

CURRICULUM VITAE

JOANNA ZYPRYCH-WALCZAK



☞ Date of birth: 31st October 1980
☞ Address: Świerkowa 13
62-005, Promnice
Poland
☞ Telephone: +48 505 793 194
☞ E-mail: zjoanna@up.poznan.pl

EDUCATION

☞ PhD

10.2007–09.2011 **Poznan University of Life Sciences, Department of Mathematical and Statistical Methods, Poznan, Poland** – PhD studies;
Research on the applications of statistical methods in the gene selection process in microarray experiments;
Disseration title: "Statistical analysis of microarray data."

☞ MSc

10.2002–06.2007 **Adam Mickiewicz University, Faculty of Mathematics and Computer Science, Poznan, Poland** – master studies;
Field of study: Mathematics, Specialization: Applied Mathematics;
MSc thesis: "Analysis of blocks with the neighborhood effects."

09.2004–06.2006 **Heinrich-Heine University in Düsseldorf, Faculty of Mathematics and Natural Sciences, Düsseldorf, Germany** – master studies;
Field of study: Mathematics – Socrates Erasmus.

09.1999–06.2004 **Poznan University of Technology, Faculty of Engineering Management, Poland** – master of Science studies;
Field of study: Marketing & Management, Specialization: Personal advice.
MSc thesis: "Staff recruitment and selection."

PROFESSIONAL EXPERIENCE

09.2020–02.2021 **Maternity leave**

05.2015–05.2016 **Maternity leave**

11.2012–05.2013 **Maternity leave**

- 05.2019–06.2019 **Robinson Lab, Institute of Molecular Life Sciences, University of Zurich** – visiting researcher in Prof. Dr. Mark D. Robinson Laboratory.
My research work during the internship was mainly related to the most modern statistical analyzes of single-cell RNA-seq data.
- 10.2011–now **Poznan University of Life Sciences, Department of Mathematical and Statistical Methods, Poznan, Poland** – Assistant (adjunct) professor;
Research in biostatistics and bioinformatics; development of statistical methods for data analysis based on microarray and next generation sequencing data; statistical consulting for the researchers from the University. Lecturing - Mathematics with elements of algebra and statistics, Information Technologies.
- 02.2011–04.2011 **Funcional Genomic Center Zurich** – visiting researcher;
Research on the application of statistical methods (mainly hypothesis testing) in the selection of differential genes obtained from microarray and RNA-Seq experiments.
- 06.2010–07.2010 **College of William & Mary, Department of Mathematics, Williamsburg, VA, USA** – Mentor during Research Experience programme for Undergraduate Students;
Research on mathematics, mainly linear algebra and matrix algebra; work on totally unimodular matrices.
- 09.2010 **Uniformed Services University of the Health Sciences, Department of Preventive Medicine & Biostatistics, Washington, DC, USA** – visiting researcher;
Research on machine learning algorithms and methods of finding differentially expressed genes.
- 08.2008–09.2008 **University of Technology in Graz, Institute of Genomics and Bioinformatics, Linz** – internship;
Research on preparation of the experiment and preliminary analysis of microarray data.
- 10.2005–09.2006 **Heinrich-Heine University in Düsseldorf, Faculty of Mathematics and Natural Sciences, Düsseldorf, Germany** – scientific support;
Course: Analysis I, Analysis II.
-

LANGUAGES

- ↔ Polish – native
- ↔ English – spoken: advanced, written: intermediate
- ↔ German – spoken/written: advanced

PROGRAMMING SKILLS & SOFTWARE

- ↔ programming – R - advanced, in particular for bioinformatic applications
 - ↔ OS – Linux, Windows - advanced
 - ↔ other – Latex, MS Office
-

PUBLICATIONS

KOLANOWSKI T., WARGOCKA-MATUSZEWSKA W., ZIMNA A., CHEDA Ł., **Zyprych-Walczak J.**, RUGOWSKA A., DRABIK M., FIEDOROWICZ M., KRAJEWSKI S., STECZEK Ł., KOZANECKI C., ROGULSKI Z., ROZWADOWSKA N., KURPISZ M., (2021). Multiparametric Evaluation of Post-MI Small Animal Models Using Metabolic ([18F]FDG) and Perfusion-Based (SYN1) Heart Viability Tracers. *Int. J. Mol. Sci.* 2021, 22(22).

