

数据挖掘与应用

异常检测

授课教师：周晟

浙江大学 软件学院

2025.10.14



教学内容

- ① 认识异常检测
- ② 基于统计的方法
- ③ 有监督/半监督异常检测算法
- ④ 无监督异常检测方法
- ⑤ 时序异常检测方法



数据中的异常

异常的定义

An **outlier** is an observation which deviates so much from the other observations as to arouse suspicions that it was generated by a different mechanism.

数据集中与大部分样本不一样的样本称为异常样本 (anomaly sample, abnormalities, deviants, outliers)。

异常检测的定义

离群点检测（又称为异常检测）是找出行为不同于预期的异常的过程。

异常与噪声

噪声是被观测变量的随机误差或方差。在数据分析（包括异常检测）中不是令人感兴趣的。离群点是有趣的，因此怀疑产生它们的机制不同于产生其他数据的机制。

- ① 所有样本 = 普通样本 + 离群样本 (Outlier)
- ② 离群样本 = 噪声 (Noise) + 异常样本 (Anomaly)
- ③ 噪声 = 用户没有兴趣的离群点
- ④ 异常 = 用户感兴趣的离群点



异常的类型

异常的常见类型

① 点异常 (Point Anomaly)

- ① 少数服从多数原则
- ② 空间条件异常

② 条件异常 (Conditional Anomaly)

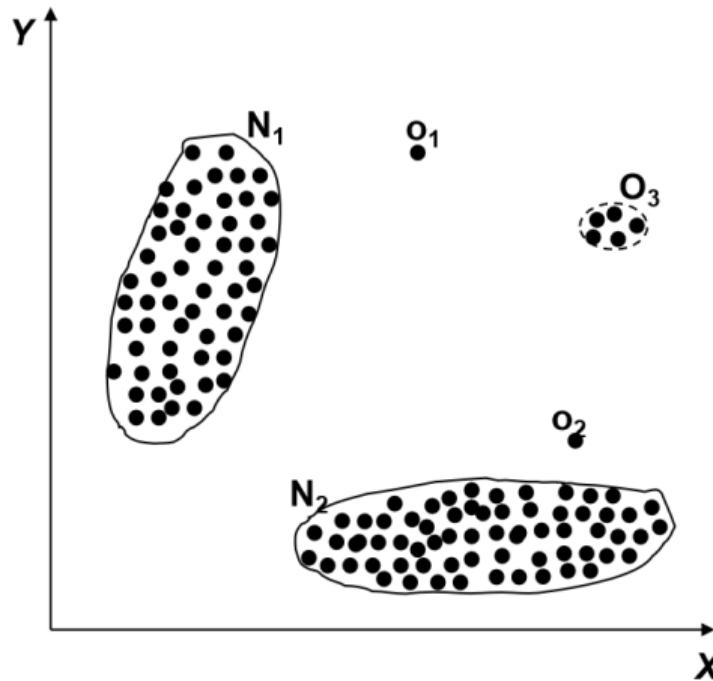
- ① 时间条件异常
- ② 空间条件异常

③ 集合异常 (Collective Anomaly)

- ① 集合难以定义
- ② 集合的公平性

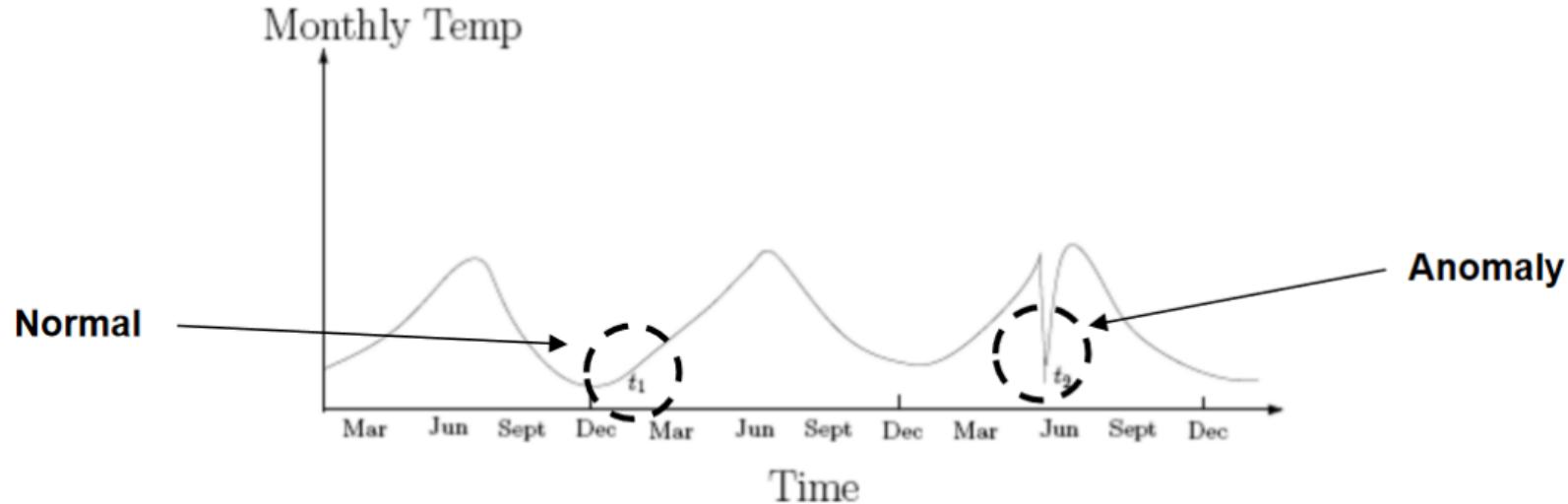
点异常

- 单个数据实例是异常的



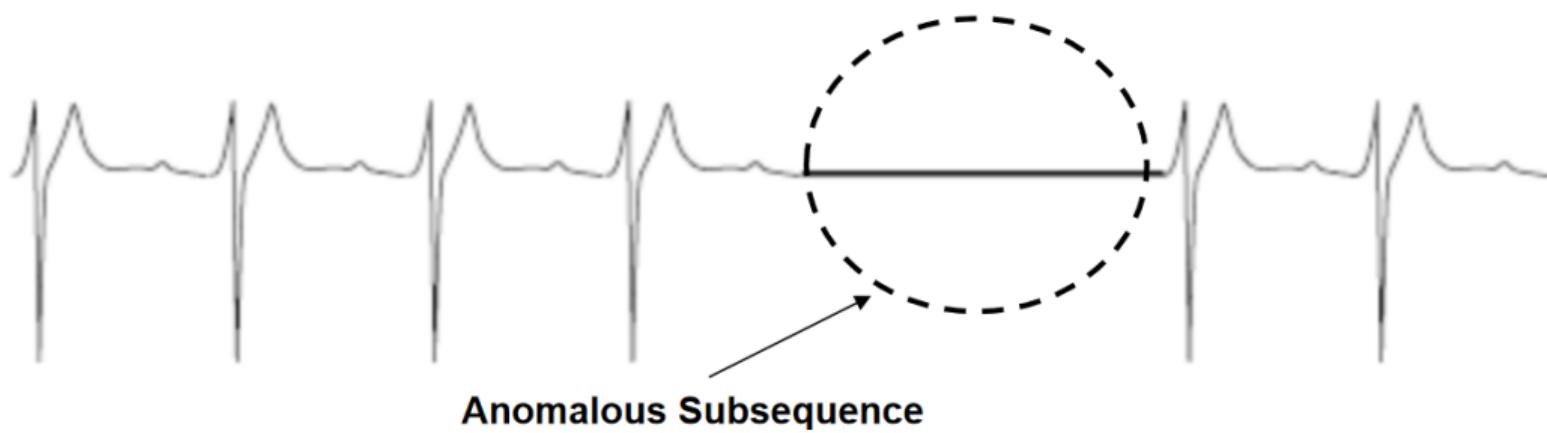
条件异常

- 单个数据实例在某个“条件下”是异常的
- 也称为“上下文异常 (Contextual Anomalies)”



集合异常

- 一个由相关数据实例构成的集合是异常的
- 数据实例间存在某种关系
 - 连续数据
 - 空间数据
 - 图数据
- 集合中的单个数据实例本身并不是异常



不同异常类型的案例

- ① 超大金额的单笔交易（点异常）
- ② 发生在国外的小额交易（条件异常）
- ③ 发生在凌晨的小额交易（条件异常）
- ④ 连续十天购买同一件商品（集合异常）



真实大规模场景中往往同时包含多种类型的异常！



异常检测范式

① 有监督异常检测

- ① 标签获得困难
- ② 类别不平衡问题

② 半监督异常检测

- ① 数据分布偏移 (Distribution Shift)

③ 弱监督异常检测

- ① 异常标签噪声大
- ② 训练数据分布偏移 (Distribution Shift)

④ 无监督异常检测

- ① 缺少监督信号和数据分布信息
- ② 训练目标设计困难

Out-of-distribution (OOD) Detection



异常检测的应用

- ① 侵入检测
- ② 欺诈检测 (Fraud Detection)
 - ① 保险
 - ② 医疗
 - ③ 金融
 - ④ 电信
- ③ 恶意软件检测
- ④ 多媒体异常检测
- ⑤ 社交网络异常检测
- ⑥ 时序异常检测
 - ① 单变量时序异常检测
 - ② 多变量时序异常检测



欺诈检测

- 欺诈检测

- 侦查商业组织中发生的犯罪活动
- 其中的恶意用户可能是组织的实际客户，也可能是伪装成的客户（也称为身份盗窃）

- 欺诈的类型

- 信用卡诈骗
- 保险索赔欺诈
- 手机诈骗
- 内幕交易

- 面对的挑战

- 快速、准确的实时检测
- 误分类成本非常高



医疗信息

- 医疗信息异常检测

- 检测异常的患者记录
- 发现疾病的爆发、仪表错误等

- 面对的挑战

- 只有正常的标签可用
- 误分类成本非常高
- 数据可能非常复杂：时空数据



工业损伤检测

- 工业损伤检测
 - 对复杂工业系统中的故障、结构损害、电子安全系统中的入侵、异常能耗等进行检测。
- 以飞行安全为例
 - 异常的飞机使用
 - 发动机燃烧数据异常
 - 飞机总体运行状况和使用管理
- 面对的挑战
 - 数据极为庞大，杂乱且无标签
 - 许多数据具有时序性
 - 检测到异常事件需立即处理



图像处理

- 图像异常检测

- 检测随时间监控图像中的异常值
- 检测图像中的异常区域

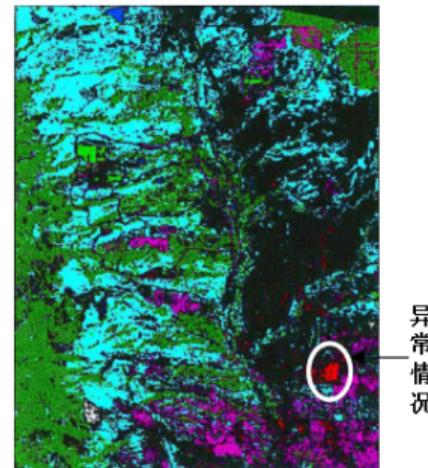


- 使用场景

- X光检查图像分析
- 视频监控
- 卫星图像分析

- 面对的挑战

- 集合异常检测
- 数据集非常大



异常检测的挑战

虽然异常检测已经发展了许多年，但是仍然面临如下的困难：

- ① 数据的极度不平衡
- ② 正常对象和异常对象的有效建模
- ③ 面向不同场景的异常检测
- ④ 异常 VS 噪声
- ⑤ 异常检测结果可解释性
- ⑥ 缺少标签数据
- ⑦ 面临人为对抗
- ⑧ 异常的演化



