빅분기 작업형3 통계검정 주요함수

1. 단일표본 t검정 (단측) 표본평균 모평균 검정 scipy.stats ttest_1samp alternative ='greater', 'less', 'two-sided' 2. 독립표본 t 검정 - 두 독립 표본의 평균을 비교 검정 scipy.stats ttest_ind ttest_ind(group1,group2) equal_var =false 로 두면 welch t-test 가 됨. 등분산 검정 후 결정. scipy.stats import levene levene(group1, group2) 3. 대응표본 t 검정 - 대응되는 두 표본 (실험 전후) scipy.stats ttest_rel # 약이 혈압강하 효과가 있다 t_stats, p_val= stats.ttest_rel(bp_post,bp_pre,alternative = 'less') 4. 일원분산분석 (ANOVA) 셋 이상의 그룹의 비교 scipy.stats f_oneway stats,p_val= f_oneway(groupA,groupB,groupC) 5. 정규성 검정 shapiro scipy.stats shapiro statistic, p_val = shapiro(data) 6. 회귀모형 (상관계수) df.corr() 7. 로지스틱 회귀 logit from statsmodels.formula.api import logit formula = 'target ~ num_col1 + C(cat_col1) + num_col2:num_col3' model = logit(formula,df=data).fit() model.params 8. 카이제곱 적합도 검정 (chi-square) 관측값과 기대값의 빈도 차이 비교 from scipy.stats import chisquare chisquare(obs_freq,exp_freq) 9. 지지도/신뢰도/향상도 지지도(A,B): A와 B가 함께 팔린 거래 횟수 / 전체 거래 횟수 신뢰도(A->B): A와 B가 함께 팔린 거래 횟수 / A가 팔린 거래 횟수 향상도(A,B): 신뢰도(A->B) / 지지도(B) 10. 포아송 분포 from scipy.stats import poisson poisson.pmf(k, lambda_) pmf :정확히 k번 발생할 확률 cdf: k번 이하로 발생할 확률 11. 독립성 검정 (chi2_contingency) # 성별과 시험합격은 독립적인가 from scipy.stats import chi2_contingency statistic, pvalue, dof,expected= stats.chi2_contingency(df) 12. 이항분포 from scipy.stats import binom binom.cdf(k=7, n=10, p=0.7) # pmf 는 정확히 k 번 성공할 확률 13. 점추정/구간추정 from scipy.stats import t t.interval 구간추정 = t.interval(confidence, df=n_samples-1, loc=표본평균, scale=sample_std/(n_samples**0.5)) confidence 신뢰수준 (예: 0.95 → 95% 신뢰구간) df 자유도 (보통 n - 1) loc 평균 (샘플 평균) scale 표준오차 (standard error = 표준편차 / √n 14. 이원분산분석 Two-way ANOVA from statsmodels.formula.api import ols

from statsmodels.api.stats import anova_lm anova_table= anova_lm(model,typ=2) # typ=2를 명시. 상호작용을 독립적으로 평가

model= ols('Sales ~ C(Decoration_Type) + C(Region) + C(Decoration_Type):C(Region)', data=df).fit()

16. 다중 선형회귀

from statsmodels.formula.api import ols model_full = $smf.ols('y \sim x1 + x2 + x3 + x4', data=data).fit() print(model_full.summary())$

y_pred = model_full.predict(new_data) # 새로운 데이터 포인트에 대한 예측값 residuals = model_full.resid # 잔차 분석 수행

pred_conf_int_97 = model_full.get_prediction(new_data).summary_frame(alpha=0.03)

17. 비모수 검정(wilcoxon)

from scipy.stats import wilcoxon wilcoxon(df['weight']- med,alternative='greater')

ttest_1samp() popmean=620 ← ☑ 기준값 직접 인자 전달 wilcoxon() 기준값 없음 🗙 → 직접 차이값을 계산해서 넣어야 함