LÜTGE A., **Zyprych-Walczak J.**, BRYKCYNSKA KUNZMANN U., CROWELL L.H., CALINI D., MALHOTRA D., SONESON CH., ROBINSON M.D., (2021). CellMixS: quantifying and visualizing batch effects in single-cell RNA-seq data. *Life Sci Alliance* 23;4(6).

RÓŻAŃSKA-ZAWIEJA J., WINNICKI S., **Zyprych-Walczak J.**, SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., SIATKOWSKI I., NOWAK W., STEFAŃSKA B., KUJAWIAK R., SOBEK Z., (2021). The effect of feeding management and culling of cows on the lactation curves and milk production of primiparous dairy cows. *Animals*.11 (iss. 7), art. no. 1959.

WEIGT, D., KIEL A., SIATKOWSKI I., ZYPRYCH-WALCZAK J., TOMKOWIAK A., KWIATEK M., (2020). Comparison of the Androgenic Response of Spring and Winter Wheat (*Triticum aestivum* L.). *Plants* 9, 49.

SZENAJCH J., SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., ŚWIERCZ A., **Zyprych-Walczak J.**, SIATKOWSKI I., GÓRALSKI M., SYNOWIEC A., HANDSCHUH L., (2020). Transcriptome Remodeling in Gradual Development of Inverse Resistance between Paclitaxel and Cisplatin in Ovarian Cancer Cells. *International Journal of Molecular Sciences* 21(23), 9218.

PIEKARSKA-BONIECKA H., RZANSKA-WIECZOREK M., SIATKOWSKI I., ZYPRYCH-WALCZAK J., (2019). Controlling the abundance of the rose tortrix moth [*Archips rosana* (L.)] by parasitoids in apple orchards in Wielkopolska, Poland. *Plant Protect. Sci.*, 55: 265–272.

WEIGT, D., NIEMANN, J., SIATKOWSKI, I., ZYPRYCH-WALCZAK, J., OLEJNIK, P., KURASIAK-POPOWSKA, D., (2019). Effect of Zearalenone and Hormone Regulators on Microspore Embryogenesis in Anther Culture of Wheat. *Plants* 8, 11, 487.

RÓŻAŃSKA-ZAWIEJA J., SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., SOBEK Z., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., (2019). Assessment of heritability coefficient variation for various breeds of cattle. *Journal of Animal Plant Sciences* 39(1), 6351-6358.

SIATKOWSKI, I., ZYPRYCH-WALCZAK, J., (2018). R w analizie statystycznej dla przyrodników. *Wydawnictwo Uniwersytetu Przyrodniczego w Poznaniu, Poznań, Poland. ISBN 978-83-7160-899-5, ss.121.*

PIEKARSKA-BONIECKA H., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., DOLAŃSKA-NIEDBAŁA E., TRZCIŃSKI P., RZAŃSKA-WIECZOREK M., TRAN DINH D., (2018). The Impact of Apple Orchard Edge Plants on Communities of Pimplinae (Hymenoptera, Ichneumonidae). *J. Entomol. Res. Soc.*, 20(2): 43-59.

PIEKARSKA-BONIECKA, H., ZYPRYCH-WALCZAK, J., RZAŃSKA-WIECZOREK, M., TRAN DINH, D., SIATKOWSKI, I., (2018). The number and abundance of ichneumonidae (Hymenoptera, Apocrita) subfamilies occurring in apple orchards and on their edges. *Acta Sci. Pol. Hortorum Cultus*, 17(2), 93-103. DOI: 10.24326/asphc. 2018.2.8.

OBREPALSKA-STĘPŁOWSKA A., ZMIENKO A., WRZESIŃSKA B., GORALSKI M., FIGLEROWICZ M., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., POSPIESZNY H., (2018). The Defense Response of *Nicotiana benthamiana* to Peanut Stunt Virus Infection in the Presence of Symptom Exacerbating Satellite RNA. *Viruses* 10(9), 449.

LEŚNIEWSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., OKONIEWSKI M. J., (2018). Genes sharing the protein family domain decrease the performance of classification with RNA-seq genomic signatures. *Biology Direct*, 13 (1), 3, doi: 10.1186/s13062-018-0205-x.

