

Sharedby7

GO	Namespace	number of GO descendants	depth	Term name	F	M
GO:0008284	BP	97	D05	positive regulation of cell population proliferation	SPDYA	CLCF1
GO:0008270	MF	1	D06	zinc ion binding	LOC107307715	HHIP
GO:0003700	MF	10	D02	DNA-binding transcription factor activity	LOC107318989	TLX1

GO	Namespace	number of GO descendants	depth	Term name	F	M
GO:0010468	BP	1028	D05	regulation of gene expression	TCF15	TSHZ2
GO:0010629	BP	339	D06	negative regulation of gene expression	NDFIP1	BBS2,PLAG1
GO:0010628	BP	193	D06	positive regulation of gene expression	ARX,FOXC1	BMP6,PLAG1
GO:0001822	BP	524	D04	kidney development	FOXC1	BMP6
GO:0007420	BP	415	D04	brain development	FOXC1	QARS1
GO:0001654	BP	176	D05	eye development	FOXC1	BMP6
GO:0009952	BP	121	D04	anterior/posterior pattern specification	TCF15	PBX1
GO:0042475	BP	13	D05	odontogenesis of dentin-containing tooth	FOXC1	NKX2-3
GO:0001958	BP	0	D04	endochondral ossification	FOXC1	BMP6
GO:0006351	BP	390	D09	transcription. DNA-templated	TCEA3	PLAG1
GO:0006355	BP	306	D09	regulation of transcription. DNA-templated	FOXC1,TCEA3	MSX2,NEUROG3,NKX2-3,PBX1,TBX18,TLX1
GO:0045944	BP	63	D11	positive regulation of transcription by RNA polymerase II	FOXC1,TCF15	BMP6,NEUROG3,NKX2-3,PBX1,PLAG1
GO:0000122	BP	33	D11	negative regulation of transcription by RNA polymerase II	ARX,FOXC1	BMP6,MSX2,NEUROG3
GO:0006811	BP	929	D04	ion transport	HCN2,KCNC2	GABRA3
GO:0007219	BP	18	D06	Notch signaling pathway	FOXC1	TMEM100
GO:0001701	BP	42	D07	in utero embryonic development	FOXC1	TMEM100
GO:0006879	BP	25	D10	cellular iron ion homeostasis	NDFIP1	BMP6
GO:0042127	BP	296	D04	regulation of cell population proliferation	ARX	NKX2-3,PBX1
GO:0016020	CC	1047	D02	membrane	HCN2,KCNC2	BBS2,GABRA3,YIPF4
GO:0005886	CC	470	D03	plasma membrane	HCN2	TMEM100,YIPF4
GO:0043204	CC	0	D02	perikaryon	KCNC2	TMEM100
GO:0005829	CC	84	D02	cytosol	FOXC1,GM2A	ACOT7,MARCHF2,MSX2,PLAG1,QARS1,SRP54
GO:0048471	CC	7	D02	perinuclear region of cytoplasm	NDFIP1	TMEM100
GO:0043231	CC	1289	D04	intracellular membrane-bounded organelle	GM2A	YIPF4
GO:0005794	CC	46	D05	Golgi apparatus	NDFIP1	YIPF4
GO:0005634	CC	490	D05	nucleus	FOXC1,TCEA3	NEUROG3,PBX1,SRP54,TBX18
GO:0005654	CC	86	D02	nucleoplasm	FOXC1	ACOT7,KDM3B,PBX1,PIN4,PLAG1,QRIC1,TBX18
GO:0090575	CC	45	D03	RNA polymerase II transcription regulator complex	TCF15	PBX1
GO:0005515	MF	921	D02	protein binding	KCNC2	BBS2,BTBD17,ESPIN,LOC107321537,PAC1
GO:0046983	MF	2	D03	protein dimerization activity	TCF15	NEUROG3
GO:0042802	MF	1	D03	identical protein binding	HCN2	PAC1
GO:0005216	MF	133	D05	ion channel activity	HCN2,KCNC2	GABRA3
GO:0005509	MF	4	D05	calcium ion binding	CABP7	PLA2G12B
GO:0008270	MF	1	D06	zinc ion binding	TCEA3	LOC107321537,MARCHF2
GO:0003677	MF	130	D04	DNA binding	ARX,FOXC1	MSX2,NKX2-3,PBX1,PIN4,TLX1,TSHZ2
GO:0043565	MF	62	D05	sequence-specific DNA binding	FOXC1	MSX2,PBX1
GO:1990837	MF	51	D06	sequence-specific double-stranded DNA binding	ARX	MSX2,NKX2-3,PBX1,TBX18
GO:0000977	MF	14	D08	RNA polymerase II transcription regulatory region sequence-specific DNA binding	FOXC1	PBX1
GO:0000978	MF	11	D09	RNA polymerase II cis-regulatory region sequence-specific DNA binding	ARX,FOXC1,TCF15	NEUROG3,PBX1,PLAG1
GO:0003700	MF	10	D02	DNA-binding transcription factor activity	FOXC1	PBX1,TBX18,TLX1
GO:0000981	MF	3	D03	DNA-binding transcription factor activity. RNA polymerase II-specific	ARX,FOXC1	MSX2,NKX2-3,PBX1,TLX1
GO:0001227	MF	0	D04	DNA-binding transcription repressor activity. RNA polymerase II-specific	ARX	NEUROG3
GO:0001228	MF	0	D04	DNA-binding transcription activator activity. RNA polymerase II-specific	FOXC1,TCF15	PBX1,PLAG1