异常检测的评估

- 标签

- 每一个测试样本都被分配一个“正常”或者“异常”的标签
- 特别是对于 supervised 的方法

- 分数

- 每一个测试样本都被分配一个“异常”分数
- 因此还需要定义一个阈值来进一步分类

准确率 ACC 不能作为一个合适的评价指标：

- 比如一个网络流量数据集中有 99.9% 的正常数据和 0.01% 的异常数据，此时一个将所有样本都判断为正常的分类器可以达到 99.9% 的准确率！

异常检测的评价指标——F 度量

- F 度量的关注点在于召回率和精度

$$\text{Recall}(R) = \frac{TP}{TP + FN} \quad , \quad \text{Precision}(P) = \frac{TP}{TP + FP}$$

$$\text{F-score} = \frac{\beta \times R \times P}{R + P}$$

- ROC 曲线是伪阳性率 (False Positive Rate, FPR) 和真阳性率 (True Positive Rate, TPR) 之间的权衡。

$$TPR = \frac{TP}{TP + FN} = \frac{TP}{P}$$

$$FPR = \frac{FP}{FP + TN} = 1 - \frac{TN}{N}$$

- AUC 曲线即 ROC 曲线下方的面积，取值范围在 [0,1]。值越大，说明模型的性能越好。

① 认识异常检测

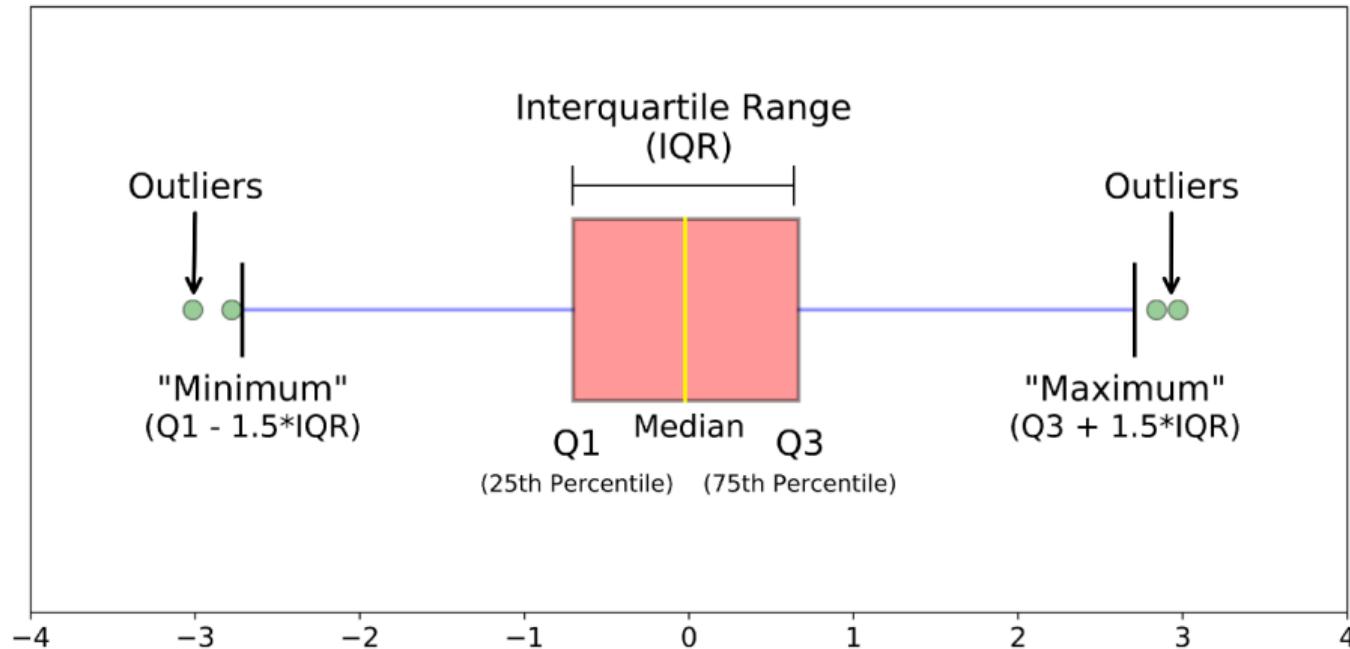
② 基于统计的方法

③ 有监督/半监督异常检测算法

④ 无监督异常检测方法

⑤ 时序异常检测方法

Box-Plot 中的异常检测



Box-Plot 中的异常检测

- ① 第一四分位数 (Q1)：也称下四分位数 (Lower Quartile)，等于该样本中所有数值由小到大排列后第 25% 的数字。
- ② 第二四分位数 (Q2)：也称中位数 (Middle Quartile or Median)，等于该样本中所有数值由小到大排列后第 50% 的数字。
- ③ 第三四分位数 (Q3)：也称上四分位数 (Upper Quartile)，等于该样本中所有数值由小到大排列后第 75% 的数字。

$$\text{Lower Whisker} = Q_1 - 1.5\Delta Q$$

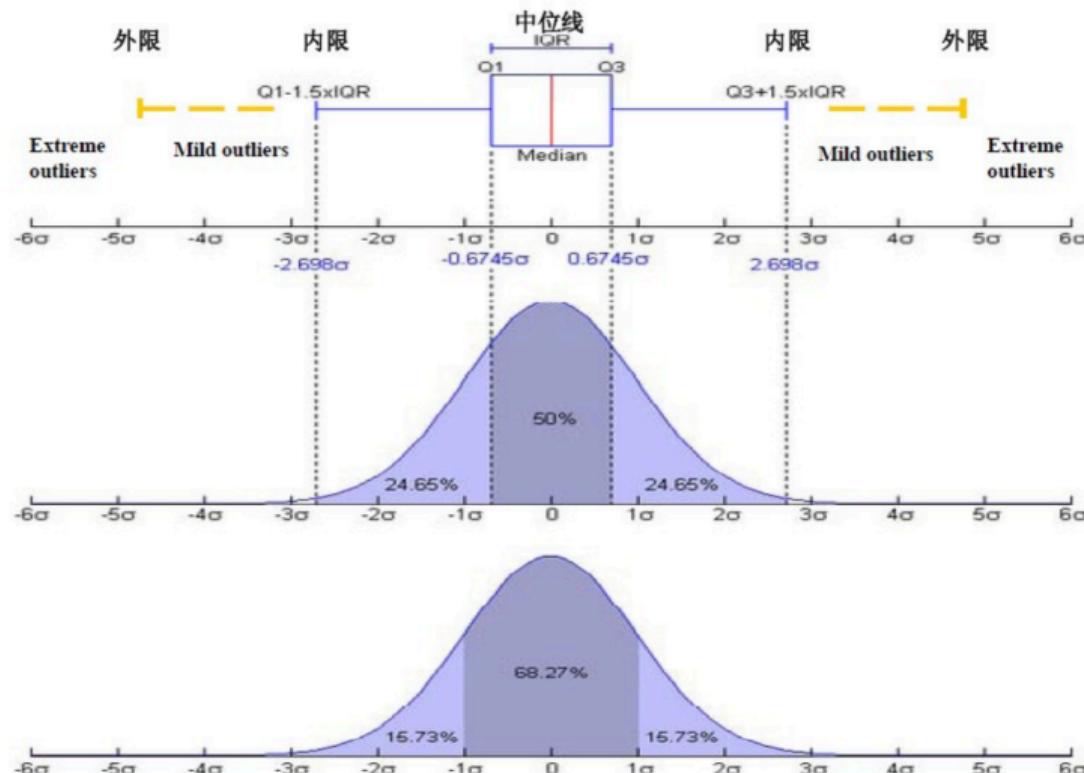
$$\text{Upper Whisker} = Q_3 + 1.5\Delta Q$$

在正态分布下， $Q_1 \approx \mu - 0.675\sigma$, $Q_3 \approx \mu + 0.675\sigma$, 所以

$$Q_3 + 1.5 \times IQR \approx \mu + 2.7\sigma$$

而正态分布中，99.3% 的数据落在 $\mu \pm 2.7\sigma$ 内。

Box-plot 中的异常检测



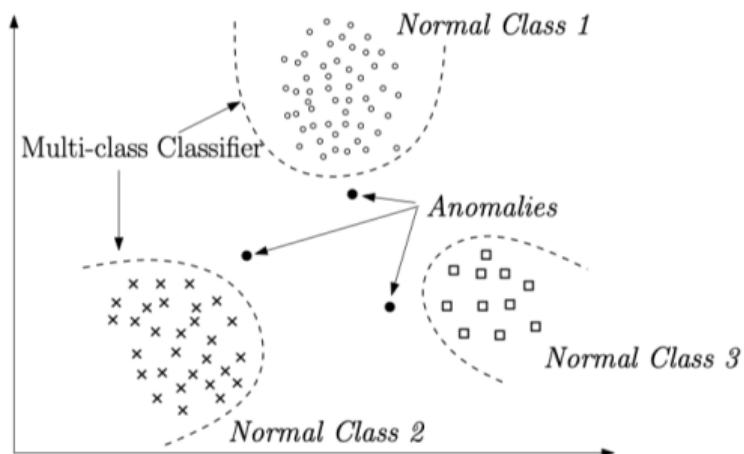
Boxplot 的缺陷

- 仅适用于单变量 (univariate): 无法检测多变量协同异常 (如两个变量各自正常, 但组合异常)
- 对样本量敏感: 小样本时 Q_1/Q_3 不稳定
- 固定阈值: $1.5 \times IQR$ 是启发式规则, 不一定适合所有领域 (如金融可能需要更敏感的阈值)
- 不考虑上下文: 无法处理时序或空间上下文异常

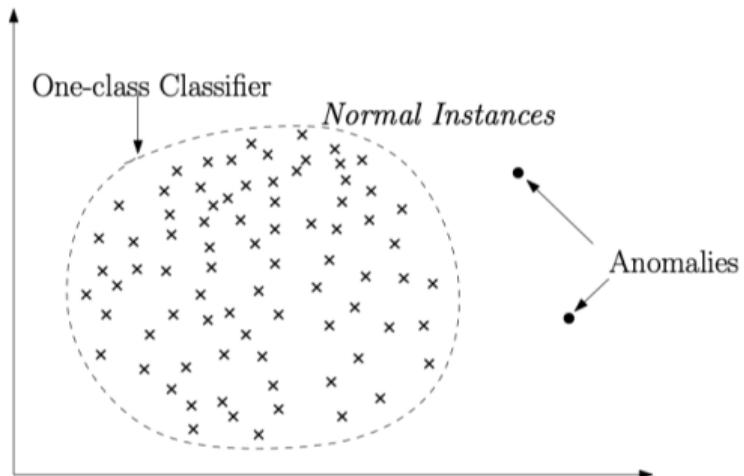
Tips: 数据不满足正态分布时, Boxplot 的异常检测效果会大打折扣。(还记得人均收入的案例吗?)

