## Batlle Casellas, Alex

1. Sigui Y una variable aleatòria Gamma amb funció de densitat:

$$f\left(y;\beta\right) = \frac{\beta^{18.7}}{\Gamma\left(18.7\right)} \cdot y^{17.7} \cdot e^{-\beta \cdot y}$$

amb  $y \ge 0$  i el paràmetre  $\beta > 0$  desconegut.

A més teniu y, una mostra aleatòria de Y, al fitxer "Batlle Casellas, Àlex E1 ap1.csv" que hi ha al campus virtual. Trobeu la funció de versemblança  $\mathcal{L}(\beta; y)$  i també la funció de log-versemblança  $\ell(\beta; y)$  que va millor per fer els càlculs.

(a) Quin dels dos valors és més versemblant,  $\beta=18$  o  $\beta=19$ ?

Contesteu:

- 1) El valor de  $\mathcal{L}(18; y)$  ha donat:
- 2) El valor de  $\ell$  (19;  $\boldsymbol{y}$ ) ha donat:
- 3) Quin dels dos valor de  $\beta$ , {18, 19} és més versemblant:
  - a)  $\beta = 18$
  - b)  $\beta = 19$
  - c) No es pot respondre.
- (b) Calculeu  $\hat{\beta}$ , que és l'estimació pel mètode de màxima versemblança del paràmetre  $\beta$ .

Contesteu:

- 4) El valor de  $\hat{\beta}$  ha donat: . Nota: En cas que no n'hi hagi o no sigui únic contesteu -1.
- 5)
- 6)
- (c) Trobeu  $IC_{95\%}(\beta)$ , l'interval de confiança asimptòtic de  $\beta$ , amb una confiança del 95% i dues cues iguals.

Contesteu:

- 7)L'extrem inferior de  $IC_{95\%}(\beta)$  és:
- 8) L'extrem superior de  $IC_{95\%}(\beta)$  és:
- 9)La variància asimptòtica de  $\hat{\beta}$  és:
- (d) Utilitzant el test de raó de versemblança contrasteu les hipòtesis:

$$H_0: \beta = 18$$
  
 $H_1: \beta \neq 18$ 

Contesteu:

- 10) L'estadístic de contrast del test a donat:
- 11) El  $p_{valor}$ del test ha donat:
- 12)Escolliu l'opció correcte:
  - a) No n'estem segurs però acceptem que  $\beta \neq 18$
  - b) Estem segurs que  $\beta \neq 18$
  - c) No n'estem segurs però acceptem que  $\beta=18$
  - d) Estem segurs que  $\beta = 18$
  - e) Cap de les anteriors

especialistes, amb els tomàquets presentats en trossos sencers, ell, també de 20, però amb els tomàquets triturats. va valorar els 4 genotips. Els resultats els teniu al fitxer "Batlle Casellas, Àlex E1 ap2.csv' al, cada fila correspon a les puntuacions d'un tastador. el la variable aleatòria $acidesa_{i,j} \sim N\left(\mu_{i,j}, \sigma^2\right)$ on $i$ indica el genotip i $j \in (sencer, triturat)$ ció del 1%. combinacions de genotip i panell (forma), calculeu-ne les mitjanes i les desviacions tipus. el en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és:  a en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és:  b) G465  c) G537  d) G436  de triturat ha obtingut una valoració més dispersa és:  b) G465  c) G537  d) G436  acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides $IC_{99\%}(\sigma)$
ell, també de 20, però amb els tomàquets triturats. va valorar els 4 genotips. Els resultats els teniu al fitxer "Batlle Casellas, Àlex E1 ap2.csv' nal, cada fila correspon a les puntuacions d'un tastador. ne la variable aleatòria $acidesa_{i,j} \sim N\left(\mu_{i,j},\sigma^2\right)$ on $i$ indica el genotip i $j \in (sencer, triturat)$ ció del 1%. nombinacions de genotip i panell (forma), calculeu-ne les mitjanes i les desviacions tipus. ne en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és:  a b) G465  b) G465  c) G537  d) G436  rés baixa dels genotips triturats és:  e triturat ha obtingut una valoració més dispersa és:  b) G465  c) G537  d) G436  acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decides $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ i $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$ , intervals decides $IC_{99\%}\left(\sigma\right)$
va valorar els 4 genotips. Els resultats els teniu al fitxer "Batlle Casellas, Àlex E1 ap2.csv' nal, cada fila correspon a les puntuacions d'un tastador. Le la variable aleatòria $acidesa_{i,j} \sim N\left(\mu_{i,j},\sigma^2\right)$ on $i$ indica el genotip i $j \in (sencer, triturat)$ ció del 1%. Combinacions de genotip i panell (forma), calculeu-ne les mitjanes i les desviacions tipus. Le en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és:  ab b) G465  b) G465  c) G537  d) G436  de triturat ha obtingut una valoració més dispersa és:  b) G465  c) G537  d) G436  de triturat ha obtingut una valoració més dispersa és:  acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers en calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers en calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers en calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos sencers en calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genotip G495 en trossos en calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$ intervals de acidesa del genot
ció del 1%. combinacions de genotip i panell (forma), calculeu-ne les mitjanes i les desviacions tipus. e en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és: b) G465 c) G537 d) G436 nés baixa dels genotips triturats és: e triturat ha obtingut una valoració més dispersa és: b) G465 c) G537 d) G436 acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals decides del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\sigma)$
e en trossos sencers ha obtingut la valoració més alta és: b) G465 c) G537 d) G436  nés baixa dels genotips triturats és: e triturat ha obtingut una valoració més dispersa és: b) G465 c) G537 d) G436  acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals d
b) G465 c) G537 d) G436 nés baixa dels genotips triturats és: e triturat ha obtingut una valoració més dispersa és: b) G465 c) G537 d) G436 acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de sentence del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de sentence del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de sentence de s
e triturat ha obtingut una valoració més dispersa és: b) G465 c) G537 d) G436 acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals d
b) G465 c) G537 d) G436 acidesa del genotip G495 en trossos sencers, calculeu $IC_{99\%}(\mu)$ i $IC_{99\%}(\sigma)$ , intervals de
als.
erior de $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ és:
rior de $IC_{99\%}\left(\mu\right)$ és:
e $IC_{99\%}\left(\sigma ight)$ és:
6, plantegeu i contrasteu el test adequat per saber si els valors esperats de l'acidesa, en le cats), són iguals o no.
estadístic de contrast ha donat:
est és:
ó correcte: segurs però acceptem que són diferents.
segurs però acceptem que són iguals.
rs que són diferents. rs que són iguals
anteriors
465 i G537 triturats, plantegeu i contrasteu el test adequat per saber si els valors esperat notips, són iguals o no.
estadístic de contrast ha donat:
est és:
•