PIEKARSKA-BONIECKA H., SIATKOWSKI I., ZYPRYCH-WALCZAK J., TRZCIŃSKI P., RZAŃSKA-WIECZOREK M., (2017). The phenology of occurrence of dominant predatory *Syrphidae* (Diptera) species in apple orchards and on their edges. *Acta Sci. Pol. Hortorum Cultus*, 16(1), 23-38.

BERĘSEWICZ M., ALVAREZ A., BIECEK P., DYDERSKI M. K., KOSIŃSKI M., NOWOSAD J., ROTTER K., SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., SZYMKOWIAK M., WAWROWSKI Ł., ZYPRYCH-WALCZAK J., (2017). *Conference Report: European R Users Meeting 2016*. The R Journal, 9 (1), 501-504.

RÓŻAŃSKA-ZAWIEJA J., SZABELSKA-BERĘSEWICZ A., SOBEK Z., NIENARTOWICZ-ZDROJEWSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., (2017). *Wpływ wielkości grup ojcowskich i stad na optymalną ocenę współczynnika odziedziczalności długości ciąży u bydła*. Roczniki Naukowe Polskiego Towarzystwa Zootechnicznego 13(1), 9–17.

SZENAICH J., GÓRALSKI M., ŚWIERCZ A., SZABELSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., SYNOWIEC A., SIATKOWSKI I., HANDSCHUH L., (2016). *Zmiany w ekspresji szlaków sygnałowych uczestniczące w wykształcaniu nabytej w obecności erytropoetyny oporności na ci-splatynę i paklitaksel w komórkach ludzkiego raka jajnika*. BioMed Nowotwory, vol. 66, suppl. 2, p. 50.

ZYPRYCH-WALCZAK J., SZABELSKA A., HANDSCHUH L., GORCZAK K., KLAMECKA K., FIGLEROWICZ M., SIATKOWSKI I., (2015). *The impact of normalization methods on RNA-seq data analysis*. BioMed Research International, Article ID 621690; doi: 10.1155/2015/621690.

GORCZAK K., KLAMECKA K., SZABELSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., (2014). *Graphical methods for differential analysis of RNA-Seq data*. Colloquium Biometricum 44, 167-181.

USZCZYŃSKA B., ZYPRYCH-WALCZAK J., HANDSCHUH L., SZABELSKA A., KAZMIERCZAK M., WORONOWICZ W., KOZŁOWSKI P., SIKORSKI M. M., KOMARNICKI M., SIATKOWSKI I., FIGLEROWICZ M., (2013). *Analysis of boutique arrays: A universal method for the selection of the optimal data normalization procedure*. International Journal of Molecular Medicine, 32 (3), 668-684. [IF = 1.957]

TOMKOWIAK A., WEIGT D., BRODA Z., MIKOŁAJCZYK S., SZABELSKA A., ZYPRYCH J., SIATKOWSKI I., (2013). *Analysis of relationship between genetic and phenotypic similarity of alfaalfa mutants inflorescences*. Nauka Przyr. Technol. 7 (3) #34.

TOMKOWIAK A., WEIGT D., SZABELSKA A., ZYPRYCH J., BRODA Z., SIATKOWSKI I. (2012). *Analiza różnicowania genetycznego odmian I klonów koniczyzny białej (Trifolium repens L.) z użyciem markerów RAPD* Nauka Przyr. Technol. t. 6, z. 4, art. 79

SZABELSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., SIATKOWSKI I., (2012). *Application of linear mixed models in the selection of genes from microarray experiments with repeated measurements*. Colloquium Biometricum 42, 103-109.

OKONIEWSKI M. J., LESNIEWSKA A., SZABELSKA A., ZYPRYCH-WALCZAK J., RYAN M., WACHTEL M., MORZY T., SCHAEFFER B., SCHLAPBACH R. (2011). *Preferred analysis methods for single genomic regions in RNA sequencing revealed by processing the shape of coverage*. Nucleic Acids Research, doi: 10.1093/nar/gkr1249. [IF = 8.055]

SCHMIDT M., L. HANDSCHUH, ZYPRYCH J., SZABELSKA A., OLEJNIK-SCHMIDT A., SIATKOWSKI I., FIGLEROWICZ M., (2011). *Impact of DNA microarray data transformation on gene expression analysis - comparison of two normalization method*. Acta Biochimica Polonica 58 (4), 573-580. [IF = 1.234]

ZYPRYCH-WALCZAK J., SZABELSKA A., SIATKOWSKI I. (2011). *Application of statistical tests in gene selection problems*. Biometrical Letters, 48 (2), 113-121.