- ① 认识异常检测
- ② 基于统计的方法
- ③ 有监督/半监督异常检测算法
- ④ 无监督异常检测方法
- ⑤ 时序异常检测方法

有监督/半监督异常检测算法



(a) Multi-class Anomaly Detection



(b) One-class Anomaly Detection

通过训练一个二分类的分类器，来对没有标签的数据进行分类。

半监督异常检测与类不均衡

半监督异常检测

半监督异常检测的场景下，所谓异常和正常的区分，其实是少数样本和多数样本的二分类问题。

类别不均衡是真实场景中经常被忽视的关键问题

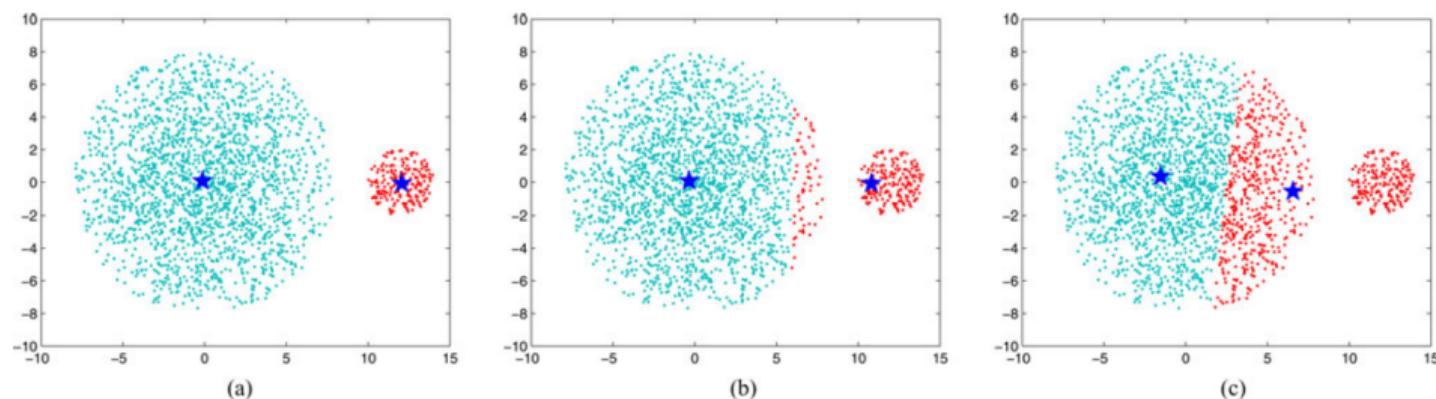


Fig. 1. “Uniform effect” occurs when the hard k -means algorithm is implemented. (a) Imbalanced data distribution before clustering. (b) Clustering result in the first iteration. (c) Clustering result in the last iteration.

K-Means 的天生缺陷

$$X = \{x_1, \dots, x_n\}, \quad m_l = \sum_{x \in C_l} \frac{x}{n_l}$$

可以写出熟悉的形式化 K-Means 目标函数

$$F_k = \sum_{l=1}^k \sum_{x \in C_l} \|x - m_l\|^2$$

接下来从**类不均衡**的角度揭开 K-Means 的天生缺陷。

K-Means 的天生缺陷

定义两个类之间的距离为：

$$d(C_p, C_q) = \sum_{x_i \in C_p} \sum_{x_j \in C_q} \|x_i - x_j\|^2$$

数据集中所有样本之间的距离之和：

$$D_k = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n \|x_i - x_j\|^2 = \sum_{l=1}^k d(C_l, C_l) + 2 \sum_{1 \leq i < j \leq k} d(C_i, C_j)$$

D_k 对一个数据集来说是常数。

K-Means 的天生缺陷

当数据集只有两类时：

$$D_2 = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n \|x_i - x_j\|^2 = d(C_1, C_1) + d(C_2, C_2) + 2d(C_1, C_2)$$

将聚类中心 $m_l = \sum_{x \in C_l} \frac{x}{n_l}$ 代入 K-means 目标函数：

$$F_2 = \sum_{l=1}^2 \sum_{x \in C_l} \|x - m_l\|^2$$

二类 K-means 的目标转化为：

$$F_2 = \frac{1}{2n_1} \sum_{x_i, x_j \in C_1} \|x_i - x_j\|^2 + \frac{1}{2n_2} \sum_{x_i, x_j \in C_2} \|x_i - x_j\|^2$$

K-Means 的天生缺陷

令：

$$F_D^{(2)} = -n_1 n_2 \left[\frac{d(C_1, C_1)}{n_1^2} + \frac{d(C_2, C_2)}{n_2^2} - 2 \frac{d(C_1, C_2)}{n_1 n_2} \right]$$

加上刚才定义的：

$$D_2 = \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n \|x_i - x_j\|^2 = d(C_1, C_1) + d(C_2, C_2) + 2d(C_1, C_2)$$

代入刚才化简得到的：

$$F_2 = \frac{1}{2n_1} \sum_{x_i, x_j \in C_1} \|x_i - x_j\|^2 + \frac{1}{2n_2} \sum_{x_i, x_j \in C_2} \|x_i - x_j\|^2$$

K-Means 的天生缺陷

构造出：

$$F_2 = -\frac{F_D^{(2)}}{2n} + \frac{D_2}{2n}$$

再进一步：

$$\frac{2d(C_1, C_2)}{n_1 n_2} = \frac{d(C_1, C_1)}{n_1^2} + \frac{d(C_2, C_2)}{n_2^2} + 2 \|m_1 - m_2\|^2$$

最终得到：

$$F_D^{(2)} = 2n_1 n_2 \|m_1 - m_2\|^2$$

K-Means 的天生缺陷

于是我们把 K-means 优化目标改造成这样：

$$F_2 = -\frac{F_D^{(2)}}{2n} + \frac{D_2}{2n}$$

其中的非常数项如下：

$$F_D^{(2)} = 2n_1 n_2 \|m_1 - m_2\|^2$$

* D_2 对于整个数据集而言是常数

- 结论：最小化 F_2 等价于最大化 $F_D^{(2)}$

K-Means 的天生缺陷

$$F_D^{(2)} = 2n_1 n_2 \|m_1 - m_2\|^2$$

- 由于 $n_1 + n_2 = n$, 如果不看后一项, 那么该式的最大值当且仅当 $n_1 = n_2 = \frac{n}{2}$ 时取到, 也就是说, K-Means 会强行往类别均衡的方向优化。
- 但事实上前一项和后一项是会相互影响的。大量实验表明, 如果数据集中样本没有分得足够开, 类之间的距离比较接近, 那么类别均衡的优化方向将显著地主导整个式子的优化。但如果数据集中样本分得足够开, 类之间的距离比较远, 那么类别均衡的优化方向并不显著。
- 到底分得多开才算足够开, 这个界限至今没有解析解。上述结论由大量实验得出。

Bonus

- 所有形式类似的损失函数都存在这样的问题，那么有什么样的方法来应对类不均衡问题呢？

解决方案

- 框架层面：采用层次分类框架，将大类视为小簇的聚合
- 算法层面：对类别不均衡的样本施加权重再计算最终的目标函数
- 数据层面：对数据集进行预处理，用采样或其他手法降低数据集的不均衡性
- 特征工程：在不改变数据分布的情况下进行更好的特征工程，减少样本不均衡带来的影响
- 后处理：在已经得出结果后进行评估，对误分类的指标进行惩罚

有监督/半监督异常检测

优点

- ① 快速高效
- ② 能够快速发现已知类型的异常

缺点

- ① 标签获取成本过高
- ② 类别不平衡
- ③ 可解释性差
- ④ 只能发现已经定义好的异常类型
- ⑤ 大规模数据难以应用
- ⑥ 没有考虑全局信息

- 1 认识异常检测
- 2 基于统计的方法
- 3 有监督/半监督异常检测算法
- 4 无监督异常检测方法
 - One Class SVM
 - 基于距离的异常检测方法
 - 基于密度的方法
 - 基于聚类的方法
 - 基于概率分布的异常检测模型
 - 基于树的方法
- 5 时序异常检测方法

单分类问题

常见的分类方法：

- ① 单分类（只能定义正样本不能定义负样本）
- ② 二分类（邮件分类）
- ③ 多分类（图像分类）

单分类与二分类的区别

在二分类问题中，训练集中就由两个类的样本组成，训练出的模型是一个二分类模型；而 OneClassClassification 中的训练样本只有一类，因此训练出的分类器将不属于该类的所有其他样本判别为“不是”即可，而不是由于属于另一类才返回“不是”的结果。

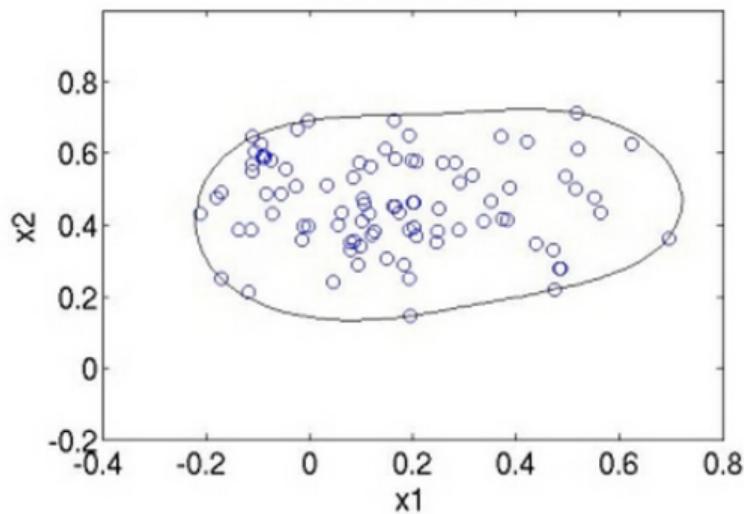
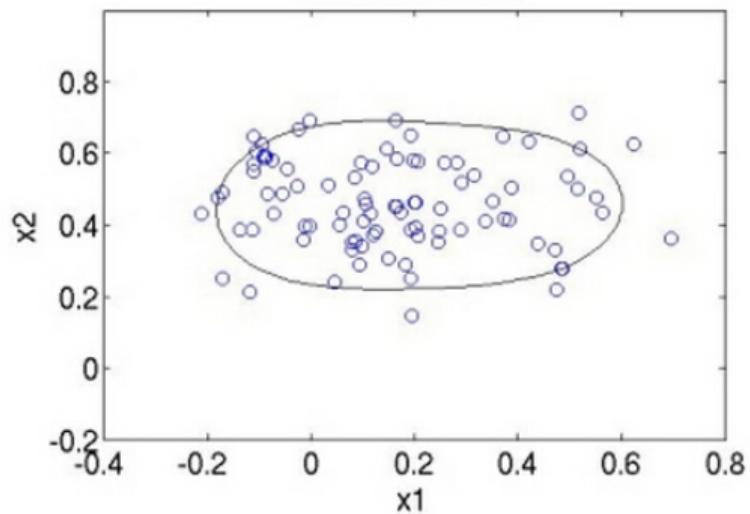
One Class SVM

