

UNIVERSIDADE FEDERAL DE SANTA CATARINA CENTRO TECNOLÓGICO DEPARTAMENTO DE INFORMÁTICA E ESTATÍSTICA SISTEMAS DE INFORMAÇÃO

Construção do Grafo de Infecção

Pedro Guimarães Caninas Orientador - Álvaro Junio Pereira Franco

> Florianópolis 2022

Sumário

1	Estruturando o Grafo e Coleta de Dados	2
2	Obtendo Valores SIR	3
3	Implementação do Modelo	4

1 Estruturando o Grafo e Coleta de Dados

A primeira etapa na construção do grafo de infecção foi idealizar qual seria a sua estrutura, baseada no funcionamento e dinâmica do modelo estudado (FRANCO, 2020). Temos bairros sendo representados por vértices e arestas representando existência de uma fronteira entre dois bairros.

Inicialmente foram coletados dados sobre os bairros, através do mapa do plano diretor da cidade:

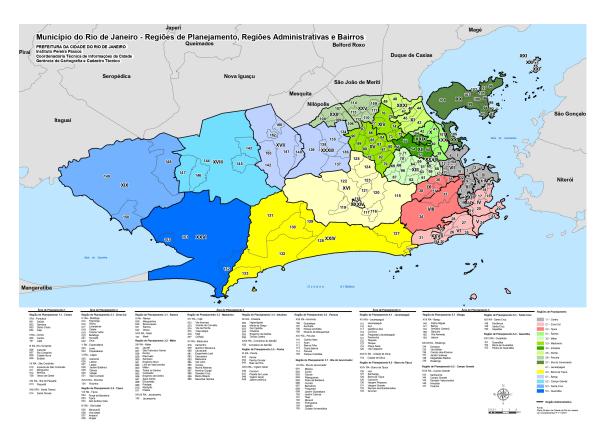


Figura 1: Município do Rio de Janeiro Fonte: Plano Diretor da Cidade do Rio de Janeiro Lei complementar nº 111/2011

A partir dele foi possível criar uma lista de adjacências utilizando o ID dos bairros e a relação ID - nomebairro, ambos em formato TXT. Em seguida já era possível criar e visualizar o grafo com os bairros e suas fronteiras:

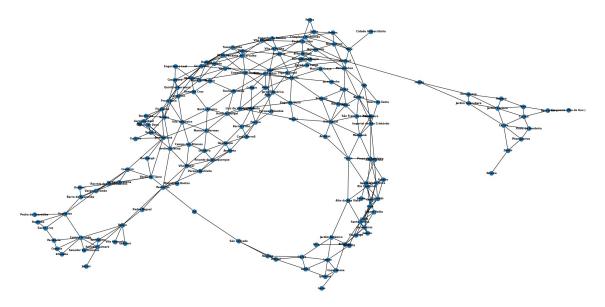


Figura 2: Grafo do Rio de Janeiro

2 Obtendo Valores SIR

O ultimo passo antes da implementação era obter a população de cada bairro. Para isso foi consultado o site do IBGE, mas sem sucesso, já que nele não foi possível encontrar as tabelas referentes a população por bairro do município do Rio de Janeiro, apenas dados sobre a população geral dos municípios e de unidades federativas, por causa disso foi necessário procurar em outras fontes oficiais, como em sites do Estado ou de prefeituras do Rio. O portal Data.Rio, site de divulgação de dados mantido pelo Instituto Pereira Passos, foi a única fonte confiável encontrada que disponibilizava tabelas com os bairros do Município do Rio e suas respectivas populações (RIO, 2000/2010b), (RIO, 2000/2010a), (RIO, 2010).

Os arquivos de adjacências e nomes tiveram que ser alterados para entrar em conformidade com a tabela de população, já que em 2010 (data do censo IBGE) não existiam 3 bairros: Lapa, Vila Kennedy e Jabour. Com as tabelas em mãos e os arquivos ajustados foi criado o "arquivo grafo", um TXT que contém o nome de cada bairro seguido de suas adjacências e propriedades, por exemplo:

Copacabana, Ipanema, Botafogo, Leme, Lagoa/24, 146392, 0.2

Os nomes dos bairros e seus respectivos IDs foram retirados do arquivo citado anteriormente e cruzados com o arquivo contendo a lista de adjacências (com os IDs dos bairros). Já a população foi obtida pela leitura da tabela 2973 (RIO, 2000/2010b) e o beta calculado a partir da formula $\beta_{i\to j}^t = \frac{1}{\chi(i)+1}$, sendo $\chi(i)$ a quantidade de vizinhos do vértice i em questão. A partir desse arquivo o grafo poderia ser facilmente criado e, se necessário, modificado, mudando o script de criação do TXT, atualizando os dados que ele utiliza (como as populações) ou até mesmo trocando a cidade a ser utilizada na criação dele.

3 Implementação do Modelo

A implementação foi feita em Python utilizando a biblioteca Networkx para a criação e manipulação do grafo e foi realizada inicialmente de forma intuitiva, ou seja, sem muitas otimizações, com o objetivo de entender como representar o modelo computacionalmente e suas regras. Essa biblioteca permite criar um grafo e adicionar vértices e arestas, adicionar propriedades a eles e facilita mostrá-los graficamente.

Todo o modelo é implementado em uma classe chamada Modelo que necessita apenas de um argumento, o path para o "arquivo grafo" 2. Dentro dela existem os seguintes atributos globais (que são universais para todos os vértices): taxa de virulência, taxa de recuperação, alpha (fator de distanciamento) e lambda (fração de pessoa que respeitam o distanciamento mas precisam sair e portanto infectados) separado por cada grupo S, I e R. A classe também tem os seguintes métodos: GerarGrafo() - constrói o grafo a partir da leitura do arquivo fornecido, PrintarGrafo() - mostra o grafo utilizando a biblioteca matplotlib, PrintarEstadoVertice() - mostra no console o estado de um vértice específico, PrintarGraficoSIRxT() - mostra um gráfico com os valores SIR ao longo do tempo e AvançarTempo(t) - o método onde de fato o modelo é implementado.

Esse último método é responsável por avançar t tempos $(t \in \mathbb{N})$, ou seja, movimentar as pessoas no grafo. Ele inicialmente distribui pessoas de seus vértices i para vértices j vizinhos de acordo com o β de i e armazena em j quantos dessas pessoas (S, I e R) vieram do vértice i, exemplificando a estrutura de um vértice é a seguinte:

```
Copacabana: { id: 24, populaçao: 146392, SIR_{t0}: {S: 126874, I: 19518, R: 0}, SIRd: {S: 48871, I: 7455, R: 2230}, SIRdd: {S: 13805, I: 3034, R: 729}, SIRddd: {Botafogo: {S: 5581, I: 1227, R: 296}, Lagoa: {S: 1419, I: 319, R: 78}, Leme: {S: 3473, I: 781, R: 186}, Ipanema: {S: 5031, I: 1114, R: 266}, SIRdddantes: {S: 16347, I: 3040, R: 384}, beta: 0.2}
```

Onde SIRd é o \dot{S} , \dot{I} e \dot{R} (pessoas que respeitam o distanciamento social, calculado por $\dot{S} = \alpha S$), SIRdd é o \ddot{S} , \ddot{I} e \ddot{R} (pessoas que não respeitam o distanciamento social, calculado por $\ddot{S} = S - \dot{S}$), SIRddd é o \ddot{S} , \ddot{I} e \ddot{R} (pessoas de outros vértices que vieram para esse e portanto usam as taxas associadas a ele) e SIRdddantes é o total de pessoas SIRddd em t, para ser usado em cálculos durante a passagem de tempo em t+1, evitando a criação de inconsistências devido a valores SIRddd serem alterados durante o processo.

Após a distribuição das pessoas em t_0 o processo de infecção começa, sendo calculada a probabilidade $\mathbb{P}\{\dot{Y}_{pi}^t\}$ para descobrir os valores de \dot{X} , \ddot{X} e em seguida feita a infecção com base em adaptações e recortes para cada grupo (SIRd, SIRdd e SIRddd) das seguintes formulas:

$$S^{t} = S^{t-1} - \lfloor v(\dot{X}^{t-1} + \ddot{X}^{t-1}) \rfloor$$

$$I = I^{t-1} - \lceil \epsilon I^{t-1} \rceil + \lfloor v(\dot{X}^{t-1} + \ddot{X}^{t-1}) \rfloor$$

$$R^{t} = R^{t-1} + \lceil \epsilon I^{t-1} \rceil$$
(1)

(FRANCO, 2020)

Durante todo este processo são armazenados os valores SIR totais e seus respectivos tempo t para a visualização do problema a partir de um gráfico:

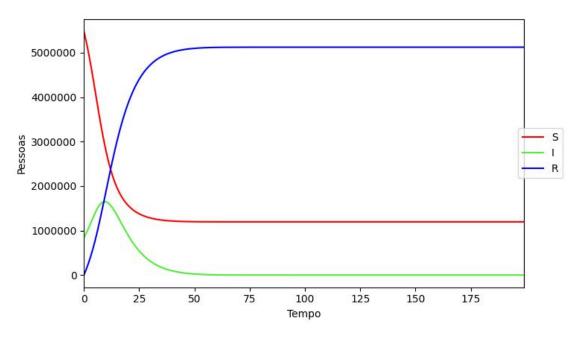


Figura 3: Gráfico de Infecção ao longo de 200 dias no grafo construído com valores: fração de infectados iniciais = $\frac{2}{5}$, $v=\frac{91}{200}$, $\epsilon=\frac{29}{200}$, $\alpha=\frac{2}{5}$, $\lambda_{\dot{S}}=\frac{2}{5}$, $\lambda_{\dot{I}}=\frac{1}{10}$, $\lambda_{\dot{R}}=\frac{3}{5}$

Referências

FRANCO, Álvaro Junio Pereira. Epidemic Model with Restricted Circulation and Social Distancing on Some Network Topologies. In: SPRINGER. INTERNATIONAL Conference on Cellular Automata for Research and Industry. [S.l.: s.n.], 2020. p. 261–264.

RIO, Data. População residente por sexo e razão de sexos, segundo as Áreas de Planejamento (AP), Regiões de Planejamento (RP), Regiões Administrativas (RA) e Bairros no Município do Rio de Janeiro. **Prefeitura da Cidade do Rio de Janeiro. Tabela**, v. 3163, 2010.

_____. População residente, por grupos de idade e sexo, segundo as Áreas de Planejamento (AP), Regiões Administrativas (RA) e Bairros. **Prefeitura da Cidade do Rio de Janeiro. Tabela**, v. 2974, 2000/2010.

RIO, Data. População residente, por idade e por grupos de idade, segundo as Áreas de Planejamento (AP), Regiões Administrativas (RA) e Bairros. **Prefeitura da Cidade do Rio de Janeiro. Tabela**, v. 2973, 2000/2010.