

Histopathologic Image Classification of Benign Fibro-Osseous Lesions of the Jaws Using Deep Neural Network

1.การอัปโหลดข้อมูลและการสร้างโฟลเดอร์ที่จำเป็นในการเก็บรูปภาพบน

Google drive

อัปโหลดข้อมูลขึ้นบน Google Drive และสร้างโฟลเดอร์ที่จะใช้ในการเก็บไฟล์ข้อมูลรูปภาพลักษณะต่าง ๆ ลงบน Google Drive โดยจากงานของเราจะมีรูปภาพทั้งหมดบน Google Drive 6 แบบ รวมภาพ Original RGB Image โดย

P => Piecewise Linear Contrast Stretching

GHE => Global Histogram Equalization

CLAHE => Contrast Limited Adaptive Histogram Equalization

The screenshot shows the Google Drive interface. The left sidebar contains navigation icons. The main area shows a folder named 'Digital Image Project' with a subfolder 'Old_Data_Set'. A red box highlights the 'Old_Data_Set' folder, with a callout box saying 'มี Data Set ให้' (I have a Data Set for you). Another red box highlights a list of folders: 'Original_Image', 'Gray Scale', 'GHE + P', 'GHE', 'CLAHE + P', and 'CLAHE'. A callout box points to this list, saying 'สร้างโฟลเดอร์ว่างเองก่อน run code' (Create an empty folder before running the code).

ชื่อ	เจ้าของ	แก้ไขล่าสุด	ขนาดไฟล์
Original_Image	ฉัน	4 ธ.ค. 2022	ฉัน
Gray Scale	ฉัน	4 ธ.ค. 2022	ฉัน
GHE + P	ฉัน	6 ธ.ค. 2022	ฉัน
GHE	ฉัน	4 ธ.ค. 2022	ฉัน
CLAHE + P	ฉัน	6 ธ.ค. 2022	ฉัน
CLAHE	ฉัน	4 ธ.ค. 2022	ฉัน

ภายในไดร์ฟจะแบ่งเป็น 2 โฟลเดอร์ คือ ข้อมูล Train และ test และภายในแต่ละโฟลเดอร์จะมีการแยกรูปภาพตามชนิดของรอยโรค คือ

ไดรฟ์ของฉัน > Digital Image ... > Old_Data_S... > **Gray Scale**

โฟลเดอร์

ชื่อ ↓

train_gray_scale

test_gray_scale

ไดรฟ์ของฉัน > ... > **Gray Scale > train_gray_scale**

สร้างโฟลเดอร์ว่างเองก่อน run code

โฟลเดอร์

ชื่อ ↓

Ossifying_train_gray

Fibrous_train_gray

Cemento_train_gray

สร้างโฟลเดอร์ว่างเองก่อน run code

ไดรฟ์ของฉัน > ... > **Gray Scale > test_gray_scale**

โฟลเดอร์

ชื่อ ↓

Ossifying_test_gray

Fibrous_test_gray

Cemento_test_gray

สร้างโฟลเดอร์ว่างเองก่อน run code

ภายในแต่ละโฟลเดอร์จะมีภาพถ่ายทางจุลพยาธิวิทยาของรอยโรคอยู่



ภาพรวมในการเข้าถึงไฟล์รูปภาพจะเป็น และจำนวนโฟลเดอร์ที่ต้องสร้างจะมี ดังนี้

RGB Image >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying (มี Dataset ให้)

Grayscale >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying

GHE >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying

CLAHE >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying

GHE + P >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying

CLAHE + P >>> Train and Test >>> Cemento and Fibrous and Ossifying

2. RUN CODE

2.1 แปลงภาพ

2.1.1 เชื่อมต่อ Colab กับ Google Drive ที่ทำการสร้างโฟลเดอร์ในการเก็บภาพถ่ายทางจุลพยาธิวิทยาไว้

```
[1] from google.colab import drive
drive.mount('/content/drive')
```