模型假设

寻找一个超平面将样本中的正例圈出来，预测就是用这个超平面做决策，在圈内的样本就认为是正样本。

- 它和传统的基于监督学习的分类回归支持向量机不同，它是无监督学习的方法，不需要训练集的标签。
- 那么没有类别标签，我们如何寻找划分的超平面以及寻找支持向量呢？
- One Class SVM 这个问题的解决思路有很多。其中一种特别的思想叫做 SVDD(support vector domain description)，中文翻译为：支持向量域描述

One Class SVM



One Class SVM

SVDD 的优化目标就是，求一个中心为 a , 半径为 R 的最小球面：

$$F(R, a, \xi_i) = R^2 + C \sum_i \xi_i$$

ξ_i 是球体的松弛变量，使得这个球面满足：

$$(x_i - a)^T (x_i - a) \leq R^2 + \xi_i \quad \forall i, \xi_i \geq 0$$

满足这个条件就是说要把 training set 中的数据点都包在球面里。

One Class SVM

现在有了要求解的目标，又有了约束，接下来的求解方法和 SVM 几乎一样，用的是拉格朗日乘子法：

$$\begin{aligned} L(R, a, \alpha_i, \xi_i) = & R^2 + C \sum_i \xi_i \\ & - \sum_i \alpha_i \{ R^2 + \xi_i - (x_i^2 - 2ax_i + a^2) \} - \sum_i \gamma_i \xi_i \end{aligned}$$

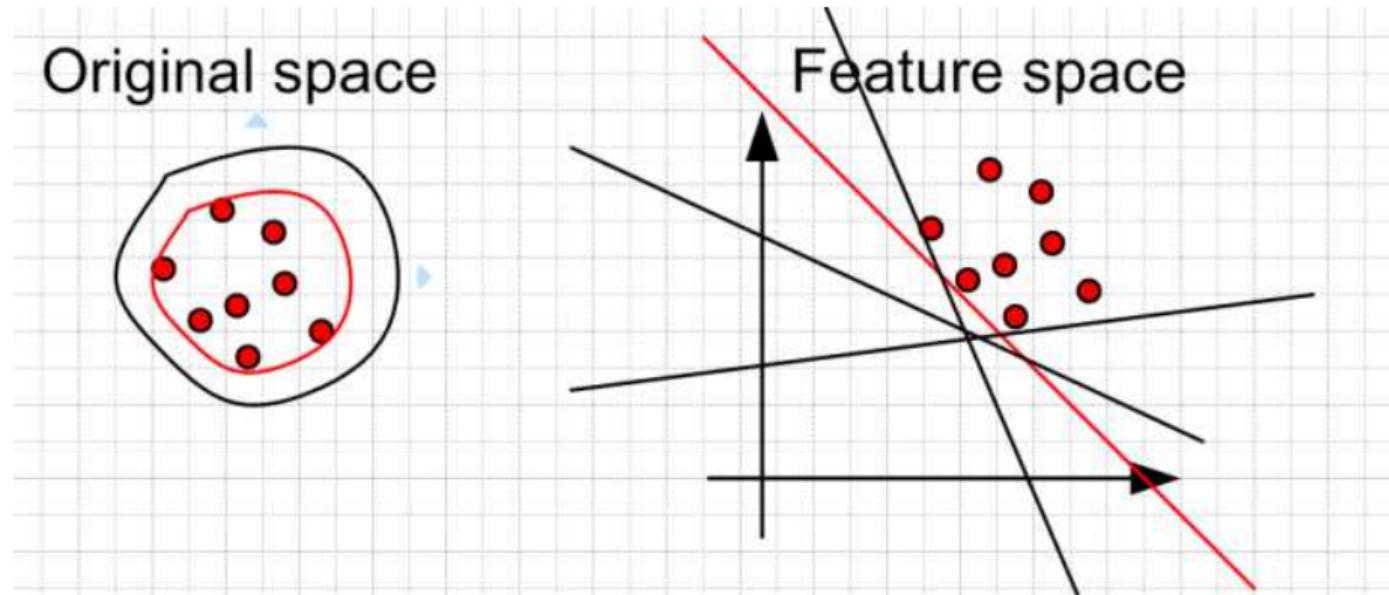
注意 $\alpha_i \geq 0$ $\gamma_i \geq 0$ ，对参数求导并令导数等于 0 得到：

$$\begin{aligned} \sum_i \alpha_i = 1, \quad a = \frac{\sum_i \alpha_i x_i}{\sum_i \alpha_i} = \sum_i \alpha_i x_i \\ C - \alpha_i - \gamma_i = 0 \quad \forall i \end{aligned}$$

把上面公式带入拉格朗日函数函数，得到对偶问题：

$$L = \sum_i \alpha_i (x_i \cdot x_i) - \sum_{i,j} \alpha_i \alpha_j (x_i \cdot x_j)$$

One Class SVM



寻找超平面与特征空间中的零点距离最大，并且将零点与所有的数据点分隔开。

基于距离的异常方法

基本假设

异常数据通常距离正常的数据较远。

异常的分值可以用样本到它的邻居的距离来定义。

优点

- ① 简单直接
- ② 影响了许多后续工作
- ③ 无监督，数据驱动

缺点

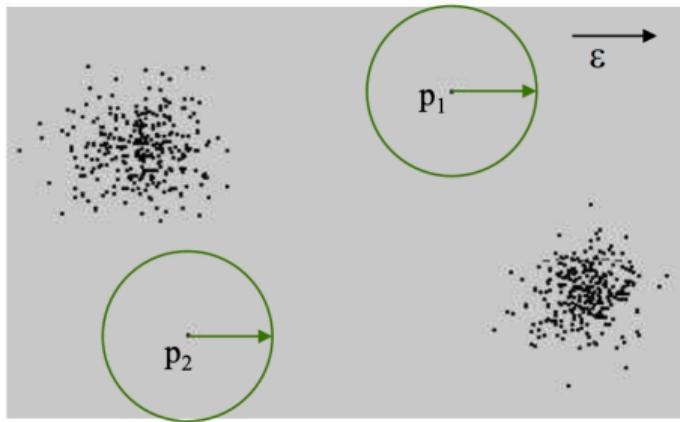
- ① 依赖特征
- ② 难以处理高维数据
- ③ 结果难以解释

$DB(\varepsilon, \pi)$ -Outliers

定义

数据集中与样本的距离小于 ε 的样本比例不低于 π

$$\text{OutlierSet } (\varepsilon, \pi) = \left\{ p \mid \frac{\text{Card}(\{q \in DB \mid \text{dist}(p, q) < \varepsilon\})}{\text{Card}(DB)} \leq \pi \right\}$$



KNN-Outlier

定义

使用 KNN 得到样本的 K 近邻之后，用 K 近邻的平均距离作为异常分值。也可以融合样本的 1NN,2NN,...,KNN 平均距离作为异常的分值。

变种

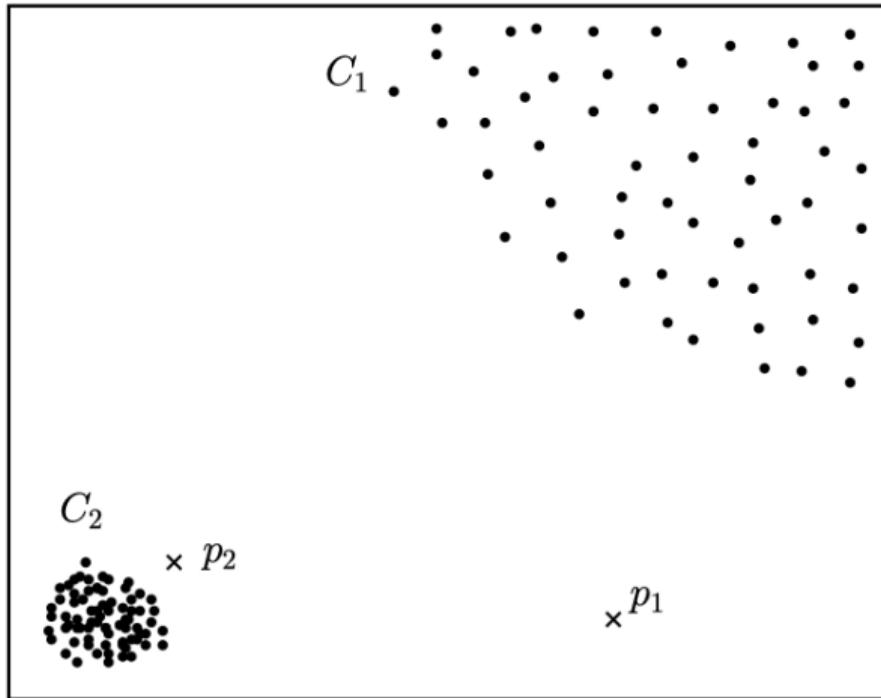
在给定数据特征的基础上，构造有向 KNN 图。如果 a 样本是 b 样本的 K NN，则存在一条有向的边从 b 指向 a。通过统计样本的入度作为异常的指标。

缺陷

- ① 复杂度过高。 $O(N^2)$ 。
- ② 依赖数据在特征空间中的表示。

解决方案？

基于 KNN 的异常检测算法



基于密度的方法：Local Outlier Factor(LOF)

基于密度的异常检测算法假设

附近密度较低的数据实例可能是一个异常点。

然而，这个想法对于那些具有不同密度的簇的情况是不适用的。

局部离群值

数据实例 k 个最近邻的平均局部密度与实例本身的局部密度之比

LOF 考虑的是数据实例周围的密度。

Local Outlier Factor (LOF)

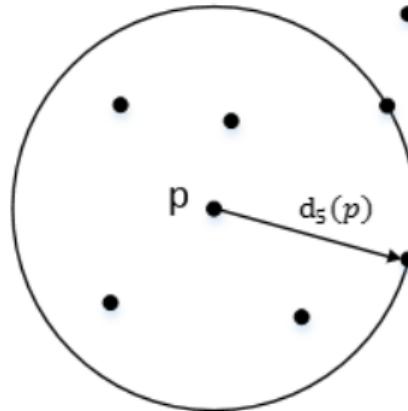
LOF 的相关定义：

- **k-distance**: 第 k 近距离

在数据点 p 附近的点中，第 k 近的点和点 p 之间的距离，记为 $k\text{-distance}(p)$ ，或 $d_k(p)$ 。

- **k-distance neighborhood**: 第 k 距离邻域

点 p 的第 k 距离邻域 $N_k(p)$ 包含与 p 距离小于等于 $k\text{-distance}(p)$ 的所有点。
因此有 $|N_k(p)| \geq K$ 。



