

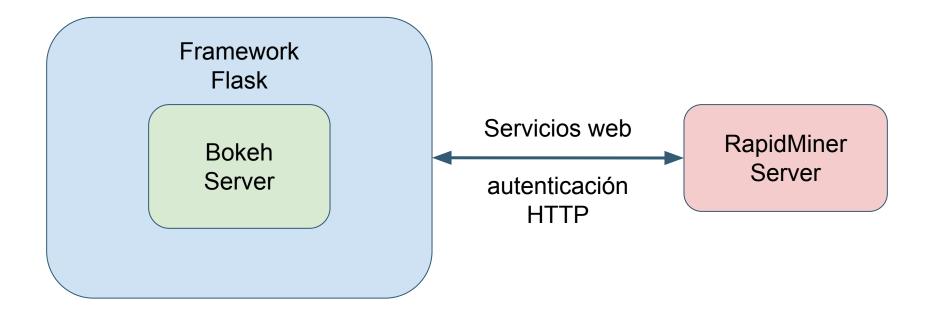
Faculty of Engineering

Monitorización y visualización EDAR 4.0

Componentes de la arquitectura

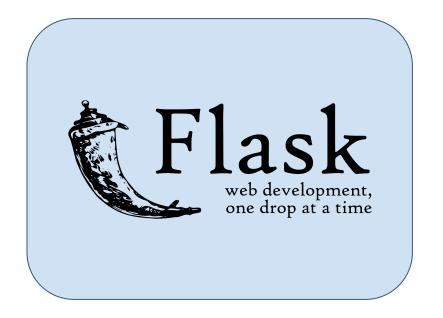
Arquitectura general





Framework Flask

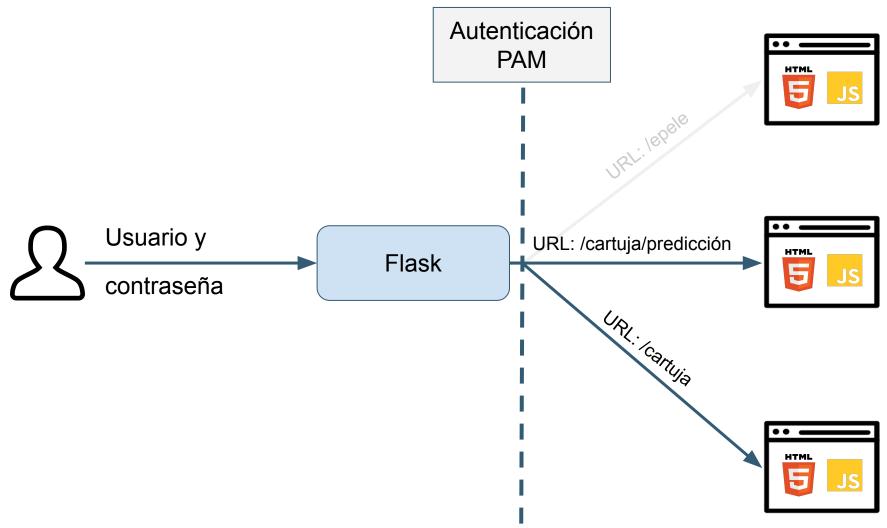




date

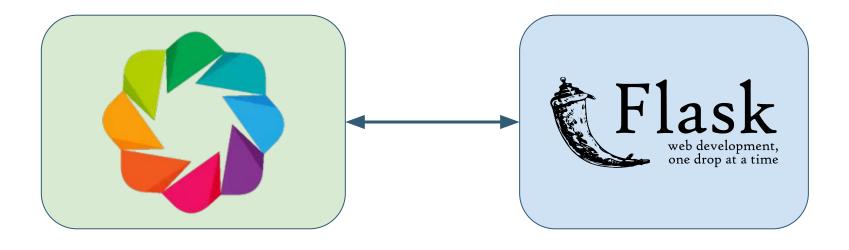
Framework Flask