PIEKARSKA-BONIECKA H., SIATKOWSKI I., ZYPRYCH J. (2010). *Model for bionomy of privet sawfly (Macrophya punctumalbum L.) (Hymenoptera, Tenthredinidae)*. Acta Sci. Pol., Hortorum Cultus. - 9 (3), s. 161-166

PIEKARSKA-BONIECKA H., SIATKOWSKI I., ZYPRYCH J. (2010). *Comparison of the collecting of the parasitoids belonging to the Pimplinae subfamily (Hymenoptera, Ichneumonidae)*. Pol. Pismo Entomol. - vol. 79, no. 3, s. 283-290. SIATKOWSKI M., SZABELSKA A., ZYPRYCH J., WERES J., KUJAWA S., (2010). *Growth curve functions in modeling the thin-layer drying of corn*. Inżynieria Rolnicza 6 (124).

THORNTON A., SZABELSKA A., ZYPRYCH J. ET. AL., (2010). *Modelling and Optimization of Algae Growth*. Proceedings of the 72nd European Study Group - Mathematics with Industry, 54-85.

SIATKOWSKI I., GOSZCZURNA T., SZABELSKA A., ZYPRYCH J., (2010). *Coefficients of dissimilarity and similarity with applications*. Colloquium Biometricum 40, p.13-23.

SZABELSKA A., SIATKOWSKI M., GOSZCZURNA T., ZYPRYCH J., (2010). *Comparison of growth models in R*. Nauka Przyroda Technologia 4 (4) #50.

CONFERENCES & WORKSHOPS

19-11.2021 XXIX Międzynarodowy Kongres Medycyny Weterynaryjnej Małych Zwierząt PSLWMZ, Łódź;
Nowacka-Woszuk J., Szczербal I., Stachowiak M., Szydlowski M., Szabelska-Beręsewicz A., Zyprych-Walczak J., Nowak T., Nizański W., Dzimira S., Łukomska A., Houszka M., Gogulski M., Stachecka J., Badura M., Świtoński M. Zaburzenia rozwoju płci samic psa i kota - spojrzenie genetyka.

19-11.2021 XXIX Międzynarodowy Kongres Medycyny Weterynaryjnej Małych Zwierząt PSLWMZ, Łódź;
Stachowiak M., Nowacka-Woszuk J., Krzemińska P., Szabelska-Beręsewicz A., Zyprych-Walczak J., Nowak T., Sosiński O., Woga W., Świtoński M. Wnętrostwo psów - poszukiwanie predysponujących markerów genetycznych.

02-04.09.2021 IX Zjazd Towarzystwa Biologii Rozrodu : Konferencja on-line, Poznań;
Nowacka-Woszuk J., Stachowiak M., Szczербal I., Szydlowski M., Szabelska-Beręsewicz A., Zyprych-Walczak J., Nowak T., Krzemińska P., Świtoński M.

Whole genome sequencing in searching for genetic background of disorders of sex development in French Bulldog, American Stafford Terrier and Yorkshire Terriers dogs.

