-综述-

先导化合物结构优化策略 (二) —— 结构修饰降低潜在毒性

刘海龙 1,2, 王 江 2, 林岱宗 2, 柳 红 1,2*

(1. 中国药科大学药学院, 江苏 南京 210009; 2. 中国科学院上海药物研究所受体结构与功能重点实验室, 上海 201203)

摘要: 药物特质性毒性反应能够引发严重的药物毒副作用甚至危及患者生命。含有警惕结构的药物在体内能够产生活性代谢物,这是药物发生特质性毒性反应的一个重要原因。优化药物分子中的警惕结构以及通过结构改造避免警惕结构产生活性代谢物,是药物早期研发中降低药物毒性风险的重要手段。本文通过比对上市与撤市药物,运用实例阐述降低药物毒性风险的结构改造策略,包括封闭代谢位点、改变代谢途径、降低警惕结构反应性、生物电子等排以及前药等。

关键词: 药物毒性; 警惕结构; 药物特质性毒性反应; CYP450; 优化策略

中图分类号: R916 文献标识码: A 文章编号: 0513-4870 (2014) 01-0001-15

Lead compound optimization strategy (2) —— structure optimization strategy for reducing toxicity risks in drug design

LIU Hai-long^{1, 2}, WANG Jiang², LIN Dai-zong², LIU Hong^{1, 2*}

(1. School of Pharmacy, China Pharmaceutical University, Nanjing 210009, China; 2. Key Laboratory of Receptor Research, Shanghai Institute of Materia Medica, Chinese Academy of Sciences, Shanghai 201203, China)

Abstract: Idiosyncratic adverse drug reactions (IDR) induce severe medical complications or even death in patients. Alert structure in drugs can be metabolized as reactive metabolite (RM) in the bodies, which is one of the major factors to induce IDR. Structure modification and avoidance of alert structure in the drug candidates is an efficient method for reducing toxicity risks in drug design. This review briefly summarized the recent development of the methodologies for structure optimization strategy to reduce the toxicity risks of drug candidates. These methods include blocking metabolic site, altering metabolic pathway, reducing activity, bioisosterism, and prodrug.

Key words: drug toxicity; alert structure; idiosyncratic adverse drug reaction; CYP450; optimization strategy

药物毒性是中断药物研发的重要因素之一,同时也是上市药物受到黑框警告甚至被召回的常见原因。统计数据表明,在美国每年约有 10 万人死于药物毒性[1]。药物研发中缺乏准确的药物安全性评价,也使制药公司承受巨大的经济和名誉损失。拜耳公司的"西立伐他汀"事件和默沙东公司的"罗非昔布"事件都是近些年发生的惨痛案例。因此,降低药物毒

性风险是药物研发阶段的首要目标[2]。

药物产生毒副作用的主要原因包括两个方面: 一方面是由于药物的脱靶作用 (off-target),即由于 药物分子本身能与体内多个靶标相互作用,在同非 目的靶标过量结合后,产生药理副作用,称为 A 型毒 副作用;另一方面是由于药物分子本身结构的特殊 性,引发药物特质性毒性反应 (idiosyncratic adverse drug reactions),这类副作用难以预测,产生的后果也 更加严重,称为 B 型毒副作用。一般而言, A 型毒副 作用可以通过药理学研究进行分析预测,所以在临 床前研究阶段就可以判断候选药物是否适合进一步

收稿日期: 2013-07-17; 修回日期: 2013-08-28.

基金项目: 国家杰出青年科学基金资助项目 (81025017).

*通讯作者 Tel / Fax: 86-21-50807042, E-mail: hliu@mail.shcnc.ac.cn

研究。而 B 型毒副作用由于其产生机制复杂, 通常在药物临床研究阶段甚至上市使用以后才能被人们准确认知。因此, 减少候选药物的 B 型毒性风险是先导化合物结构优化的重要方面。

B 型毒性风险产生的重要原因是药物分子结构 在体内能够代谢成反应性强的活性结构。因此,对化 合物进行结构改造是减少 B 型毒性风险的重要策略。 对大量上市药物的代谢途径进行总结,产生 B 型毒 性的药物分子通常含有某些特定结构,能在体内代 谢生成活性代谢物质,引发级联反应,产生毒性。这 些结构也被称之为警惕结构 (alert structure),以期在 药物研究过程中能够避免使用或者通过合理的先导 化合物结构改造降低毒性风险。

本文介绍了近年来对活性代谢物引起毒性的研究;从化学结构出发,将近年来报道的警惕结构进行分类;通过列举上市药物避免毒性的成功案例,深入探讨规避药物毒性的结构改造策略,以期能够为安全药物的设计与开发提供参考。

1 活性代谢物产生毒性的原因

活性代谢物 (reactive metabolites, RM) 是指药物进入人体后, 经过体内代谢酶系代谢, 产生反应活性强、易与体内生物大分子结合的活性代谢物。自1938年 Fieser^[3]第一次发现活性代谢物具有致癌副作用, 人们对于反应性代谢物进行了大量研究。虽然目前尚没有直接证据表明活性代谢物就是产生药物毒性作用的主要原因, 但是已经有大量研究间接证实了活性代谢物 (特别是亲电性活性代谢物) 能够诱发药物的毒副作用产生 (图 1)。

随着药物代谢动力学学科的发展和一些高灵敏 检测技术的日益成熟,已经成功检测出多种活性代 谢物质与蛋白质的共价复合物,但是由其引起下游 靶标的生物学反应仍在深入研究中^[4]。目前研究推测 活性代谢物主要从以下四个方面引发药物的毒性。

1.1 半抗原学说

药物进入体内后,活性代谢物与生物大分子共

价结合成为异源蛋白,在体液循环中与抗原特异性 T-细胞表面受体 (antigen-specific T-cell receptors) 结合,被免疫细胞识别,从而引起体内免疫反应而产生毒性^[5]。磺胺类药物(如磺胺甲噁唑)容易产生皮疹、肝炎、肾炎等毒副作用,在产生毒副作用的患者体内检测到药物诱导的 T-细胞免疫反应佐证了上述假设^[6]。

1.2 过氧化作用

人体细胞内有许多活性氧物质 (如氧化酶、过氧化氢酶、超氧化物歧化酶等),这些活性氧物质伴随着新陈代谢而产生,被细胞内的谷胱甘肽 (GSH)、维生素 C 等抗氧剂消耗而解除毒性。许多活性代谢物无需结合生物大分子就能参与活性氧物质代谢循环,引起细胞内氧化过载以及 DNA 受损,导致药物产生毒性[^{7]}。