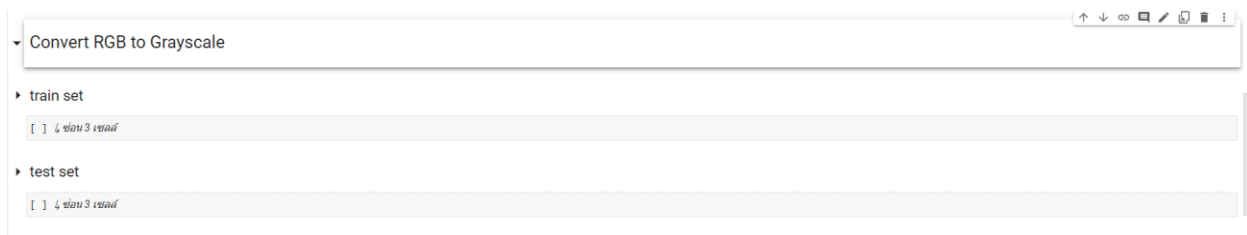
2.1.2 Import library ที่จำเป็น

```
[ ] import os
import glob
import keras
import sklearn
import cv2 as cv2
import numpy as np
import pandas as pd
import PIL as Image
import seaborn as sns
import pathlib as path
import tensorflow as tf
import matplotlib as mpl
from datetime import datetime
import matplotlib.image as img
from keras import backend as k
from keras.models import Model
import matplotlib.pyplot as plt
from keras.utils import np_utils
from google.colab.patches import cv2_imshow
from tensorflow.keras.preprocessing import image
from tensorflow.keras.datasets import fashion_mnist
from keras.layers.convolutional import MaxPooling2D
from sklearn.model_selection import train_test_split
from tensorflow.keras.callbacks import ModelCheckpoint
from tensorflow.keras.optimizers import Adam,SGD,RMSprop
from tensorflow.keras.applications.resnet50 import ResNet50
from tensorflow.keras.models import Sequential, Model, load_model
from tensorflow.keras import models, layers, optimizers, callbacks
from sklearn.metrics import confusion_matrix, classification_report
from tensorflow.keras.applications.vgg16 import VGG16,preprocess_input
from tensorflow.keras.utils import to_categorical, image_dataset_from_directory
from tensorflow.keras.preprocessing.image import ImageDataGenerator,load_img,img_to_array
from tensorflow.keras.layers import Dense, Conv2D, Flatten, Dropout, MaxPooling2D, BatchNormalization, ReLU,Flatten,Activation, GlobalAveragePooling2D, Input
%matplotlib inline
```

2.1.3 แปลงภาพให้อยู่ในรูปแบบต่างๆตามโค้ดที่ส่งให้ โดยเปลี่ยน Path ตามที่เราใส่ไว้ใน Drive ตัวเอง

ลักษณะของ Code ตรงส่วนของการแปลงภาพเบื้องต้นเมื่อเปิดไฟล์ที่ให้ไป





มีสิ่งที่ต้องแก้คือ Path ที่ใช้เชื่อมต่อกับโฟลเดอร์ในไดรฟ์ของเราที่สร้างไว้ โดยบรรทัดที่ 1 คือไดรฟ์ต้นทางที่เราจะทำการดึงภาพถ่ายทางจุลพยาธิวิทยาามาแปลง และบรรทัดต่อมาคือไดรฟ์ปลายทางที่เราจะทำการจัดเก็บภาพหลังการแปลง ซึ่งจะทำเหมือนกันในข้อมูล Train และ Test ทั้ง 5 รูปแบบการแปลงภาพ

```
data_train_ce = '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old_Data_Set/Original image/train_cell/Cemento'
gray_train_ce = '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old_Data_Set/Gray Scale/train_gray_scale/Cemento_train_gray'
try:
    makedirs(gray_train_ce)
except:
    print ("Directory already exist, images will be written in asme folder")

# Folder won't used
files = os.listdir(data_train_ce)

for image in files:
    img = cv2.imread(os.path.join(data_train_ce,image))
    gray = cv2.cvtColor(img,cv2.COLOR_BGR2GRAY) #Convert RGB image to Gray-scale
    cv2.imwrite(os.path.join(gray_train_ce,image),gray)
```