sharedbyF

GO	Namespace	number of GO descendants	depth	Term name	7	12
GO:0045893	BP	99	D10	positive regulation of transcription. DNA-templated	SNX5	FOXC1
GO:0045944	BP	63	D11	positive regulation of transcription by RNA polymerase II	IRF2BPL	FOXC1,TCF15
GO:0000122	BP	33	D11	negative regulation of transcription by RNA polymerase II	IRF2BPL	ARX,FOXC1
GO:0001701	BP	42	D07	in utero embryonic development	RUNDC1	FOXC1
GO:0005829	CC	84	D02	cytosol	SNX5	FOXC1,GM2A
GO:0048471	CC	7	D02	perinuclear region of cytoplasm	SNX5	NDFIP1
GO:0043231	CC	1289	D04	intracellular membrane-bounded organelle	SNX5	GM2A
GO:0005634	CC	490	D05	nucleus	LOC107307715,SPDYA	FOXC1,TCEA3
GO:0005654	CC	86	D02	nucleoplasm	IRF2BPL,SPDYA	FOXC1
GO:0003676	MF	313	D03	nucleic acid binding	LOC107325303	TCEA3
GO:0046983	MF	2	D03	protein dimerization activity	LOC107318989	TCF15
GO:0005509	MF	4	D05	calcium ion binding	LOC107307715	CABP7
GO:0008270	MF	1	D06	zinc ion binding	LOC107307715	TCEA3
GO:0003700	MF	10	D02	DNA-binding transcription factor activity	LOC107318989	FOXC1

sharedbyM

GO	Namespace	number of GO descendants	depth	Term name	7	12
GO:0009887	BP	982	D03	animal organ morphogenesis	HHIP	PBX1
GO:0006355	BP	306	D09	regulation of transcription. DNA-templated	TLX1	MSX2,NEUROG3,NKX2-3,PBX1,TBX18,TLX1
GO:0007165	BP	1654	D04	signal transduction	HHIP	SH2B2
GO:0030183	BP	47	D07	B cell differentiation	CLCF1	NKX2-3
GO:0008284	BP	97	D05	positive regulation of cell population proliferation	CLCF1	PBX1
GO:0005576	CC	93	D02	extracellular region	CLCF1	PLA2G12B
GO:0005515	MF	921	D02	protein binding	LINGO3	BBS2,BTBD17,ESPN,LOC107321537,PACIN1
GO:0008270	MF	1	D06	zinc ion binding	HHIP	LOC107321537,MARCHF2
GO:0003677	MF	130	D04	DNA binding	TLX1	MSX2,NKX2-3,PBX1,PIN4,TLX1,TSHZ2
GO:0003700	MF	10	D02	DNA-binding transcription factor activity	TLX1	PBX1,TBX18,TLX1
GO:0000981	MF	3	D03	DNA-binding transcription factor activity. RNA polymerase II-specific	TLX1	MSX2,NKX2-3,PBX1,TLX1