$k = 5$ 时的情况

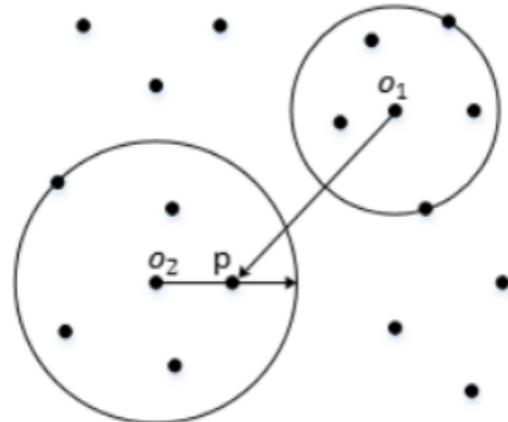
Local Outlier Factor (LOF)

- **reach-distance**: 可达距离

点 o 到点 p 的第 k 可达距离定义为

$$\text{reach-distance}_k(p, o) = \max\{\text{k-distance}(o), d(p, o)\}$$

即点 o 到点 p 的第 k 可达距离，至少是 o 的 k -distance，或者为 o 、 p 间的真实距离。这也意味着，离点 o 最近的 k 个点， o 到它们的第 k 可达距离是相等，且都等于 $d_k(o)$ 。



$$\text{reach-distance}_k(p, o_1) = d(p, o_1)$$

$$\text{reach-distance}_k(p, o_2) = d_5(o_2)$$

Local Outlier Factor (LOF)

- local reachability density (lrd): 局部可达密度

点 p 的第 k 局部可达密度定义为

$$lrd_k(p) = 1 / \left(\frac{\sum_{o \in N_k(p)} \text{reach-distance}_k(p, o)}{|N_k(p)|} \right)$$

即点 p 的第 k 邻域内的点到点 p 的平均可达距离的倒数。

一定程度上可以表示点 p 附件的密度：平均可达距离越小，局部可达密度越大。

Local Outlier Factor (LOF)

- local outlier factor(LOF): 局部离群因子

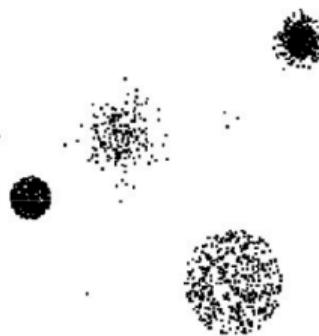
点 p 的局部离群因子定义为

$$LOF_k(p) = \frac{1}{|N_k(p)|} \sum_{o \in N_k(p)} \frac{lrd_k(o)}{lrd_k(p)} = \frac{\sum_{o \in N_k(p)} lrd_k(o)}{|N_k(p)| \cdot lrd_k(p)}$$

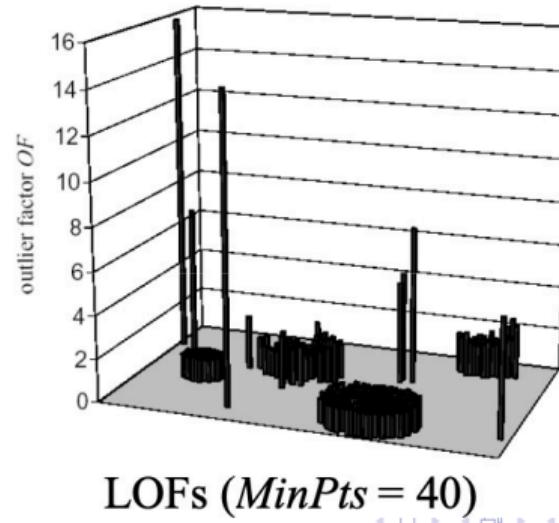
即点 p 第 k 邻域 $N_k(p)$ 中点的局部可达密度与点 p 的局部可达密度之比的平均数。

Local Outlier Factor (LOF)

- $LOF \approx 1$: 点 p 与其邻域点密度相似, p 可能和其邻域同属一族。
- $LOF \ll 1$: 点 p 的密度大于其邻域点密度, p 为密集点。
- $LOF \gg 1$: 点 p 的密度小于其邻域点密度, p 可能是异常点。

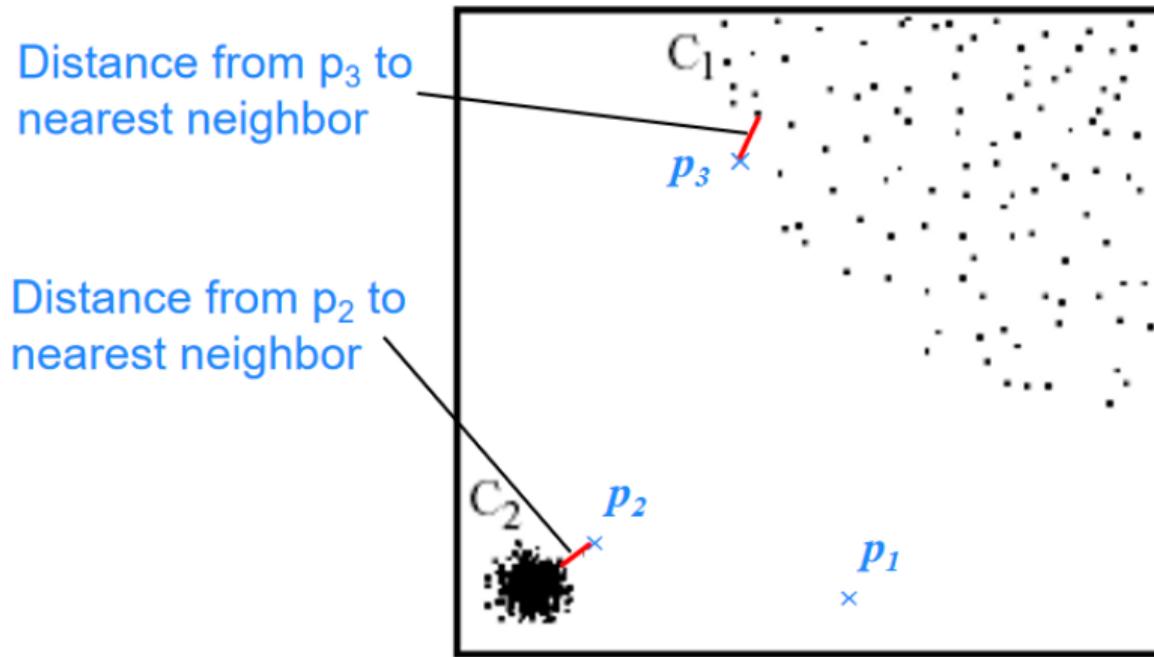


Data set



基于密度的方法的优点

- 在基于距离的方法中, p_2 不会被作为异常点, 而 LOF 则会将 p_1 和 p_2 都判为异常点。
- 基于距离的方法可能会将 p_3 当做异常点, 而 LOF 不会。



LOF 的各种变体

① 局部密度的不同估计方式

Connectivity-based Outlier Factor(COF): 迭代地添加与现有实例最接近的实例

② 处理不同类型的数据

学习其表征，找到更好的距离/相似性度量方式

③ 提高效率

数据划分，哈希以及聚类

基于聚类的方法

研究动机

聚类和异常检测是最具代表性的两个无监督任务，两者假设类似且彼此依赖。

基于聚类的异常检测算法的假设

- ① 正常的数据会呈现一定的聚类分布，而异常数据不会属于任何类。
- ② 正常数据和他们最近的聚类中心比较接近，异常数据与聚类中心距离较远。
- ③ 正常数据属于大且稠密的类，异常数据不属于任何类或者属于小的稀疏的类。

基于聚类的异常检测算法

1. 对数据进行聚类，并把不在类中的数据作为异常数据。

- ① DBSCAN
- ② ROCK
- ③ SNN clustering

依赖于聚类的质量，效果难以保证

2. 对于每个数据，计算它到最近的聚类中心的距离，并作为异常分值

Two-step method

3. Cluster-Based Local Outlier Factor (CBLOF)

聚类大小 + 到聚类中心的距离

Cluster-Based Local Outlier Factor (CBLOF)

CBLOF 使用聚类来确定数据中较密集的区域，并依靠聚类中心来衡量每一个数据点的局部异常因子。

- 首先，选择某种聚类方法对数据进行聚类（常用 K-means），获得若干个簇。
- CBLOF 采用启发式的方式将这些簇分为大簇和小簇。具体过程如下
 - 将所有簇按照从大到小的顺序排好

$$|C_1| \geq |C_2| \geq |C_3| \geq \dots \geq |C_k|$$

Cluster-Based Local Outlier Factor (CBLOF)

- 定义两个参数 α 和 β , 簇的划分需要满足两个条件:

$$(|C_1| + |C_2| + \dots + |C_b|) \geq |D| \cdot \alpha$$

$$|C_b|/|C_b + 1| \geq \beta$$

分别称为绝对多数原则和突降原则。 $b/b + 1$ 即为大小簇划分点。

$$LargeClusters(LC) = \{C_1, C_2, \dots, C_b\}$$

$$SmallClusters(SC) = \{C_{b+1}, C_{b+2}, \dots, C_k\}$$

- 最优情况是能找到同时满足两个条件的分割, 次优为满足绝对多数原则, 最差是只找到了满足突降原则的分割。

Cluster-Based Local Outlier Factor (CBLOF)

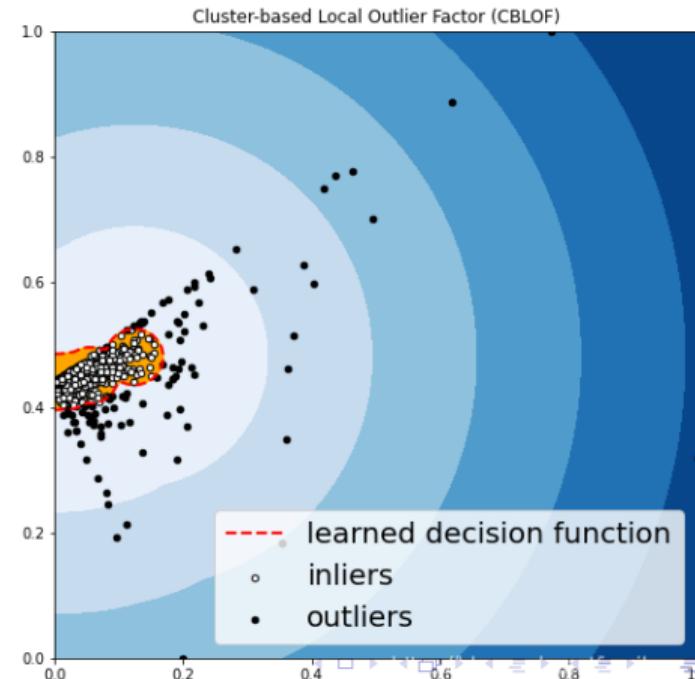
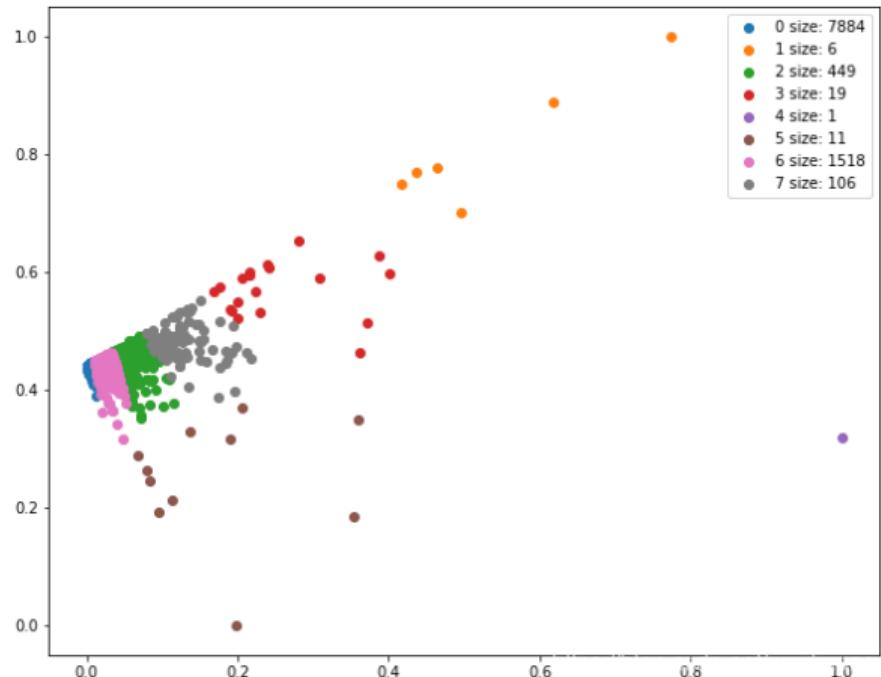
- 数据点 p 的离群因子定义为

