

バイオインフォマティクス人材育成カリキュラム(次世代シークエンサ)速習コース

1-3 UNIX 続)UNIXの基礎の理解/Linux導入









情報・システム研究機構 ライフサイエンス統合データベースセンター Database Center for Life Science (DBCLS), Research Organization of Information and Systems (ROIS)



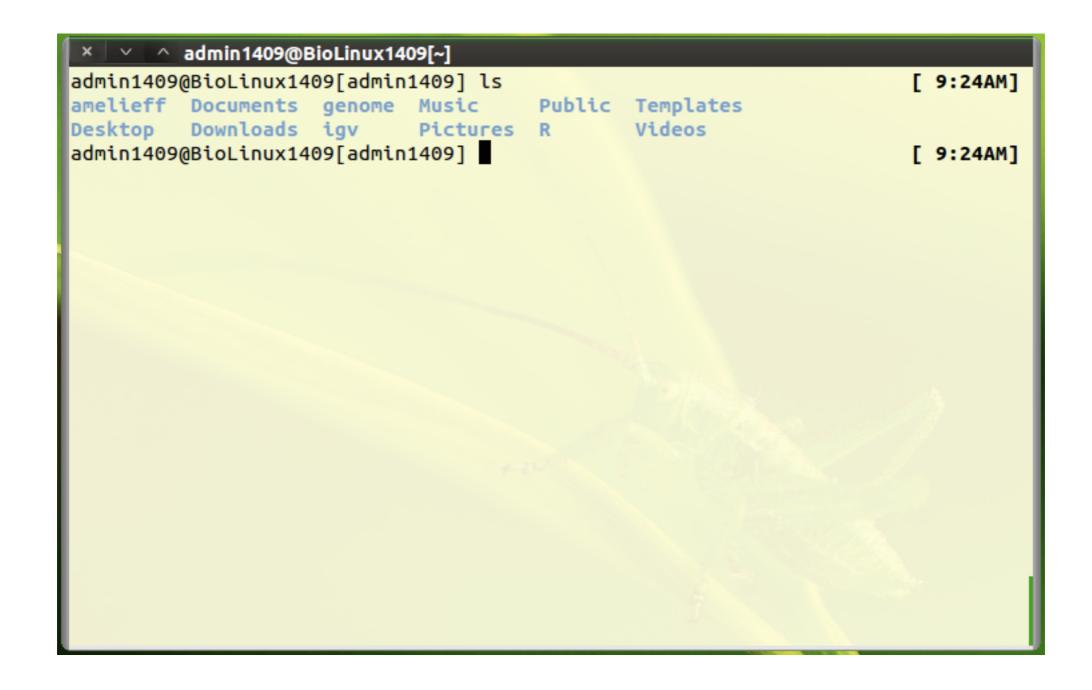


いよいよ最初のコマンド

ターミナルを立ち上げて

えるえす ls

ls (list):ファイルのリストを表示する



次のことをそれぞれやってみましょう

```
ls igv
ls -1
ls -la
ls -la igv
```

admin1409@BioLinux1409[admin1409] ls -la igv

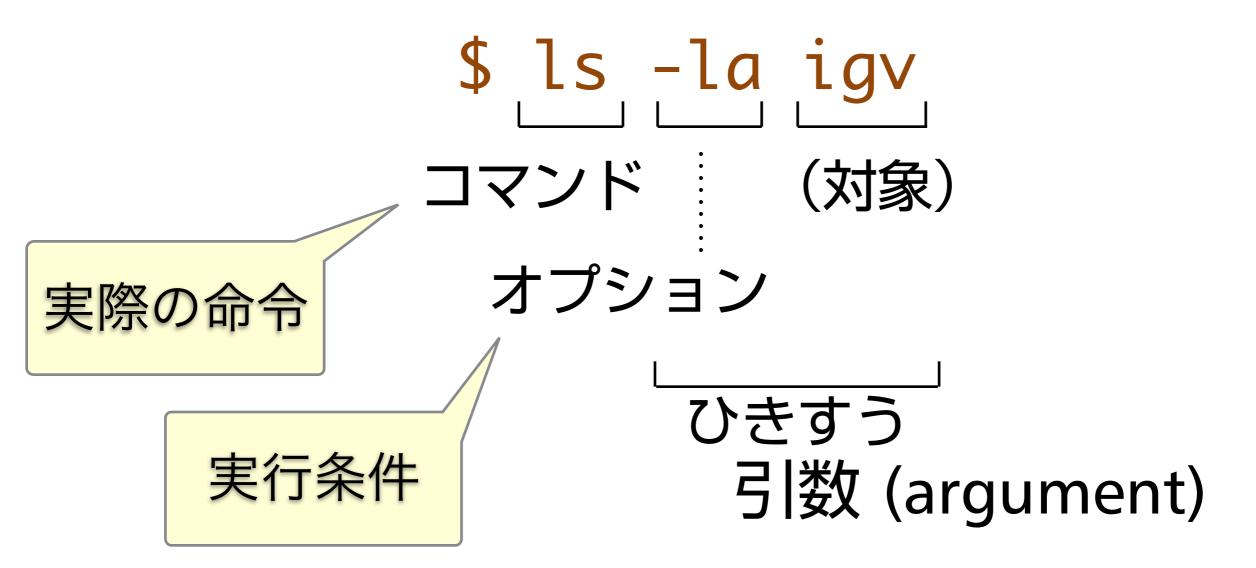
ユーザー名 マシン名 いまいるところ (カレントディレクトリ)

