

TP_2_SDN_KAFANDO

October 22, 2023

```
[ ]: # TP2:
```

```
[ ]: # A. Normalisation de données
```

```
[ ]: # Importation des librairies
```

```
[2]: import numpy as np
      from sklearn import preprocessing
      from sklearn import datasets
      import matplotlib.pyplot as plt

      #PCA & LDA
      from sklearn.decomposition import PCA
      from sklearn.discriminant_analysis import LinearDiscriminantAnalysis as LDA
```

```
[13]: ## 1- Création de la matrice
      X = np.array([[1,-1,2],[2,0,0], [0,1,-1]])
      X
```

```
[13]: array([[ 1, -1,  2],
           [ 2,  0,  0],
           [ 0,  1, -1]])
```

```
[14]: ## 2- Visualisez X et calculez la moyenne et la variance de X.
      print(X)
```

```
[[ 1 -1  2]
 [ 2  0  0]
 [ 0  1 -1]]
```

```
[15]: # La moyenne
      moy = np.mean(X)
      print(moy)
```

```
0.4444444444444444
```

```
[16]: # la variance
      variance = np.var(X)
      print(variance)
```

1.1358024691358024

```
[17]: # Utilisez la fonction scale pour normaliser X
X_normalized = preprocessing.scale(X)

print(X_normalized)
```

```
[[ 0.          -1.22474487  1.33630621]
 [ 1.22474487  0.          -0.26726124]
 [-1.22474487  1.22474487 -1.06904497]]
```

```
[18]: # Calculez la moyenne de chaque colonne
mean_X = np.mean(X, axis=0)

# Calculez l'écart type de chaque colonne
std_X = np.std(X, axis=0)

# Normalisez la matrice X
X_verif = (X - mean_X) / std_X

# Affichez la matrice X normalisée
print("Matrice X normalisée :")
print(X_verif)
```

Matrice X normalisée :

```
[[ 0.          -1.22474487  1.33630621]
 [ 1.22474487  0.          -0.26726124]
 [-1.22474487  1.22474487 -1.06904497]]
```

```
[19]: """
La fonction scale normalise chaque colonne de la matrice X en soustrayant la
    ↪moyenne de chaque colonne e
t divise par l'écart type de la colonne respective comme vous pouvez le
    ↪constater dans la cellule ci dessous.
"""
```

```
[19]: "\nLa fonction scale normalise chaque colonne de la matrice X en soustrayant la
moyenne de chaque colonne e\nt divise par l'écart type de la colonne respective
comme vous pouvez le constater dans la cellule ci dessous.\n"
```

```
[20]: # 4-Calculer la moyenne et la variance de la matrice Xnormalisé.Expliquez
    ↪lerésultat obtenu.
```

```
[21]: # La moyenne
moy_XN = np.mean(X_normalized)
print(moy_XN)
```

4.9343245538895844e-17

```
[22]: # la variance
variance_XN = np.var(X_normalized)
print(variance_XN)
```

1.0

```
[26]: #Explication
      """
      La moyenne est proche de 0 et la variance est 1.
      Cela s'explique par le faite que la fonction scale a normalisé les données.
      """
```

```
[26]: "\nLa moyenne est proche de 0 et la variance est 1.\nCela s'explique par le
faite que la fonction scale a normalisé les données.\n"
```

```
[27]: # B. Normalisation MinMax
```

```
[28]: ## 1- Créez la matrice de données X2 :
X2= np.array([[1,-1,2],[2,0,0],[0,1,-1]])
X2
```

```
[28]: array([[ 1, -1,  2],
            [ 2,  0,  0],
            [ 0,  1, -1]])
```

```
[29]: ## 2-Visualisez la matrice et calculez la moyenne sur les variables.
print(X2)
```

```
[[ 1 -1  2]
 [ 2  0  0]
 [ 0  1 -1]]
```

```
[34]: #Moyennes sur les variables
# var 1
mean_col1 = np.mean(X2[:,0])
print(f'variable 1: {mean_col1}')

# var 2
mean_col2 = np.mean(X2[:,1])
print(f'variable 2: {mean_col2}')

# var 3
mean_col3 = np.mean(X2[:,2])
print(f'variable 3: {mean_col3}')
```

