

R 语言-4

郑泽靖 zzjstat2023@163.com

北京师范大学统计学院

2025 年 11 月 30 日

R 语言中的条件语句

在 R 语言中，常用条件控制语句是 `if` 语句，它有三种主要形式。

- (1) 单条件 (`if`)：基础判断。
- (2) 复合条件 (`if/else`)：二选一判断。
- (3) 多条件 (`if/else if/else`)：多重分支判断。

单条件语句 (if)

调用格式：

```
1 if (条件表达式) {  
2     # 仅当条件表达式为 TRUE 时执行  
3     程序代码  
4 }
```

执行过程：若“条件表达式”成立（结果为 TRUE），则执行“程序代码”；否则，跳过执行。

单条件语句示例

```
1 x <- 1 # 初始值
2
3 if (x < 1) { # 1 < 1 为 FALSE
4     x <- x + 1
5 }
6 print(x) # x 仍为 1
7
8 if (x < 2) { # 1 < 2 为 TRUE
9     x <- x + 1
10 }
11 print(x) # x 变为 2
```

要点提示：条件表达式必须返回一个 ** 长度为 1 的逻辑值 ** (TRUE 或 FALSE)。若输入长度大于 1 的向量，将仅检查第一个元素，并给出警告。

复合条件语句 (if/else)

调用格式：

```
1 if (条件表达式) {  
2     程序代码1 # 条件成立时执行  
3 } else {  
4     程序代码2 # 条件不成立时执行  
5 }
```

注意事项：

- else 必须紧跟在 if 代码块的右花括号 } 之后，并在同一行。

多条件语句 (`if/else if/else`)

调用格式：

```
1 if (条件表达式1) {  
2     程序代码1  
3 } else if (条件表达式2) {  
4     程序代码2  
5 } else {  
6     程序代码3 # 以上条件都不满足时执行  
7 }
```

执行过程：程序依次检查条件表达式，一旦发现某个条件成立，则执行相应的程序代码，**然后跳出整个结构**。

多条件语句示例：判断数字符号

编写代码判断一个数字是正数、负数还是零。

```
1 x <- -5
2 sign_status <- ""
3
4 if (x > 0) {
5     sign_status <- "正数"
6 } else if (x < 0) { # 检查是否为负数
7     sign_status <- "负数"
8 } else {           # 既不大于 0 也不小于 0，则为 0
9     sign_status <- "零"
10 }
11 print(sign_status) # 输出 "负数"
```

循环语句概述

循环语句用于重复执行一段程序代码，是实现迭代和批量操作的重要手段。R 语言主要提供两种循环语句：

- **for** 循环：适用于已知重复次数或需要遍历向量元素的场景。
- **while** 循环：适用于重复次数不确定，依赖条件表达式来控制终止的场景。

for 循环语句

调用格式：

```
1 for(i in 向量 v) {  
2     # 循环体 expr  
3 }
```

执行过程：

- ① 循环变量 i 依次取向量 v 中的每一个元素值。
- ② 每取一个值，就执行一次循环体内的程序代码。

while 循环语句

调用格式：

```
1 while(条件表达式) {  
2     循环体  
3     # 确保循环体内有能改变条件表达式的代码，防止死循环  
4 }
```

执行过程：

- ① 计算条件表达式。
- ② 若为 TRUE，则运行循环体，然后返回第 1 步。
- ③ 若为 FALSE，则结束循环。

示例：模拟随机变量 X (掷骰子直到 6 点)

模拟 X : 掷骰子，直到掷出 6 点为止，记录掷骰子的次数 X 。

使用 while 循环和 break 语句：

```
1 X_observations <- numeric(10) # 存储 10 次观测值
2 for(i in 1:10) {
3     n <- 0 # 实验次数
4     while(TRUE) { # 设置无限循环
5         n <- n + 1
6         y <- sample(1:6, 1) # 模拟掷骰子
7         if (y == 6) { # 满足终止条件
8             X_observations[i] <- n
9             break # 终止 while 循环
10        }
11    }
12 }
13 print(X_observations) # 显示 10 次模拟结果
```

函数 (Function) 定义

函数是封装代码逻辑，实现代码重用和模块化的重要工具。

```
1 name <- function(arg1, arg2, ...) {  
2     # 函数体：程序代码  
3     return(result) # 可选，但推荐使用  
4 }
```