プロンプト (prompt) ※ 自分流に設定可能

\$と略す 例: \$ls -la igv

※ \$ は入力しない

スーパーユーザー (root) のときは # と略す 例: # reboot



```
例:
```

(意) フォーマットはfastq

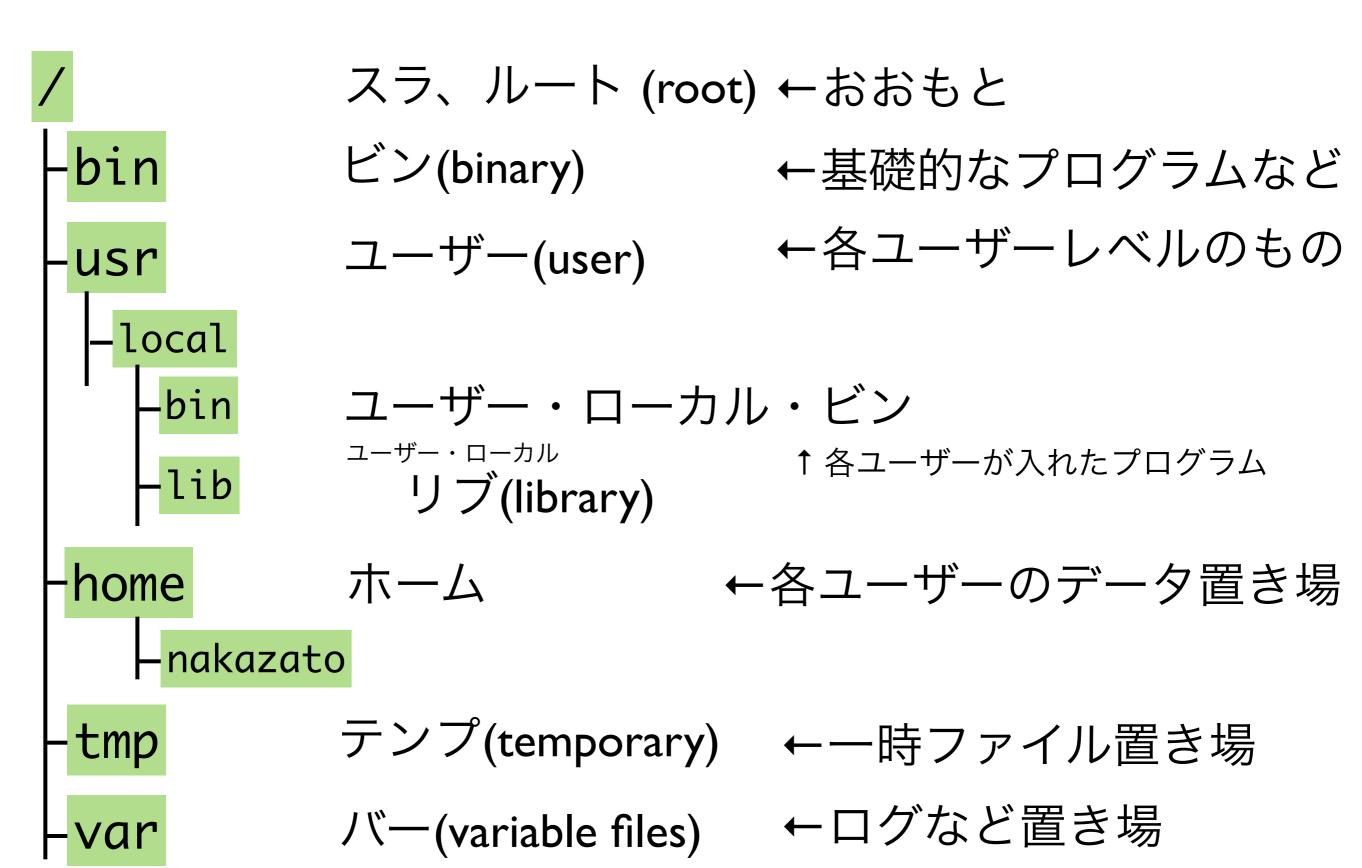
\$ fastqc --format fastq ...

