



Instituto Politécnico Nacional

Escuela Superior de Cómputo



Estructuras de Datos

Tema 08: TAD Árbol

M. en C. Edgardo Adrián Franco Martínez

<http://www.eafranco.com>

edfrancom@ipn.mx

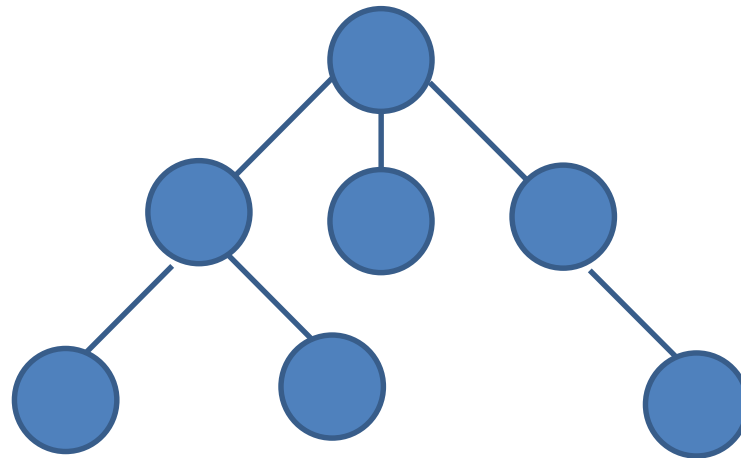
[@edfrancom](#) [edgardoadrianfrancom](#)





Contenido

- Descripción del TAD Árbol
- Especificación del TAD Árbol
- Implementación del TAD Árbol
- Aplicaciones del TAD Árbol





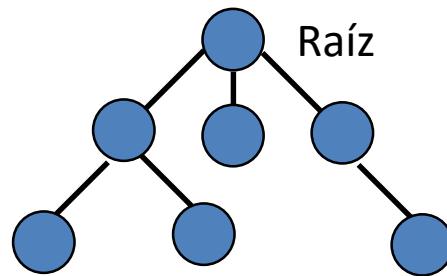
Descripción del TAD Árbol

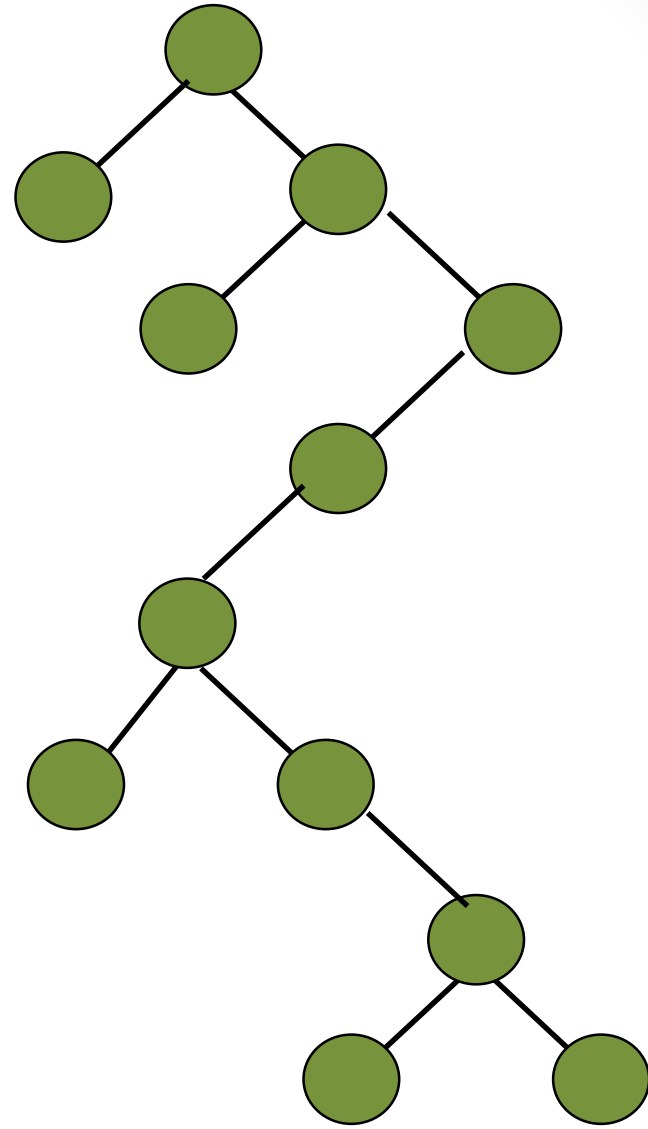
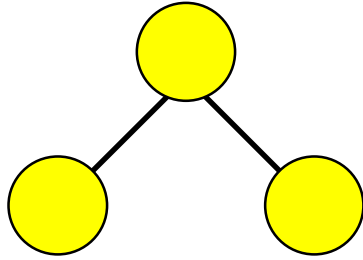
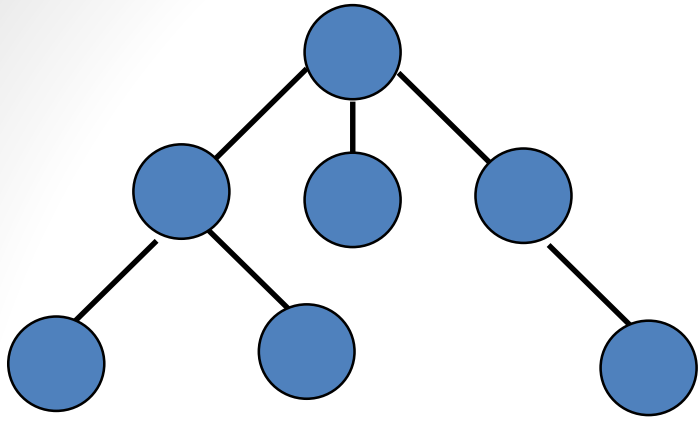
- Los árboles representan las **estructuras de datos no lineales y dinámicas** más importantes en computación.
- Un árbol es una **estructura jerárquica** aplicada sobre una colección de elementos u objetos llamados **nodos**; uno de los cuales es conocido como **raíz**. Además se crea una relación o **parentesco entre los nodos** dando lugar a términos como padre, hijo, hermano, antecesor, sucesor, ancestro, etc.





- Un árbol es una colección de elementos entre los cuales existe una **estructura jerárquica** definida mediante una **relación de paternidad** entre los elementos.
- Entre los elementos, que llamaremos nodos, se distingue uno que es el **nodo raíz**.
- Matemáticamente, un árbol es un **grafo no orientado, conexo y acíclico** en el que existe un vértice destacado llamado raíz.







Árbol A n -ario

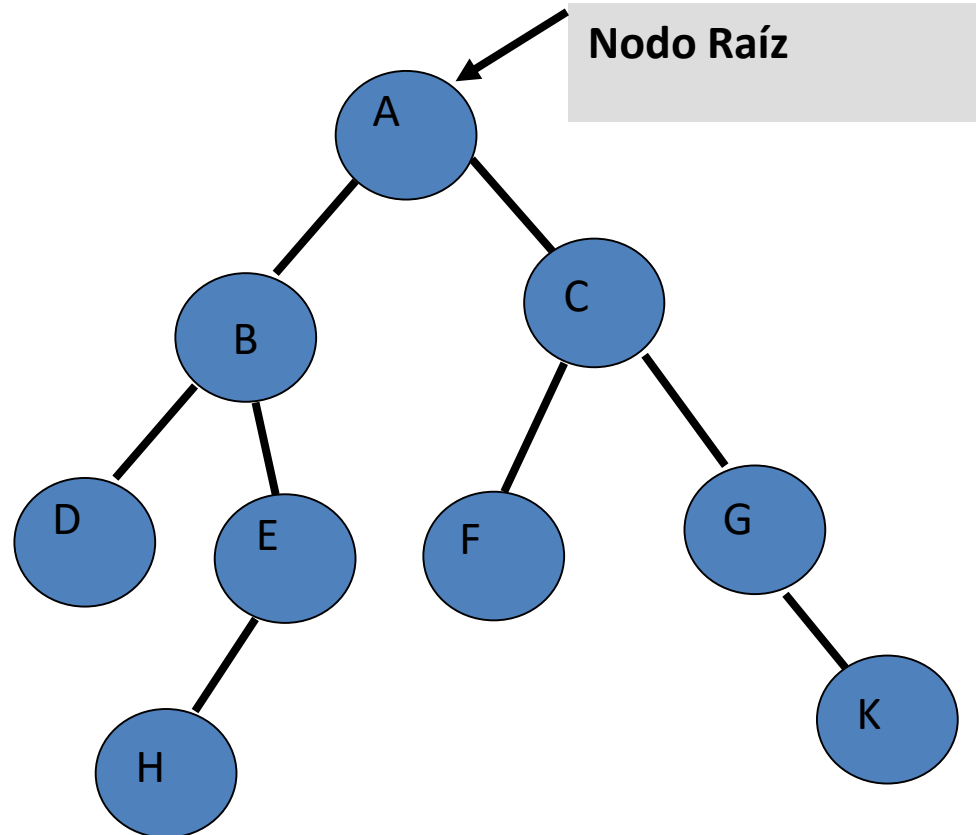
- Un **árbol A n -ario** (en adelante sólo árbol), siendo $n \geq 1$, es un conjunto de elementos del mismo tipo tal que:
 - O bien es el **conjunto vacío**, en cuyo caso se le denomina **árbol vacío**.
 - O bien no es vacío, en cuyo caso **existe un elemento distinguido llamado raíz**, y el resto de los elementos se distribuyen en **m subconjuntos disjuntos A_1, \dots, A_m** , con $0 \leq m \leq n$, cada uno de los cuales es un **árbol n -ario**, llamados **subárboles** del árbol original.





Conceptos y definiciones para los árboles

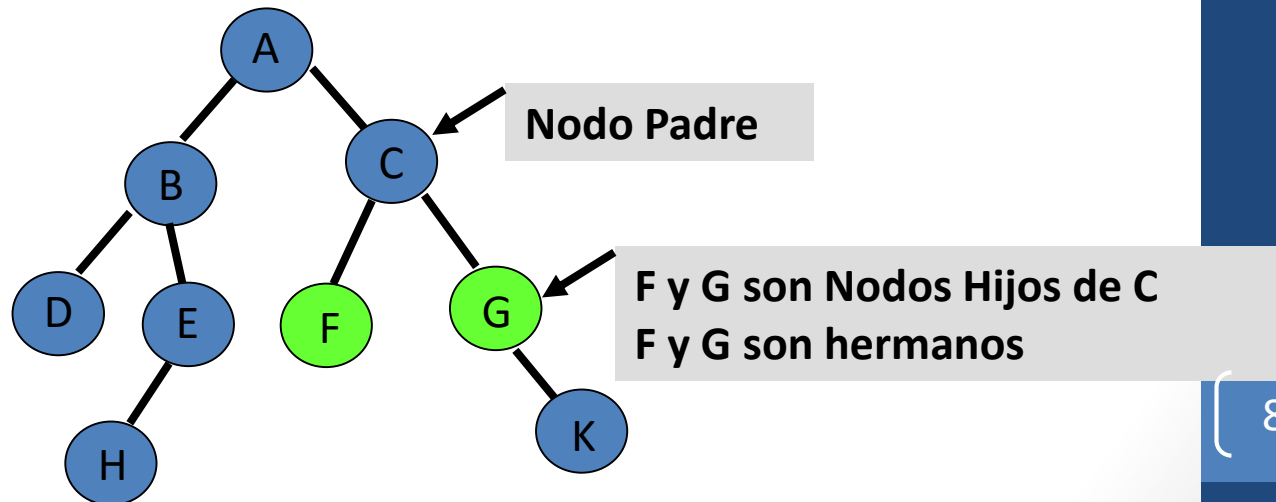
- **Nodo:** Cada elemento en un árbol.
- **Nodo Raíz:** Primer elemento agregado al árbol.





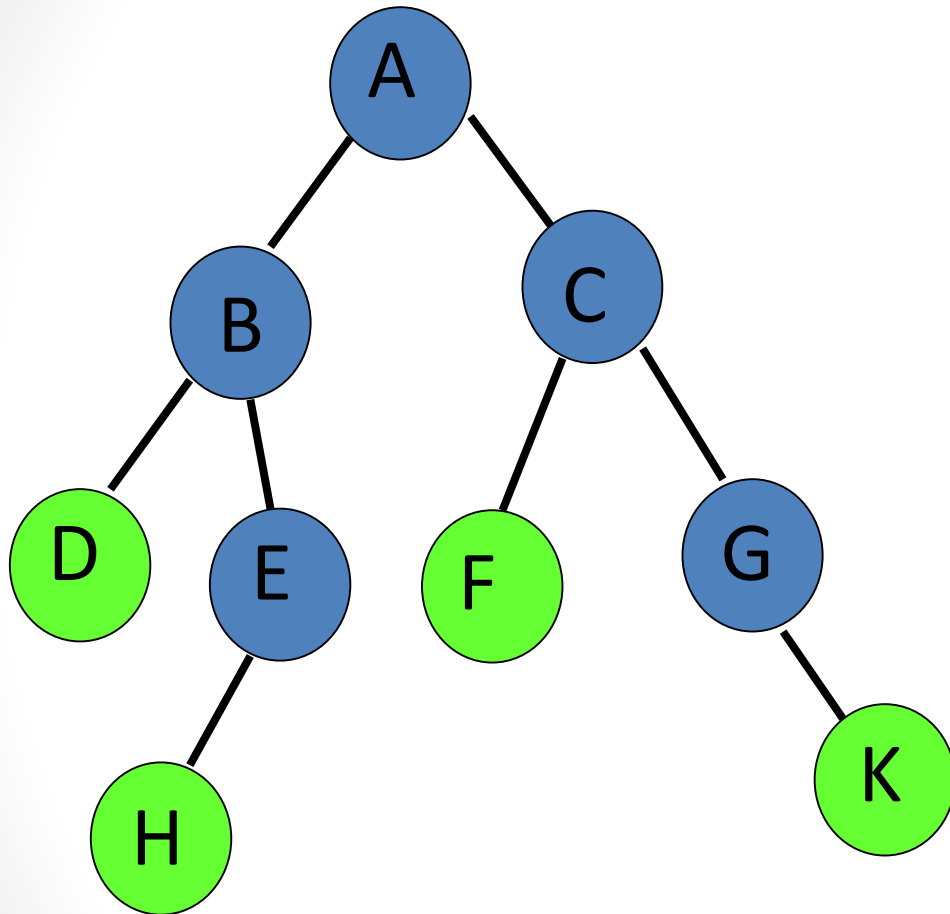
Conceptos y definiciones para los árboles

- **Nodo Padre:** Se le llama así al nodo predecesor de un elemento.
- **Nodo Hijo:** Es el nodo sucesor de un elemento.
- **Hermanos:** Nodos que tienen el mismo nodo padre.





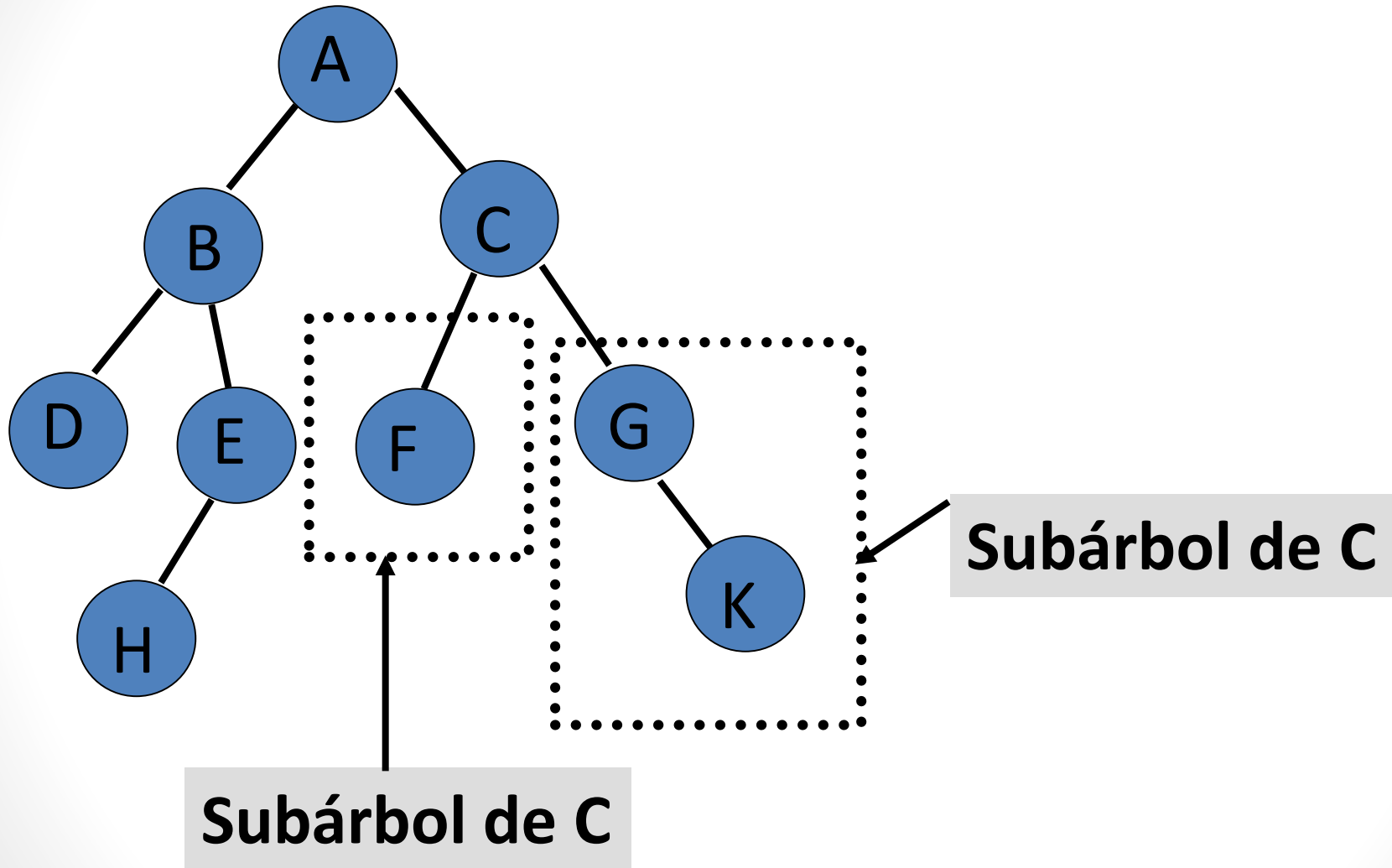
- **Nodo Hoja:** Aquel nodo que no tiene hijos.



D, H, F y K son
Nodos Hojas



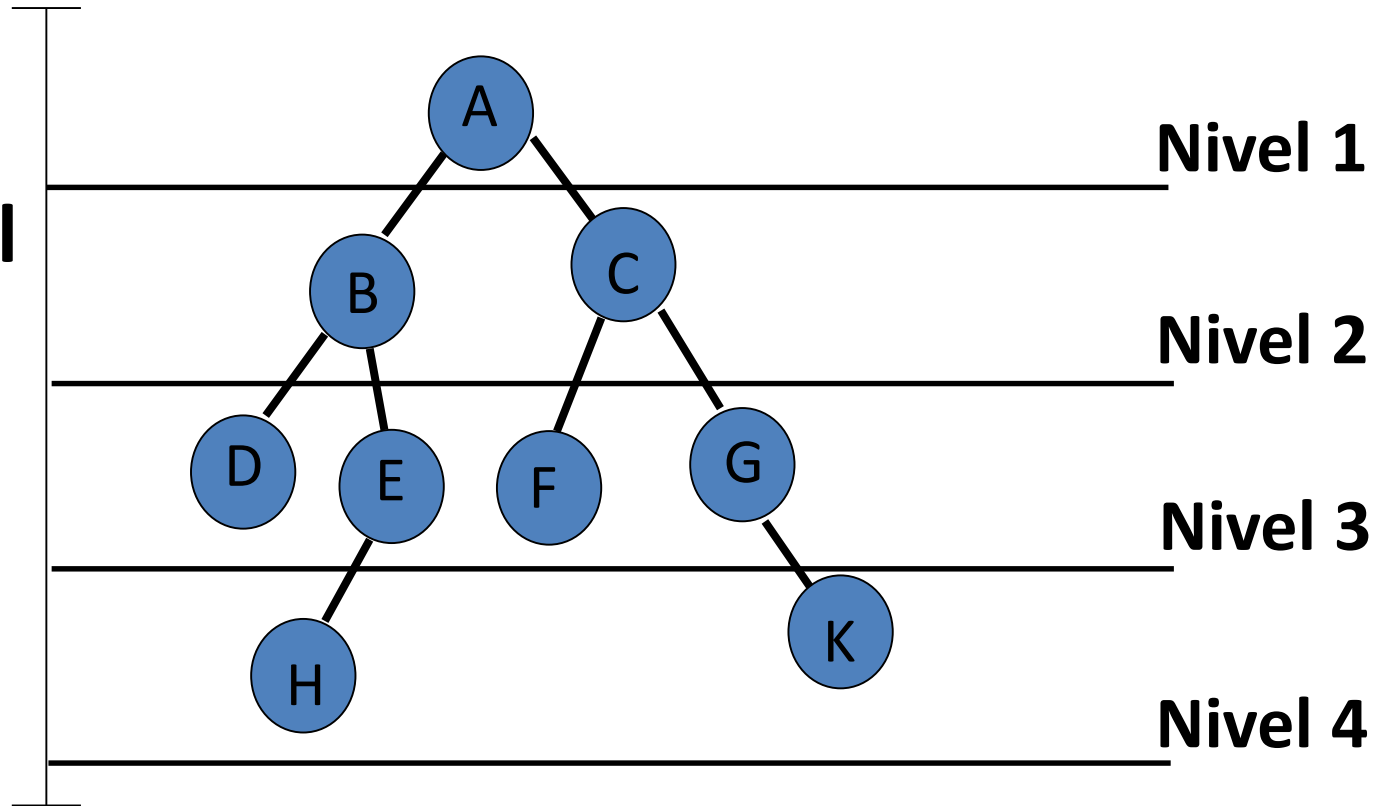
- **Subárbol:** Todos los nodos descendientes de un nodo.





Altura y Niveles

Altura
del árbol
= 4



La Altura es la cantidad de niveles.





Especificación del TAD Árbol

Cabecera

- **Nombre:** Árbol (Tree)
- **Lista de operaciones:**
 - **Operaciones de construcción**
 - **Inicializar (Initialize):** Recibe un árbol A y lo inicializa para su trabajo normal.
 - **Eliminar (Destroy):** Recibe una un árbol A y lo libera completamente.
 - **Operaciones de posicionamiento y búsqueda**
 - **Raíz (Root):** Recibe un árbol A y devuelve la posición de la raíz.
 - **Padre (Parent):** Recibe un árbol A y una posición p, devuelve la posición de padre de p.
 - **Hermano derecho (Right Brother):** Recibe un árbol A y una posición p, devuelve la posición del hermano derecho de p.

- **Hijo izquierdo (Son Left):** Recibe un árbol A y una posición p , devuelve la posición del hijo más a la izquierda de p .
- **Buscar (Search):** Recibe un árbol A y un elemento e , devuelve la posición del elemento en el árbol A .
- **Operaciones de consulta**
 - **Vacía (Empty):** Recibe un árbol A y devuelve verdadero en caso de que el árbol A este vacío.
 - **Nodo Nulo (Null Node):** Recibe un árbol A y una posición p , devuelve verdadero si la posición p del árbol A es nula o incorrecta.
 - **Leer nodo (Read Node):** Recibe un árbol A y una posición p , devuelve el elemento contenido en el nodo con posición p del árbol A .
- **Operaciones de modificación**
 - **Nuevo Hijo(New Son):** Recibe un árbol A , una posición p y un elemento e , se añade a e como hijo más a la izquierda del nodo con posición p .

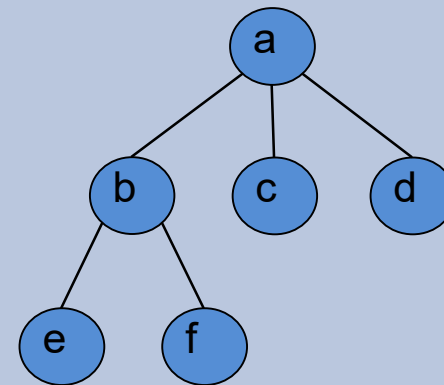
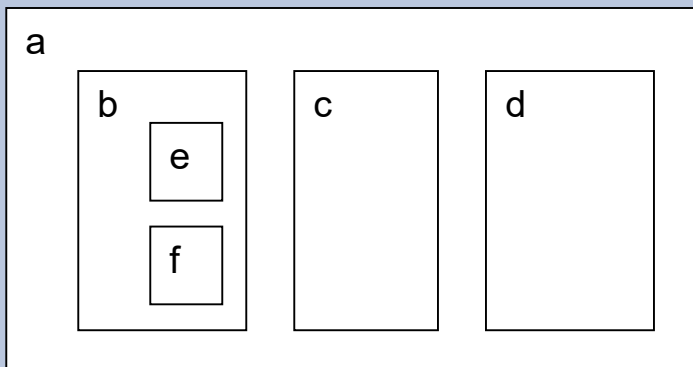
- **Nuevo Hermano(New Brother):** Recibe un árbol A , una posición p y un elemento e , se añade a e como hermano derecho del nodo con posición p
- **Eliminar Hijo>Delete Son):** Recibe un árbol A y una posición p , se elimina al hijo más a la izquierda y todos sus descendientes del nodo con posición p .
- **Eliminar Hermano>Delete Brother):** Recibe un árbol A y una posición p , se elimina al hermano derecho y todos sus descendientes del nodo con posición p .
- **Eliminar Nodo>Delete Node):** Recibe un árbol A y una posición p , se elimina al nodo con posición p y todos sus descendientes.
- **Reemplazar Nodo (Replace Node):** Recibe un árbol A , una posición p y un elemento e , se reemplaza a e del nodo con posición p en A

Descripción

- Un árbol es una estructura:
 - ***Jerárquica*** porque los componentes están a distinto nivel.
 - ***Organizada*** porque importa la forma en que esté dispuesto el contenido.
 - ***Dinámica*** porque su forma, tamaño y contenido pueden variar durante la ejecución.
- Un árbol **puede ser**:
 - *Vacío,*
 - *Una raíz + subárboles.*

Descripción

- Representación de los árboles
 - Mediante diagramas de Venn
 - Mediante grafos
 - Mediante paréntesis anidados



$(a (b (e, f), c, d))$

Operaciones

- **Inicializar (Initialize):** *recibe <- árbol(A);*
 - **Initialize (A)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y lo inicializa para su trabajo normal.
- **Eliminar (Destroy):** *recibe <- árbol(A);*
 - **Destroy (A)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y lo libera completamente.
- **Raíz (Root):** *recibe <- árbol(A); retorna -> posición*
 - **Root (A)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y retorna la posición de la raíz de **A**, si el árbol es vacío devuelve una posición nula.

- **Padre (Parent):** *recibe* < -árbol(A), posición(P); *retorna* -> posición
 - **Parent(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, devuelve la posición de padre de **p**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida. Si **P** es la raíz se devuelve una posición nula.

- **Hermano derecho (Right Brother):** *recibe* < -árbol(A), posición(P); *retorna* -> posición
 - **RightBrother(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, devuelve la posición del hermano derecho de **p**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida. Si **P** no tiene hermano derecho devuelve una posición nula.

- **Hijo izquierdo (Son Left):** *recibe* < -árbol(**A**), posición(**P**);
retorna -> posición
 - **SonLeft(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, devuelve la posición del hijo más a la izquierda de **p**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida. Si **P** no tiene hijos devuelve una posición nula.

- **Buscar (Search):** *recibe* < -árbol(**A**), elemento (**E**); *retorna* -> posición
 - **Search(A,E)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y un elemento **E**, devuelve la posición del elemento **E** en el árbol **A**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida. Si **E** no es encontrado devuelve una posición nula.

- **Vacia (Empty):** *recibe* < -árbol(A); *retorna* -> **booleano**
 - **Empty(A)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y devuelve **verdadero** en caso de que el árbol A este vacío, devuelve **falso** en caso contrario.

- **Nodo Nulo (Null Node):** *recibe* < -árbol(A), *posición (P)*; *retorna* -> **booleano**
 - **NullNode(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, devuelve verdadero si la posición **P** del árbol **A** es nula o incorrecta y devuelve falso en caso contrario.

- **Leer Nodo(Read Node):** *recibe* < -árbol(A), *posición (P)*; *retorna* -> **elemento**
 - **ReadNode(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, devuelve **el elemento** en la posición **P** del árbol **A**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida.

- **Nuevo Hijo (New Son):** *recibe* \leftarrow *árbol*(**A**), *posición* (**P**), *elemento* **E**;
 - **NewSon(A,P,E)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A**, una posición **P** y un elemento **E**, se añade un nodo que contenga **E** como hijo más a la izquierda del nodo con posición **P**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida. Si el árbol **A** es vacío se agrega a **un nodo raíz con E**.

- **Nuevo Hermano(New Brother)** *recibe* \leftarrow *árbol*(**A**), *posición* (**P**), *elemento* **E**;
 - **NewBrother(A,P,E)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A**, una posición **P** y un elemento **E**, se añade a un nodo que contenga a **E** como hijo más a la izquierda del nodo con posición **P**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida y **P** no puede ser la posición de la raíz del árbol **A**.

- **Eliminar Hijo (Delete Son):** *recibe < -árbol(A), posición (P);*
 - **DeleteSon(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición se elimina al hijo más a la izquierda y todos sus descendientes del nodo con posición **P**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida.

- **Eliminar Hermano (Delete Brother):** *recibe < -árbol(A), posición (P);*
 - **DeleteBrother(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, se elimina al hermano derecho y todos sus descendientes del nodo con posición **P**.
 - **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición valida.

- **Eliminar Nodo(Delete Node):** *recibe <-árbol(A), posición (P);*

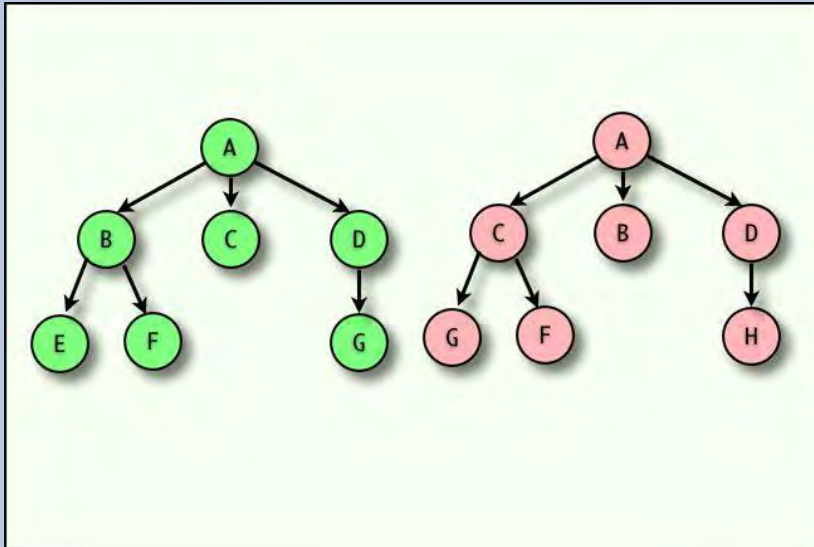
- **DeleteNode(A,P)**
- **Efecto:** Recibe un árbol **A** y una posición **P**, se elimina al nodo con posición **P** y todos sus descendientes.
- **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición válida.

- **Remplazar Nodo(Replace Node):** *recibe <-árbol(A), posición (P), elemento (E);*

- **ReplaceNode(A,P)**
 - **Efecto:** Recibe un árbol **A**, una posición **P** y un elemento **E**, se reemplaza a **E** del nodo con posición **P** en **A**.
- **Requerimientos:** El árbol **A** es no vacío y la posición **P** es una posición válida.

Observaciones

- Cuando el orden de los subárboles importa, se dice que es un **árbol ordenado**.



El árbol de la izquierda es ordenado y el árbol de la derecha es un árbol no ordenado.

- La raíz del árbol A es *padre* de la raíz de los subárboles A_1, \dots, A_m y las raíces de los subárboles A_1, \dots, A_m son *hijos* de la raíz de A .

- Las listas enlazadas son estructuras lineales
 - Son flexibles pero son secuenciales, un elemento detrás de otro.
- Los árboles
 - Junto con los grafos son estructuras de datos no lineales
 - Superan las desventajas de las listas
 - Sus elementos se pueden recorrer de distintas formas, no necesariamente uno detrás de otro
- Son **muy útiles** para la búsqueda y recuperación de información.

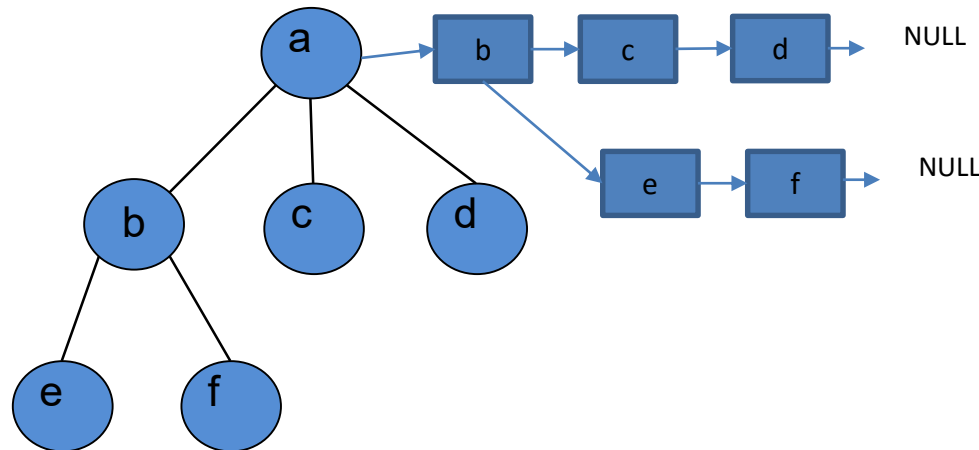
Conceptos

- **Camino:** Si existe una secuencia de nodos n_1, \dots, n_k tal que n_i es padre de n_{i+1} , para $1 \leq i \leq k$, entonces la secuencia se denomina camino del nodo n_1 al nodo n_k . La *longitud* de un camino es el número de nodos del camino menos 1. Existe un camino de longitud 0 de todo nodo a sí mismo.
- **Ascendente/Descendente:** Un nodo a es ascendiente de un nodo b (y b descendiente de a), si existe un camino del nodo a al nodo b . Por tanto todo nodo es ascendiente (y descendiente) de sí mismo. Los ascendientes (y descendientes) de un nodo, excluido el propio nodo, se denominan ascendientes (y descendientes) *propios*.
- **Hoja:** Nodo sin descendientes propios.
- **Altura:** La **altura de un nodo** en un árbol es la longitud del camino más largo de ese nodo a una hoja. La **altura de un árbol** es la altura de la raíz.
- **Profundidad:** La profundidad de un nodo es la longitud del camino único desde ese nodo a la raíz.



Implementación del TAD Árbol

- La implementación adecuada de esta estructura de datos deberá ser **inherentemente dinámica**.
- La implementación de un nodo es básicamente un objeto capaz de almacenar un elemento y una lista de los hijos que tiene (para ello puede utilizarse el **TAD Lista**).





Aplicaciones del TAD Árbol

- Los árboles se emplean en la mayoría de los casos donde es necesario **analizar** un conjunto de posibles soluciones, conjuntos de solución y caminos en teoría de grafos o técnicas de análisis de algoritmos.
- Los árboles son eficientes para realizar **búsquedas** en conjuntos de información muy grandes.
- También se emplean en la representación de **árboles sintácticos**, es decir, árboles que contienen las derivaciones de una **gramática** necesarias para obtener una determinada frase de un lenguaje.

