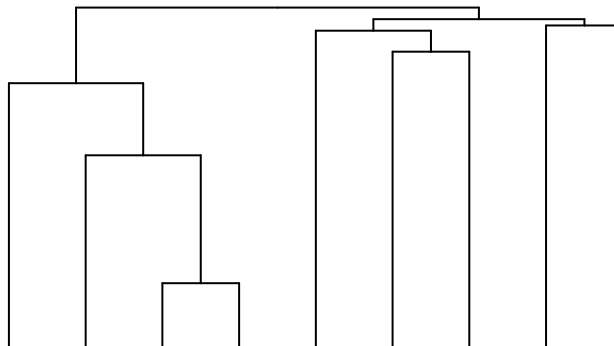
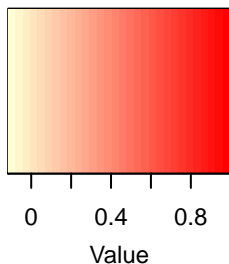


Color Key



-0.08	-0.08	-0.04	-0.05	-0.08	-0.04	-0.02	-0.06	1
(0)	(0)	(0)	(0)	(1)	(0)	(0)	(0)	(135)
-0.07	-0.07	-0.04	-0.04	-0.07	-0.04	-0.02	1	-0.06
(0)	(0)	(0)	(0)	(1)	(0)	(0)	(126)	(0)
-0.02	0.05	-0.02	-0.02	-0.03	0.03	1	-0.02	-0.02
(1)	(11)	(0)	(0)	(0)	(3)	(37)	(0)	(0)
-0.05	-0.02	-0.03	-0.04	-0.04	1	0.03	-0.04	-0.04
(0)	(5)	(0)	(0)	(3)	(83)	(3)	(0)	(0)
-0.12	-0.11	-0.05	-0.05	1	-0.04	-0.03	-0.07	-0.08
(3)	(3)	(0)	(1)	(294)	(3)	(0)	(1)	(1)
0.26	0.37	0.79	1	-0.05	-0.04	-0.02	-0.04	-0.05
(52)	(67)	(67)	(88)	(1)	(0)	(0)	(0)	(0)
0.29	0.47	1	0.79	-0.05	-0.03	-0.02	-0.04	-0.04
(56)	(80)	(80)	(67)	(0)	(0)	(0)	(0)	(0)
0.13	1	0.47	0.37	-0.11	-0.02	0.05	-0.07	-0.08
(56)	(244)	(80)	(67)	(3)	(5)	(11)	(0)	(0)
1	0.13	0.29	0.26	-0.12	-0.05	-0.02	-0.07	-0.08
(259)	(56)	(56)	(52)	(3)	(0)	(1)	(0)	(0)

KEGG Oxidative p

GO:MF GTPase re

GO:CC basement

GO:CC cell junctio

GO:CC endoplas

KEGG Ribosome

GO:MF structural

GO:MF structural

GO:MF RNA bindi

GO:MF RNA binding

structural molecule activity

structural constituent of ribosome

KEGG Ribosome

GO:CC endoplasmic reticulum

GO:CC cell junction

GO:CC basement membrane

GTPase regulator activity

Oxidative phosphorylation