Sequencing coverage for mutant-ABTLA light chain

	_	-	-	-		-	_			_	_	-	-	_	_	_		
	ГГ	ж ж	A A	> >	ZZ	\mathbb{Z}	п п			ГГ	× ×	A A	> >	ZZ	M			
	_	_	_	_		_				_	_	_	_		_			
	l l	ΗL	ПП	T	1 1	o o	P P			l l	T	T T	T	1 1	o o	Ь		
	~ ~ ~	~ ~ ~	_ О	Р Ф.	D D	~ `	~ ~			~ ~ ~	~ ~ ~	_ _ D	Р.	D D	> >	s s		
	00	4 4	н н	A A	× × —	F F	T T			00	4 A	ш ш	A A	× × —	H H	T T		
	~ ~	_	- A	A A .	Р —	~ ~	s s			ω ω	— ⊗ ⊗	- V	A A	Р Р	ο ο —	~ ×		
		_	-	+	_	_	_				_	_	+		_	_		
	$\infty \infty$	> >	00	D	× ×	Q Q	н н			o o	> >	00	D	× ×	ОО	н н		
	_	_	_		_	_	_			_	_	_		_	_	_		
	メス		> >	A A	IT IT	××	XX			\times \times		> >	A A	IT IT	* *	××		
	_ 		· .	~ ~	z z	~ ×	Н			_ 		∞ ∞	~ ~ —	z z	~ ~	Н		
			_	_	_	_	1					3 1 3 1	_	_	_	_		
	s s	l l	$\infty \infty$	××	zz	D D	Η			o o	l l	П	\times	zz	D D	Т		
	_	K 129.2 Parent mass error			-	-	_			_	- 5	200.1		-	_	_		
(ΣΣ	K 129.2 ent mass er			L	00	V V			M M	K 129.2	_	1 1	L	00	A A		
s only		P P Par	T T	ш ш	т т —	— О О	н н			T T	- В	L L	ш ш	т т —	— Д Д	ш ш		
pose	L A V S A G E K V T L A V S A G E K V T	_	_		_	_	_			_		_			_			
n pur	> >	o o	1 1	> >	ပ	ΤТ	CC		_	> >	s s	1 1	L 99.1	ပ	н н	ပ		
datio	_	_		_	_	_	_		With no knowledge of the true protein sequence	_	_		_	-	_	_		
r vali	* *	$\circ \circ$	Т	\times	> >	⊗ ⊗	T		ı sedı	\times	00	Т	\times	> >	⊗ ⊗	LL		
ce (fc	_	_	_	_	_	_	_		roteir	_	_	_	_	_	_	_		
duen	ш ш	G 170.3	— н н	T	>>	_ s	٠ ×		rue p	ш ш	G 170.3	T T	T	> >	~ ×	۸ <u>۲</u>		
in se	ט ט	P 17	Q Q	0 0	s s	zz	s s		thet	<u>ن</u> ن	P 17	D D	<u>ن</u> ن	s s	zz	s s		
prote	_	_	_		_	_	_		ge of	_	_	_	_	_	_	_		
true	V V	\times	ΗН	$\infty \infty$	∢ ∢	7 J	zz		wled	∢ ∢	\times	ΗН	G 87.1	∢ ∢	7 7	zz		
ing tc	~ ~	~ ~ ~	_ 	_ U	_ 	- >>	Н		o kn	~ ~	~ ~ ~	_ 		_ 	- >>	— н		
natch	_	_	_	_	_		_		Vith	_	_	_	_	_		_		
ogy n	> > _	~ ~	- x	— ਜ ਜ	. G	- C	_ R		_	_	~ ~ -	_ o o	— F F	. G	- C	_ R R		
omo	4 4 —	> >		H H	~ ×	z z _	э э			A A —	→ →		T T	~ s	z z _	ш ш		
√fter h	רו	≥ ≥	s s	Д Д	ΕΕ	00	ΥΥ			l l	≽ ≽	s s	2	н н	00	× ×		
4	_	_	_		_	_	_			_	_	_		_	_	_		
	o o	A A	D D	T T	LL	ж ж	ЭЭ			s s	A A	9 9	Г	ГГ	2 2	шш		
	~ ×	- L	T L	z z	~ ~	шш	— О	C		ο ο —	L L	T T	N 574.1	~ ~	ш ш		C	
	_	_	_		_	_	_			_	_	_	ς.	_	_	_		
	- Б	≻ ≻	— H H	Α Υ	ш ш	_ o o	_ X X	田 —		- Б	. Y	—	Y	ш ш	_ ~	_ ×	ш —	
	s s	zz	2 2	$\infty \infty$	s s	O O	T	z		s s	zz	2 2	∞	s s	<u>ن</u> ق	Т	z	
	_		_	-	_	_	_	7		_	_	_	_	-	_	-	2	ons ations