1.3 与功能性蛋白质结合

活性代谢物能够与细胞内许多功能性蛋白质共价结合,改变其空间构象,从而影响其正常的生理功能,导致细胞损伤。但是蛋白功能活性降低或丧失的过程并不是简单的单一机制或级联反应,详细的生物学过程仍有待进一步研究^[8]。

1.4 与谷胱甘肽结合

谷胱甘肽 (GSH) 是细胞内最主要的内源性抗氧化物质,维持着细胞内的氧化还原电势,使许多带有巯基 (-SH) 基团的氧化敏感蛋白质保持其正常的生物功能。谷胱甘肽的生理功能十分广泛, GSH 可直接通过供 H⁺拮抗氧自由基的毒性,清除体内的超氧离子及其他自由基,防止肝细胞损伤;谷胱甘肽的亲核性基团巯基与外源性亲电物质结合,对红细胞膜具有保护作用,可防止溶血; GSH 还能调节乙酰胆碱和胆碱酯酶之间的平衡,从而消除过敏症状^[9]。当药物产生的活性代谢物过量地消耗细胞内 GSH 后,会破坏细胞内原有氧化还原电势,造成细胞内 (尤其是肝细胞) 的氧化紊乱,许多功能性蛋白被氧化失活而导致细胞死亡,进而产生毒性作用。

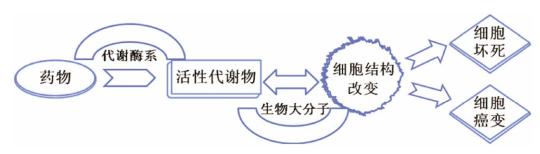


图 1 活性代谢物进入体内诱导毒性产生的方式

2 常见警惕结构

警惕结构是指本身对生物大分子无影响,但通过体内 I 相或 II 相代谢酶系催化可产生活性代谢物 (RM),进而引起毒性风险的功能基团或结构片段。本文从文献报道及美国食品药品监督管理局 (FDA) 的公示文件中,以代谢位置的原子相关性分类,总结了药物中常见的警惕结构 (表 1)。

对于本身具有强亲电性的化学结构 (例如: 醛基、 α , β -不饱和酮或酯、亚硝基化合物、羟肟结构、

配类等),极易与体内生物大分子结合,因此,这些结构片段在药物中不常出现,同时在药物发现与设计阶段也应尽量规避。

3 降低警惕结构潜在毒性的改造策略

鉴于警惕结构潜在的毒性风险,在先导化合物的研发过程中,对警惕结构进行结构优化是降低先导化合物潜在毒性的有效方法。主要包括两种思路:一种思路是去除药物中的警惕结构。如果警惕结构不是药物的药效团,去除警惕结构既可简化分子,又可

表 1 药物中常见的警惕结构

结构类型	警惕结构	代谢酶系	活性代谢物	毒性
N 原子相关警惕结构	R ₁ R ₂ R ₁ ,R ₂ =H,alkyl,phenyl acyl,acyloxy,sulfonyl	过氧化物酶 CYP450	$\begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$	肝、肾毒性
	$\begin{array}{c} R_2 \\ N \\ R_1 \\ R_1, R_2 = H, \text{alkyl} \end{array}$	单胺氧化酶 CYP450	OH N	肝、肾毒性
	$R_1 \stackrel{\textstyle \sim}{} NO_2$ R_1 = phenyl, aryl,heterocylic	CYP450	R₁ ^N ¸O H R₁ ^N ¸OH	肝、肾毒性
	$R_1, R_2 = H$, alkyl, carbon	过氧化物酶环氧化酶	R ₁ H N O	DNA 损伤
	R_3 R_2 R_1 , R_2 =H, alkyl	单胺氧化酶 CYP450	P. R ₁	肝毒性
	$\begin{array}{c c} R_1 \\ R_3 \\ \hline R_2 \\ R_1, R_2 = H, \text{alkyl} \end{array}$	单胺氧化酶 CYP450	$\begin{array}{c} R_3 \longrightarrow \begin{array}{c} \mathbb{Q} R_1 \\ \mathbb{N} \\ \mathbb{R}_2 \\ \mathbb{Q} \longrightarrow \\ \mathbb{R}_3 \end{array}$	肝毒性
	R ₂ N-R ₁ H R ₁ ,R ₂ =H,alkyl,phenyl acyl,acyloxy,sulfonyl	过氧化物酶 CYP450	R _M N-R ₁	血液病
	R H H O Reany carbon	CYP450	R ^{-N} ≅C _{©O}	肝毒性
	R ₃ N ^r R ₁ R ₂ R ₁ ,R ₂ =H,any carbon R ₃ =any nitrogen and carbon	CYP450	R_3 R_3 R_1 R_2	骨髓毒性
	R_1 R_2 R_1 R_2 R_2 R_3 R_4 R_2 R_3 R_4 R_5	CYP450	R ^{✓N} °C°O	肝毒性
	R_1 $\stackrel{H}{_{N}}$ R_2	单胺氧化酶 CYP450	$R_{1(2)} \bullet$ $R_{1(2)} \xrightarrow{N} N = N$	肝毒性

				续表
结构类型	警惕结构	代谢酶系	活性代谢物	毒性
O原子相关警惕结构	OH OH R ₁	CYP450	$\bigcup_{R}^{O} \bigcup_{R_1}^{R_1} R_2$	肝、肾毒性
	R ₁ ,R ₂ =H,alkyl,carbon or cycliziton	CYP450	$ \begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$	肝毒性
	R OH R=any carbon	葡萄糖醛酸转移酶	R CoA	肝毒性
	F R=H,carbon	葡萄糖醛酸转移酶	F CoA	肝毒性
	R OH O R=any substituent	葡萄糖醛酸转移酶	HOOC OH OH	肝毒性
S 原子相关警惕结构	$R_1^{S_X}X$	过氧化物酶 CYP450	R ₁ S protein	肝毒性 骨髓毒性
	R ₁ ,R ₂ =H,alkyl,carbon or cycliziton	CYP450	$ \begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$	肝毒性 血小板抑制
	$\begin{array}{c c} R_2 & N & R_2 & N & R_3 \\ R_1 & S & R_1 & S & R_4 \\ \hline & R_1 - R_4 = H, alkyl \end{array}$	CYP450	$ \begin{array}{cccccccccccccccccccccccccccccccccccc$	肝毒性
	O H R ₁ S O R ₁ =any carbon	CYP450	HO 5 R1 N=C=0	肝毒性
C 原子相关警惕结构	X X X R=any substituent X=CI,Br	CYP450	O R	骨髓毒性
	R_3 N R_1 R_2 R_1 - R_3 =H, any carbon	CYP450	R ₃ H	肝毒性
	R=any substituent	CYP450	R	骨髓毒性 肝毒性
	RONH ₂ R=any substituent	CYP450	RH	肝毒性 再生性障碍贫血

