## Specyfikacja Wstępna

# Zmodyfikowany algorytm ewolucji różnicowej

Monika Żurkowska Kacper Sarnacki

15 maja 2016

### 1 Wstęp

Ewolucja różnicowa jest stosunkowo nowym algorytmem optymalizacji numerycznej. Osobnikami są L-wymiarowe wektory liczb rzeczywistych, w których mutacja polega na perturbacji wybranego wektora o różnicę dwóch innych wektorów pomnożoną przez stały współczynnik.

Algorytm jest bardzo prosty i działa bardzo dobrze na typowych funkcjach testowych. Wymaga tylko trzech parametrów:

```
\mu - rozmiar populacji 
F - odpowiedzialny za sterowanie mutacją 
c_r - sterujący krzyżowaniem
```

#### 2 Pseudokod

```
\begin{split} P^0 &= P_1^0, P_2^0, P_3^0...P_{\mu}^0 \\ t &= 0 \\ \textbf{while }! stop \\ \textbf{for } i &\in 1: \mu \\ P_j^t &= select(P^t) \\ P_k^t, P_l^t &= sample(P^t) \\ M_i^t &= P_j^t + F(P_k^t - P_l^t) \\ O_i^t &= crossover(P_i^t, M_i^t) \\ P_i^{t+1} &= tournament(P_i^t, O_i^t) \\ t &= t+1 \end{split}
```

#### 3 Selekcja

Algorytm ewolucji różnicowej operuje na populacji  $\mu$  osobników:  $P_1, P_2, \ldots, P_{\mu}$ , gdzie  $P_i \in \mathbf{R}^L$ . W każdej iteracji t, dla każdego osobnika  $P_i$  z populacji liczony jest osobnik  $P_j$  będący średnią wszystkich  $\mu$  osobników populacji. Następnie wybierane są losowo osobniki  $P_k$ ,  $P_l$  takie, że  $i \neq l \neq k$ .

#### 4 Mutacja

Wynikiem mutacji jest nowy wektor  $M_i$  (zwany osobnikiem **mutantem**) otrzymany w następujący sposób:

$$M_i = P_j + F * (P_k - P_l) \tag{1}$$

gdzie  $F \in [0,1]$  jest stały parametrem zwanym współczynnikiem amplifkacji (typowa wartość tego współczynnika wynosi F = 0.5). Operacja sumy oraz różnicy polega na dodaniu (odjęciu) odpowiadających sobie składowych wektorów dodawanych (odejmowanych).

#### 5 Krzyżowanie

Wynikiem krzyżowania operującego na rodzicu  $P_i$  i mutancie  $M_i$  jest **osobnik próbny**  $O_i$ , który następnie w procesie sukcesji zostanie porównany z osobnikiem  $P_i$ . Każdy element  $O_{i,j}(j=1,2,\ldots,L)$ , wektora  $O_i$  jest wyznaczany w następujący sposób:

$$O_{i,j} = \begin{cases} M_{i,j} & \text{jeżeli } rnd_j < c_r \text{ lub j} = d \\ P_{i,j} & \text{w przeciwnym przypadku} \end{cases}$$
 (2)

gdzie  $rnd_j$  jest liczbą losową z przedziału [0,1) losowaną niezależnie od każdego j.  $c_r \in [0,1]$  jest stałym parametrem algorytmu a d jest losowym numerem elementu wektora losowanego ze zbioru  $1, 2, \ldots, L$ .

 $c_r$  oznacza prawdopodobieństwo przejścia elementu z wektora mutanta  $M_i$  do wektora próbnego  $O_i$ . Dla  $c_r=1$  wszystkie elementy wektora próbnego  $O_i$  pochodzą z mutanta  $M_i$  (analogicznie dla  $c_r=0$  wszystkimi, z wyjątkiem jednego - warunek j=d - elementami wektora  $M_i$  będą elementy pochodzące od rodzica  $P_i$ ). Operator krzyżowania "miesza" więc losowo elementy rodzica  $P_i$  i mutanta  $M_i$  dając w wyniku wektor próbny  $O_i$ .

Następnie dopasowanie osobnika próbnego  $O_i$  porównywane jest z osobnikiem rodzica  $P_i$  (funkcja tournament). Jeśli jest ono lepsze od rodzica (czyli jego wartość funkcji celu jest niższa),  $P_i$  zostaje zastąpione osobnikiem próbnym, w przeciwnym przypadku osobnik  $O_i$  zostaje odrzucony.

#### 6 Testowanie

Powyższy algorytm będzie porównywany z klasycznym algorytmem genetycznym. Do porównania użyta zostanie wersja z selekcją losowego osobnika (DE/rand/1/bin) oraz najlepszego w populacji (DE/best/1/bin).

Jako funkcję celu wykorzystamy 28 funkcji benchmarka CEC-2013. Testom poddane zostaną klasyczne algorytmy ewolucji różnicowej oraz zmodyfikowana wersja uwzględniająca wybór średniej populacji w mutacji z kolejne 10, 30 i 50-wymiarowymi wektorami populacji. Każdy test zostanie przeprowadzony 21 razy (dla każdego wymiaru osobno). Następnie dla każdego algorytmu i dla każdej funkcji benchmarka zostanie obliczona tabela zawierająca: najlepsze, najgorsze, średnie oraz medianowe rozwiązanie a także odchylenie standardowe.

Algorytm zatrzyma się po odpowiedniej ilości iteracji - 10000 \* D, gdzie D jest wymiarem wektora (10, 30 i 50), bądź gdy wartość błędu spadnie poniżej  $10^{-8}$ . Przestrzeń przeszukiwania dla każdego wymiaru znajdować się będzie w zakresie  $[-100, 100]^D$ . Pierwsza populacja generowana będzie losowo w przestrzeni przeszukiwania.

Oczekiwanym rezultatem testów jest najlepszy wynik dla algorytmu klasycznego z selekcją najlepszego elementu populacji. Gorszym powinien okazać się algorytm z wyborem elementu średniego, a najgorszy z wyborem elementu losowego.

#### Literatura

- [1] https://elektron.elka.pw.edu.pl/~jarabas/WAE/wyklad10.pdf
- [2] https://www.rforge.net/doc/packages/cec2013/cec2013.html
- [3] http://www.ntu.edu.sg/home/EPNSugan/index\_files/CEC2013/Definitions%20of%20%20CEC%2013%20benchmark%20suite%200117.pdf
- [4] http://aragorn.pb.bialystok.pl/~wkwedlo/EA6.pdf
- [5] http://www.mini.pw.edu.pl/~mandziuk/2012-01-12.pdf