ไดรฟ์ต้นทาง

ไดรฟ์ปลายทาง

*****ในภาพคือการแปลงจาก RGB to Grayscale*****

*****ในบางรูปแบบการแปลงอาจต้องสร้างฟังก์ชันซึ่งสามารถดัดแปลงตามลำดับในโค้ดที่แนบมาได้เลย*****

2.2. Preprocess Data

เมื่อแปลงข้อมูลเสร็จจะเป็นการแบ่งส่วนเพื่อใช้ในการ Train และ Test model สามารถปรับแก้ หรือ กดรันตาม โค้ดได้เลย

```
▶ IMAGE_SIZE = [224,224]
train_datagen = ImageDataGenerator(
    rescale=1./255, #rescal Grayscale
    horizontal_flip = True,
    vertical_flip = True,
    validation_split = 0.2
)

validation_datagen = ImageDataGenerator(
    ...rescale = 1./255, validation_split = 0.2
)

test_datagen = ImageDataGenerator(
    rescale = 1./255
)
```

2.3 Model

เป็นกระบวนการในการใช้ข้อมูลในรูปแบบต่าง ๆ มา Train Model ซึ่งจะแบ่งออกเป็น 5 รูปแบบ ดังภาพ

Model ResNet50

▶ -----Grayscale-----

[] ↳ ช้อน 16 เซลล์

▶ -----GHE-----

[] ↳ ช้อน 13 เซลล์

▶ -----CLAHE-----

[] ↳ ช้อน 13 เซลล์

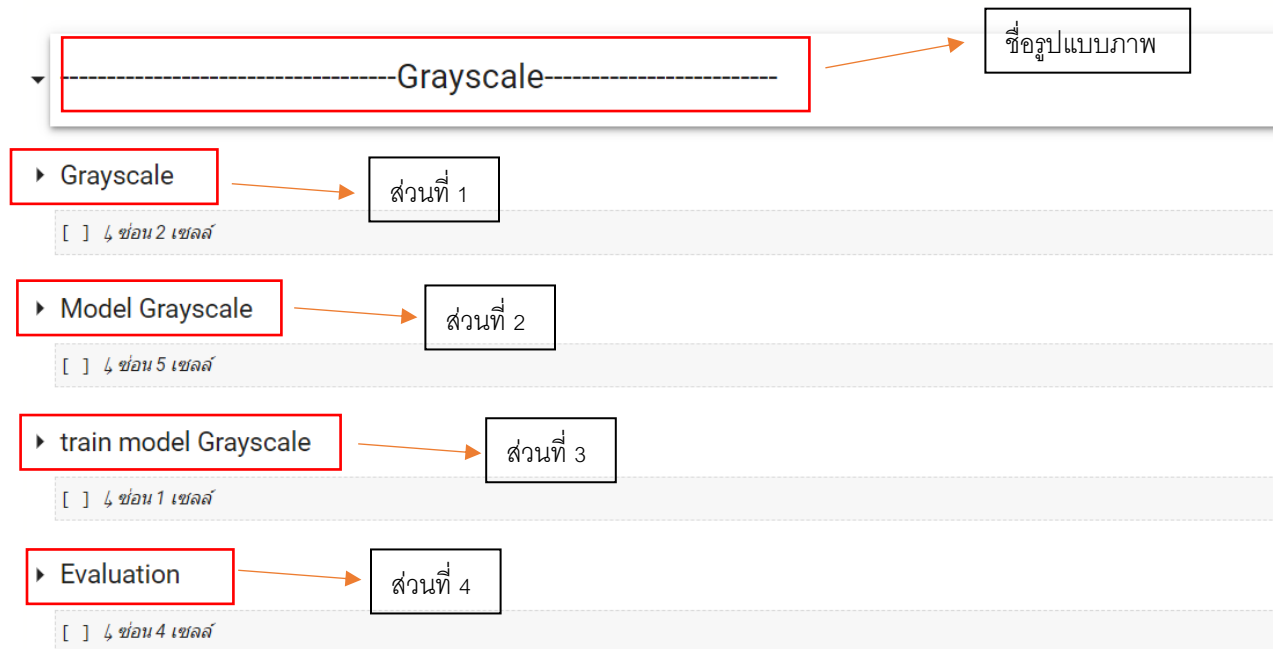
▶ -----GHE + Piecewise-----

[] ↳ ช้อน 13 เซลล์

▶ -----CLAHE + Piecewise-----

[] ↳ ช้อน 13 เซลล์

ในทุก ๆ รูปแบบภาพจะมีการแบ่งส่วนเพื่อให้ง่ายต่อการ Run ดังนี้



ส่วนที่ 1 ต้องเปลี่ยน Path ของข้อมูล Train และ Test ในทุก ๆ รูปแบบของการปรับปรุงคุณภาพภาพให้ตรงกับ Location ของภาพรูปแบบนั้น ๆ (ในกรณีนี้ในภาพคือการ Train Grayscale)

```
Grayscale

[ ] test_Path_gray = '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old Data Set/Gray Scale/test gray scale'
    train_Path_gray = '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old Data Set/Gray Scale/train_gray_scale'

training_set_gray = train_datagen.flow_from_directory(
    train_Path_gray,
    target_size = IMAGE_SIZE,
    batch_size = 32,
    class_mode = 'categorical')

validation_set_gray = validation_datagen.flow_from_directory(
    train_Path_gray,
    target_size = IMAGE_SIZE,
    batch_size = 32,
    class_mode = 'categorical')

test_set_gray = test_datagen.flow_from_directory(
    test_Path_gray,
    target_size = IMAGE_SIZE,
    batch_size = 32,
    class_mode = 'categorical'
)

Found 460 images belonging to 3 classes.
Found 460 images belonging to 3 classes.
```

ส่วนที่ 2 ตั้งแต่ส่วนที่ 2 - 4 สามารถ Run code ตามลำดับได้เลย

เป็นการเรียนรู้ใช้ ResNet50 Model Code
อยู่ในส่วนของ Grayscale ซึ่งสามารถ
เรียกใช้ในการแปลงภาพรูปแบบอื่นๆ ได้เลย

```
[ ] resnet = ResNet50(  
    input_shape = IMAGE_SIZE + [3], #.....  
    weights = 'imagenet',  
    include_top = False )
```

Downloading data from https://storage.googleapis.com/tensorflow/keras-applications/resnet/resnet50_weights_tf_dim_ordering_tf_kernels_notop.h5
94765736/94765736 [=====] - 3s 0us/step

```
[ ] for layer in resnet.layers:  
    layer.trainable = False  
import glob  
folders_gray = glob.glob(train_Path_gray + '/*')  
folders_gray
```

```
['/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old_Data_Set/Gray Scale/train_gray_scale/Cemento_train_gray',  
 '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old_Data_Set/Gray Scale/train_gray_scale/Fibrous_train_gray',  
 '/content/drive/MyDrive/Digital Image Project/Old_Data_Set/Gray Scale/train_gray_scale/Ossifying_train_gray']
```

```
[ ] x = Flatten()(resnet.output)  
prediction = Dense(len(folders_gray), activation = 'softmax')(x)  
resnet50_model = Model(inputs = resnet.input, outputs = prediction)  
resnet50_model.compile(  
    loss = 'categorical_crossentropy',  
    optimizer = 'adam',  
    metrics = ['accuracy']  
)
```

ส่วนที่ 3 เป็นการ Train Model ที่กำหนด จำนวน epoch = 20 และ Bath size = 32 (สามารถปรับตัวเลขได้) โดยตั้งการ callback ไว้ให้ดูที่ค่า loss โดยหากค่า Loss ไม่ลดลงติดกัน 2 ครั้ง จะทำการหยุดการ Train model และ Save Epoch ที่สูงเป็นลำดับที่ 3 นับจากด้านล่าง

▼ train model Grayscale

```
early_stop = callbacks.EarlyStopping(monitor='val_loss', patience=2)  
mcp_save = ModelCheckpoint('history_resnet50_model_gray_earlystop.h5', save_best_only=True, monitor='val_loss')  
  
history_resnet50_model_gray_earlystop = resnet50_model.fit(  
    training_set_gray,  
    batch_size=32,  
    epochs=20,  
    validation_data = (validation_set_gray),  
    callbacks=[early_stop,mcp_save]  
)
```