降低毒性;如果警惕结构对活性至关重要,或是必需的连接片段,可以考虑运用生物电子等排的原理,将 易代谢的警惕结构用弱代谢基团进行生物电子等排 体替换, 达到降低毒性的目的。另一种思路是对警惕结构进行结构修饰, 通过引入钝性基团封闭代谢位点或者引入更易代谢的基团, 改变化合物的原有代

谢路径,使其不能产生活性代谢物,阻断其毒性代谢途径(图 2)。具体而言,警惕结构的优化改造策略主要包括:封闭代谢位点、改变代谢途径、降低反应性、生物电子等排以及前药原理等。

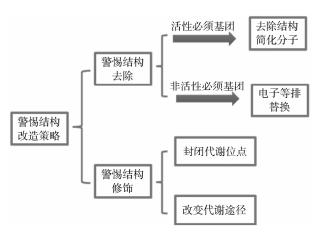


图 2 警惕结构改造策略简图

3.1 亚胺-醌类结构的改造策略

含有供电子取代基的苯环,由于电子云密度高易被体内的氧化酶系氧化生成亚胺-醌类结构,进一步与 GSH 等活性蛋白过量结合引发毒性。例如,对乙酰氨基酚 (paracetamol) 的酚羟基易被氧化代谢成亚胺-醌类物质而与 GSH 结合,产生毒性[10,11]。

3.1.1 增加代谢位点位阻 针对易被氧化代谢的酚 羟基,可以通过在氧原子上引入位阻基团,增加代谢 难度,阻碍亚胺—醌类活性结构的产生。长期服用解热 镇痛消炎药物非那西丁 (phenacetin, 1) 可损害肾脏, 甚至诱发癌症,许多国家已经禁止其销售。从结构上 分析,该化合物含有富电性苯环,易代谢成亚胺—醌 类活性代谢物,从而导致临床上出现毒副作用。但是非那西丁实际体内的代谢途径与预测并不相同。进入 体内后,大部分转化成 N-去乙酰化代谢产物 3 和 N-羟基化代谢产物 4,进一步氧化成亚硝基化合物 5(图 3)。临床使用也表明非那西丁不具有肝毒性,其退市的主要原因是亚硝基化合物引起的"痛觉迟钝性肾

炎"^[12-14]。非那西丁与对乙酰氨基酚的差别在于用乙基保护原结构中的酚羟基,增大了酚羟基的代谢位阻,使代谢位点转移到氨基基团,阻碍了亚胺一醌结构的产生。虽然非那西丁并不算是成功规避毒性的药物,但其阻断醌类物质形成的机制值得借鉴。

图 3 非那西丁的体内代谢途径

封闭代谢位点 在先导化合物结构优化中, 3.1.2 通过封闭代谢位点阻止氧化代谢发生,减少先导化 合物的潜在毒性是常见的结构改造策略。阿莫地喹 (amodiaquine, 6) 用于治疗疟疾, 尤其是针对恶性疟 原虫引起耐药性疟疾。临床研究结果表明: 阿莫地喹 进入体内被肝内 CYP 酶系和过氧化酶 (MPO) 氧化 成亚胺-醌类活性代谢物质 7, 化合物 7 与 GSH 结合 引起肝毒性和血液病, 因此阿莫地喹被 FDA 黑框警 告[15]。但对阿莫地喹的研究并没有终止、采用氟原子 替换羟基 (8) 或将氮上的两个乙基换成叔丁基 (9 和 10), 都得到了毒性降低的化合物。这些化合物在 体内均未检测到醌-蛋白复合物, 其主要原因是化合 物 8 采用氟原子封闭羟基的氧化位点, 使其难以氧化 为亚胺-醌; 化合物 9 和 10 引入极易代谢的 N-叔丁 基改变了阿莫地喹原有的代谢途径 (图 4)[16]。

3.1.3 生物电子等排 亚胺-醌类结构产生的主要原因是富电子化苯环易被氧化。采用生物电子等排的原理、利用 N 杂芳香杂环替代苯环、增加氧化难度、

图 4 阿莫地喹及其类似物

能够减少醌类结构的产生。曲格列酮(troglitazone, 11)由于肝脏毒性受到黑框警告,并于 2000 年 5 月被 FDA 撤市。曲格列酮含有两个警惕结构基团: 其一是左侧易产生醌类的富电性苯环,其二是右侧的噻唑二酮结构片段, LC-MS/MS 检测到曲格列酮代谢产生的活性代谢物与蛋白质的共价复合物 $^{[17]}$ 。后续上市的 PPARy 激动剂吡格列酮(pioglitazone,12)和罗格列酮(rosiglitazone,13)的肝毒性报道较少,药物毒性大幅下降。采用吡啶环替代含酚羟基的苯环,增加了氧化难度,阻碍醌类结构产生;同时由于吡格列酮($30~mg\cdot d^{-1}$)和罗格列酮($<20~mg\cdot d^{-1}$)的日服用剂量远远低于曲格列酮($200~600~mg\cdot d^{-1}$),降低了毒性风险(图 5)。

精神病治疗药物奈法唑酮 (nefazodone, **14**) 1994年上市,但由于大量的肝毒性病例报道,最终在欧洲撤市,美国市场也受到黑框警告。奈法唑酮肝毒性产生原因如图 6 所示。奈法唑酮被体内 CYP3A4 氧化,得到 4-羟基氧化代谢产物 **15**,进一步氧化得到对亚胺一醌类代谢产物 **16**,活性代谢物 **16** 本身可与 GSH结合产生毒性,也可继续代谢成活性更强的化合物 **17**,增加毒性风险。丁螺环酮 (buspirone, **18**) 与奈法

