测试集:

ITRAP_1: 是基于 ITRAP 论文产生的数据集, 其中的正例来自 ITRAP 论文提供的数据 (<u>GitHub - mnielLab/ITRAP_benchmark</u>: <u>This repo contains the 10x Genomic datasets</u> filtered using ATRAP and ICON denoising frameworks. 中的 *ITRAP.csv*)

因为其产生的负例不包含 HLA type, 所以我通过他描述的方式产生了新的负例:

- 1) 通过错配 TCR、pMHC 产生 1: 1 的负例;
- 2) 通过背景 TCR 库(<u>GitHub viragbioinfo/IMMREP_2022_TCRSpecificity</u> 与我们使用的 TCR 库不同)中的 TCR 与正例中的 pMHC 组合,产生 1: 1 的负例 最后去除其中 TCR 长度小于 10、大于 20 的数据。得到 12,807 条数据,其中正例 4,261 条,

ITRAP_3: 使用论文提供的参数((1, 1, 5)分别对应(umi_tra, umi_trb, umi_mhc)只有 umi 大于对应参数的细胞才会被选中以进行后续的筛选)进行筛选,获得正例。同时每个细胞中检测出的其他 pMHC 成为负例(这些负例中与正例相同的数据被去除),最后生成了 6047 个正例和 50292 个负例(去除 cdr3β 长度大于 20 小于 10 的序列)。

Small_ITRAP_3: 将 background TCR 中出现的 TCR 从测试集 ITRAP_3 中去掉,获得 Small_ITRAP_3, 共包含 3244 个正例和 19991 个负例。

测试方法:

负例 8,546 条。

OnlyPep:

- 1) 训练一个 peptide embedding model,代替原来的 pMHC embedding model,其中训练集由两部分组成:原来训练 pMHC embedding model 的训练集中的 peptide 和原来训练 pMHC embedding model 时用于生成负例的 natural peptide。只使用 MLM 任务训练该模型(和 TCR embedding model 相同),且 peptide 的最大长度为 20,训练 peptide embedding model 的超参数均与训练 TCR embedding model 相同;
- 2) 之后重新训练 TCR-pMHC prediction model, 得到预测结果。

Few-shot:

因为 ITRAP_1 和 ITRAP_3 构建负例的方式不同,且模型训练时需要正负例——对应,所以 这里重新训练模型的方式也略有不同。

ITRAP_1: 将数据集等分为 5 份,每次训练时,选一份作为测试集,另外 4 份作为额外的训练集。额外的训练集中负例被移除(这里是因为负例是人为创造的,后续再创造比较简单,而从原来的数据集中重新建立正负例——对应的关系比较繁琐),重新根据规则创造 1:1 的负例,即错配和背景 TCR 库,若新创建的负例与原测试集中的正例相同,则重新创建负例(和原来的训练相同,训练时,负例每 5 个 epoch 重新生成一次)。随后将额外的训练集混入原训练集中,重新训练模型并测试结果。循环 5 次。

训练集:

正例(70423+4261*0.8)***0.9**= **66449**

*其中 4261×0.8 是因为五折交叉验证,取 4 份做额外的训练集,整体×0.9 是因为训练时有10%的数据用做验证集;

负例 (70423+4261*0.8<mark>*2</mark>) *0.9<mark>*epoch 数/5</mark>

*其中 4261*0.8<mark>*2</mark> 是因为生成负例时有两种方式, *epoch 数/5 是因为·每 5 个 epoch 重新生成一次负例,每次训练大概 50-70 个 epoch,所以正负例的比例大概为 **1:10**;

测试集: 12807*0.2 = 2561

取一份做测试集

ITRAP_3 and small_ITRAP_3: 在 ITRAP_3 中,每个正例会对应 0-n 个负例(对应到实验中则为每种 T cell 中会检测出多种 pMHC)。所以我们通过 TCR 进行分组,即组间不会共享相同的 TCR 序列。同 ITRAP_1 相同,ITRAP_3 也是将数据集为 5 份,每次训练时,选一份作为测试集,另外 4 份作为额外的训练集。额外的训练集中,没有对应负例的 TCR 将被移除(由于我们的训练方式,没有对应的负例无法进行训练,但这个步骤中去掉的数据极少),有对应负例的 TCR 会在所有的负例中随机选择一个作为本次训练的负例(训练时,每 5 个epoch 会重新选择一次负例),将额外的训练集混入原训练集中,重新训练模型并测试结果。循环 5 次。

训练集:

正例(70423+6047*0.8)<mark>*0.9</mark>= 67735

*其中 6047×0.8 是因为五折交叉验证,取 4 份做额外的训练集,整体×0.9 是因为训练时有10%的数据用做验证集;

负例 (70423+6047*0.8) *0.9*epoch 数/5

* *epoch 数/5 是因为·每 5 个 epoch 重新生成一次负例,每次训练大概 50-70 个 epoch, 所以正负例的比例大概为 **1:10**:

测试集: 56339*0.2 = 11268

取一份做测试集

Total-Learn:

Total-learn 是在 **Few-shot** 的设定下,在训练时只使用额外的训练集。

训练集和测试集均为 **Few-shot** 的设定下去除原始的训练集(70423),但 Total-learn 设定下模型训练的 epoch 更少(因为有设定 early stop,6 个 epoch 内验证集损失不改善就停止训练),平均训练 epoch 在 15-25 之间,所以正负例比例大概为 **1:3**。