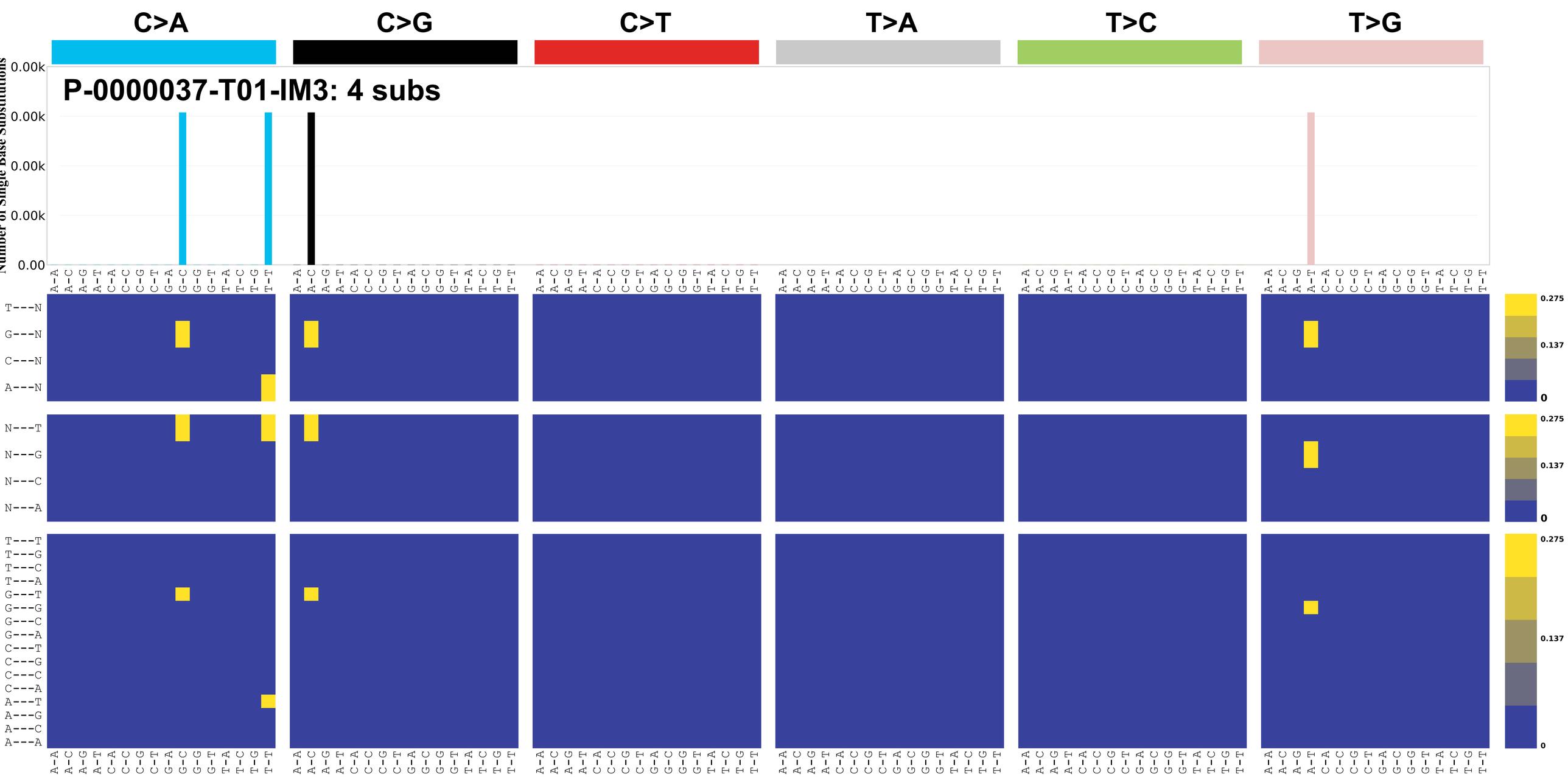