唑酮结构相似,二者都含有哌嗪取代的疏水性芳香结构片段以及与酶特异性结合的功能性片段,但丁螺环酮上市以来,并未有由药物诱发肝毒性的报道。推测其原因为嘧啶环等排替代苯环后,增加氧化难度,阻碍了亚胺-醌结构的产生,减少了肝毒性风险(图 6)^[18, 19]。

3.1.4 改造中的注意事项 应用上述策略的同时还应注意取代基对芳环反应性的影响,否则仍可能产生亚胺—醌类结构。广谱抗菌药甲氧苄啶 (trimethoprim, 20)和首个 EGFR 酪氨酸激酶抑制剂吉非替尼 (gefitinib, 23)是该类结构改造的代表 (图 7)。甲氧苄啶虽然含有嘧啶环,并且采用甲基保护酚羟基,看似难以产生亚胺—醌类活性代谢物,但在实际体内代谢过程中,由于嘧啶环上两个强供电子基团氨基的活化作用,使得甲氧苄啶在 CYP 酶氧化作用下得到杂环亚胺—醌类结构而产生毒性[20]。

吉非替尼于 2003 年上市用于治疗非小细胞肺癌。 吉非替尼苯环的对位采用氟原子封闭代谢位点,但 不能阻止亚胺-醌类毒性结构的产生。受邻位氯原子 的影响,在 CYP3A4 的氧化作用下,氟原子离去被羟 基替代而活化苯环、产生亚胺-醌类毒性结构 25、化

图 5 曲格列酮、吡格列酮和罗格列酮

图 6 奈法唑酮和丁螺环酮的代谢途径

图 7 甲氧苄啶和吉非替尼的体内代谢途径

合物 25 进一步与谷胱甘肽结合产生毒性[21]。

3.2 芳香酸类结构的改造策略

芳香酸类结构片段主要存在于一些含羧基、酯类结构的药物中,多见于非甾体抗炎药。芳香酸在体内通过葡萄糖醛酸转移酶催化的一系列代谢反应,与蛋白质等活性生物大分子结合而引起严重的肝毒性,上市的非甾体抗炎药中已有 5 种药物退出美国市场(溴芬酸、佐美酸、异丁芬酸、吡洛芬和苯恶洛芬)。该类结构的代谢通式如图 8 所示: 药物经葡萄糖醛酸转移酶催化,首先形成 1-*O-β*-葡萄糖酸苷 27, 化合物27 经多步反应得到 3-*O-β*-葡萄糖酸苷 28, 其互变异构体 29 与体内蛋白结合形成蛋白–糖苷 30, 最后经阿马多尔重排使葡萄糖酸苷与蛋白质稳定结合,阻碍蛋白质功能而导致细胞凋亡[22-24]。

由于 β-葡萄糖苷化是芳香酸类化合物在体内代谢的关键环节, 其本质是羟基氧原子亲核进攻羧基的碳原子, 如果能降低酸度或增大羧基反应位阻, 均能影响羧基的反应活性, 减少对体内蛋白质的影响。 3.2.1 增加位阻减少"葡萄糖酸苷"生成 异丁芬酸 (ibufenac, 32) 和布洛芬 (ibuprofen, 33) 均为非 甾体抗炎药物,异丁芬酸由于肝毒性已经从美国市场撤市,但布洛芬安全性良好,仍是畅销药物。二者的化学结构极为相似,唯一的区别是布洛芬在羧基的 α 位引入甲基,二者的乙酰糖苷化降解速率的差异,使布洛芬更难形成"葡萄糖酸苷"(图 9) $^{[24]}$ 。

图 9 异丁芬酸和布洛芬

3.2.2 减弱酸性减少"葡萄糖酸苷"生成 从结合蛋白质的过程可以看出, 1-O-β-葡萄糖酸苷转变成 3-O-β-葡萄糖酸苷是这一转化的关键步骤, 这一步反应速率越快, 越利于与蛋白质的结合 (图 10)。若降低这一反应的反应速率, 可减弱芳香酸对蛋白质的破坏作用。

对于不同取代基的 $1-O-\beta$ -苯甲酸葡萄糖酸苷的 酰基转移反应速率常数 (k) 研究显示: 化合物酸性

图 8 芳香酸类化合物的体内代谢通式

图 10 3-Ο-β-葡萄糖酸苷形成过程

与迁移速率常数 k 呈正相关 $^{[25]}$ 。从表 2 中可以看出,随着酸性的减弱,迁移速率递减。较强供电子基团取代可以减弱酸性,有效降低迁移速率常数 k,从而减少 $3-O-\beta$ -葡萄糖酸苷的形成,降低结构潜在毒性风险。

表 2 取代基对苯甲酸迁移速率影响

R	k / h^{-1}	pk _a
Н	0.35 ± 0.00	4.20
Cl	0.61 ± 0.00	3.97
OMe	0.165 ± 0.002	4.37
CF ₃	1.79 ± 0.08	3.69
Ph	0.35 ± 0.01	4.19

3.3 杂环类化合物结构改造策略

呋喃环、噻吩环、吡咯环等富电性芳香杂环由于电子云密度较高,尤其当 2,3-位 (或 4,5-位) 无取代时,易被体内氧化酶氧化,生成亲电性基团产生肝肾毒性^[26]。以替尼酸(tienilic acid, **37**) 为例,其代谢途径主要代谢位点在噻吩环 C-5 位,在 CYP2C9 的催化作用下,C-5 位既可以被大分子亲核基团进攻,又可进行双键的环氧化,由于 C-5 位与生物大分子结合,产生 CYP 酶抑制和肝损伤等毒副作用^[27-29]。

与替尼酸类似, 氯吡格雷 (clopidogrel, 38) 和噻 氯匹定 (ticlopidine, 39) 均含有未取代的噻吩环, 易被氧化代谢而存在潜在毒性风险。实际临床应用中也证实, 这两种药物都具有较强的毒副作用。氯吡格雷和噻氯匹定分别由于心脏疾病风险和血液病而受到黑框警告 (图 11)^[30]。

通过上述分析看出, 富电性杂环潜在的毒性风

险主要原因在于未取代的杂环位点易发生氧化开环,进一步产生亲电性强的活性代谢物。因此,针对此类杂环的改造策略十分明确,在活性代谢位点引入取代基团,通过封闭代谢位点和改变体内代谢途径降低化合物的毒性。