Comunicación Bokeh - Flask

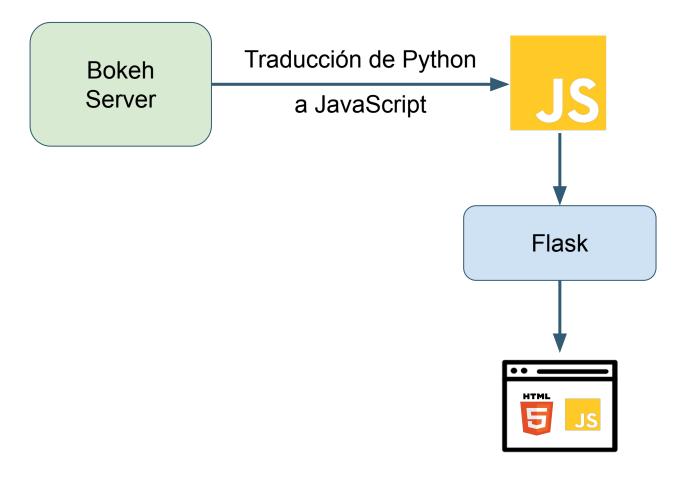




date 6

Comunicación Bokeh - Flask





Bokeh Server

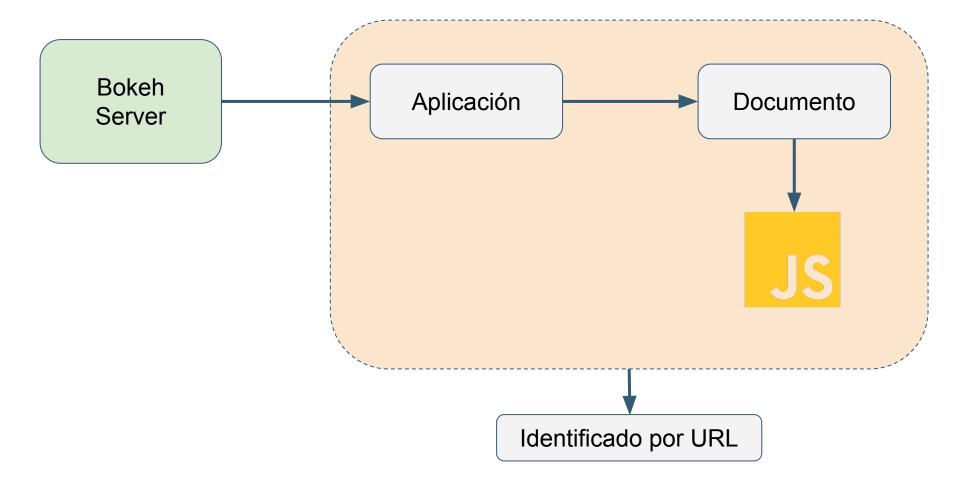




date 8

Bokeh Server





RapidMiner Server

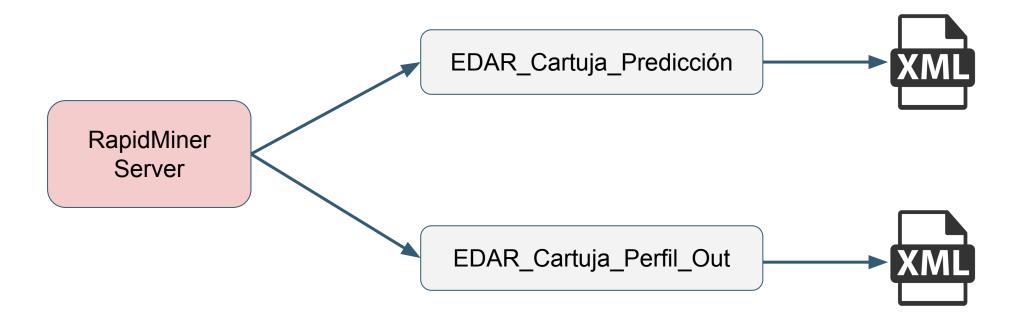




date 10

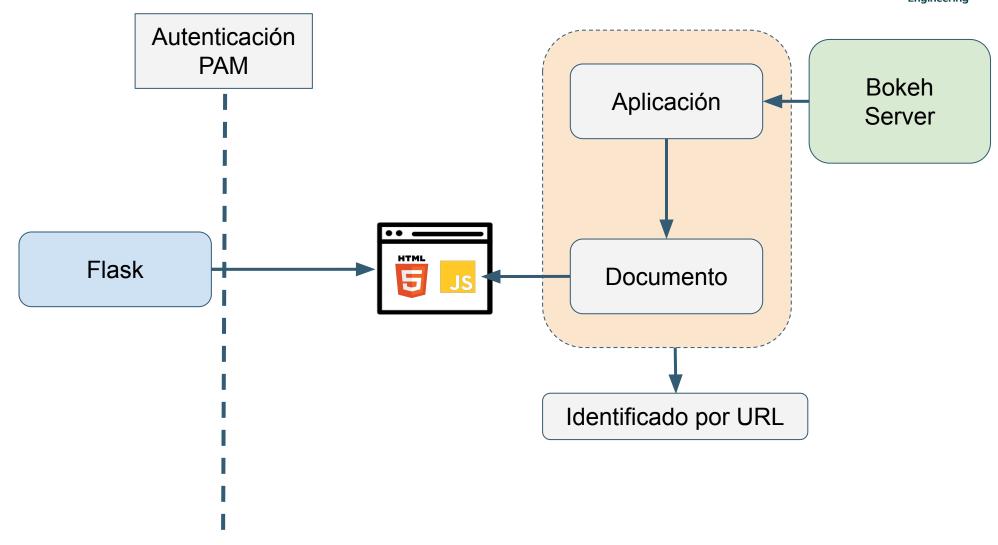
RapidMiner Server





Resumen

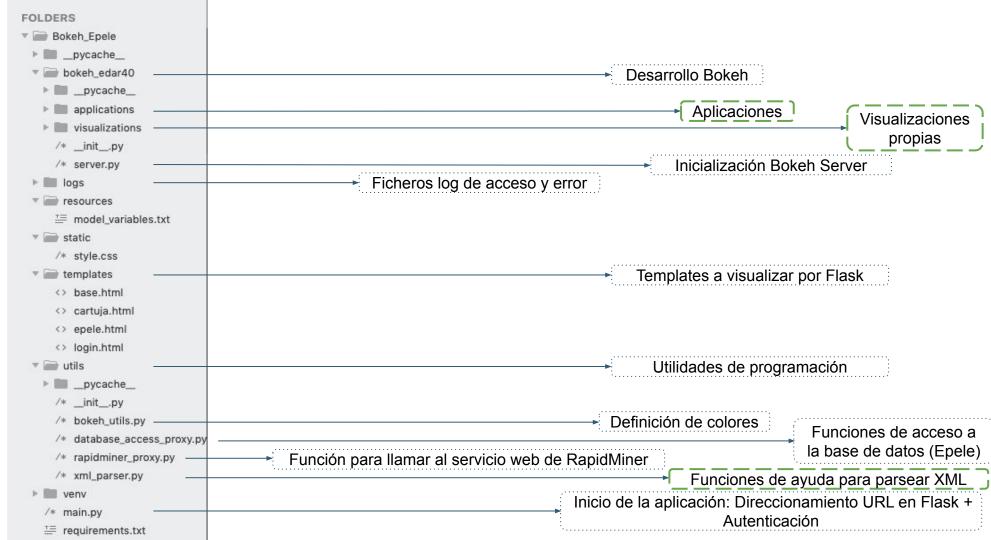




Detalles de desarrollo

Estructuración código Python





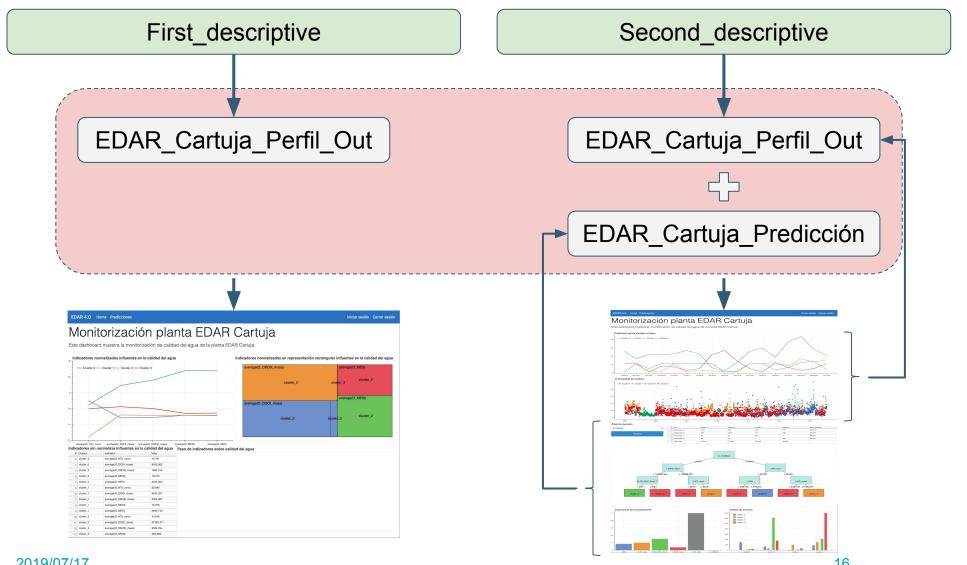
Paquetes Python



Nombre de paquete	Función
Requests	Acceder a los servicios web de RapidMiner Server
Python-pam	Para construir el sistema de autenticación de la aplicación
PyHive	Utilizado para acceder a los datos almacenados en la Cloud.
