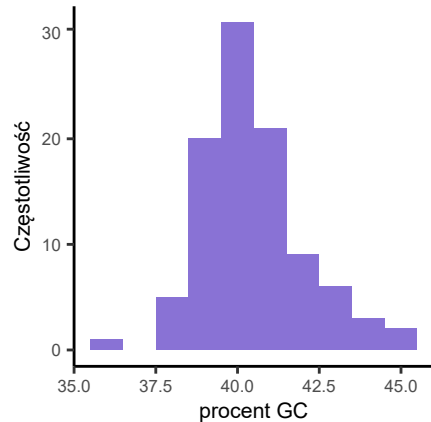
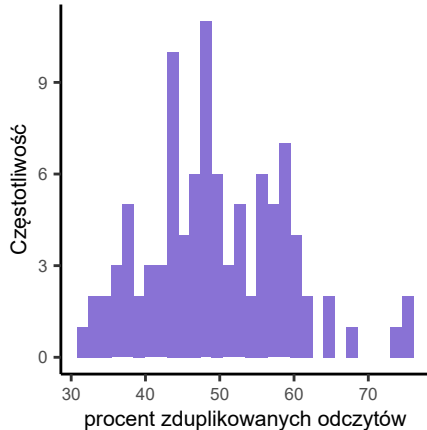


**A** Rozkład zawartości GC**B** Rozkład poziomu duplikacji sekwencji**C** Rozkład liczby sekwencji