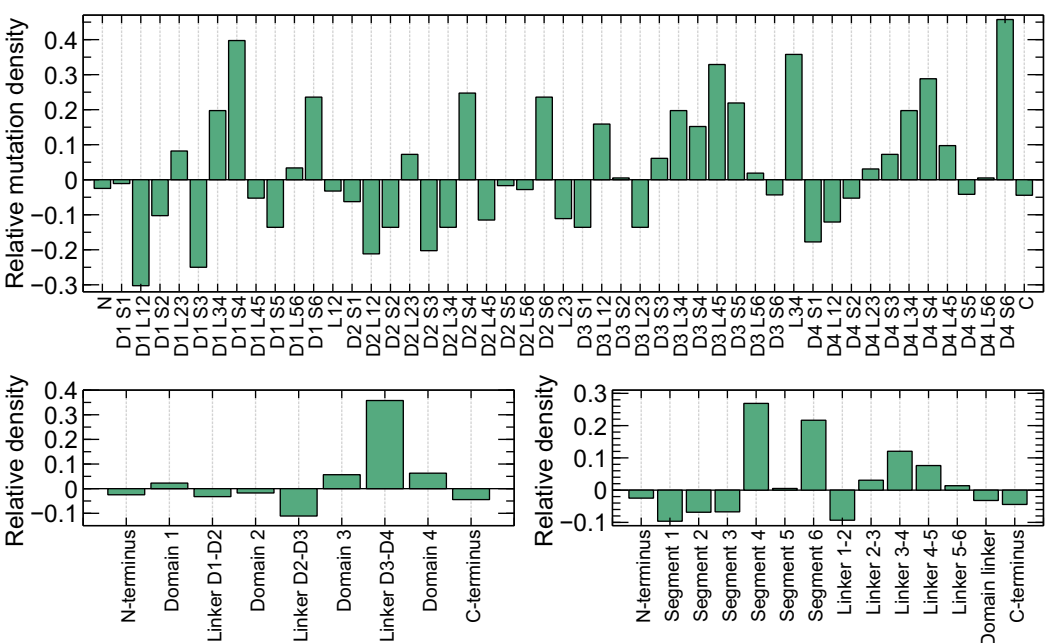
Relative mutation density
0.4
0.3
0.2
0.1
0
−0.1
−0.2
−0.3
N
D1 S1
D1 L12
D1 S2
D1 L23
D1 S3
D1 L34
D1 S4
D1 L45
D1 S5
D1 L56
D1 S6
L12
D2 S1
D2 L12
D2 S2
D2 L23
D2 S3
D2 L34
D2 S4
D2 L45
D2 S5
D2 L56
D2 S6
L23
D3 S1
D3 L12
D3 S2
D3 L23
D3 S3
D3 L34
D3 S4
D3 L45
D3 S5
D3 L56
D3 S6
L34
D4 S1
D4 L12
D4 S2
D4 L23
D4 S3
D4 L34
D4 S4
D4 L45
D4 S5
D4 L56
D4 S6
C
Relative density
0.4
0.3
0.2
0.1
0
−0.1
N-terminus
Domain 1
Linker D1-D2
Domain 2
Linker D2-D3
Domain 3
Linker D3-D4
Domain 4
C-terminus
Relative density
0.3
0.2
0.1
0
−0.1
N-terminus
Segment 1
Segment 2
Segment 3
Segment 4
Segment 5
Segment 6
Linker 1-2
Linker 2-3
Linker 3-4
Linker 4-5
Linker 5-6
Domain linker
C-terminus