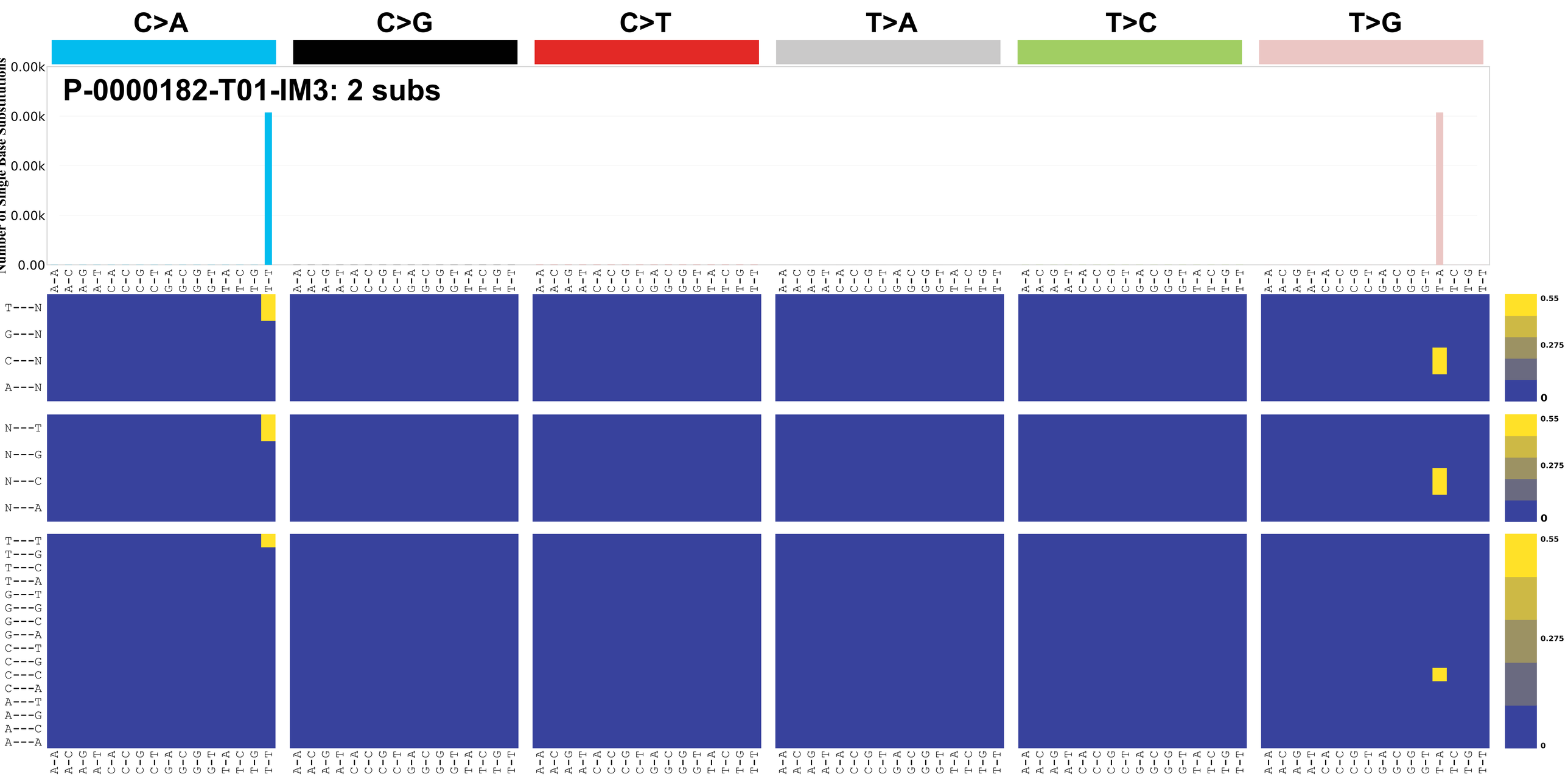