Names	total	elements
fF12 fF7 fM12 fM7		2
		GO:0003700
		GO:0008270
		GO:0005509
		GO:0046983
fF12 fF7 fM12		10
		GO:005829
		GO:0045944
		GO:0005654
		GO:0000122
		GO:00017301
		GO:0048471
		GO:0043231
		GO:0005634
fF7 fM12 fM7		2
		GO:0008284
fF12 fM12 fM7		4
		GO:0003677
		GO:0006355
		GO:0000981
		GO:0005515
fF12 fF7		2
		GO:0003676
fF7 fM12		9
		GO:0045893
		GO:0005737
		GO:0014812
		GO:0019901
		GO:0061630
		GO:0042803
		GO:0043039
		GO:0005524
		GO:0016021
		GO:0000166
		GO:0004705
fF12 fM7		2
		GO:0005887
fF12 fM12		27
		GO:00055216
		GO:0005886
		GO:0043204
		GO:0001654
		GO:0001822
		GO:0016020
		GO:0006351
		GO:0009952
		GO:0001228
		GO:0010629
		GO:1990837
		GO:0007420
		GO:0042802
		GO:0007219
		GO:0001958
		GO:0042127
		GO:0010628
		GO:0006811
		GO:0000978
		GO:0042475
		GO:0001227
		GO:0000977
		GO:0010468
		GO:0043565
		GO:0006879
		GO:0009075
		GO:0005794
		GO:0007165
		GO:0005576
fF7		37
		GO:0030183
		GO:0009887
		GO:0007140
		GO:0045737
		GO:0042147
		GO:0043504
		GO:0006974
		GO:0007186
		GO:0035091
		GO:0004813
		GO:0097422
		GO:0006907
		GO:0016500
		GO:0019853
		GO:0020037
		GO:0006886
		GO:0006264
		GO:0006419
		GO:0030904
		GO:0004968
		GO:0007399
		GO:0008146
		GO:0005739
		GO:0031234
		GO:0031901
		GO:0070685
		GO:0005741
		GO:0034452
		GO:0004341
		GO:0030295
		GO:0030234
		GO:0006783
		GO:0000002
		GO:0000082
		GO:0046628
		GO:0004930
		GO:0045860
		GO:0008297
		GO:0031313
		GO:0030425
		GO:0030199
		GO:0032588
		GO:0030203
		GO:0043588
		GO:0021853
		GO:1902038
		GO:0032713
		GO:0035050
		GO:0021846
		GO:0060231
		GO:0048844
		GO:0048010
		GO:1902257
		GO:0050728
		GO:0030001
		GO:0008313
		GO:0001756
		GO:0032809
		GO:0038084
		GO:0021831
		GO:0008283
		GO:0048302
		GO:0048341
		GO:0031398
		GO:0045618
		GO:0071321
		GO:0010718
		GO:1904798
		GO:0044325
		GO:0001657
		GO:0008301
		GO:0001568
		GO:1990841
		GO:0000792
		GO:0036438
		GO:0097746
		GO:0045930
		GO:0001764
		GO:0003016
		GO:0003007
		GO:0046622
		GO:0016525
		GO:0007517
		GO:0072010
		GO:0071805
		GO:0008134
		GO:0016477
		GO:0035725
		GO:0014031
		GO:1990573
		GO:0050884
		GO:0032410
		GO:0008047
		GO:0048294
		GO:0002829
		GO:0000976
		GO:0071320
		GO:0007611
		GO:0045619
		GO:0007034
		GO:0005222
		GO:0048762
		GO:0021772
		GO:0008354
		GO:1901534
		GO:0006689
		GO:0050877
		GO:0007507
		GO:0004563
		GO:0021800
		GO:0001503
		GO:0036342
		GO:0043388
		GO:0008076
		GO:0021549
		GO:0045198
		GO:0043583
		GO:0071364
		GO:0048644
		GO:0051260
		GO:0003682
		GO:0055010
		GO:0001541
		GO:0001974
		GO:0030900
		GO:0050885
		GO:0051224
		GO:0048339
		GO:0045211
		GO:0098719
		GO:0014032
		GO:0005249
		GO:0055085
		GO:0001945
		GO:0002761
		GO:0019915
		GO:0046820
		GO:0042130
		GO:0006813
		GO:0044241
		GO:1990869
		GO:0070098
		GO:0098855
		GO:0001508
		GO:0021759
		GO:0042391
		GO:0001501
		GO:0043010
		GO:0005938
		GO:0042734
		GO:0007411
		GO:1903053
		GO:0060038
		GO:0050699
		GO:0032808
		GO:0072148
		GO:0042755
		GO:1901491
		GO:0045732
		GO:0005248
		GO:0009953
fM7		22
		GO:0007405
		GO:0043524
		GO:0097058
		GO:0048295
		GO:0042531
		GO:0009968
		GO:0097108
		GO:0048711
		GO:0005125
		GO:0060441
		GO:0009986
		GO:0007166
		GO:0003824
		GO:0002639
		GO:0007259
		GO:0005102
		GO:0030890
		GO:0040036
		GO:0097059
		GO:0005127
		GO:0045879
		GO:0008063
		GO:0021766
		GO:0001525
		GO:0008092
		GO:0016607
		GO:0030509
		GO:0003924
		GO:0006418
		GO:0001922
		GO:0045047
		GO:0005730
		GO:1903392
		GO:0050776
		GO:2001234
		GO:0072189
		GO:0004631
		GO:0045603
		GO:0005902
		GO:0045665
		GO:0043367
		GO:0043021
		GO:0034220
		GO:0030137
		GO:0009791
		GO:0006821
		GO:0004888
		GO:0001570
		GO:0045892
		GO:0035265
		GO:1900535
		GO:0045806
		GO:0034464
		GO:0000062
		GO:0006614
		GO:0051930
		GO:0050848
		GO:0030534
		GO:2000048
		GO:0016567
		GO:0046982
		GO:0003323
		GO:0005667
		GO:0060586
		GO:0030326
		GO:0030278
		GO:0001726
		GO:0060930
		GO:0006644
		GO:0006955
		GO:0008286
		GO:0051216
		GO:0032873
		GO:0050873
		GO:0060931
		GO:0003197
		GO:0030539
		GO:0033210
		GO:0004535
		GO:0005543
		GO:0006954
		GO:0003779
		GO:0060395
		GO:0048621
		GO:0005198
		GO:0060252
		GO:0005783
		GO:0007214
		GO:0098833
		GO:0001658
		GO:0004860
		GO:0043117
		GO:0036116
		GO:0030154
		GO:0005694
		GO:0035264
		GO:0015937
		GO:0032349
		GO:0019221
		GO:0071773
		GO:0035556
		GO:0016790
		GO:0030225
		GO:0005923
		GO:0045095
		GO:0042311
		GO:0035591
		GO:0005813
		GO:0051015
		GO:0001649
		GO:0007601
		GO:0070700
		GO:0060271
		GO:0021987
		GO:0030036
		GO:0019003
		GO:0031018
		GO:0006364
		GO:0045494
		GO:0004623
		GO:0030325
		GO:0033365
		GO:0048706
		GO:0008104
		GO:0072657
		GO:0001103
		GO:0038108
		GO:0036064
		GO:0010662
		GO:0048536
		GO:0060736
		GO:0001938
		GO:0017101
		GO:0050900
		GO:0045669
		GO:0097320
		GO:0050731
		GO:0005068
		GO:0001725
		GO:0030942
		GO:0016042
		GO:0003198
		GO:0006425
		GO:0060296
		GO:0035162
		GO:0008312
		GO:2001214
		GO:0006841
		GO:0048538
		GO:0048565
		GO:00051792
		GO:0040018
		GO:0045666
		GO:0043491
		GO:0032587
		GO:0032991
		GO:0098684
		GO:0022008
		GO:0098907
		GO:0005786
		GO:0036114
		GO:0006412
		GO:0009954
		GO:0050851
		GO:0048500
		GO:0031666
		GO:0036042
		GO:0001776
		GO:0004890
		GO:0032420
		GO:0016555
		GO:0048854
		GO:0019222
		GO:0006469
		GO:0004544
		GO:0003637
		GO:0002317
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0060692
		GO:0005884
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO:0031410
		GO:0004868
		GO:0050482
		GO:0007015
		GO:0051017
		GO:0003851
		GO:0006081
		GO:0006508
		GO:0043001
		GO:0005525
		GO:0003755
		GO:0005419
		GO:0004521
		GO:0005230
		GO:0005230
		GO