長いオプションもあります

\$ fastqc -f fastq 1K_SRR518891_1.fastq -o rnaseq

引数はカタマリごとなら入れかえてもよい

ディレクトリ構造



admin1409@BioLinux1409[admin1409] ls -la igv

- \$ pwd
 /home/admin1409
 \$ cd igv
- \$ pwd ← カレントディレクトリ表示 (positioning working directory) / home/admin1409/igv

ディレクトリの指定あれこれ

```
/
-<mark>home</mark>
-<mark>admin1409 ←</mark> 自分用のデータ置き場 =ホームディレクトリ
※ ~ (ちるだ)で略します
```

\$ cd → ホームディレクトリに戻ります。つまり \$ cd ~

```
カレントディレクトリは . 例: $ cd ..
ひとつ上のディレクトリは .. → 1つ上のディレクトリへ
```

ディレクトリの区切りには / を用います。

例: \$ cd ~/igv/genomes

絶対パスと相対パス

← 絶対パスはここから usr 絶対パス ↑ / から始まる ↓相対パスは home ルートからの指定 ここから admin1409 相対パス

※ pass でなくて path です

\$ cd /usr/local/bin

\$ cd igv/genomes ↑ / から始まらない

カレントディレクトリからの指定

基本コマンド・その1

- •ls, cd, pwd
- •mv, cp, rm
- •mkdir
- •cat, more/less, head/tail

権限 (Permission)

```
$ ls -l igv
drwxrwxr-x 2 admin1409 admin1409 4096 Jul 16 16:50 bam
-rw-rw-r-- 1 admin1409 admin1409 7058 Jul 30 14:26 igv.log
```

- ↑ 頭が r, w, x の3文字 3つ組
- ↑ 頭が d だとディレクトリ
 - ユーザー、グループ、その他で3組
 - Read, Write, eXecute で3文字
 - chmod:権限変更、chown:所有者変更
 - su:root になる、sudo:一時的にrootになる

プログラムを書いても実行権限をつけないと動かないのです

\$ chmod 755 tekitou.pl

各数字は...

read = 4

write = 2

として足し算する

execute = 1

× ユーザー/グループ/その他 で3つ組

この例だと rwxr-xr-x になる

- ※ ユーザーは読み書き実行、グループと一般は読みと実行で書けない
- ※ \$ sudo chmod +x tekitou.pl という書き方もある
- ※ 自分に chmod する権限がないときは \$ sudo chmod 755 tekitou.pl

基本コマンド・その2

- grep
- sort/uniq
- シンボリックリンク In

リダイレクト、パイプ

\$ bowtie2 -x hg19. -U SRR1294107.fastq 画面に出力されちゃった。

@SQ SN:ILN:230218

@SQ SN:II LN:813184

\$ bowtie2 -x hg19. -U SRR1294107.fastq > SRR1294107.sam ファイルに出力 ↑

\$ sort result.txt | uniq

↑ プログラム処理結果を次のプログラムに渡す

ソフトのインストールなど

ダウンロードする

きちんとダウンロードできたか確認

解凍

インストール

ダウンロード

\$ wget ファイルのありか

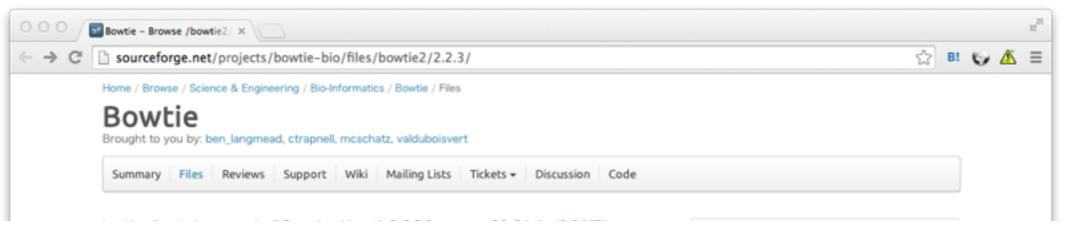
\$ wget http://cufflinks.cbcb.umd.edu/downloads/cufflinks-2.2.1.tar.gz