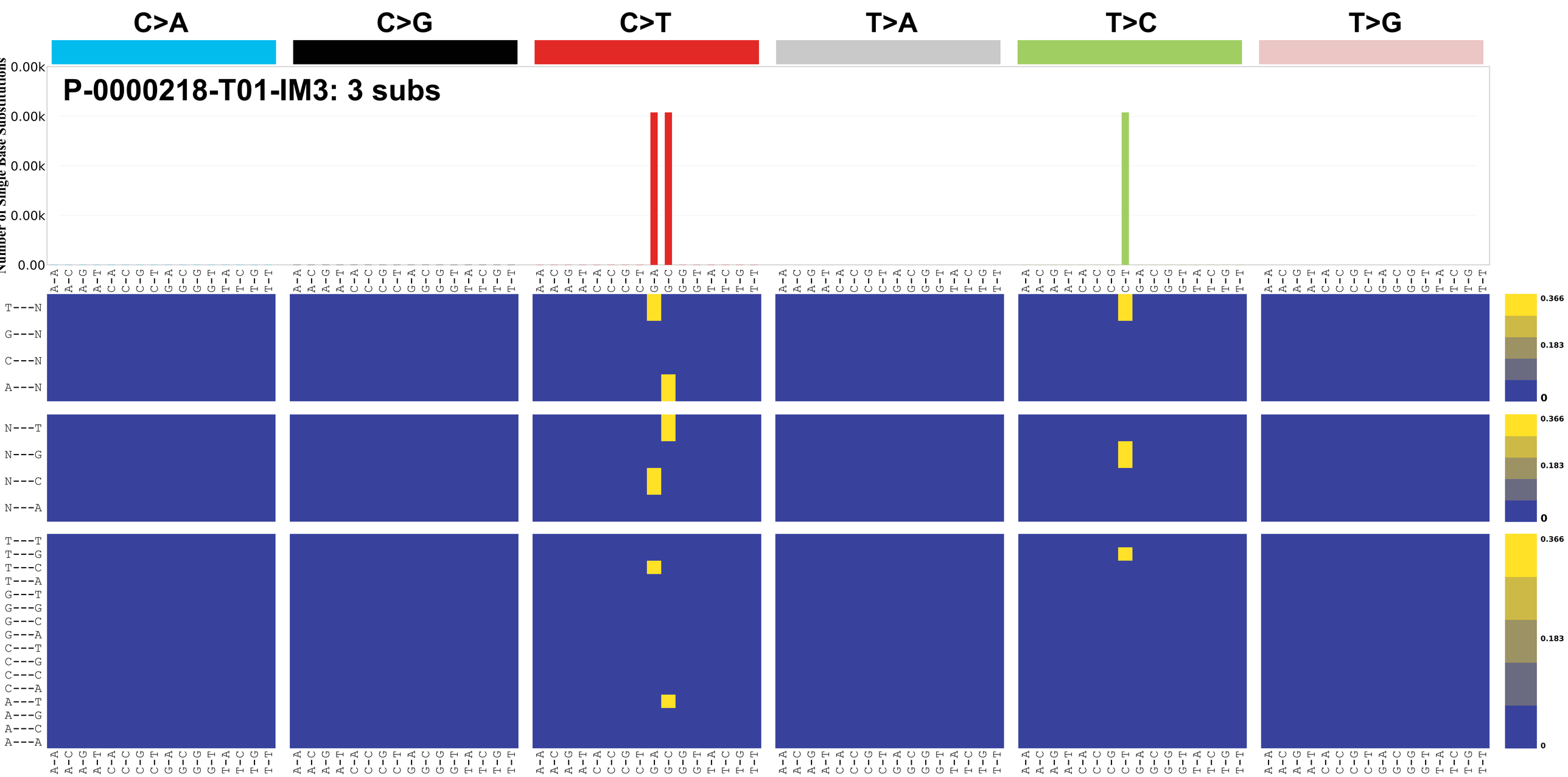
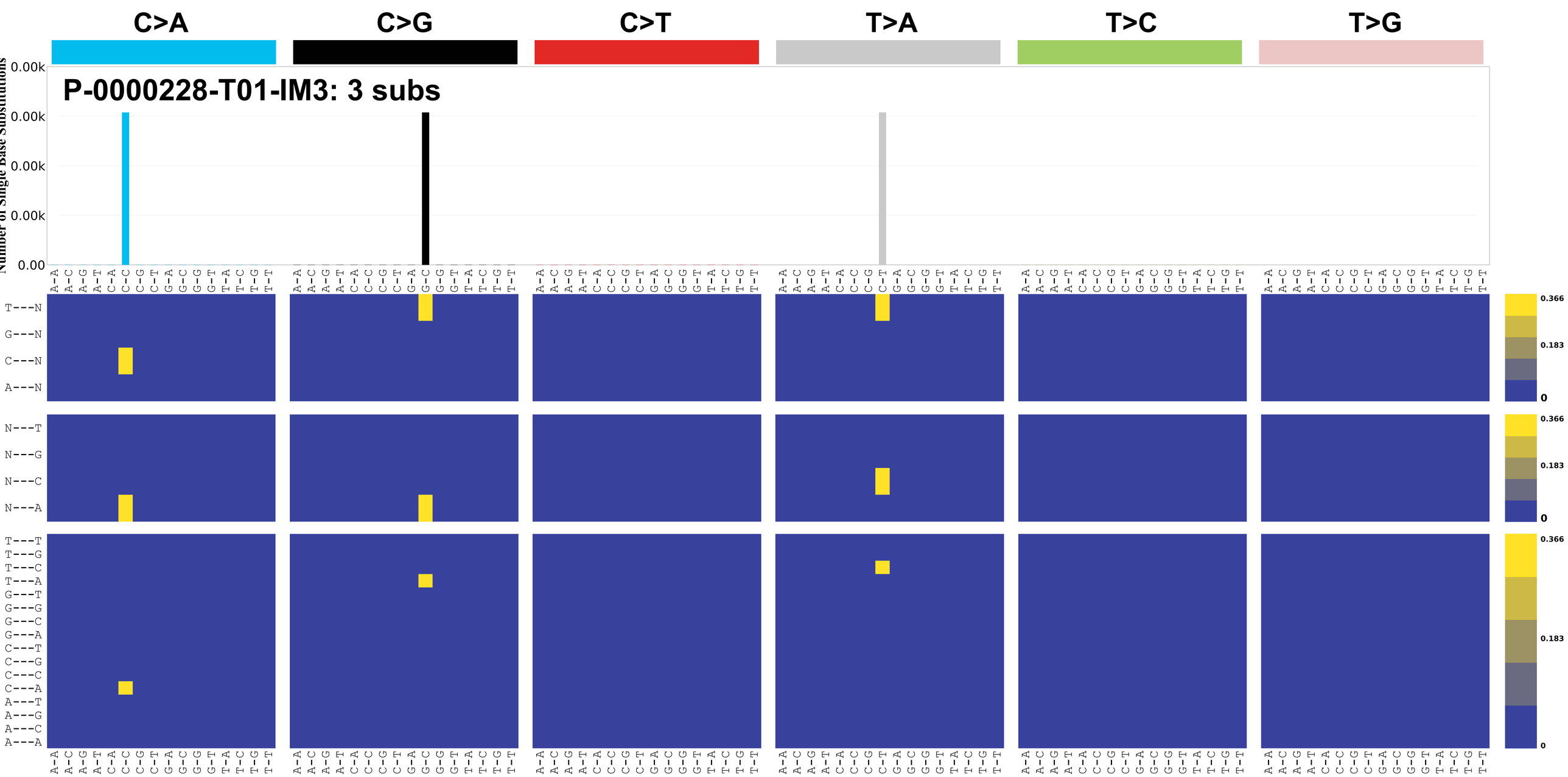
