
  STO SSR SSY / √ 'R' STO SSR SSE / 'F' STO 1. N 2. - F UTPF 'pval'
  STO SSXY N 1.
  - / 'covXY' STO RSE SQ 's2' STO SSX N 1. - / 's2x' STO SSY N 1. -
  / 's2y' STO
  covXY 'covXY' →TAG s2x 's2x' →TAG s2y 's2y' →TAG s2 's2' →TAG F
  'F' →TAG a
  'intcp' →TAG sea 'se' →TAG b 'slope' →TAG seb 'se' →TAG R 'R'
  →TAG RSE 'ChiSQ'
  →TAG pval 'pval' →TAG { a b sea seb RSE R F pval x y pred res
  covXY s2 s2x s2y
  SSE SSR SSX SSY SSXY mcov PPAR0 ZPAR X EQ ΣPAR wd ΣDAT w } PURGE
  2000. .2 BEEP
  »
»
```