3.3.1 引入易代谢基团改变代谢途径 非甾体抗炎 药物舒多昔康 (sudoxicam, 40) 由于肝毒性已经在美国撤市。药代动力学研究表明: 由于舒多昔康的噻唑环 4,5-位无取代基, CYP 酶氧化为化合物 41 和 42, 化合物 42 氧化开环释放出亲电物质乙二醛, 影响细胞内生物大分子的活性^[31]。在舒多昔康噻唑环的 5-位引入甲基取代,得到美洛昔康 (meloxicam, 44), 甲基的引入阻碍了氧化代谢途径,使其与舒多昔康具有完全不同的噻唑环代谢方式,从而减少了毒性风险 (图 12)。

3.3.2 前药设计封闭代谢位点 前药修饰能够改善药物代谢性质、增强靶向性、降低药物的毒副作用。分析药物结构特点和体内代谢方式, 巧妙的引入前药设计能有效降低药物毒性风险。对氯吡格雷代谢中间体的氯吡格雷硫代内酯采用前药策略进行改造,得到维卡格雷 (vicagrel, 47), 该药仅需一步 CYP450酶代谢即可转化成活性中间体, 克服氯吡格雷抵抗的同时不会增加出血风险^[32]。氯吡格雷临床应用中发现, 其心脏毒性风险与氯吡格雷抵抗相关^[33], 而维卡格雷由于引入前药基团, 无需 CYP2C19 代谢成硫代内酯形式, 能够有效减少氯吡格雷抵抗 (图 13)。同时由于维卡格雷起效剂量更低, 大大降低了毒性风险。

3.3.3 其他杂环类结构的改造策略 含有苯并含氮杂环结构的药物存在产生活性代谢物的风险。抗抑郁药物氯氮平 (clozapine, 51) 疗效显著, 但由于其日服用剂量较高 (300~900 mg·d⁻¹) 及其结构的特殊

图 11 具有毒性风险的含噻吩环药物

图 12 舒多昔康和美洛昔康的体内代谢途径

图 13 维卡格雷和氯吡格雷代谢途径

性,具有较强的肝毒性。氯氮平进入体内后,在 CYP 氧化酶的作用下氧化成亚胺-醌类化合物 52, 化合物 52 与生物大分子结合引发肝毒性和血液病等副作用^[34,35]。其同类药物喹硫平 (quetiapine, 54) 与其结构相似,区别在于用硫原子替换二氮杂草环中的一个氮原子,使其难以氧化形成亚胺-醌类结构 55, 减

少毒性风险 (图 14)。

3.4 易代谢生成醛类结构的改造策略

3.4.1 典型结构举例 当碳原子处于端位且被多个 卤素原子取代时 (F 原子除外), 易被体内酶系氧化 成醛或酰氯, 使得该类结构存在与生物大分子结合 的风险。由于骨髓毒性已经不再口服使用的氯霉素

图 14 氯氮平与喹硫平的体内代谢途径

(chloramphenicol, **56**) 是这类结构的典型代表。其末端双氯取代碳原子在 CYP 酶的作用下羟化,脱去一分子氯化氢形成酮酰氯 **58**, 与生物大分子结合产生毒性 (图 15) $^{[36]}$ 。

当碳原子被易代谢的杂原子(如酯、酰胺、位阻小的仲胺、叔胺等)取代时,其 α 位应当避免引入不饱和碳—碳键,否则在体内存在产生 α , β -不饱和结构的风险。抗真菌药物特比萘芬(terbinafine, **59**)正是因此而产生肝毒性和血液毒性^[37]。特比萘芬进入体内,在 CYP450 酶作用下叔胺基团发生氧化断键,形成 α , β -不饱和醛 **60**,化合物 **60** 作为 Michael 受体本身具有很高的亲核活性,通过 1, 4-加成或 1, 6-加成形

成共价复合物 62 和 63, 过量消耗 GSH 而产生毒性 (图 16)。

3.4.2 改造策略——引入 F 原子封闭代谢位点 通常在易代谢位置引入 F 原子可以降低代谢产生的风险。非尔氨酯(felbamate, 64)是 1993 年上市的治疗癫痫的药物,自其上市以来,有大量的肝毒性和再生性贫血障碍的病例报道,也因此受到 FDA 的黑框警告。其代谢途径如图 17 所示,非尔氨酯进入体内,在体内酯酶的作用下一分子酰基水解得到 65,随后被醛脱氢酶氧化成醛 67,其互变异构体 68 可通过电子转移脱氢得到 α , β -不饱和醛而产生毒性 [38]。其同系物氟代非尔氨酯(fluorofelbamate, 69)在代谢位点引入 F

图 15 氯霉素的体内代谢途径

图 16 特比萘芬的体内代谢途径

图 17 非尔氨酯和氟代非尔氨酯的体内代谢途径

原子,与非尔氨脂相同,69 也通过同样的途径代谢生成含醛产物 72。但 F 原子的引入,使得 72 在互变异构体中不能进行脱氢转变,阻碍了 α , β -不饱和醛的产生,降低了药物毒性^[39]。

3.5 芳香硝基类化合物结构优化策略

3.5.1 引入双键改变代谢途径 由于硝基在体内易 发生还原反应产生毒性, 因此含有硝基的药物也具 有一定的毒性风险。治疗帕金森综合症药物托卡朋 (tolcapone, 74) 1998 年在美国上市, 临床研究表明: 托卡朋具有严重的肝毒性, 目前已经被 FDA 强制撤 市。虽然托卡朋体内的主要代谢途径是被葡萄糖醛 酸化而代谢出体外, 但仍有一部分的托卡朋在体内 经还原酶将硝基还原成芳胺 74, 进而被 CYP 氧化与 GHS 结合, 或经 N-乙酰化后被氧化成醌类结构 75, 与体内活性亲核蛋白结合。在人肝微粒体中均能检测 到蛋白的复合物 76 和 79[40]。与托卡朋类似的恩他卡 朋 (entacapone, 80) 并没有表现出与其相似的毒性。 恩他卡朋同样含有芳香硝基和儿茶酚结构片段, 甚 至取代基位置都一样,但其体内代谢研究结果表明: 绝大部分恩他卡朋首先发生双键的顺反异构化, 然 后经儿茶酚途径代谢出体外[41] (图 18)。推测上述结 果主要有两个原因: 由于引入更易代谢的基团,改 变了芳香硝基的代谢途径; 双键顺反异构化导致 了恩他卡朋不能作为还原酶的底物而被识别。