SQLAlchemy	Junto con PyHive ofrece variedad de herramientas SQL para aplicar todo tipo de sentencias.

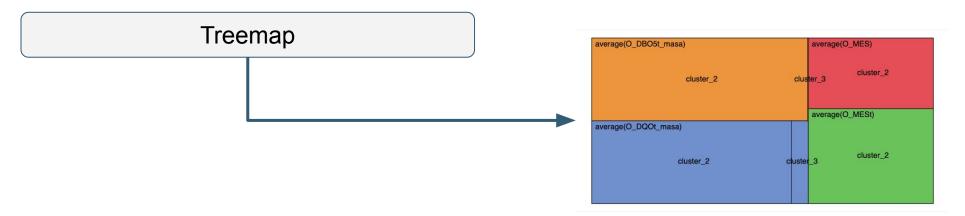
Aplicaciones Bokeh





Visualizaciones propias Bokeh

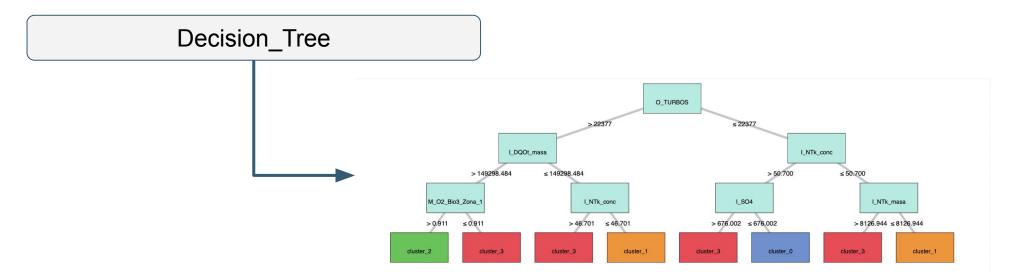




- Basado en:
 - https://github.com/abytofpy/BokehTreemap
 - Se convierte en multidimensional

Visualizaciones propias Bokeh

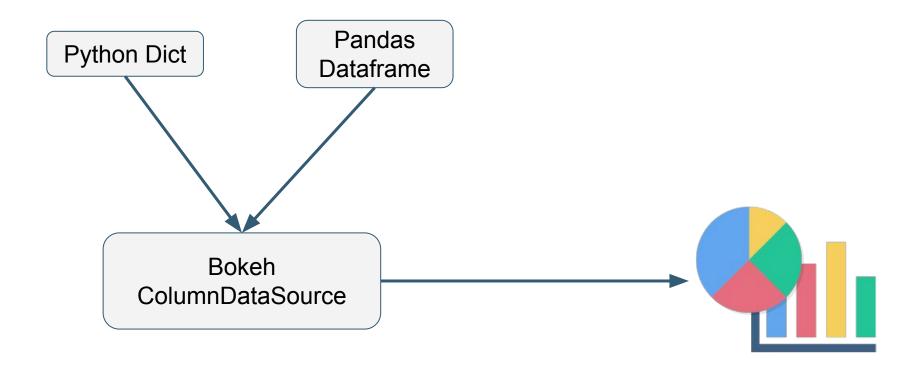




- Desarrollo propio basado en diagrama de red de Bokeh:
 - https://bokeh.pydata.org/en/latest/docs/user_guide/graph.html

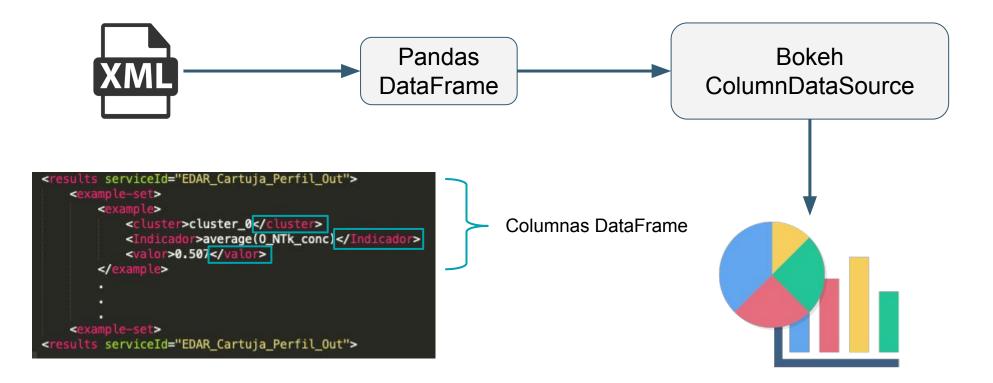


• Inserción de datos en una visualización de Bokeh:



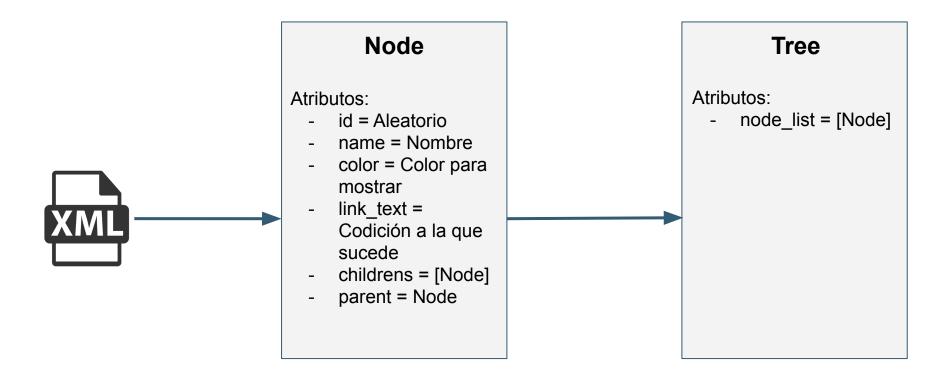


Proceso principal de parseo XML





- Parseo XML árbol de decisión
 - Estructura de árbol simulada en dos clases Python: Node y Tree



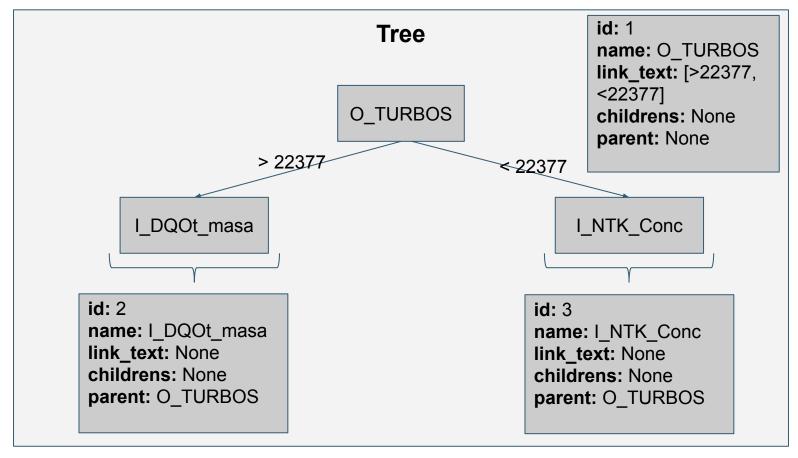


- Parseo XML árbol de decisión
 - Uso de expresiones regulares línea a línea

```
Valores descartados
                                                   Identifica Node final
          Identifica link text
                           <results serviceId="EDAR_Cartuja_Prediccion">
¿Cuántos hijos?
                                   0 TURBOS > 22377
                                    I DQOt masa > 149298.484
¿Tiene padre?
                                     M_02_Bio3_Zona_1 > 0.911: cluster_2 {cluster_3=27, cluster_0=25, cluster_1=0, cluster_2=290}
    Nivel de
                                     M 02 Bio3 Zona 1 ≤ 0.911: cluster 3 {cluster 3=115, cluster 0=27, cluster 1=5, cluster 2=40}
                                     I DQOt masa ≤ 149298.484
 profundidad
                                      I_NTk_conc > 46.701: cluster_3 {cluster_3=1097, cluster_0=366, cluster_1=177, cluster_2=62}
                                      I_NTk_conc ≤ 46.701: cluster_1 {cluster_3=82, cluster_0=14, cluster_1=183, cluster_2=0}
                                    TURBOS ≤ 22377
                                    I NTk_conc > 50.700
                                      I_SUM > 676.002: cluster_3 {cluster_3=197, cluster_0=97, cluster_1=9, cluster_2=79}
                                      I_S04 ≤ 676.002: cluster_0 {cluster_3=297, cluster_0=1142, cluster_1=51, cluster_2=133}
                                     I NTk conc ≤ 50.700
                                      I_NTk_masa > 8126.944: cluster_3 {cluster_3=27, cluster_0=8, cluster_1=3, cluster_2=7}
                                     | I_NTk_masa ≤ 8126 944: cluster_1 {cluster_3=20, cluster_0=32, cluster_1=148, cluster 2=9}
                                                         Nombre Node
```

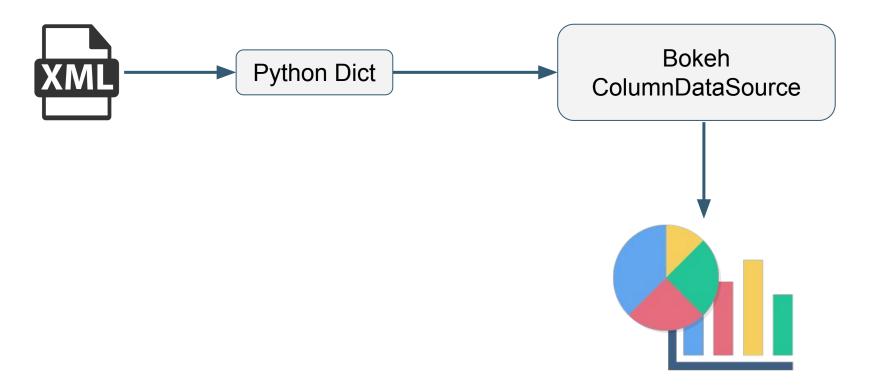


- Parseo XML árbol de decisión
 - Resultado final obtenido:



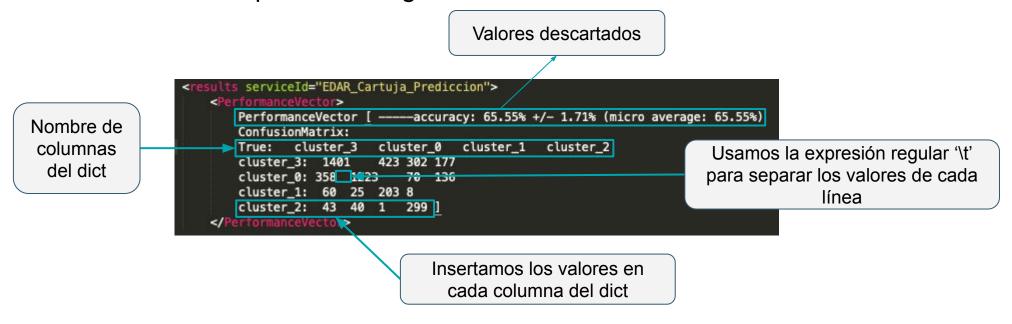


Parseo XML matriz de confusión





- Parseo XML matriz de confusión
 - Uso de expresiones regulares línea a línea



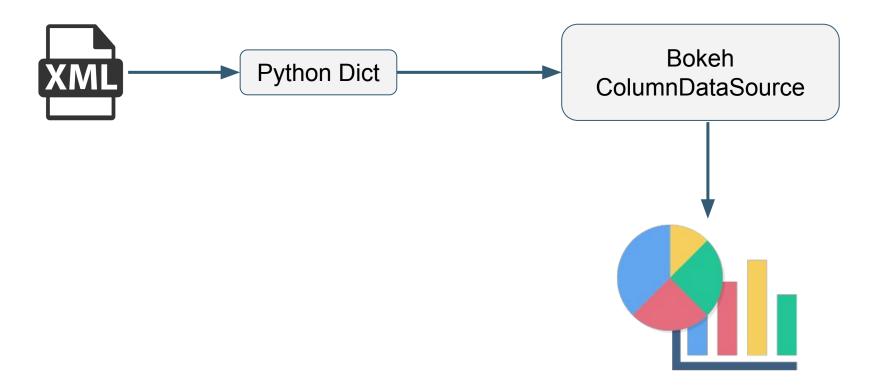


- Parseo XML matriz de confusión
 - Resultado final obtenido:

```
{
    'True': ['pred.cluster_3', 'pred.cluster_0', 'pred.cluster_1', 'pred.cluster_2', 'class recall'],
    'cluster_3': ['1401', '358', '60', '43', '75.24%'],
    'cluster_0': ['423', '1223', '25', '40', '71.48%'],
    'cluster_1': ['302', '70', '203', '1', '35.24%'],
    'cluster_2': ['177', '136', '8', '299', '48.23%'],
    'cluster_2': ['177', '136', '8', '299', '48.23%'],
    'class_precision': ['60.83%', '68.44%', '68.58%', '78.07%', '']
}
```



• Parseo XML gráfica de aciertos





- Parseo XML gráfica de aciertos
 - Si el valor real y la predicción coinciden contamos un acierto.

```
<I 504>603.528</I 504>
                          <M 02 Bio1 Zona 1>1.584</M 02 Bio1 Zona 1>
                          <semana>1</semana>
                           <mes>1</mes>
                          <confidence-cluster 0- role="confidence cluster 0">0.159</confidence-cluster 0->
                          <confidence-cluster 2- role="confidence_cluster_2">0.175/confidence-cluster_2->
                          <pc 1 role="batch1">0.969</pc 1>
                          <pc 2 role="batch2">0.243</pc 2>
                          <timestamp role="id">5/01/06</timestamp>
                          <confidence-cluster 3- role="confidence_cluster_3">0.635</confidence-cluster_3->
Valor real
                           <Calidad Agua role="label">cluster_3</Calidad Agua>
                          <confidence-cluster 1- role="confidence cluster 1">0.032</confidence-cluster 1->
                          <outlier role="outlier">0.302</outlier>
                          <prediction-Calidad Agua- role="prediction">cluster_3</prediction-Calidad Agua->
                                                                  Valor de predicción del
                                                                           modelo
```



- Parseo XML gráfica de aciertos
 - Resultado final obtenido:



```
Valores posibles

(correct_values)

['cluster_3', 'cluster_2', 'cluster_1', 'cluster_0']
```