# 盛胡丹筠

邮箱: hudanyun.sheng@outlook.com | 电话 13683132915 | 个人网站 https://danniesheng.github.io/

# 教育背景

佛罗里达大学 美国, 佛罗里达 电子与计算机工程硕士 2018.01 - 2019.12

硕士论文:基于高光谱图像的柳枝草基因型分类 (Switchgrass Genotype Classification using Hyperspectral Imagery)

佛罗里汏大学

工业系统工程硕士

同济大学

物理学学士

美国, 佛罗里达 2016.01 - 2017.12

中国,上海 2011.09 - 2015.06

毕业论文: X射线多层膜KB成像的强度均匀性校正

# 专业技能

- 编程与开发: Python (NumPy, Pandas, SciPy, Streamlit, Plotly), Flask, HTML/CSS, JavaScript, MATLAB
- 自然语言处理与生成式AI: LangChain, RAG, ChatGPT API, NLP, Weights & Biases
- 机器学习与深度学习: PyTorch, TensorFlow, Scikit-learn, Keras, Hugging Face, OpenCV
- 数据工程与分析平台: SQL, PySpark, BigQuery, Kedro, 数据管道开发, EHR数据分析
- 云平台与DevOps: GCP, AWS, Azure, Docker, Kubernetes, Git
- 工具与协作: JIRA, Notion, Confluence, Markdown, MS Office, GitHub Actions

# 工作经历

Johnson & Johnson 中国, 北京

数据科学家(外包)

2024.04 至今

- 基于历史药品销售与市场推广数据,开发新药早期接受者识别模型,帮助市场部在新药上市前精准定位目标HCP群体,提升推广效
- 负责多源数据整合与数据流程设计,基于Kedro框架构建可复用数据管道,保障数据一致性和模型输入质量
- 使用ChatGPT等大语言模型构建RAG流程,识别日文FAO与本地药品标签之间的潜在不一致性,辅助审查流程
- 参与项目从Kedro迁移到Databricks平台, 协助重构特征存储架构, 提升模型特征的可管理性和扩展性

中国,北京 Zenni Optical

数据科学家

2023.06 - 2024.01

- 作为Rx眼镜处方识别API的主要开发者,负责在现有OCR系统基础上持续迭代与优化,构建FastAPI服务,实现处方字段自动提取
- 针对日本市场定制处方解析流程,处理语言差异及处方样式变体,服务上线后覆盖率及解析准确性显著提升
- 构建模糊图像检测模块,采用多任务学习方法识别低质量处方图像,显著提升系统整体解析准确率
- 在GCP平台部署多版本服务,结合CloudSQL实现多地区语言支持,并通过BigQuery分析用户行为,驱动功能迭代
- 使用Streamlit开发交互式可视化工具,辅助跨团队沟通并支持产品评审

德克萨斯西南医学中心 定量生物医学研究中心

美国, 德克萨斯州, 达拉斯

数据科学家

2021.09 - 2023.05

- 独立开发CyTOF图像分析工具包, 集成空间信息与单细胞表达数据, 通过并行化处理将效率提升10倍, 并构建Flask+Docker界面供 生物研究人员使用
- 基于PyTorch实现Mask R-CNN模型, 用于H&E病理图像中细胞实例分割与六分类任务, 检测率82.5%, 分类准确率82.0%
- 针对不完善标注数据,自定义模型损失函数,成功挽救约20%的训练数据,提升模型泛化能力
- 设计分层分类策略用于多种肿瘤病理图像融合,助力泛癌种微环境建模与AI辅助诊断研究

唐纳德丹福思植物科学中心 (Donald Danforth Plant Science Center)