variable 1: 1.0

variable 2: 0.0

variable 3: 0.3333333333333333

```
[35]: # 3-Normalisez les données dans l'intervalle[0 1].Visualisez les données,
      ↪normalisées et calculez la moyenne sur les variables.
      # Utilisez la fonction MinMaxScaler pour normaliser X

      scaler = preprocessing.MinMaxScaler((0,1))
      X2_normalized = scaler.fit_transform(X2)
      print(X2_normalized)
```

```
[[0.5      0.      1.      ]
 [1.      0.5     0.33333333]
 [0.      1.      0.      ]]
```

```
[36]: #Moyennes sur les variables
      # var 1
      mean_col1 = np.mean(X2_normalized[:,0])
      print(f'variable 1: {mean_col1}')

      # var 2
      mean_col2 = np.mean(X2_normalized[:,1])
      print(f'variable 2: {mean_col2}')

      # var 3
      mean_col3 = np.mean(X2_normalized[:,2])
      print(f'variable 3: {mean_col3}')
```

```
variable 1: 0.5
variable 2: 0.5
variable 3: 0.4444444444444444
```

```
[37]: # Que constatez vous ?
      """
      Les données sont comprises entre 0 et 1 et les moyennes sur les variables sont,
      ↪égales à 0.5
      """
```

```
[37]: '\nLes données sont comprises entre 0 et 1 et les moyennes sur les variables
      sont égales à 0.5\n'
```

```
[38]: # C. visualisation de données
```

```
[39]: # 1-Chargez les données Iris
      iris = datasets.load_iris()
```

```
[40]: # 2-Visualisez le nuage de points en 2D avec des couleurs correspondant aux,
      ↪classes en utilisant toutes les combinaisons de variable

      fig, axes = plt.subplots(2, 3,figsize=(12, 8))
```

```

ax1 =axes[0,0]; ax2 =axes[0,1];ax3=axes[1,0];ax4 =axes[1,1];ax5=axes[0,2];
↪ax6=axes[1,2]

ax1.scatter(iris.data[:, 0], iris.data[:, 1], c=iris.target)
ax1.set_xlabel('sepal length')
ax1.set_ylabel('sepal width')
#ax1.xaxis.set_label_position('top')

ax2.scatter(iris.data[:, 2], iris.data[:, 3], c=iris.target)
ax2.set_xlabel('petal length')
ax2.set_ylabel('petal width')
#ax2.xaxis.set_label_position('top')
#ax2.yaxis.set_label_position('right')

ax3.scatter(iris.data[:, 0], iris.data[:, 2], c=iris.target)
ax3.set_xlabel('sepal length')
ax3.set_ylabel('petal length')

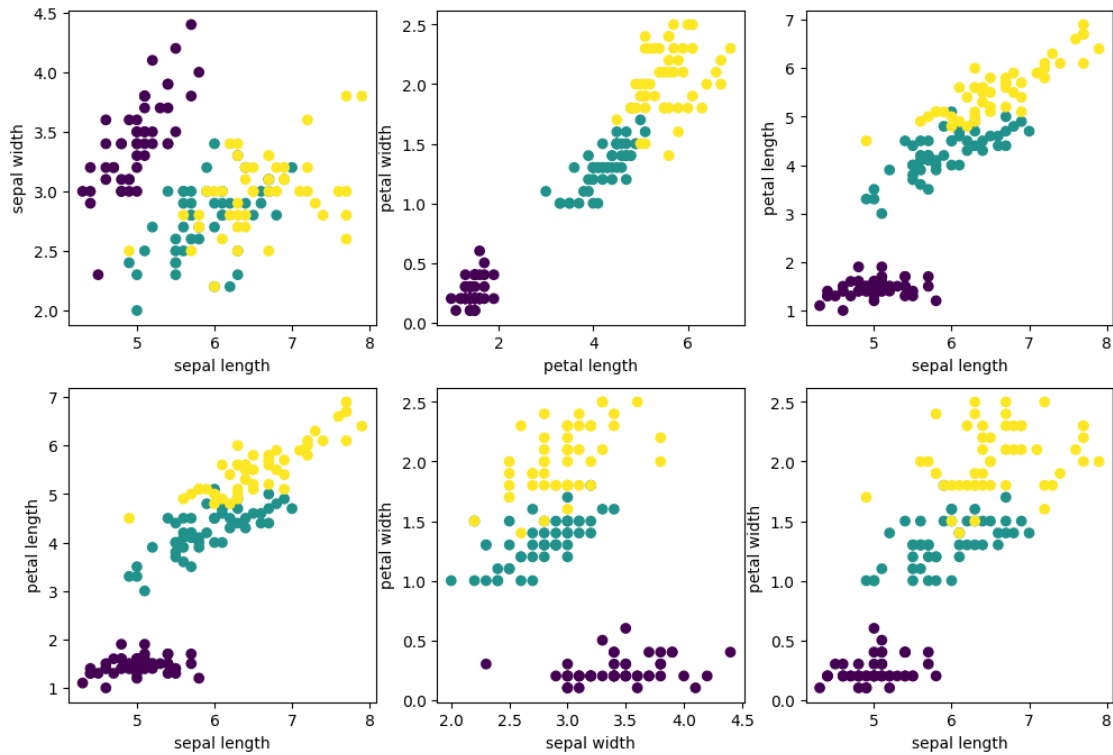
ax4.scatter(iris.data[:, 1], iris.data[:,3], c=iris.target)
ax4.set_xlabel('sepal width')
ax4.set_ylabel('petal width')
#ax4.yaxis.set_label_position('right')

ax5.scatter(iris.data[:, 0], iris.data[:, 2], c=iris.target)
ax5.set_xlabel('sepal length')
ax5.set_ylabel('petal length')

ax6.scatter(iris.data[:, 0], iris.data[:, 3], c=iris.target)
ax6.set_xlabel('sepal length')
ax6.set_ylabel('petal width ')