3.5.2 吡啶环等排替代 尼美舒利 (nimesulide, 82) 作为 COX-2 选择性抑制剂, 具有显著的抗炎、解热作用。但上市以来, 肝毒性病例报道不断增加, 已在芬兰、比利时和西班牙撤市。随后由于"尼美舒利事件", 中国在 2011 年发布通知, 禁止 12 岁以下儿童

使用尼美舒利口服制剂。尼美舒利产生肝毒性的分子学机制尚不完全明确,但是尼美舒利在肝中的代谢产物,尤其是硝基还原产物与其毒性密切相关^[42]。研究表明:在人肝微粒体中,芳香硝基还原后产物 83可经 P450 酶和单胺氧化酶氧化成醌亚胺类结构 84和亲电产物 85。代谢物 85可进一步与体内一些强亲核物质(例如蛋白质、DNA等)共价结合,从而可能导致肝毒性的产生(图 19)^[43]。

在后续对尼美舒利的改造研究中发现^[44],将硝基苯结构生物电子等排成吡啶环结构 (91),能够提高酶水平活性和选择性,同时能够保持在大鼠体内的抗炎活性 (表 3、4)。这一策略的应用成功避免了芳香硝基结构,使得先导化合物的预期毒性风险显著降低 (图 20)。

表 3 尼美舒利及改造体体外活性测试结果

化合物	$COX-1/\mu mol \cdot L^{-1}$	$COX-2/\mu mol \cdot L^{-1}$	选择性
尼美舒利 (82)	3.76 ± 1.02	0.70 ± 0.23	5.37
91	0.91 ± 0.05	0.12 ± 0.14	7.48

表 4 尼美舒利及改造体体内 (大鼠) 活性测试结果

化合物		渗出液抑制率/%	
16 🗖 170	5 mg·kg ⁻¹	$10 \text{ mg} \cdot \text{kg}^{-1}$	20 mg⋅kg ⁻¹
尼美舒利 (82)	31.05 ± 7.85	48.44 ± 3.09	61.53 ± 6.75
91	42.07 ± 3.74	52.16 ± 2.63	64.52 ± 3.21

3.6 药物剂量与毒性的初步关系

由于不同药物的吸收、分布、代谢、蛋白结合率 千差万别,所以对于将安全药物和产生毒性药物的 剂量进行比较分析十分困难,也更加难以定义一个

图 18 托卡朋和恩他卡朋的体内代谢途径

图 19 尼美舒利在人肝微粒体内代谢途径

图 20 尼美舒利改造结果

对于所有药物研发的安全剂量标准。但通过对大量上市药物剂量分析,安全药物的日服用剂量远远低于产生毒性药物的日服用剂量^[45]。对具有肝毒性药物日服用剂量进行统计,结果表明:日服用剂量低于100 mg·d⁻¹的仅占8%,高于200 mg·d⁻¹的占80%以上^[46]。对美国市场撤市或者受到黑框警告的药物进行统计,日服用剂量高于100 mg·d⁻¹的药物分别占84%和81%^[28]。

从以上分析可以看出, 低起效剂量是安全药物的一个趋势。如果先导化合物中含有某些难以改造的警惕结构时, 可以从另外的角度着手, 增强先导化合物的活性, 降低起效剂量, 从而推动先导化合物的进

一步研发。

抗精神病药物安奈普汀 (amineptine, **92**) 含有警惕结构脂肪酸,由于脂肪酸的代谢产生肝毒性 (图 21),已被 FDA 撤市。其同类药物噻奈普汀 (tianeptine, **93**) 与安奈普汀代谢途径相似,但由于其日服用剂量仅为 37.5 mg,肝毒性较低,仍然是临床重要的抗精神病治疗药物^[47]。

对氯氮平 (51) 毒性规避的另一种方法是提高活性,降低服用剂量。奥氮平 (olanzapine, 94) 是应用此种策略的成功例子,其日服用剂量从最高 900 $\mathrm{mg}\cdot\mathrm{d}^{-1}$ 降低到 $10~\mathrm{mg}\cdot\mathrm{d}^{-1}$,下降了 90 倍 (图 22)。由于奥氮平具有良好的临床疗效和安全性,在 2010 年全美 top200

图 21 安奈普汀和噻奈普汀

图 22 氯氮平和奥氮平

销售药物中排名第13。

4 结论

随着对新药安全性要求的日益增高, 安全性研 究在整个药物研发物过程中所占的比重也日益加大。 对大量药物毒副作用研究发现,由警惕结构代谢出 的活性代谢物是诱发药物毒性的关键因素。鉴别出警 惕结构并对警惕结构进行合理结构改造,减少活性 代谢物的产生是许多制药公司进行先导化合物结构 优化时采取的重要结构改造策略。熟悉常见警惕结构, 了解对这些警惕结构的基本改造策略, 对于药物的 安全性评价研究和先导化合物结构优化具有重要意 义。虽然警惕结构的存在增加了药物的毒性风险,同 时活性代谢物与药物毒性有着密切的联系, 但并不 是所有的活性代谢物都会引发药物的毒副作用。目前 尚不能精准预测含有警惕结构是否一定会在体内代 谢生成活性代谢物诱发毒性, 但是随着对活性代谢 物引发药物毒性机制的深入研究和阐明、势必给警 惕结构的化学结构改造提供明确的方向和适合的方 法, 使其成为合理药物设计与改造的有力工具。

References

- [1] Lasser KE, Allen PD, Woolhandler SJ, et al. Timing of new black box warnings and withdrawals for prescription medications [J]. J Am Med Ass, 2002, 287: 2215–2220.
- [2] Nassar AEF, Kamel AM, Clarimont C. Improving the decision-making process in structural modification of drug candidates
 [J]. Drug Discov Today, 2004, 9: 1055–1064.
- [3] Fieser LF. Carcinogenic activity, structure, and chemical reactivity of polynuclear aromatic hydrocarbons [J]. Am J Cancer, 1938, 34: 37–124.
- [4] Kalgutkar AS, Soglia JR. Minimizing the potential for metabolic activation in drug discovery [J]. Expert Opin Drug Metab Toxicol, 2005, 1: 91–142.
- [5] Matzinger P. The danger model: a renewed sense of self[J]. Science, 2002, 296: 301–305.