	0 -	_ ~ ~	D .	00	~ ×	D D	_ L	R 340.2		~ ~	_ X X	D .	00	~ «	D D	_ L	R 340.2	nutati / mut
	o o	24	ЬР	* *	Ь		ТТ	z		s s	~	Ь	\times	Ь		ΤГ	z	ons / r ations umps)
	_		_	_	_	_	_	_		_		_	_	-	_	-	_	Confirmed modifications / mutations Unconfirmed modifications / mutations Amino acid groups (jumps) Sequencing error Non-covered regions
	Σ Σ	7 Z	> >	0 0	ЬР	_ X X	T			M M	T 7	> >	C C	Р Р	_ X X	_ L	II, II,	d mod d gro ng err
	шш	R 554.2	<u></u>	> >	r r	≫ ≫	ΤТ	s s		V 129	R 554.2	0	> >	т т	≫ ≫	ΕЦ	s s	firmec onfirm no aci uencii -cove
			_	_	_	-	_	_				_	-	-	_	-		Con Unc Amil Seq
		_∞	o o	> >		* *	s s	* *		- г	∞	s s	7 7		* *	s s	* *	
	Q Q	_ z z	— н	- >>	- × ×	- >>	~ s	- >>		О О	_ z z	—	- >>	- s	- >>	~ ×	- >>	
ġ	13 1	13 - 13	_	13 _ 7	13 - 8	13 1	13 - 5	I _	اق.		I —	I -	· –	_	l –	I -	· –	
Contig	11	11	13	11	11	11	11	13	Contig	13	13	13	13	13	13	13	13	

		=	ı ———
	× ×××××××	< <	> >>>
7 71	T T T T T T T T T T T T T T T T T T T	ם ם	H HHH
<u> </u>	·	Δ Ω Ω Ω	
		—— · п п п	· ·
ω ω ω ω	W W W W 218.1	< < <	4 444
- · ·			
~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~	> > > > > > > > > > > > > > > > > > >	o	
\ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \			< < < < <
0 000	7 77 77	α α α α α	x xxxx
	252.1		
δ δ δ δ δ		s	* **
	7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7		
Z Z ZZ			
		E EEE	ы ыыы
	. — —		
> >> >>	δ δ δ δ δ δ δ	L L 232.2	> >>
x xxxxxx		H H H H	* **
	. –		
п ппппппп		r rrr rr	⊢ ⊢
0 000000	P		_ _ _
	934	о ооо 	<u> </u>
< < < < < <	× × × ×××××		so so
	2		
S S S S S 1.1012	3 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2		<u> </u>
> >>>>>		0 0 0 0 0 0 0 0 0	[T, [T, [T,
< < < < < <	> >>>>>>>	. — . — — — — — — — — — — — — — — — — —	H H H
		— — —	· —
_ · ·		× × × × × × × ×	
	A 386.2 A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	G G G G G G	1 11
- · · · · ·	e ————————————————————————————————————	61	_ ·
s s s s s s			zzz
	 →		- ·
w	z zzzz %;	ж ж ж ж ж ж ж	o oo
		H H H D T T T T T T T T T T T T T T T T	
	— — — — — — — — — — — — — — — — — — —	<u> </u>	
α α α α α α	₩ ₩	a aaaa	ス ス ス ス
	77.1.		. — —
S resu M M M M M M M M M M M M M M M M M M M	T T	> >>>>	
E E 276.3	8 554.2 — — — — — — — — — — — — — — — — — — —	0 0000	> > >
gy (rav			_ ·
I I I I	w	S S 2011 S S S S S S S S S S S S S S S S S S S	> > >
hou			