```

[40]: Text(0, 0.5, 'petal width ')



```
[42]: """
      La meilleure visualisation pour moi est celle de l'axe ax2, y= petal with x=
      ↪ petal length. Elle permet de mieux separer mes classes
      """
```

```
[42]: "\nLa meilleure visualisation pour moi est celle de l'axe ax2, y= petal with x=
      petal length. Elle permet de mieux separer mes classes\n"
```

```
[ ]: # D.Réduction de dimensions et visualisation de données
```

```
[44]: # 1-Les méthodes PCA et LDA peuvent etre
      ...
```

```
[45]: # 2- Analysez le manuel d'aide pour ces deux fonctions (pca et lda) et
      ↪ appliquez les sur la base Iris.
      pca = PCA(n_components=2) # Réduire à 2 composantes principales
      iris_pca = pca.fit(iris.data).transform(iris.data)

      # Réaliser l'analyse discriminante linéaire (LDA)
      lda = LDA() # Réduire à 2 composantes LDA
      iris_lda = lda.fit(iris.data, iris.target).transform(iris.data)
```

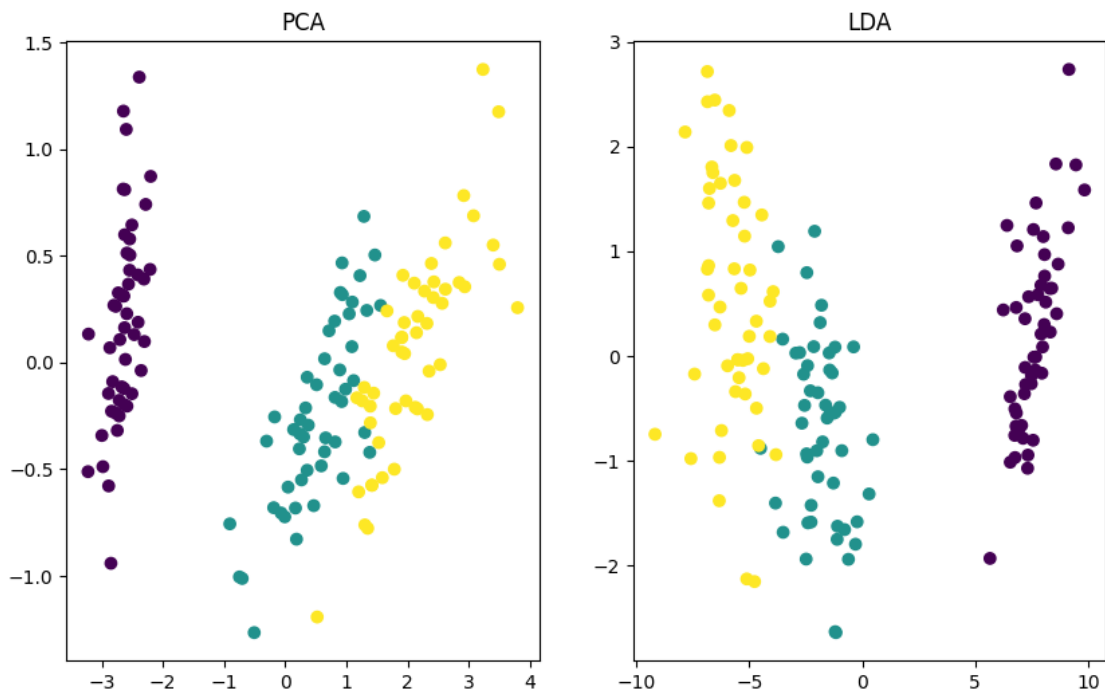
[46]: *#3-visualisation*

```
fig, axes = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 6))
ax1 = axes[0]; ax2 = axes[1];

ax1.scatter(iris_pca[:, 0], iris_pca[:, 1], c=iris.target)
ax1.set_title("PCA")
#ax1.xaxis.set_label_position('top')

ax2.scatter(iris_lda[:, 0], iris_lda[:, 1], c=iris.target)
ax2.set_title("LDA")
```

[46]: Text(0.5, 1.0, 'LDA')



[47]: *"""*

on remarque la LDA tend à mieux séparer les classes que la PCA. Cela s'explique_
↳ par le fait que
la PCA tente de maximiser la variance globale des données,
tandis que la LDA cherche à maximiser la variance entre les classes et_
↳ minimiser la variance à l'intérieur des classes
"""

[47]: "on remarque la LDA tend à mieux séparer les classes que la PCA. Cela s'explique par le fait que \nla PCA tente de maximiser la variance globale des

données,\ntandis que la LDA cherche à maximiser la variance entre les classes et minimiser la variance à l'intérieur des classes\n"

[]:

[]: