

@ Programa SNK-1matrix - Teste de Student-Newman-Keuls para Comparações Múltiplas

@ José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva

@ Departamento de Bioquímica

@ Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG

@ email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br

```

« m STOΣ MEAN AXL SORT → l
  « l LIST→ ROLL LASTARG →LIST l - ABS → d1
    « l 2. 1. + OVER SIZE SUB LASTARG DROP 1. - 1. SWAP SUB + l -
ABS → d2
      « d1 d2 + → d1
        « TkTB5 { gl k } GET → q
          « qmr r / √ q * → dm
            « d1 DUP SIZE 'sd1' STO { sd1 } dm CON AXL - → diff
              « 'X' 'X' 1. k 1. SEQ → l2
                « l2 LIST→ ROLL LASTARG →LIST → l3a
                  « l2 2. 1. + OVER SIZE SUB LASTARG DROP 1. - 1.
SWAP SUB + →
l3b
                    « l2 l2 + → l2m
                      « l3a l3b + → l3m
                        « l2m l3m AXL SWAP AXL SWAP 2. COL→ TRAN
dl AXL 1. COL→
TRAN AUGMENT diff AXL 1. COL→ TRAN AUGMENT TRAN { A B ΔAB Δdm }
AXL SWAP
AUGMENT { g sd1 ΣDAT qmr n k r nk m gl } PURGE 2000. .4 BEEP q
'qcrit5%' →TAG
dm 'dms' →TAG
                                »
                              »
                            »
                          »
                        »
                      »
                    »
                  »
                »
              »
            »
          »
        »
      »
    »
  »
»

```