Defore any homology (raw SPS results) Defore any homology Defore any hom	z z z	———————	_
23 37 13 16 159 86 79 10	131 146 173 115 1178 139 140 141 167 66 66 66 67 144 1144 1144 1144	73 167 66 66 181 8 8 41 7 7 7 7 152 55 2 151 172 48 136	48 6 138 24 14 15

		ĺ	_				
z	z z z	M	147.2	- M - 262.1 - M - 147 - 147 - M - 234 - M - 253	П		
П		σ.	· σ	S S S S S S S S S S S S S S S S S S S	۵.	444	
D		>-	_ ⊁		· σ	~ ~ ~ ~ ·	
\bowtie	× ×××	H	— ⊢	T T T T T T T T T T T T T T T T T T T	H	— — — — H H H	
ط	4 444	σ.	<u>α</u>	α ½ α α α α α α	σ.	∞ ∞ ∞ — —	
h.		_				— · —	
	~ ~ ~ ~ × ×	— D	<u> </u>		L		
Ţ.		\times \times	X	K K K K K K K K K K K K K K K K K K K	×	\Join	
z	z z <u>2</u> z z z	α _	××××××××××××××××××××××××××××××××××××××	S S S S S S S S S S S S S S S S S S S	н	— —	
- E9					f .	——	
		Ω	261.1 D D C C C C C C C C C C C C C C C C C	 		— — H H	
л п	11111 1	\circ		-	- A	4 4	
<u>г</u> г г г г г г г г г г г г г г г г г г	130.5 F F F F F F F F F	D		D 210.	ы	ы ы — — —	
	275.1			 ∞		307.2	
			22 T 318.9 302.9 T T 284.9 521.2 T T 316.9	 T T T	O		
>> >>	101.1	3 ≪	W W 20.2	W W W	H	FF	
V V 220.	113.1 V V 114.9 —	S 1381.3	82 88.9 4	~ ·	 	Y Y 146.8 Y Y Y	
ω ω ω ω	o o	z	z z z z z z z z z z z	z	· σ	215.2 S S S S S S S S S S S S S S S	
4 4 4	66 V	ı			z	z z z z z z z z z z z z z z z z z z z	
 	— —	>	>>>>		н	— —— —— н н н н	
	243.3	U	00000		조 X _	R 127.	
α α α α α α	_	z	 z		ы ы —	ы ыын — ————	
H H H H		٥ "	_ ~			× × × × × × × × × × × × × × × × × × ×	
			⊙ -		_		
		_ ~ ~			— ш	— ———— — —————————————————————————————	_
000 00		шш			а а	- D - D - 87.1 - 268.2 - D	υυ
ппп п		ο ο —			× ×× 	×××× 2	ы —
ααα α α α — — — — — — — — — — — — — — —		_ ე			F F F	T T T T T 128	z z
S S - 289.1			_		 		R R 340.2
			- -			1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	
			- -		— ———		z z z
4 d d d d		>	4				F F .
T T T T		8 8 8	:		T T T T 232.2	· F F	S 252.2 S 252.1 S
		K 318.3	_		~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~	- · —	* * * * * * * * * * * * * * * * * * *
			<u>.</u>				
~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~		>>>>	> =		~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~ ~	- — — ·	>>>>
24 14 15 162 92 81	116 5 96 145 125 166	5 127 110	25 122 123 124 163 163 120 121 117 74 20	157 21 4 4 3 3 1 1 51 158 56 11	21 4 4 1 1 51 158 56	93 137 49 112 12 54 9 9 72 175 104	9 72 175 104