$$CBLOF(p) = \begin{cases} |C_i| \cdot \min(distance(p, C_j)) & \text{where } p \in C_i, C_i \in SC \text{ and} \\ & C_j \in LC \text{ for } j = 1 \text{ to } b \\ |C_i| \cdot distance(p, C_i) & \text{where } p \in C_i \text{ and } C_i \in LC \end{cases}$$

若点 p 为大簇中的点，则直接计算当前簇大小与 p 到当前簇中心距离的乘积。
否则，计算当前簇大小与 p 到最近的大簇中心距离的乘积。

Cluster-Based Local Outlier Factor (CBLOF)

- 获得所有数据点的离群因子后，定义异常点的比例（一般为 1%），找出离群因子最大的 1% 的点，将其作为异常点。



基于聚类的异常检测算法

优点

- ① 有很多现成的聚类算法
- ② 得到聚类结果之后可以快速得到异常检测结果

缺点

- ① 依赖聚类算法的效果
- ② 聚类不是为异常检测单独优化

基于概率分布的异常检测模型

先验假设

许多真实数据是由概率分布生成的，而异常数据则是与整体数据的概率分布不同。

模型假设

正常样本出现在一个分布的高概率密度区域，而异常样本则出现在低概率密度区域。

通过学习数据集的概率密度参数，估计出样本所处的概率密度空间，并估计置信度。

基于概率分布的异常检测模型

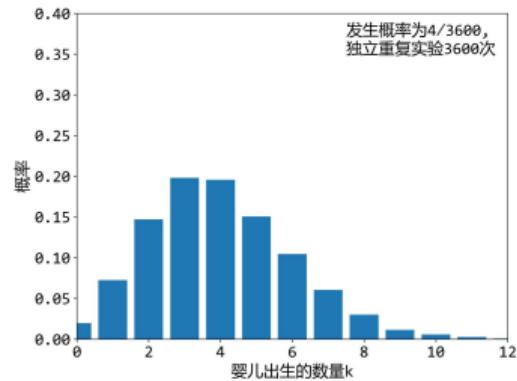
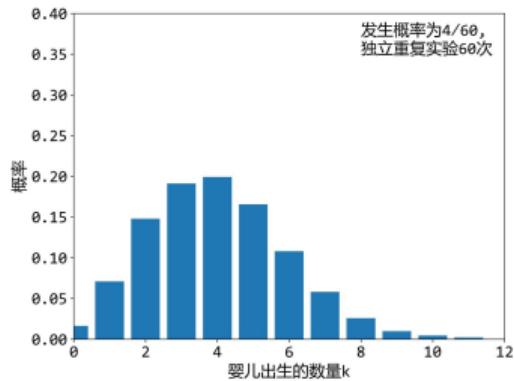
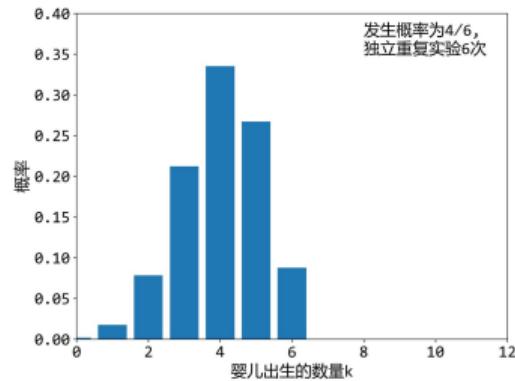
基本流程

- ① 为数据选择一个概率模型
- ② 根据概率模型选择一个概率阈值
- ③ 计算观测到每个样本的概率
- ④ 将低于阈值的样本作为异常样本

常见的概率模型：高斯分布，泊松分布（Poisson Distribution）

$$P(X = k) = \frac{e^{-\lambda} \lambda^k}{k!}$$

泊松分布



二项分布在时间间隔无限小情况下极限收敛至泊松分布

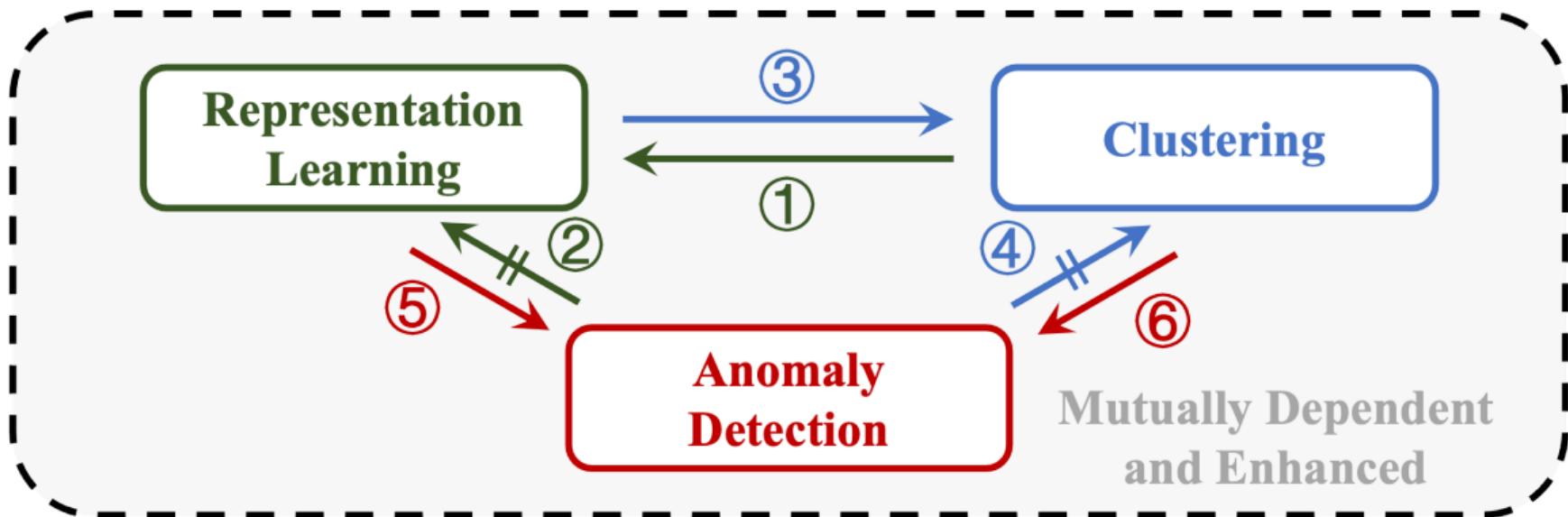
基于概率分布的异常检测模型

优点

- ① 有许多成熟的概率模型可供选择
- ② 在数据建模的同时直接得到异常分值
- ③ 能够对每个数据是否是异常的概率进行估计
- ④ 可用于不同的数据集

缺点

- ① 依赖对数据的先验假设
- ② 需要大量的数据进行假设估计
- ③ 高维数据难以用简单的概率模型进行建模



基于聚类假设的数据似然：

$$\begin{aligned}\max \log p(\mathbf{X}|\Theta, \Phi) &= \max \sum_{i=1}^N \delta(\mathbf{x}_i) \log p(\mathbf{x}_i|\Theta, \Phi) \\ &= \max \sum_{i=1}^N \delta(\mathbf{x}_i) \log \sum_{k=1}^K p(\mathbf{x}_i, \mathbf{c}_i = k|\Theta, \Phi),\end{aligned}$$

简单变换：

$$\begin{aligned}p(\mathbf{x}_i|\Theta, \Phi) &= \sum_{k=1}^K p(\mathbf{x}_i, \mathbf{c}_i = k|\Theta, \Phi) \\ &= \sum_{k=1}^K p(\mathbf{c}_i = k) \cdot p(\mathbf{x}_i|\mathbf{c}_i = k, \Theta, \boldsymbol{\mu}_k, \Sigma_k) \\ &= \sum_{k=1}^K \omega_k \cdot p(\mathbf{x}_i|\mathbf{c}_i = k, \Theta, \boldsymbol{\mu}_k, \Sigma_k),\end{aligned}$$

聚类概率分布假设：

$$p(\mathbf{x}_i | \mathbf{c}_i = k, \Theta, \boldsymbol{\mu}_k, \Sigma_k) = \frac{\Gamma(\frac{\nu+1}{2}) |\Sigma_k|^{-1/2}}{\Gamma(\frac{\nu}{2}) \sqrt{\nu\pi}} \left(1 + \frac{1}{\nu} D_M(\mathbf{z}_i, \boldsymbol{\mu}_k)^2\right)^{-\frac{\nu+1}{2}},$$