\$ curl ファイルのありか

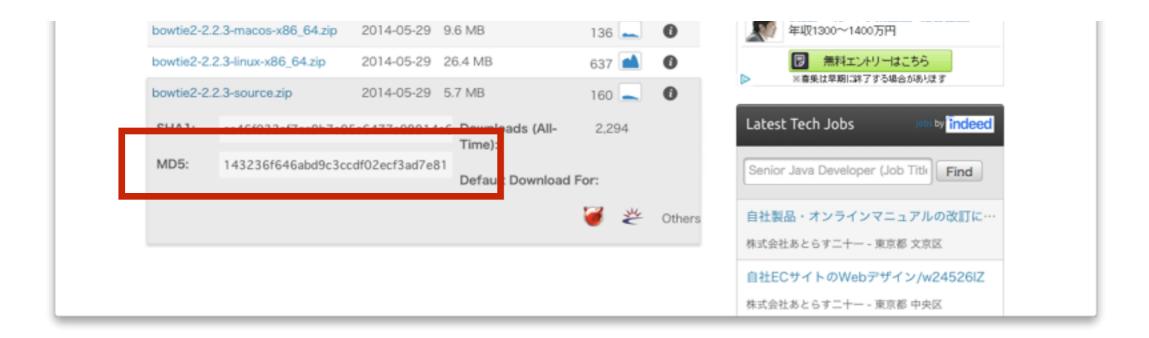
どちらか一方でよいが、どちらかしかない機能も

ダウンロードの確認

チェックサム (check sum)



\$ md5sum bowtie2-2.2.3-source.zip
143236f646abd9c3ccdf02ecf3ad7e81 bowtie2-2.2.3-source.zip



ファイルの解凍

\$ gunzip hoge.gz

\$ tar xvzf hoge.tar.gz

\$ unzip hoge.zip

プログラムのインストール

通称:ソースから入れる

まずはドキュメント(INSTALL等)を見るべし!

- ↓これは一般例で例外も多々あります
- \$ wget ファイル名
- \$ md5sum
- \$ tar xvzf
- \$ cd hoge
- \$./configure ← えてして --help つけると 設定可能内容を表示
- \$./make
- \$ sudo ./make install

パッケージのインストール

configure | make | make install はメンドい。 依存関係もややこしい。

> ・ パッケージとしてまとめてくれていたり。

apt-get install tekitou (今回は =Ubuntu)

※ ディストリビューションにより apt-get でなく yum, port, zypper など

将来、一度は出会います

\$ bwa

zsh: command not found: bwa

プログラムがないと言われる

\$ bwa

Program: bwa (alignment ...

Version: 0.6.1-r104

新しいバージョンを入れたのに 古いのが実行される

それはパス (path) です

プログラム等をさがす場所と順番

\$./amelieff/ngs/bwa-0.7.10/bwa

Program: bwa (alignment ...

Version: 0.7.10-r789

場所も指定して実行

PATH="~/amelieff/ngs/bwa-0.7.10:\$PATH"