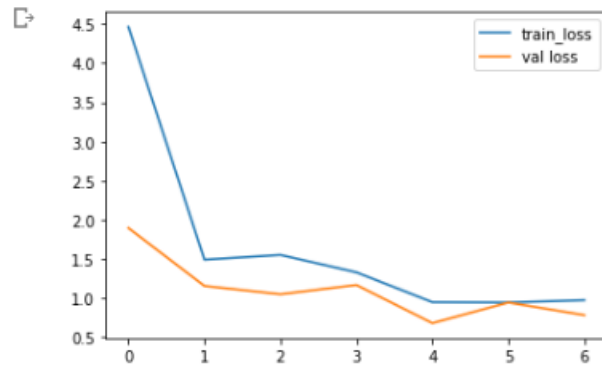
```
Epoch 1/20  
15/15 [=====] - 95s 6s/step - loss: 4.4640 - accuracy: 0.4565 - val_loss: 1.8955 - val_accuracy: 0.5848  
Epoch 2/20  
15/15 [=====] - 25s 2s/step - loss: 1.4919 - accuracy: 0.5326 - val_loss: 1.1560 - val_accuracy: 0.5543  
Epoch 3/20  
15/15 [=====] - 23s 2s/step - loss: 1.5525 - accuracy: 0.4935 - val_loss: 1.0503 - val_accuracy: 0.5957  
Epoch 4/20  
15/15 [=====] - 25s 2s/step - loss: 1.3302 - accuracy: 0.6196 - val_loss: 1.1683 - val_accuracy: 0.6174  
Epoch 5/20  
15/15 [=====] - 23s 2s/step - loss: 0.9491 - accuracy: 0.6522 - val_loss: 0.6814 - val_accuracy: 0.6913  
Epoch 6/20  
15/15 [=====] - 23s 2s/step - loss: 0.9454 - accuracy: 0.6000 - val_loss: 0.9451 - val_accuracy: 0.6913  
Epoch 7/20  
15/15 [=====] - 23s 2s/step - loss: 0.9750 - accuracy: 0.6304 - val_loss: 0.7836 - val_accuracy: 0.6130
```

Save

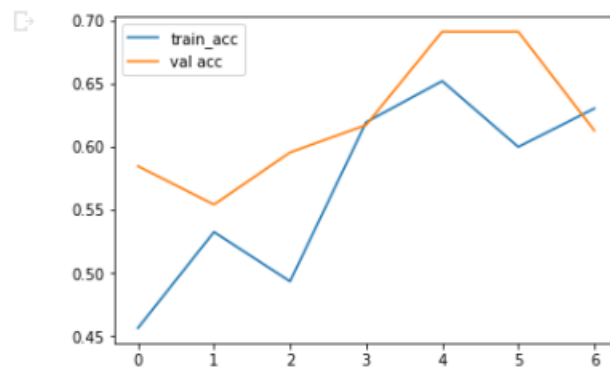
ส่วนที่ 4 เป็นการดูผลลัพธ์ความแม่นยำที่ได้จากการ Train Model ด้วยภาพถ่ายทางจุลพยาธิวิทยาในรูปแบบต่าง ๆ

▼ Evaluation

```
plt.plot(history_resnet50_model_gray_earlystop.history['loss'], label = 'train_loss')  
plt.plot(history_resnet50_model_gray_earlystop.history['val_loss'], label = 'val loss')  
plt.legend()  
plt.show()
```



```
plt.plot(history_resnet50_model_gray_earlystop.history['accuracy'], label = 'train_acc')  
plt.plot(history_resnet50_model_gray_earlystop.history['val_accuracy'], label = 'val acc')  
plt.legend()  
plt.show()
```



```

▶ model_gray_earllystop = load_model('history_resnet50_model_gray_earllystop.h5')
  score1 = model_gray_earllystop.evaluate(training_set_gray)
  score1

15/15 [=====] - 13s 760ms/step - loss: 0.6950 - accuracy: 0.6957
[0.6950275301933289, 0.695652186870575]

[ ] score2 = model_gray_earllystop.evaluate(test_set_gray)
  score2

2/2 [=====] - 8s 7s/step - loss: 0.8848 - accuracy: 0.6222
[0.8848317265510559, 0.622222447395325]

```

ในการ Train model ของการปรับปรุงภาพถ่ายทางจุลพยาธิวิทยาในรูปแบบอื่น ๆ หลังจากการเปลี่ยน Path แล้ว สามารถ Run Code ตามลำดับได้เลยเช่นเดียวกันกับ ภาพในรูปแบบ Grayscale

ปล. ชุดข้อมูลที่แสดงการรันโค้ดข้างต้นคือ ชุดข้อมูลรูปภาพ Grayscale โดยชุดข้อมูลชุดอื่น ๆ ก็จะทำกรรันโค้ดตามวิธีที่แสดงข้างต้นเช่นกัน