似然形式：

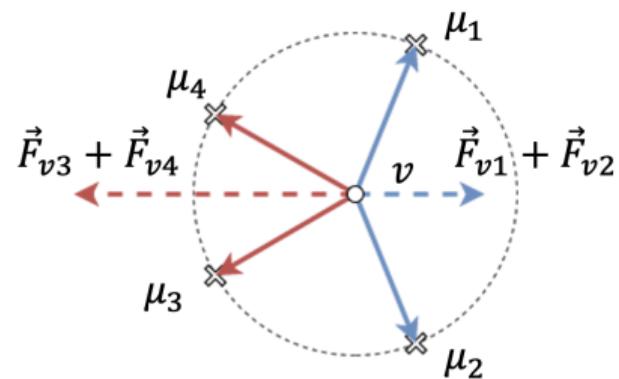
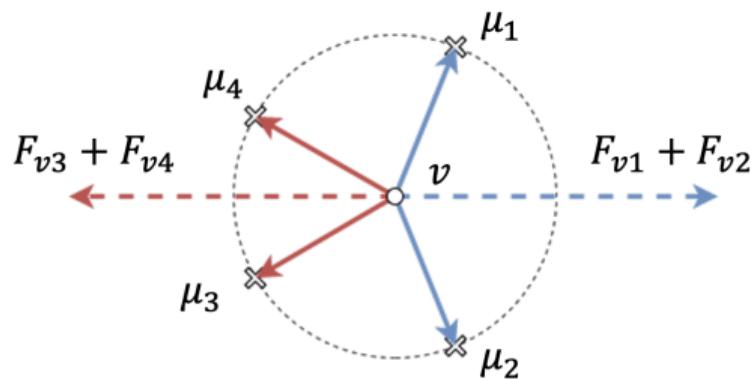
$$p(\mathbf{x}_i | \Theta, \Phi) = \sum_{k=1}^K \omega_k \cdot \frac{\pi^{-1} \cdot |\Sigma_k|^{-1/2}}{1 + D_M(\mathbf{z}_i, \boldsymbol{\mu}_k)^2}.$$

异常检测判定：

$$\delta(\mathbf{x}_i) = \begin{cases} 0, & \text{if } p(\mathbf{x}_i | \Theta, \Phi) \text{ is among the } l \text{ lowest,} \\ 1, & \text{otherwise.} \end{cases}$$

聚类分数：

$$\mathbf{o}_i = \frac{1}{p(\mathbf{x}_i | \Theta, \Phi)} = \frac{1}{\sum_{k=1}^K \omega_k \cdot \frac{\pi^{-1} \cdot |\Sigma_k|^{-1/2}}{1 + D_M(\mathbf{z}_i, \boldsymbol{\mu}_k)^2}}.$$



$$\vec{\mathbf{F}}_{i,\text{total}} = \sum_{k=1}^K \vec{\mathbf{F}}_{ik}, \quad \text{with } \vec{\mathbf{F}}_{ik} = \frac{G \cdot m_i m_k}{r_{ik}^2} \cdot \vec{\mathbf{r}}_{ik},$$

$$\mathbf{o}_i = \frac{1}{\sum_{k=1}^K \tilde{\mathbf{F}}_{ik}}, \quad \text{with } \tilde{\mathbf{F}}_{ik} = \frac{\tilde{G} \cdot \tilde{m}_i \tilde{m}_k}{\tilde{r}_{ik}^2},$$

$$\mathbf{o}_i^V = \frac{1}{\|\sum_{k=1}^K \tilde{\mathbf{F}}_{ik} \cdot \vec{\mathbf{r}}_{ik}\|},$$

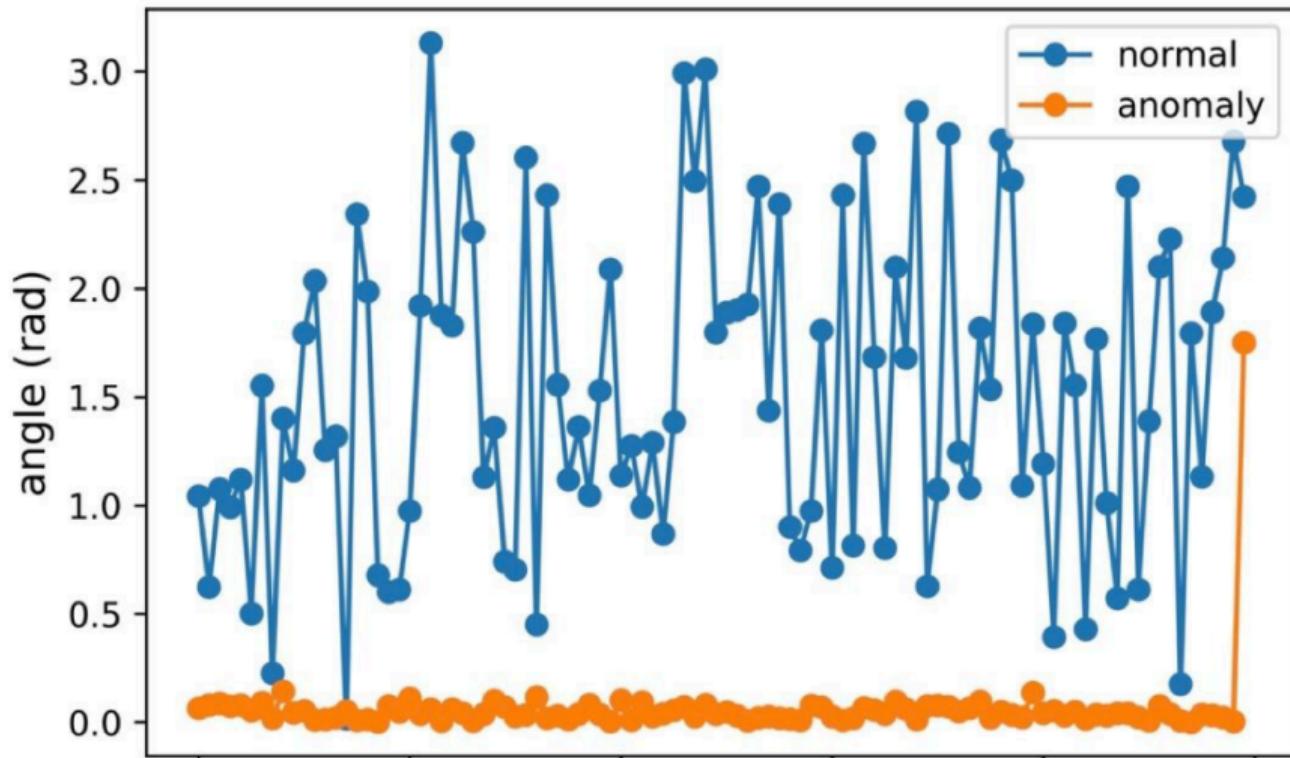
基于角度的异常检测

基本假设

- ① 正常样本与其他样本的连线夹角种类比较多
- ② 异常样本与其他样本的连线夹角相对单一



基于角度的异常检测



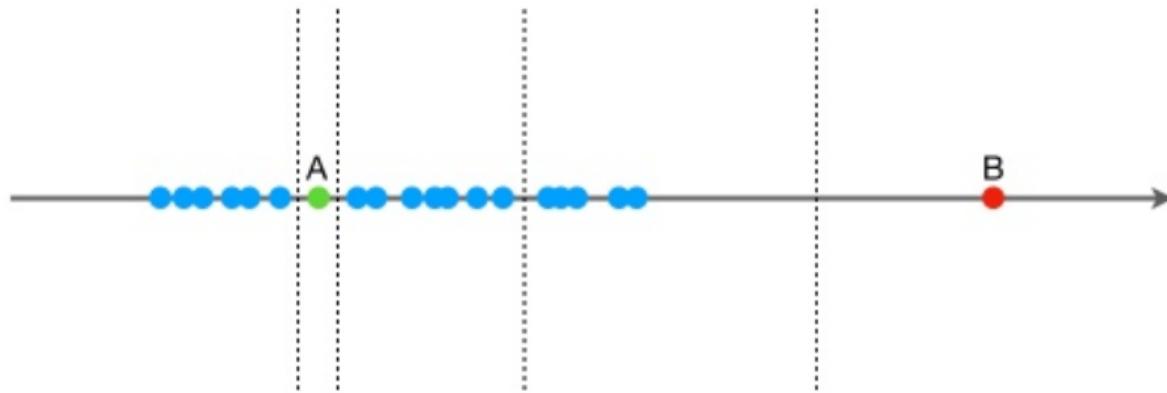
孤立森林 Isolation Forest

Iforest 由南大周志华老师的团队在 2008 年提出，算法效果好，时间效率高，能有效处理高维数据和海量数据，在工业界得到了广泛的应用。

基本假设

在数据空间里面，分布稀疏的区域表示数据发生在此区域的概率很低，因此可以认为落在这些区域里的数据是异常的。异常数据由于跟其他数据点较为疏离，可能需要较少几次切分就可以将它们单独划分出来，而正常数据恰恰相反。

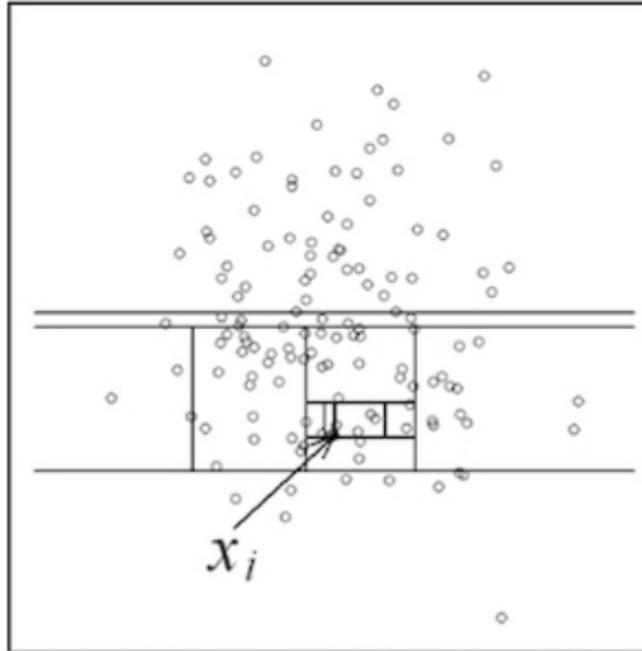
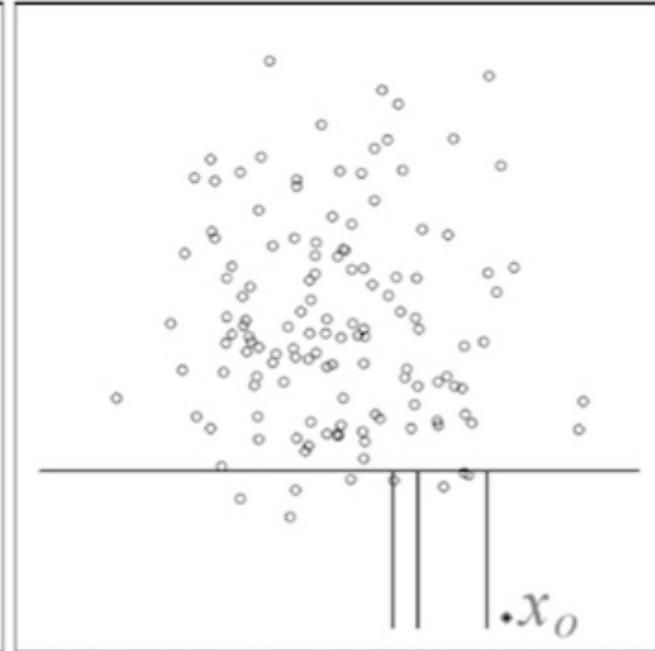
孤立森林 Isolation Forest