Venn genes		
Names	total	elements
fM12 fM7	1	TLX1
fF7	16	RUNDC1
		LOC107318991
		KIAA1210
		LOC107318988
		MGME1
		LOC107325303
		LOC107318989
		LOC116653897
		LOC107321106
		IRF2BPL
		LOC107307715
		SOX17
		SNX5
		SPDYA
		HS3ST2
		PGRMC1
fF12	10	TCF15
		FOXC1
		NDFIP1
		GM2A
		LOC107309236
		KCNC2
		TCEA3
		HCN2
		ARX
		CABP7
fM7	6	CLOF1
		SLC25A10
		LOC107313421
		RAD9A
		HHIP
		LINGO3
fM12	42	NEUROG3
		PLA2G12B
		BTBD17
		GABRA3
		LOC107322710
		PLAG1
		TBX18
		LOC107314254
		BMP6
		LOC107314253
		FOXL2
		LOC116653392
		SH2B2
		QRICH1
		BBS2
		NKX2-3
		PIN4
		LOC107321537
		KY
		YIPF4
		LOC107315039
		QARS1
		MARCHF2
		TSHZ2
		PACSIN1
		KDM3B
		SRP54
		LOC107325817
		MSX2
		TMEM100
		PBX1
		NCR3LG1
		PMVK
		LOC107319878
		LOC107319226
		ABHD11
		ESPN
		SLC6A8
		ACOT7
		CELA3B
		LOC107320921
		TRIM41