- [6] Hess DA, Sisson ME, Suria H, et al. Cytotoxicity of sulfonamide reactive metabolites: apoptosis and selective toxicity of CD8(+) cells by the hydroxylamine of sulfamethoxazole [J]. FASEB J. 1999, 13: 1688–1698.
- [7] Xu JJ, Diaz D, O'Brien PJ. Applications of cytotoxicity assays and pre-lethal mechanistic assays for assessment of human hepatotoxicity potential [J]. Chem Biol Interact, 2004, 150: 115–128.
- [8] Pumford NR, Halmes NC. Protein targets of xenobiotic reactive intermediates [J]. Annu Rev Pharmacol Toxicol, 1997, 37: 91–117.
- [9] Yuan L, Kaplowitz N. Glutathione in liver diseases and hepatotoxicity [J]. Mol Aspects Med, 2009, 30: 29–41.
- [10] Jollow DJ, Mitchell JR, Potter WZ, et al. Acetaminophen-induced hepatic necrosis.
 [2] Role of covalent binding *in vivo* [3] J Pharmacol Exp Ther, 1973, 187: 195–202.
- [11] Jollow DJ, Thorgeirsson SS, Potter WZ, et al. Acetaminopheninduced hepatic necrosis. 6. Metabolic disposition of toxic and nontoxic doses of acetaminophen [J]. Pharmacology, 1974, 12: 251–271.
- [12] Prescott LF. 3rd Lilly prize lecture. University of London, January, 1979. The nephrotoxicity and hepatotoxicity of antipyretic analgesics [J]. Br J Clin Pharmacol, 1979, 7: 453-462.
- [13] Wirth PJ, Dybing E, Vonbahr C, et al. Mechanism of *N*-hydroxyacetylarylamine mutagenicity in the Salmonella test system-metabolic-activation of *N*-hydroxyphenacetin by liver and kidney fractions from rat, mouse, hamster, and man [J]. Curr Mol Pharmacol, 1980, 18: 117–127.
- [14] Keesey J, Bein M, Mink J, et al. Chest radiography, tomography, and computed tomography for detection of thymoma in myasthenia-gravis [J]. Neurology, 1978, 28: 371
- [15] Neftel KA, Woodtly W, Schmid M, et al. Amodiaquine induced agranulocytosis and liver-damage [J]. Br Med J, 1986, 292: 721–723.
- [16] O'Neill PM, Shone AE, Stanford D, et al. Synthesis, antimalarial activity, and preclinical pharmacology of a novel series of 4'-fluoro and 4'-chloro analogues of amodiaquine. Identification of a suitable "back-up" compound for N-tert-butyl isoquine [J]. J Med Chem, 2009, 52: 1828–1844.
- [17] Kassahun K, Pearson PG, Tang W, et al. Studies on the metabolism of troglitazone to reactive intermediates *in vitro* and *in vivo*. Evidence for novel biotransformation pathways involving quinone methide formation and thiazolidinedione ring scission [J]. Chem Res Toxicol, 2001, 14: 62–70.
- [18] Kalgutkar AS, Vaz AND, Lame ME, et al. Bioactivation of

- the nontricyclic antidepressant nefazodone to a reactive quinoneimine species in human liver microsomes and recombinant cytochrome P4503A4 [J]. Drug Metab Dispos, 2005, 33: 243–253.
- [19] Bauman JN, Frederick KS, Sawant A, et al. Comparison of the bioactivation potential of the antidepressant and hepatotoxin nefazodone with aripiprazole, a structural analog and marketed drug [J]. Drug Metab Dispos, 2008, 36: 1016–1029.
- [20] Damsten MC, de Vlieger JSB, Niessen WMA, et al. Trimethoprim: novel reactive intermediates and bioactivation pathways by cytochrome P450s [J]. Chem Res Toxicol, 2008, 21: 2181–2187.
- [21] Li XH, Kamenecka TM, Cameron MD. Bioactivation of the epidermal growth factor receptor inhibitor gefitinib: implications for pulmonary and hepatic toxicities [J]. Chem Res Toxicol, 2009, 22: 1736–1742.
- [22] Wang J, Davis M, Li F, et al. A novel approach for predicting acyl glucuronide reactivity *via* Schiff base formation: development of rapidly formed peptide adducts for LC/MS/MS measurements [J]. Chem Res Toxicol, 2004, 17: 1206–1216.
- [23] Walker GS, Atherton J, Bauman J, et al. Determination of degradation pathways and kinetics of acyl glucuronides by NMR spectroscopy [J]. Chem Res Toxicol, 2007, 20: 876– 886
- [24] Baba A, Yoshioka T. Structure-activity relationships for the degradation reaction of 1-beta-O-acyl glucuronides. Part 3: electronic and steric descriptors predicting the reactivity of aralkyl carboxylic acid 1-beta-O-acyl glucuronides [J]. Chem Res Toxicol, 2009, 22: 1998–2008.
- [25] Tadao Y, Akiko B. Structure-activity relationships for the degradation reaction of 1-β-O-acyl glucuronides. Part 2: electronic and steric descriptors predicting the reactivity of 1-β-O-acyl glucuronides derived from benzoic acids [J]. Chem Res Toxicol, 2009, 22: 1559–1569.
- [26] Lloyd S, Hayden MJ, Sakai Y, et al. Differential in vitro hepatotoxicity of troglitazone and rosiglitazone among cryopreserved human hepatocytes from 37 donors [J]. Chem Biol Interact, 2002, 142: 57–71.
- [27] Bonierbale E, Valadon P, Pons C, et al. Opposite behaviors of reactive metabolites of tienilic acid and its isomer toward liver proteins: use of specific anti-tienilic acid-protein adduct antibodies and the possible relationship with different hepatotoxic effects of the two compounds [J]. Chem Res Toxicol, 1999, 12: 286–296.
- [28] Dansette PM, Bertho G, Mansuy D. First evidence that cytochrome P450 may catalyze both S-oxidation and epoxidation