- 02-04.09.2021 IX Zjazd Towarzystwa Biologii Rozrodu : Konferencja on-line, Poznań; Stachowiak M., Szabelska-Beręsewicz A., Zypřych-Walczak J., Nowak T., Krzeminska P., Sosinski O., Nowacka-Woszuć J., Świtoncki M. Extensive differences of gene expression profiles between descended and unde-scended canine testes revealed by whole transcriptome sequencing (RNA-seq).
- 14.11-15.11.2018 ICCVS Fall Scientific Symposium 2018, Gdańsk; Szabelska-Beręsewicz A., Zypřych-Walczak J.: Statistical Analysis of RNA-seq Data - Bringing Results to Scientists. - invited speech
- 20.08-24.08.2018 The International Conference on Trends and Perspectives in Linear Statistical Inference - LinStat'2018, Będlewo k. Poznania; Szabelska-Beręsewicz A., Okoniewski M., Siatkowski I.: Statistical methods for genes selection based on RNA-seq coverage profiles. - coautor Zypřych-Walczak J., Szabelska-Beręsewicz A., Siatkowski I., Leńniewska A., Okoniewski M.: Effect of gene-gene correlation in RNA-seq data analysis. - poster
- 08.07-13.07.2018 The 29th International Biometric Conference - IBC2018, Barcelona; Szabelska-Beręsewicz A., Zypřych-Walczak J., Siatkowski I., Okoniewski M.: The difficult genes and their impact on RNA-seq data analysis. - coautor
- 17.09-20.09.2018 XV Overall Polish in vitro Culture and Plant Biotechnology Conference: Biotechnological utilization of in vitro culture variability, Rogów. Weigt D., Mikołajczyk S., Niemann J., Tomkowiak A., Kurasiak-Popowska D., Zypřych-Walczak J., Siatkowski I.: The effect of zearalenone on the anther culture of wheat - coautor
- 19.03-22.03.2018 XXVI Szkoła Zimowa Hodowców Bydła, Zakopane. Rózańska-Zawieja J., Sobek Z., Winnicki S., Szabelska-Beręsewicz A., Siatkowski I., Zypřych-Walczak J.: Ocena wydajności stada na podstawie częściowych laktacji - coautor.
- 10.09-14.09.2017 The 47th International Biometrical Colloquium, Kiry k. Zakopanego; Szabelska-Beręsewicz A., Zypřych-Walczak J., Siatkowski I.: Implementation of testing the parallelism for four-parameter logistic model in R. - poster
- 22.07-23.07.2017 16th International conference of Critical Assessment of Massive Data Analysis - CAMDA 2017, Praga; Leńniewska A., Szabelska-Beręsewicz A., Zypřych-Walczak J., Okoniewski M.: Analysis of CAMDA RNA-seq data with the knowlegde of protein domains in genes. - coautor
- 24.11.2016 RBioMeSs – R and Bioinformatics/Medical statistics, Warszawa Szabelska-Beręsewicz A. i Zypřych-Walczak J.: Discussion of a biologist with a statistician working with R - how to find useful information in the vastness of biological data. - invited speech

- 12.10-15.10.2016 IV Kongres Onkologii Polskiej, Łódź; Szenajch J., Góralski M., Świercz A., Szabelska A., Zyprych-Walczak J., Synowiec A., Siatkowski I., Handschuh L.: Zmiany w ekspresji szlaków sygnałowych uczestniczące w wykształcaniu nabytej w obecności erytropoetyny oporności na cisplatynę i paklitaksel w komórkach ludzkiego raka jajnika. - coauthor
- 12.10-14.10.2016 European R Users Meeting - eRum 2016, Poznań - organizer;
- 21.09-23.09.2016 LXXXI Zjazd Naukowy Polskiego Towarzystwa Zootechnicznego, Warszawa; Różalska-Zawieja J., Szabelska A., Nienartowicz-Zdrojewska A., Sobek Z., Siatkowski I., Zyprych-Walczak J.: Accuracy of the selected linear models applied for estimation of the heritability coefficient in the dairy cattle population. - coauthor
Różalska-Zawieja J., Szabelska A., Nienartowicz-Zdrojewska A., Sobek Z., Siatkowski I., Zyprych-Walczak J.: Herds influence of the heritability of pregnancy length in the dairy cattle population. - coauthor
Różalska-Zawieja J., Szabelska A., Nienartowicz-Zdrojewska A., Sobek Z., Siatkowski I., Zyprych-Walczak J.: Influence of the paternity group size of the heritability of pregnancy length in dairy cattle population. - coauthor
- 05.09-07.09.2016 The 46th International Biometrical Colloquium, Lublin; Siatkowski I., Szabelska A., Zyprych-Walczak J.: Statistical methods for survival data analysis. - poster
- 16.06-18.06.2016 BioInformatics in Torun 2016 - BIT16, Toruń;
Szabelska A., Zyprych-Walczak J., Siatkowski I., Okoniewski M.: Influence of the primary analysis on discovering differentially expressed genes based on RNA-Seq data. (poster)
- 07.09-09.09.2015 The 45th International Biometrical Colloquium, Dymaczewo 2015;
Zyprych-Walczak J., Szabelska A., Handschuh L., Górczak K., Klamecka K., Figlerowicz M. and Siatkowski I.: The comparison of the normalization methods for RNA-Seq data analysis. (presentation)
- 30.11-05.12.2014 XL Konferencja Statystyka Matematyczna, Będlewo;
Zyprych-Walczak J., Szabelska A., Siatkowski I.: Przegląd problemów i metod związanych z analizą danych dotyczących ekspresji genów na podstawie eksperymentu głębokiego sekwencjonowania. (co-author)
- 15.10-17.10.2014 Polish Academic R Users Meeting - PAZUR 2014, Poznań;
Szabelska A., Zyprych-Walczak J.: Introduction to R (workshop lecturer)
Szabelska A., Zyprych-Walczak J.: Usage of R in the analysis of RNA-seq data (presentation)
- 30.06-4.07.2014 X Working Seminar on Statistical Methods in Variety Testing, Będlewo;
Górczak K., Klamecka K., Szabelska A., Zyprych-Walczak J., Siatkowski I.: RNA-Seq plant data analysis (co-author)
- 21.05.2014 Open lectures in statistics, UAM Poznań;
Zyprych-Walczak J., Szabelska A., Klamecka K., Górczak K., Siatkowski I.:

Statistical analysis of data coming from microarray and next generation sequencing experiments (presentation)

- 26.11.2013 *Seminar of the Bioinformatics Group, BOKU University, Vienna;
Szabelska A., Zyprych-Walczak J., Siatkowski I.: Microarrays vs RNA-seq - novel approaches for searching interesting genes (invited talk)*
- 18.04–20.04.2012 *Congress of Polish Statistics, Poznan;
Zyprych-Walczak J., Szabelska A., Siatkowski I.: Metody selekcji genow uwzgledniajace korelacje pomiedzy genami (presentation)*
- 8.12–9.12.2011 *European Bioconductor Developers' Meeting 2011, Manchester;
Okoniewski M. J., Lesniewska A., Szabelska A., Zyprych-Walczak J.: Measures of dissimilarity of the coverage functions (co-author)*
- 5.09–08.09.2011 *XLI International Biometricum Colloquium, Lublin;
Szabelska A., Zyprych-Walczak J., Siatkowski I.: Wykorzystanie liniowego modelu mieszanego w problemie selekcji genow (presentation)*
- 29.08–3.09.2010 *XL International Biometrical Colloquium and Second Polish-Portuguese Workshop on Biometry in honour of Prof. J.T. Mexia, Bedlewo;
Zyprych J., Szabelska A., Siatkowski I.: Gene's selection based on statistical tests. (poster)
Szabelska A., Siatkowski M., Goszczurna T., Zyprych J.: Overview of growth models in R (poster)
Weigt D., Szabelska A., Zyprych J., Siatkowski I., Broda Z.: Morfological analysis of inflorescence mutants in alfalfa (*Medicago sativa* L.sl.) with the respect to seed yield traits (poster)
Tomkowiak A., Szabelska A., Zyprych J., Broda Z., Siatkowski I.: Analiza zroznicowania genetycznego odmian i klonow koniczyny bialej (*Trifolium Repens* L.) przy uzyciu markerow molekularnych (poster)*
- 25.01–29.01.2010 *30th International Study Group Mathematics with Industry 2010, Amsterdam;
Thornton A., Szabelska A., Zyprych J. et. al. (2010) Modeling and optimization of algae growth. Proceedings of the 72nd European Study Group - Mathematics with Industry, 54-85. (co-author)*
- 12.09–15.09.2010 *III Polski Kongres Genetyki, Lublin;
Weigt D., Tomkowiak A., Szabelska A., Zyprych J., Broda Z., Siatkowski I.: Analiza związku pomiedzy podobieństwem genetycznym i fenotypowym mutantów lucerny - coautor*
- 7.12–11.12.2009 *Statystyka Matematyczna – WISLA'09, Wisla;
Siatkowski I., Szabelska A., Zyprych J.: Statistical tests for gene selection (co-author)*

ORGANIZATION ACTIVITIES

- 12.10–14.10.2016 *Member of the Organizing Committee of European R Users Meeting - eRum 2016, Poznan*

CURRICULUM VITAE - JOANNA ZYPRYCH-WALCZAK

15.10–17.10.2014 Member of the Organizing Committee of Polish Academic R Users Meeting - PAZUR 2014, Poznan

since 2012 Co-organizer of the series of Poznan Academic Meeting of R Users - PAZUR, Poznan

29.08–3.09.2010 Co-organizer of XL International Biometrical Colloquium, Bedlewo

REFERENCES

Available upon request. Referees are the current and former work supervisors:

∞ Prof. Idzi Siatkowski

HOBBYS

∞ *baking bread, playing guitar*

∞ *traveling*