9dombi lekérdezés		4 pont
Táblakészítő lekérdezés készítése	1 pont	
Több tábla használata	1 pont	
Szűrés a megfelelő osztályokra és a vizsgatárgyra	1 pont	
Csoportosítás osztály szerint, és a MAX függvény helyes	1	
használata	1 pont	
Példa:	•	
SELECT vizsgazo.osztaly, max(vizsga.irasbeli) AS legjobb INTO dombi		
FROM vizsgazo, vizsga, vizsgatargy		
WHERE (vizsgazo.osztaly Not Like "11*" Or		
vizsgazo.osztaly="11/C") And vizsgatargy.nev="matematika" And		
vizsgatargy.nev- matematika And vizsgazo.azon=vizsga.vizsgazoaz And		
vizsga.vizsgatargyaz=vizsgatargy.azon		
GROUP BY vizsgazo.osztaly;		
10jeles lekérdezés		3 pont
Több tábla használata	1 pont	
Szűrés az elért pontszámra	1 pont	
Csoportosítás osztály szerint és a COUNT függvény helyes	-	
használata	1 pont	
Példa:		
SELECT vizsgazo.osztaly, count(vizsga.azon)		
FROM vizsgazo, vizsga		
WHERE vizsga.szobeli+vizsga.irasbeli>=90		
AND vizsgazo.azon=vizsga.vizsgazoaz		
GROUP BY vizsgazo.osztaly;		
Összesen:		30 pont

4. Fehérje

T/4 1 c 1 / C / 1/1		1 /
Létezik feherje néven forráskód		1 pont
Fájlbeolvasás		3 pont
Egy adat beolvasása az aminosav.txt-ből sikeres	1 pont	
Egy aminosav adatait helyesen olvassa be	1 pont	
Minden adatot beolvas	1 pont	
Relatív molekulatömeg meghatározása		3 pont
A megadott atomtömegeket helyesen használja a		
meghatározáshoz	1 pont	
Legalább 1 aminosavra helyes eredményt ad	1 pont	
Minden aminosavra helyesen számol	1 pont	
Adatok kiírása (eredmeny.txt)		3 pont
A programmal az eredmeny. txt fájlt létrehozza	1 pont	
A fájlban legalább 1 adat megjelenik	1 pont	
A kiírt adatok előtt minden esetben megjelenik a feladat		
sorszáma	1 pont	
A pont nem adható meg, ha egyáltalán nincs kiírás, de megadható, ha a feladat számát feleslegesen írja ki – az adatok kiírását a feladat az adott helyen nem kéri.		

Rendezés		9 pont
Helyesen határozza meg az egyik szélső értéket	1 pont	
A legkisebb vagy legnagyobb molekulatömegű aminosav a		
megfelelő helyre kerül (név és tömeg helyes)	1 pont	
A tömegértékek sorba rendezése helyes	2 pont	
A megnevezések a tömegekkel együtt rendezettek	2 pont	
Az összetartozó adatokat együtt tartotta	1 pont	
Kigyűjtött adatokkal dolgozott, vagy az aminosavak többi	•	
adatát is rendezte.		
Az eredményt a képernyőre kiírta, egy-egy sorban az		
azonosító és a molekulatömeg szóközzel van elválasztva	1 pont	
Az eredményt az eredmeny. txt fájlba kiírta, egy-egy	1	
sorban az azonosító és a molekulatömeg szóközzel van		
elválasztva	1 pont	
BSA összegképlete	1 pont	11 pont
A bsa.txt fájlból adatot olvas be	1 pont	11 pont
Minden adatot beolvas (tömbben tárolás nélkül is)	1 pont	
Legalább egy jelet megkeres az aminosavak között	1 pont	
Legalább egy atomra helyesen számlál (egy aminosavon	i pont	
belül)	1 pont	
Minden atomra helyesen számlál	-	
•	1 pont	
Minden aminosavat figyelembe vesz	1 pont	
A számlálás közben vagy utána figyelembe veszi a	1	
vízmolekula kilépését	1 pont	
Helyesen számol a vízmolekula kilépésével (n-1 db O és	1 4	
2n-2 db H-nel kevesebb)	1 pont	
Helyesen adja meg az összegképlet értékeit	1 pont	
A megoldás legfeljebb a kiírás sorrendjében térhet el. Az		
egyes atomokhoz a kiírt szám érték helyes.		
Az eredmény a képernyőn egy sorban, szóközökkel	4 .	
elválasztva jelenik meg	1 pont	
Az eredmény az eredmeny. txt fájlban egy sorban,		
szóközökkel elválasztva jelenik meg	1 pont	
Kimotripszin hasítása		9 pont
Helyesen adja meg a hasítás feltételét (jel vagy rövidítés		
alapján, három érték figyelése)	2 pont	
Helyesen határoz meg egy hasítási pontot (első vagy utolsó		
elemet)	1 pont	
Helyesen határozza meg egy láncdarab hosszát	1 pont	
A leghosszabb láncot választja ki	2 pont	
Helyesen adja meg mindhárom adatot (hossz, kezdet, vég)	1 pont	
Az eredményt kiírja a képernyőre	1 pont	
Az adatokat helyesen nevezi meg	1 pont	
Ciszteinek száma az első darabban	•	6 pont
Ciszteineket számlál	2 pont	±
Helyes feltételt ad a számlálás végére	2 pont	
Az eredményt kiírja a képernyőre	1 pont	
A kiírás mondatba ágyazott	1 pont	
Összesen:	- Point	45 pont
C DDAJOD VIEW		io poin

4. Fehérje

Összesen:	45 pont	
Ciszteinek száma az első darabban	6 pont	
Kimotripszin hasítása	9 pont	
BSA összegképlete	11 pont	
Rendezés	9 pont	
Adatok kiírása (eredmeny.txt)	3 pont	
Relatív molekulatömeg meghatározása	3 pont	
Fájlbeolvasás	3 pont	
Létezik feherje néven forráskód	1 pont	