- **name**: 自定义函数名。
- **arg1, ...**: 函数的输入参数。
- **return(result)**: 显式指定函数返回值。若省略 return， 默认返回函数体中最后一行代码的计算结果。

函数示例：计算前 n 个自然数之和

使用公式法定义函数 mysum：

```
1 mysum <- function(n) {  
2     # 检查输入是否为正整数  
3     if (n < 1 | n != round(n)) {  
4         stop("参数n必须是正整数。")  
5     }  
6     s <- n * (n + 1) / 2  
7     return(s)  
8 }  
9  
10 # 调用示例  
11 print(mysum(50))  
12 # 输出 [1] 1275
```

定积分计算：integrate 函数

R 语言通过内置的 `integrate` 函数进行一元函数的数值积分。

计算定积分 $\int_0^1 x^2 \, dx$:

```
1 # integrate 的第一个参数是一个函数对象
2 result <- integrate(function(x) x^2,
3                         lower = 0, upper = 1)
4 print(result)
```

运行结果：

$\$value = 0.3333333 \text{ with absolute error} < 3.7 \times 10^{-15}$

注意：积分的返回值是一个包含结果和误差信息的列表。

均匀分布 $U(a, b)$ 的期望值

设随机变量 $\xi \sim U(0, 60)$, 理论期望值 $E(\xi) = \frac{0+60}{2} = 30$ 。

使用积分计算 $E(\xi) = \int_{-\infty}^{\infty} x \cdot f(x)dx$:

```
1 # f(x) 为均匀分布的密度函数 dunif(x, min, max)
2 result <- integrate(function(x)
3                         x * dunif(x, min = 0, max = 60),
4                         lower = -Inf, upper = Inf)
5 print(result$value)
```

计算结果:

$$E(\xi) \approx 30.00000 \text{ (高精度逼近)}$$

概率分布函数概述 (d/p/q/r)

在 R 中，大多数概率分布函数都遵循 **d/p/q/r** 的命名规则：

- `dxxx(x)`: **D**ensity / **D**istribution function (概率密度或概率质量函数)。
- `pxxx(q)`: **P**robability function (累积分布函数 CDF)，表示 $P(X \leq q)$ 。
- `qxxx(p)`: **Q**uantile function (分位数函数)，求解 $F(x) = p$ 的 x 值。
- `rxxx(n)`: **R**andom number generation (随机数生成函数)。

(xxx 为分布的缩写，如 ‘norm’，‘binom’，‘unif’ 等)

二项分布 (Binomial) 示例

- `dbinom(x, size, prob)`
- `pbinom(q, size, prob)`
- `rbinom(n, size, prob)`

```
1 > dbinom(5, size = 10, prob = 0.5)
2 # P(X=5) = 0.246
3 > pbinom(5, size = 10, prob = 0.5)
4 # P(X<=5) = 0.623
5 > rbinom(2, size = 10, prob = 0.5)
6 # [1] 7 8 (示例值)
```

正态分布 (Normal) 示例

- `dnorm(x, mean, sd)`
- `pnorm(q, mean, sd)`
- `rnorm(n, mean, sd)`

```
1 > dnorm(0.5, mean = 0, sd = 1)
2 # 0.3520...
3 > pnorm(1.96, mean = 0, sd = 1)
4 # P(Z<=1.96) = 0.975
5 > rnorm(3, mean = 0, sd = 1)
6 # [1] -0.62... 1.03... 0.70...
```

练习题：斐波那契数列函数

编写一个名为 `fibonacci` 的 R 函数，该函数接受一个正整数 n 作为输入参数，并返回一个长度为 n 的斐波那契数列。

斐波那契数列定义：

$$F_0 = 0, F_1 = 1, F_n = F_{n-1} + F_{n-2} \quad (n \geq 2)$$

示例：如果输入 $n = 5$ ，则输出应为：

```
[1] 0 1 1 2 3
```

提示：

- 使用 `numeric()` 函数初始化结果向量。
- 使用 `if` 语句处理 $n = 1$ 和 $n = 2$ 的边界情况。
- 使用 `for` 循环来计算 $n \geq 3$ 的值。

Thanks!