Aprendizado de Máquinas Florestas Aleatórias

Douglas Rodrigues

Universidade Federal Fluminense

- "Trees have one aspect thet prevents them from being the ideal tool for predictive learning, namely inaccuracy." The Elements of Statistical Learning.
- Árvores funcionam bem com os dados que a geraram, mas não tem boa flexilidade para lidar com novas amostras.
- As Florestas Aleatórias combinam a simplicidade das árvores com flexibilidade, implicando em um aumento significativo de acurácia.

Algoritmo:

- Oria uma nova amostra, utilizando bootstrap, do mesmo tamanho do banco de dados original.
- Utilizando bootstrap, selecionamos algumas variáveis explicativas e criamos uma árvore de decisão.
- $oldsymbol{\circ}$ Repetimos os passos 1 e 2 acima quantas k vezes, gerando k árvores de decisão.
- Para classificar uma amostra, aplicamos todas as árvores de decisão da nossa floresta, e escolhemos como classificação final o candidato que teve mais votos.

Passo 1: Cria uma nova amostra, utilizando bootstrap, do mesmo tamanho do banco de dados original.

 A reamostragem terá o mesmo tamanho da amostra original, e será utilizado como amostra TREINO.

Passo 1: Cria uma nova amostra, utilizando bootstrap, do mesmo tamanho do banco de dados original.

- A reamostragem terá o mesmo tamanho da amostra original, e será utilizado como amostra TREINO.
- Cerca de 1/3 dos indivíduos não serão sorteados. Eles são chamados 00B (Out-Of-Bag).

Passo 1: Cria uma nova amostra, utilizando bootstrap, do mesmo tamanho do banco de dados original.

- A reamostragem terá o mesmo tamanho da amostra original, e será utilizado como amostra TREINO.
- Cerca de 1/3 dos indivíduos não serão sorteados. Eles são chamados 00B (Out-Of-Bag).
- Os indivíduos 00B serão utilizados como amostra TESTE. Explicaremos mais a seguir.

Passo 2: Utilizando bootstrap, sorteamos algumas variáveis explicativas e criamos uma árvore de decisão.

Passo 2: Utilizando bootstrap, sorteamos algumas variáveis explicativas e criamos uma árvore de decisão.

Passo 3: Repetimos os passos 1 e 2 quantas k vezes, gerando k árvores de decisão.

Passo 2: Utilizando bootstrap, sorteamos algumas variáveis explicativas e criamos uma árvore de decisão.

Passo 3: Repetimos os passos 1 e 2 quantas k vezes, gerando k árvores de decisão.

- Para criar cada árvore de decisão, é sorteado (via bootstrap) uma quantidade de variáveis.
- Isso torna a árvore "menos precisa", mas evita overfiting.
- O padrão é sortear, para cada árvore, \sqrt{v} variáveis, onde v é o número total de variáveis.

Passo 4: Classificação.

• Para realizar a classificação de novas amostras, aplicamos os indivíduos em cada uma das k árvores de decisão criadas, e confrontamos o resultado, escolhendo a classificação que obteve a maior votação.

Passo 4: Classificação.

- Para realizar a classificação de novas amostras, aplicamos os indivíduos em cada uma das k árvores de decisão criadas, e confrontamos o resultado, escolhendo a classificação que obteve a maior votação.
- Por exemplo, se k=100, e obtivemos que 73 apontaram a classificação A, enquanto que 27 apontaram como sendo do tipo B, a classificação final será tipo A, já que obteve a maioria dos votos.

Tipo A	Tipo B
73	27

Uma amostra pode ser Out-of-Bagging em algumas árvores e em outras não.
 Quando vamos TESTAR o erro OOB da Floresta gerada, cada amostra só sera avaliada pelas árvores em que ela foi uma amostra OOB.

- Uma amostra pode ser Out-of-Bagging em algumas árvores e em outras não.
 Quando vamos TESTAR o erro OOB da Floresta gerada, cada amostra só sera avaliada pelas árvores em que ela foi uma amostra OOB.
- Exemplo: Supomos que construímos uma floresta aleatória com 10 árvores, e a amostra #3 foi 00B nas árvores 2, 5 e 7.

Então, para avaliar o erro 00B, passamos a amostra #3 pelas árvores 2, 5 e 7, e ela será classificada pela votação majoritária que receber.

Árvore	Tipo A	Tipo B
Árvore 2	X	
Árvore 5	X	
Árvore 7		X
Vencedor:	X	

- Fazemos isso para cada amostra que foi 00B em alguma árvore.
- Nota que, se tivermos um grande número de árvores na floresta, há grande chance de todos as amostras serem 00B para alguma árvore.

- Fazemos isso para cada amostra que foi 00B em alguma árvore.
- Nota que, se tivermos um grande número de árvores na floresta, há grande chance de todos as amostras serem 00B para alguma árvore.
- Observe também que, construindo 1000 árvores, por exemplo, dificilmente uma amostra será avaliada pelas 1000 árvores, pois ela é avaliada apenas pelas árvores onde foi 00B, o que explica a necessidade de reservarmos uma amostra para VALIDAÇÃO.

Sobre o proximity

- Ao criarmos uma Floresta Aleatória, podemos pedir para ser criada também uma matriz de proximidade $n \times n$, onde $n_{i \times j}$ é o índice de proximidade entre os elementos i e j (entre 0 e 1). O método de construção dessa matriz é a seguinte:
 - 1 Iniciamos com a matriz identidade.
 - $oldsymbol{oldsymbol{arphi}}$ Em cada árvore, se i e j terminam na mesma folha, somamos +1 a $n_{i imes j}$
 - Renormalizamos os valores dividindo pelo número de árvores (para obter um valor entre 0 e 1).
 - 4 Ao final, teremos uma matriz triangular, com 1 na diagonal e valores entre 0 e 1 nas demais posições.

Sobre o proximity

- Ao criarmos uma Floresta Aleatória, podemos pedir para ser criada também uma matriz de proximidade $n \times n$, onde $n_{i \times j}$ é o índice de proximidade entre os elementos i e j (entre 0 e 1). O método de construção dessa matriz é a seguinte:
 - 1 Iniciamos com a matriz identidade.
 - $oldsymbol{oldsymbol{arphi}}$ Em cada árvore, se i e j terminam na mesma folha, somamos +1 a $n_{i imes j}$
 - Renormalizamos os valores dividindo pelo número de árvores (para obter um valor entre 0 e 1).
 - Ao final, teremos uma matriz triangular, com 1 na diagonal e valores entre 0 e 1 nas demais posições.
- A matriz de proximidade é muito útil para o modelo processar automaticamente novas amostras com valores NA e para identificar outliers.

randomForest()

- Vamos carregar o banco de dados.
 - > load("heart_disease.rda")
- Carregar a biblioteca, e criar a floresta aleatória.
 - > library(randomForest)

#25 árvores

- > set.seed(42)
- > model<-randomForest(hd \sim ., data=data, ntree=25)
- Avaliando o modelo.

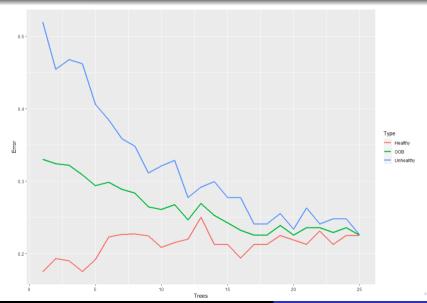
#Confusion matrix das amostras OOB

> model\$confusion

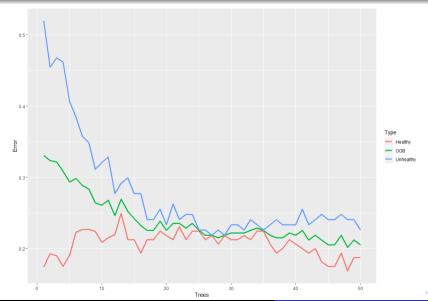
#Votos das árvores

> model\$votes

Evolução do Erro 00B - 25 árvores



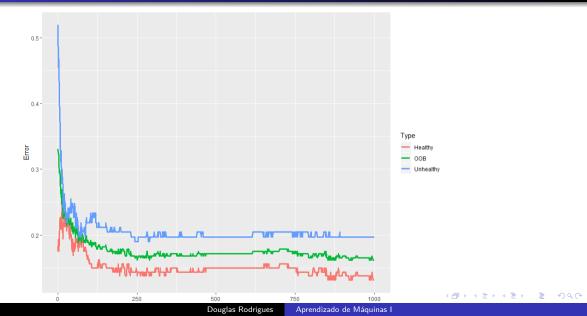
Evolução do Erro 00B - 50 árvores



Evolução do Erro 00B - 100 árvores



Evolução do Erro 00B - 1000 árvores



Evolução do Erro 00B - 10000 árvores