美国, 密苏里州, 圣路易斯

数据科学研究员

2020.02 - 2021.09

- 主导多模态图像(RGB、热成像、高光谱)自动化处理流程建设,开发图像预处理、统计分析和可视化模块,大幅提高植物表型数据
- 基于Mask R-CNN实现植物叶片实例分割,并构建追踪算法跟踪叶片生长周期,提升生物实验数据质量
- 深度参与开源项目PlantCV开发,新增图像分割与特征提取模块,优化目标检测算法,编写单元测试与用户文档,参与教学推广
- 跨团队支持科研人员完成数据清洗与图表生成任务,提升数据使用效率与科研成果可视化水平
- 担任科学培训与指导委员会联合主席,组织技术分享与跨领域交流

佛罗里达大学医疗中心 精密医学智能合作部

美国,佛罗里达州,盖恩斯维尔

#### 数据科学实习生

2019.05-2019.08

- 参与基于临床生命体征数据的时间序列分析项目,完成数据清洗、异常检测与队列构建,保障分析基础数据质量
- 提取病人住院前24小时内的关键时序特征,应用并复现插值网络等方法处理数据不规律性
- 比较不同聚类算法在病人分群上的效果, 支持后续临床风险建模研究

# 个人项目

#### 医药内容推荐与摘要系统

- 构建基于关键字检索和LLM摘要生成的推荐系统,整合本地结构化FAQ、药品标签段与PubMed文献内容
- 支持中英文药品名识别、结构化知识融合展示、Whoosh索引与OpenAI接口调用
- 提供可交互的Streamlit界面并已部署上线,用于探索医疗信息自动聚合与问答系统设计

# 学术研究经历

### 佛罗里达大学 机器学习及感知实验室 (Machine Learning and Sensing Lab)

美国, 佛罗里达州, 盖恩斯维尔

机器学习研究助理

2017.05-2019.12

- 基于多实例学习设计图像分割算法,实现微根管图像中植物根系的自动检测,提升数据标注效率
- 搭建高光谱与热成像图像处理流程,包括预处理、解混合与目标检测,应用于植物表型大数据自动化分析
- 研发基于孪生网络的降维算法,增强植物基因型分类的可分性,模型可迁移用于高维医学影像分类
- 利用基于纯正端元提取的高光谱解混合的算法,实现高光谱图像的目标检测和图像分割

#### 出版文章

- Sheng, H., Wang S., et al. "MTIA: An open-source python package for systematic multiplexed tissue image analysis" (in preparation)
- Sheng, H., Gutierrez, J., Schuhl, H., Murphy, K. M., Acosta-Gamboa, L., Gehan, M., & Fahlgren, N. (2023). Increasing the Throughput of Annotation Tasks Across Scales of Plant Phenotyping Experiments. Authorea Preprints.
- Rong, R., Sheng, H., Jin, K.W., Wu, F., Luo, D., Wen, Z., Tang, C., Yang, D.M., Jia, L., Amgad, M. and Cooper, L.A., 2023. A deep learning approach for histology-based nucleus segmentation and tumor microenvironment characterization. Modern Pathology, 36(8), p.100196.
- Panda, K., Mohanasundaram, B., Gutierrez, J., McLain, L., Castillo, S. E., Sheng, H., ... & Slotkin, R. K. (2023). The plant response to high CO2 levels is heritable and orchestrated by DNA methylation. New Phytologist, 238(6), 2427-2439.
- Yu, G., Zare, A., Sheng, H., Matamala, R., Reyes-Cabrera, J., Fritschi, F.B. and Juenger, T.E., 2020. Root identification in minirhizotron imagery with multiple instance learning. Machine Vision and Applications, 31, pp.1-13.

# 综合能力

- 中英文双语沟通能力:具备跨文化协作经验,能够用英文撰写技术文档并进行技术/非技术团队之间的沟通
- 独立执行与快速学习:多次独立完成从调研、建模到部署的AI项目,具备快速掌握新技术并落地应用的能力
- · 跨职能协作经验:在与产品、商业、合规团队合作中,能准确理解业务需求并用数据与模型推动解决方案落地

## 奖项与证书

- 西门子2023可持续技术大赛(国际黑客松比赛)"电网数据的人群使用行为"组第一名(团队)
- 谷歌数据分析证书