設定ファイルに 書いておく

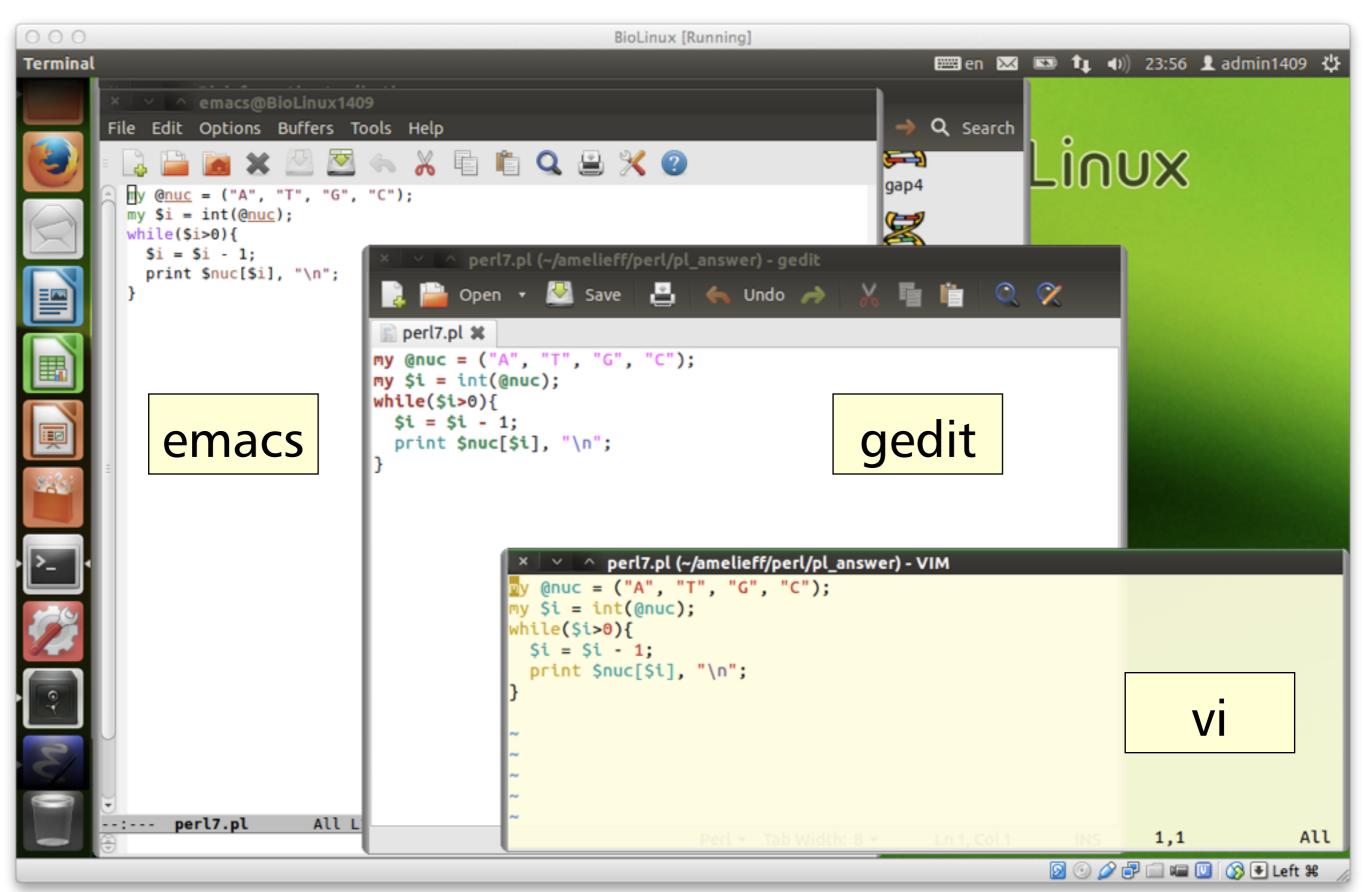
設定ファイル

. から始まるファイル zsh だと.zshrc など bash だと.bashrc など

PATH="/usr/local/src/ngsplot/bin:<u>\$PATH"</u> すでにある設定↑

\$ export すると現在の設定が確認できる ls で -l オプションをつけると表示される

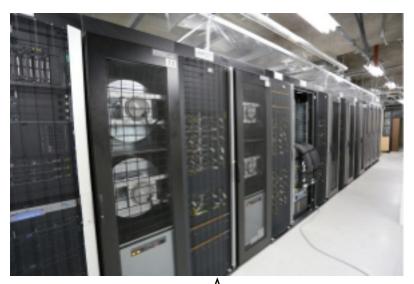
エディター (editor)

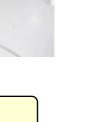


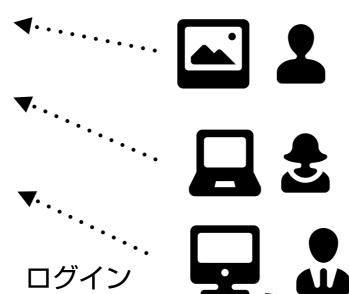
基本コマンド・その3

- fg, bg
- top, ps, kill, jobs

他のマシンにログインして作業







計算はここで

表示だけ

ログイン

\$ ssh ユーザー名@マシン名

ファイルコピー \$ scp コピー先 ユーザー名@マシン名:コピー先

ログアウト

\$ exit

screen コマンド







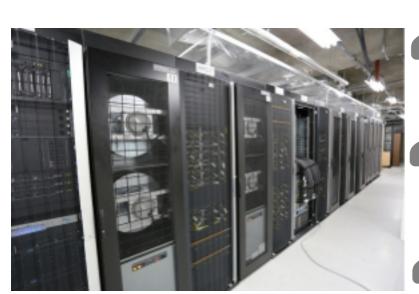


接続 切れちゃった





以後の計算はウヤムヤに...















接続 切れちゃった





\$ ssh ... \$ screen -r





続きの作業ができる

\$ screen -d で おまかせ可能

困ったときは

\$ man コマンド名 (manual)

(今日紹介したような Linuxのコマンドの場合)

\$ コマンド名 -help

とかなんとか

(自分でインストールした プログラムの場合)

ググれ。