- of thiophene derivatives [J]. Biochem Biophys Res Commun, 2005, 338: 450–455.
- [29] O'Donnell JP, Dalvie DK, Kalgutkar AS, et al. Mechanism-based inactivation of human recombinant P450 2C9 by the nonsteroidal anti-inflammatory drug suprofen [J]. Drug Metab Dispos, 2003, 31: 1369–1377.
- [30] Stepan AF, Walker DP, Bauman J, et al. Structural alert/ reactive metabolite concept as applied in medicinal chemistry to mitigate the risk of idiosyncratic drug toxicity: a perspective based on the critical examination of trends in the top 200 drugs marketed in the United States [J]. Chem Res Toxicol, 2011, 24: 1345-1410.
- [31] Obach RS, Kalgutkar AS, Ryder TF, et al. *In vitro* metabolism and covalent binding of enol-carboxamide derivatives and anti-inflammatory agents sudoxicam and meloxicam: insights into the hepatotoxicity of sudoxicam [J]. Chem Res Toxicol, 2008, 21: 1890–1899.
- [32] Shan J, Zhang B, Zhu Y, et al. Overcoming clopidogrel resistance: discovery of vicagrel as a highly potent and orally bioavailable antiplatelet agent [J]. J Med Chem, 2012, 55: 3342-3352.
- [33] Fox KAA. Acute coronary syndromes in 2010: progress from trials to practice [J]. Nat Rev Cardiol, 2011, 8: 68–70.
- [34] Liu ZC, Uetrecht JP. Clozapine is oxidized by activated human neutrophils to a reactive nitrenium ion that irreversibly binds to the cells [J]. J Pharmacol Exp Ther, 1995, 275: 1476–1483.
- [35] Uetrecht J, Zahid N, Tehim A, et al. Structural features associated with reactive metabolite formation in clozapine analogues [J]. Chem Biol Interact, 1997, 104: 117–129.
- [36] Cravedi JP, Perdudurand E, Baradat M, et al. Chloramphenicol oxamylethanolamine as an end-product of chloramphenicol metabolism in rat and humans: evidence for the formation of a phospholipid adduct [J]. Chem Res Toxicol, 1995, 8: 642– 648
- [37] Notley LM, de Wolf CJF, Wunsch RM, et al. Bioactivation of tamoxifen by recombinant human cytochrome P450 enzymes
 [J]. Chem Res Toxicol, 2002, 15: 614–622.
- [38] Adusumalli VE, Choi YM, Romanyshyn LA, et al. Isolation and identification of 3-carbamoyloxy-2-phenylpropionic acid as a major human urinary metabolite of felbamate [J]. Drug Metab Dispos, 1993, 21: 710–716.
- [39] Roecklein BA, Sacks HJ, Mortko H, et al. Fluorofelbamate [J]. Neurotherapeutics, 2007, 4: 97–101.
- [40] Smith KS, Smith PL, Heady TN, et al. *In vitro* metabolism of tolcapone to reactive intermediates: relevance to tolcapone liver toxicity [J]. Chem Res Toxicol, 2003, 16: 123–128.

- [41] Wikberg T, Vuorela A, Ottoila P, et al. Identification of major metabolites of the catechol-O-methyltransferase inhibitor entacapone in rats and humans [J]. Drug Metab Dispos, 1993, 21: 81–92.
- [42] Boelsterli UA, Ho HK, Zhou SF, et al. Bioactivation and hepatotoxicity of nitroaromatic drugs [J]. Curr Drug Metab, 2006, 7: 715–727.
- [43] Yang M, Chordia MD, Li FP, et al. Neutrophil- and myeloperoxidase-mediated metabolism of reduced nimesulide: evidence for bioactivation [J]. Chem Res Toxicol, 2010, 23: 1691-1700
- [44] Jean-François R, Deniz A, Nancy G, et al. Analogues of

- nimesulide: design, synthesis, and *in vitro* and *in vivo* pharmacological evaluation as promising cyclooxyge nase 1 and 2 inhibitors [J]. J Med Chem, 2009, 52: 5864–5871.
- [45] Uetrecht J. Prediction of a new drug's potential to cause idiosyncratic reactions [J]. Curr Opin Drug Discov Dev, 2001, 4: 55–59.
- [46] Walgren JL, Mitchell MD, Thompson DC. Role of metabolism in drug-induced idiosyncratic hepatotoxicity [J]. Crit Rev Toxicol, 2005, 35: 325–361.
- [47] Fromenty B, Pessayre D. Inhibition of mitochondrial betaoxidation as a mechanism of hepatotoxicity [J]. Aliment Pharmacol Ther, 1995, 67: 101–154.

Acta Pharmaceutica Sinica B

《药学学报》英文刊简介

Acta Pharmaceutica Sinica B (CN:10-1171/R, ISSN:2211-3835)是由中国药学会和中国医学科学院药物研究所共同主办,主编为中国医学科学院药物研究所所长蒋建东教授。本刊是由《药学学报》编辑部与荷兰 Elsevier B.V.出版公司合作出版的药学综合性英文期刊,是《药学学报》的系列期刊,创刊于 2011 年 6 月。其办刊宗旨是搭建世界药学前沿和高端学术交流平台,引领和促进本学科的发展,展示中国学者在药学领域研究的特色和成果,增强其国际影响力,推动我国药学事业的发展。报道范围覆盖化学药物、中药和天然药物、抗生素、蛋白质、多肽类药物、生物技术药物等的合成、分离鉴定、质量控制、药理、制剂、代谢等的原创性、创新性科研成果,栏目设综述与述评、研究论文、研究简报。

Acta Pharmaceutica Sinica B 已被国外数据库收录,包括: Chemical Abstracts, Scopus, Excerpta Medica, Abstract Journal, DOAJ, Pubget, Free Medical Journals, JournalTOCs, ABC- Chemistry: Free Chemical Information, Worldcat等。2012年荣获中国科协"优秀国际科技期刊三等奖——创办英文科技期刊项目的支持。

Acta Pharmaceutica Sinica B 采用开放获取 (OA) 出版模式,全世界读者可以免费阅读和下载本刊发表的文章全文。期刊内容在世界上最大的出版平台 Science Direct 发布,论文内容传播速度快、范围广、影响大。采用国际通用的英文投审稿系统,1 个月完成审稿,4-5 个月上线出版。

目前不收取版面费和审稿费,稿酬从优;免费为所录用的非英语母语作者的文章进行语言润色修改,并根据文章质量及被引用情况,评选优秀论文,向优秀论文的作者颁发荣誉证书和奖金。

编辑部地址:北京市先农坛街1号 《药学学报》编辑部 邮编 100050

E-mail: yxxb@imm.ac.cn 电 话: 010-63026192

网 址:http://www.elsevier.com/locate/apsb; www.yxxb.com.cn

欢迎广大药学研究者下载阅读全文并踊跃投稿: