ARDLVIPMIYCGHGY



DSI_ Rlact

HMM - Позволяет найти далёкие гомологи

Часто предсказываются хорошие модели при идентичности менее 15%

НММ профили известных структур

CDARHOUMS

сравнение

HMM

3D-Mode





ARDL - - VIPMIYCGHGY

AFDLCDLIPV - - CGMAY