

一、实验题目与要求

1. Implement exercise 2.3-7.
2. Implement priority queue.
3. Implement Quicksort and answer the following questions. (1) How many comparisons will Quicksort do on a list of n elements that all have the same value? (2) What are the maximum and minimum number of comparisons will Quicksort do on a list of n elements, give an instance for maximum and minimum case respectively.
4. Give a divide and conquer algorithm for the following problem: you are given two sorted lists of size m and n , and are allowed unit time access to the i th element of each list. Give an $O(\lg m + \lg n)$ time algorithm for computing the k th largest element in the union of the two lists. (For simplicity, you can assume that the elements of the two lists are distinct).

二、算法思想

1. 两数之和

最快捷的算法就是先将数列排序，然后用双指针算法，在数列一头一尾设置两个指针，不断向中间汇聚直到相遇，期间根据和的情况选择头指针向右移还是尾指针向左移，或者输出结果并同时往中间移。

2. 优先队列

堆是一种完全二叉树结构，对于大顶堆，根节点的值将大于等于子节点的值。实践中往往不建立完全二叉树结构，而是以连续元素序列作为树结构，用下标模拟父子关系。其中，对于索引以 0 起始的元素序列，下标为 n 的元素的左右子节点的下标分别为 $2n + 1$ 和 $2n + 2$ 。

为了实现堆排序和优先级队列，需要实现几个堆操作算法：

- **add**: 在队列尾部加入新元素；
- **sift_up**: 将序列尾部的元素向上移动到正确的位置（即重新调整为小顶堆）；
- **sift_down**: 将序列首部的元素向下移动到正确的位置；
- **extract**: 删除队列首部的元素。

堆调整算法实现为 **sift_up** 和 **sift_down**。该算法不断地比较父节点和子节点的元素值大小关系：如果父节点的值小于任一子节点的值，则将最大的节点值调整为父节点，原父节点下沉为子节点，并继续将其作为新的子树的根节点做堆调整处理。

Extract 函数通过先记录队首元素，然后交换其与队尾元素（此时相当于已经将队首元素删除），然后将此时的队首元素（即原队尾元素）用 **sift_down** 下移，最后返回记录的原队首元素。

3. 快速排序

快速排序算法通过选取一个基准元素，将所有比基准元素小的元素移动到基准元素左侧，比基准元素大的元素移动到右侧，随后继续对左右两端序列递归求解，实现时间复杂度为 $\Theta(n)$

$\lg n$) 的排序。然而，若基准元素选取不佳（如选择到了最小或最大元素），则算法的时间复杂度将退化为 $\Theta(n^2)$ ，因为经过划分后，一段序列长为 $n - 1$ ，另一段序列为空。

随机快速排序每次随机选择基准元素，则降低了选择到不好的基准元素（最大或最小元素）的可能性，从而减少算法时间复杂度退化的可能。

然而，若序列所有元素均一致，随机快速排序算法的时间复杂度依然为 $\Theta(n^2)$ 。后文将描述解决此种情况的优化算法，同时描述另一种选取基准元素的方法，以进一步减少选择最差基准元素的概率。

4. 两个有序数列的第k小值

可以通过二分法将问题规模缩小，假设 $p + q = k$ ， $A[p - 1]$ 对应A中第p个元素，总序列是由A，B组成的有序序列。

1. 如果序列A中的第p个元素小于序列B中的第q个元素，则序列A的前p个元素肯定都小于总序列的第k个元素，即序列A中的前p个元素肯定不是总序列的第k个元素，所以将序列A的前p个元素全部抛弃，形成一个较短的新序列；然后，用新序列替代原先的A序列，再找其中的第 $k - p$ 个元素（因为已经排除了p个元素，k需要更新为 $k - p$ ），依次递归；
2. 同理，如果A序列中的第p个元素大于序列B中的第q个元素，则抛弃序列B的前q个元素， $k = k - q$ ；
3. 如果序列A的第p个元素等于序列B的第q个元素，则第k个元素为 $A[p - 1]$ ；

递归终止条件：

1. 如果一个序列为空，那么第 k 个元素就是另一个序列的第 k 个元素；
2. 如果 $k = 1$ ，那么直接返回 $\min(A[0], B[0])$ ；
3. 如果 $A[p - 1] == B[q - 1]$ ，则第 k 个数就为 $A[p - 1]$ ；

三、算法步骤与核心代码

1. 两数之和

按照上文的具体分析，代码如下：

```
while i < j:
    if lst[i] + lst[j] == t:
        if not f: print("满足要求的元素组为：")
        f = 1
        print(lst[i], lst[j])
        i += 1
        j -= 1
    elif lst[i] + lst[j] < t: i += 1
    else: j -= 1
if not f: print("不存在满足要求的元素组")
```

2. 优先队列

按照上文所述，堆算法的核心是调整堆算法 `_adjust_heap` 的实现。所有堆算法都实现于

优先队列.py。

add函数的核心代码如下：

```
def add(self, value):
    self.heap.append(value)
    self._siftup(len(self.heap)-1)
```

其中的sift_up函数利用递归思想，核心代码为

```
def _siftup(self, index):
    if index > 0:
        parent = int((index-1)/2)
        if self.heap[parent] > self.heap[index]:
            self.heap[parent], self.heap[index] = self.heap[index], self.heap[parent]
        self._siftup(parent)
```

extract函数具体步骤上文已讲：

```
def extract(self): #删除堆顶元素并返回此元素值
    if not self.heap: print('队列已空! ')
    value = self.heap[0]
    self.heap[0] = self.heap[len(self.heap)-1]
    self._siftdown(0)
    return value
```

```
def sift_down(self, index):
    if index < len(self.heap):
        left = 2 * index + 1
        right = 2 * index + 2
        if left < len(self.heap) and right < len(self.heap) \
```

3. 随机快速排序

随机快速排序的递归函数用python写可以写出很简洁的代码。该算法实现于快速排序.py 中。

随机化过程即为获取随机数后将其与尾部元素交换，不再赘述。现以尾部元素为基准元素，从首元素开始遍历：若当前元素小于尾部元素，则将其移动到序列的前面（所有小于尾部 元素的元素序列）。该部分迭代的核心代码为

```
def qs(array):
    if len(array) < 2: return array
    t = array[0]
    l = [i for i in array[1:] if i <= t]
    r = [i for i in array[1:] if i > t]
    return qs(l) + [t] + qs(r)
```

4. 两个有序数列的第k小值

根据上文的具体步骤，核心的函数见下：

```
def find_kth(llst, llen, rlst, rlen, k):
    if llen > rlen:
        return find_kth(rlst, rlen, llst, llen, k)
    # 长度小的数组已经没有值了,从 rlst 找到第 k 大的数
    if not llen:
        return rlst[k-1]
    # 找到第 1 大的数,比较两个列表的第一个元素,返回最小的那个
```

```
if k == 1:
    return min(llst[0], rlst[0])
middle = min(k >> 1, llen)
middle_ex = k - middle
# 舍弃 llst 的一部分
if llst[middle-1] < rlst[middle_ex-1]:
    return find_kth(llst[middle:], llen-middle, rlst, rlen, k-middle)
# 舍弃 rlst 的一部分
elif llst[middle-1] > rlst[middle_ex-1]:
    return find_kth(llst, llen, rlst[middle_ex:], rlen-middle_ex, k-middle_ex)
else:
    return llst[middle-1]
```

四、总结

学会了多种排序算法并将其进行了时间复杂度上的比较。第四题在思想上有很大的启发。