1

¹<https://zhuanlan.zhihu.com/p/27777266>

孤立森林 Isolation Forest

(a) Isolating x_i (b) Isolating x_o

孤立森林 Isolation Forest

孤立森林的定义

iForest 由 T 个 iTree 组成，每个 iTree 是一个二叉树结构。

孤立树的定义

若 T 为孤立树的一个节点， T 存在两种情况：没有子节点的外部节点，有两个子节点 (T_l, T_r) 和一个 test 的内部节点。在 T 的 test 由一个属性 q 和一个分割点 p 组成， $q < p$ 的点属于 T_l ，反之属于 T_r 。

路径长度的定义

样本点 x 从 iTree 的根节点到叶子节点经过的边的数量

孤立树的生成过程

- ① 随机选择一个属性；
- ② 随机选择该属性的一个值；
- ③ 根据属性对每条记录进行分类，把属性小于阈值的记录放在左子节点，把大于等于阈值的记录放在右子节点
- ④ 递归构造直到满足以下条件：
 - ① 传入的数据集只有一条记录或者多条一样的记录；
 - ② 树的高度达到了限定高度；

Algorithm 2 : $iTree(X, e, l)$

Inputs: X - input data, e - current tree height, l - height limit

Output: an iTree

```

1: if  $e \geq l$  or  $|X| \leq 1$  then
2:   return exNode $\{Size \leftarrow |X|\}$ 
3: else
4:   let  $Q$  be a list of attributes in  $X$ 
5:   randomly select an attribute  $q \in Q$ 
6:   randomly select a split point  $p$  from max and min
      values of attribute  $q$  in  $X$ 
7:    $X_l \leftarrow filter(X, q < p)$ 
8:    $X_r \leftarrow filter(X, q \geq p)$ 
9:   return inNode $\{Left \leftarrow iTree(X_l, e + 1, l),$ 
10:                     Right  $\leftarrow iTree(X_r, e + 1, l),$ 
11:                    SplitAtt  $\leftarrow q,$ 
12:                    SplitValue  $\leftarrow p\}$ 
13: end if

```

路径长度的计算

把叶子节点到根节点的路径 $h(x)$ 长度来判断一条记录 x 是否是异常点（也就是根据 $h(x)$ 判断 x 是否是异常点）

Algorithm 3 : *PathLength*(x, T, e)

Inputs : x - an instance, T - an iTree, e - current path length;
to be initialized to zero when first called

Output: path length of x

```
1: if  $T$  is an external node then
2:   return  $e + c(T.size)$  { $c(\cdot)$  is defined in Equation 1}
3: end if
4:  $a \leftarrow T.splitAtt$ 
5: if  $x_a < T.splitValue$  then
6:   return  $PathLength(x, T.left, e + 1)$ 
7: else { $x_a \geq T.splitValue$ }
8:   return  $PathLength(x, T.right, e + 1)$ 
9: end if
```

IForest 算法

优点

- ① 线性时间复杂度
- ② 每棵树单独建立，支持大规模分布式计算

缺点

- ① 高维数据灾难，无法充分利用所有特征
- ② 难以处理局部稀疏点

挑战与机会

挑战 [1]

- ① 大多数方法都依赖人为假设
- ② 数据的表征非常重要，但是这些方法并没有学习好的表征。
- ③ 二阶段算法难以取得最优解

机会

- ① 为数据学习更好的表征
- ② 捕获数据之间的复杂依赖关系
- ③ 端到端模型。

时序异常检测的主要挑战

- ① 异常的定义
- ② 样本之间的时序耦合
- ③ 多元时间序列之间存在依赖关系 (Dimensionality)
- ④ 周期性变化
- ⑤ 新模式 VS 异常

时序异常检测方法



通过傅立叶变换将时域信号转化为频域信号，得到频域特征，进而进行异常检测

基于统计特征的时序异常检测

由于时间维度的存在，基于统计特征的时序异常检测往往通过如下两个角度进行分析：

- ① 环比：在同一时段中的相邻时间点或时间窗的特征对比
- ② 同比：在相邻时段中的某一相同时间点或时间窗的特征对比

除了上述特征外，常见的离散统计特征（均值、方差、最大值、最小值、相关系数）也可以用于辅助进行时序异常检测。

ARIMA 算法

自回归积分滑动平均模型 (ARIMA) 算法

自回归积分滑动平均模型 (ARIMA) 是一种常用的时间序列预测局部统计算法。ARIMA 算法对于可以映射到平稳时间序列的数据集特别有用。

平稳时间序列

平稳时间序列是指样本的均值和方差不会随着时间的变化产生显著变化。这也是进行异常检测的前提和基础。

具有平稳时间序列的数据集通常包含信号和噪声的组合。信号可能呈现正弦振荡模式或具有季节性成分。ARIMA 就像一个过滤器，将信号从噪声中分离出来，然后对未来的信号进行推断以做出预测。

ARIMA 算法

p 阶自回归 (Autoregressive, AR) 模型: AR(P)

$$y_t = \mu + \sum_{i=1}^p \gamma_i y_{t-i} + \epsilon_t$$

其中 p 是时期个数, μ 是常数项, ϵ_t 是误差项, γ_i 是自相关系数。

差分 (Integrated) 模型: I(d)

t 时刻的值减去 t-1 时刻的值, 得到新的时间序列称为 1 阶差分序列; 1 阶差分序列的 1 阶差分序列称为 2 阶差分序列, 以此类推;

通过差分可以让不平稳的序列转化为相对平稳的序列。

ARIMA 算法

滑动平均 (Moving Average) 模型: MA(q)

如果序列依赖过去最近的 q 个历史预测误差值, 称阶数为 q , 记为 MA(q) 模型:

$$y_t = \mu + \sum_{i=1}^q \theta_i \epsilon_{t-i} + \epsilon_t$$

MA (q) 关注的是 AR 模型中误差项 ϵ_t 的累加, 目的是为了消除预测中的随机波动

ARIMA 模型

ARIMA 模型是将自回归模型 AR(q) 和滑动平均模型 MA(q) 进行融合:

$$y_t = \mu + \sum_{i=1}^p \gamma_i y_{t-i} + \sum_{i=1}^q \theta_i \epsilon_{t-i} + \epsilon_t$$

ARIMA 算法

ARIMA 算法的参数选择：

PACF

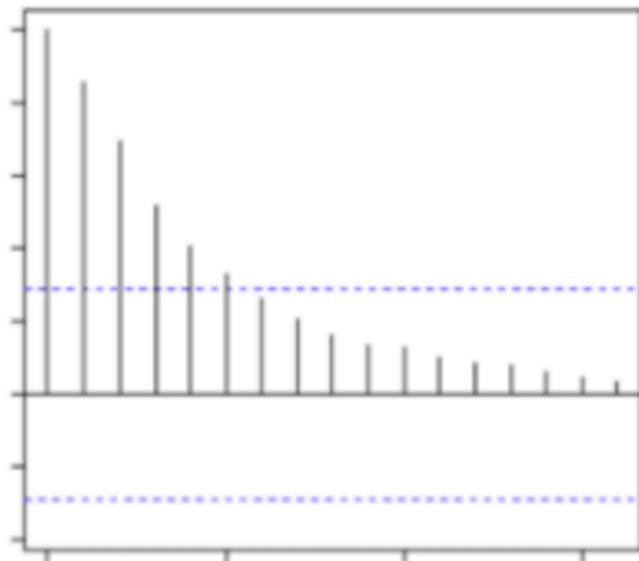
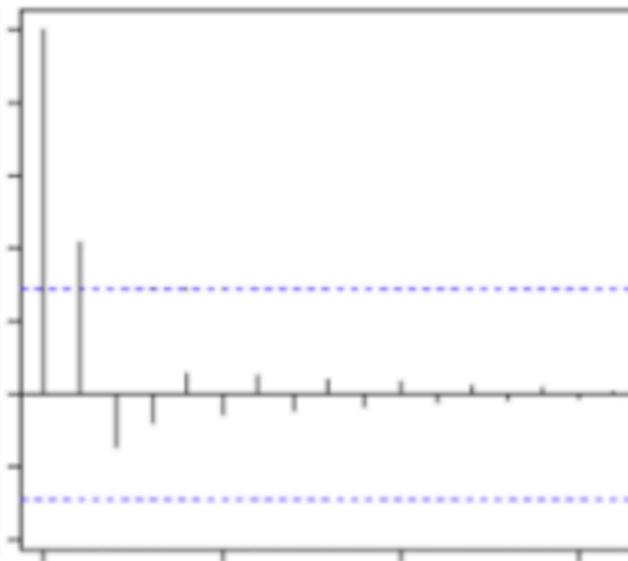
偏自相关函数，剔除了中间 $k-1$ 个随机变量 $x(t-1)、x(t-2)、\dots、x(t-k+1)$ 的干扰之后 $x(t-k)$ 对 $x(t)$ 影响的相关程度，可以通过 PACF 的分布图来选择出 p 值的最优值大小。

ACF

自相关函数反映了同一序列在不同时序的取值之间的相关性。 $x(t)$ 同时还会受到中间 $k-1$ 个随机变量 $x(t-1)、x(t-2)、\dots、x(t-k+1)$ 的影响而这 $k-1$ 个随机变量又都和 $x(t-k)$ 具有相关关系，所以自相关系数 $\rho(k)$ 里实际掺杂了其他变量对 $x(t)$ 与 $x(t-k)$ 的影响，可以通过它的分布图来选择出最佳的模型 q 参数。

$$ACF(k) = \rho_k = \frac{\text{Cov}(y_t, y_{t-k})}{\text{Var}(y_t)}$$

ARIMA 算法

ACEPACF

ARIMA 算法

ARIMA 算法的实现流程：

- ① 时间序列可视化
- ② 序列平稳化处理 (d 阶差分)
- ③ 绘制 ACF 与 PACF 图，寻找 ARIMA 算法最有参数 p 和 q
- ④ 建立 ARIMA 模型
- ⑤ 进行指定周期时间内数据的预测

课程总结

- ① 认识异常检测
- ② 基于统计的方法
- ③ 有监督/半监督异常检测算法
- ④ 无监督异常检测方法
 - One Class SVM
 - 基于距离的异常检测方法
 - 基于密度的方法
 - 基于聚类的方法
 - 基于概率分布的异常检测模型
 - 基于树的方法
- ⑤ 时序异常检测方法

Resources for outlier detection

① Open Source Package

- ① Scikit-learn(python)
- ② PyOD(python): <https://github.com/yzhao062/anomaly-detection-resources>
- ③ SUOD (Scalable Unsupervised Outlier Detection)(python):
<https://github.com/yzhao062/suod>
- ④ MATLAB Toolbox: <http://dsni-lab-ntust.github.io/AnomalyDetectionToolbox/>
- ⑤ Outlier Package(R): <https://cran.r-project.org/web/packages/outliers/index.html>

② Github repo

- ① <https://github.com/yzhao062/anomaly-detection-resources>
- ② <https://github.com/yzhao062/pyod>

Reference

-  CHANDOLA, V., BANERJEE, A., AND KUMAR, V.
Anomaly detection: A survey.
ACM Comput. Surv. 41, 3 (jul 2009).