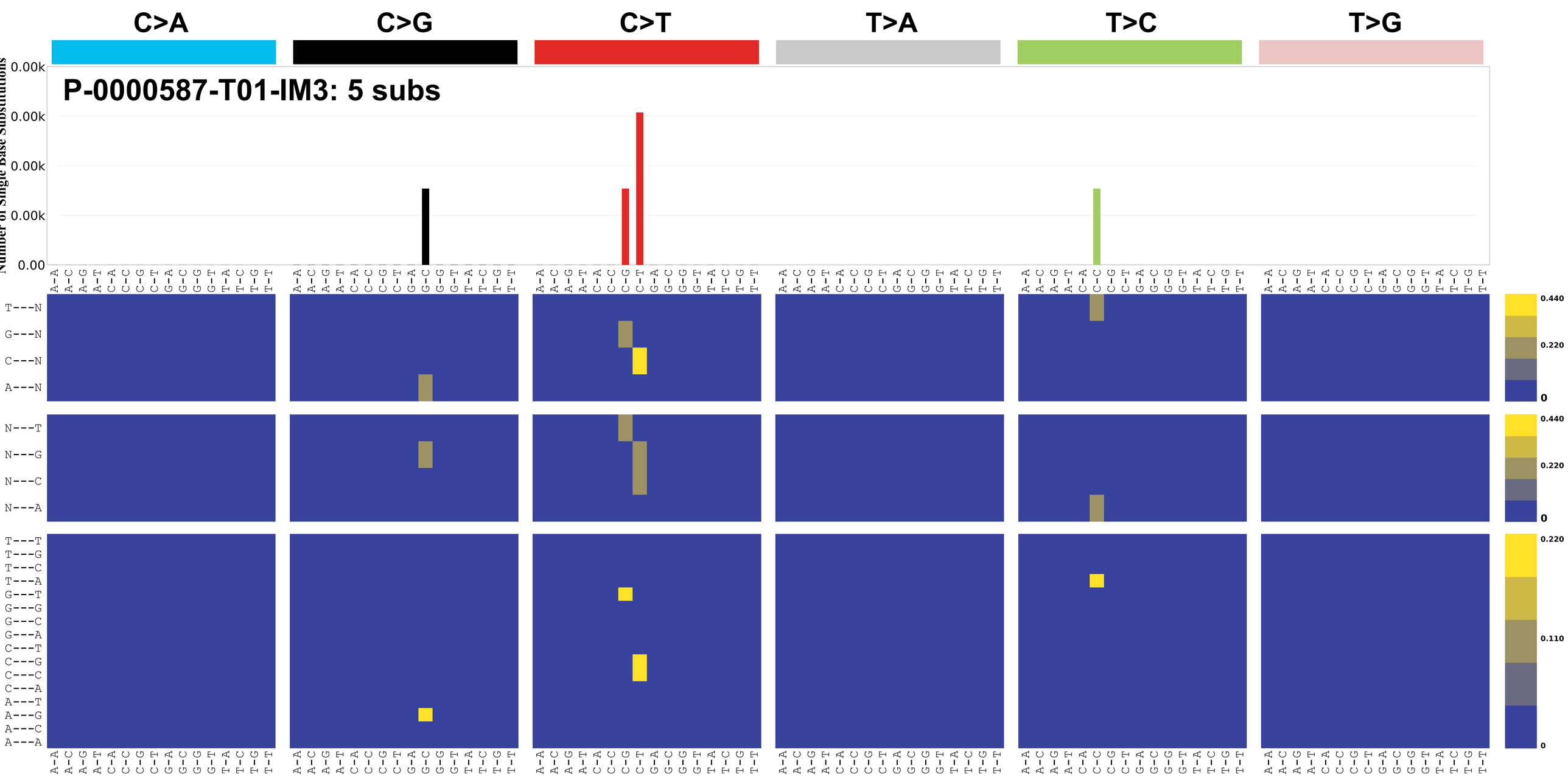
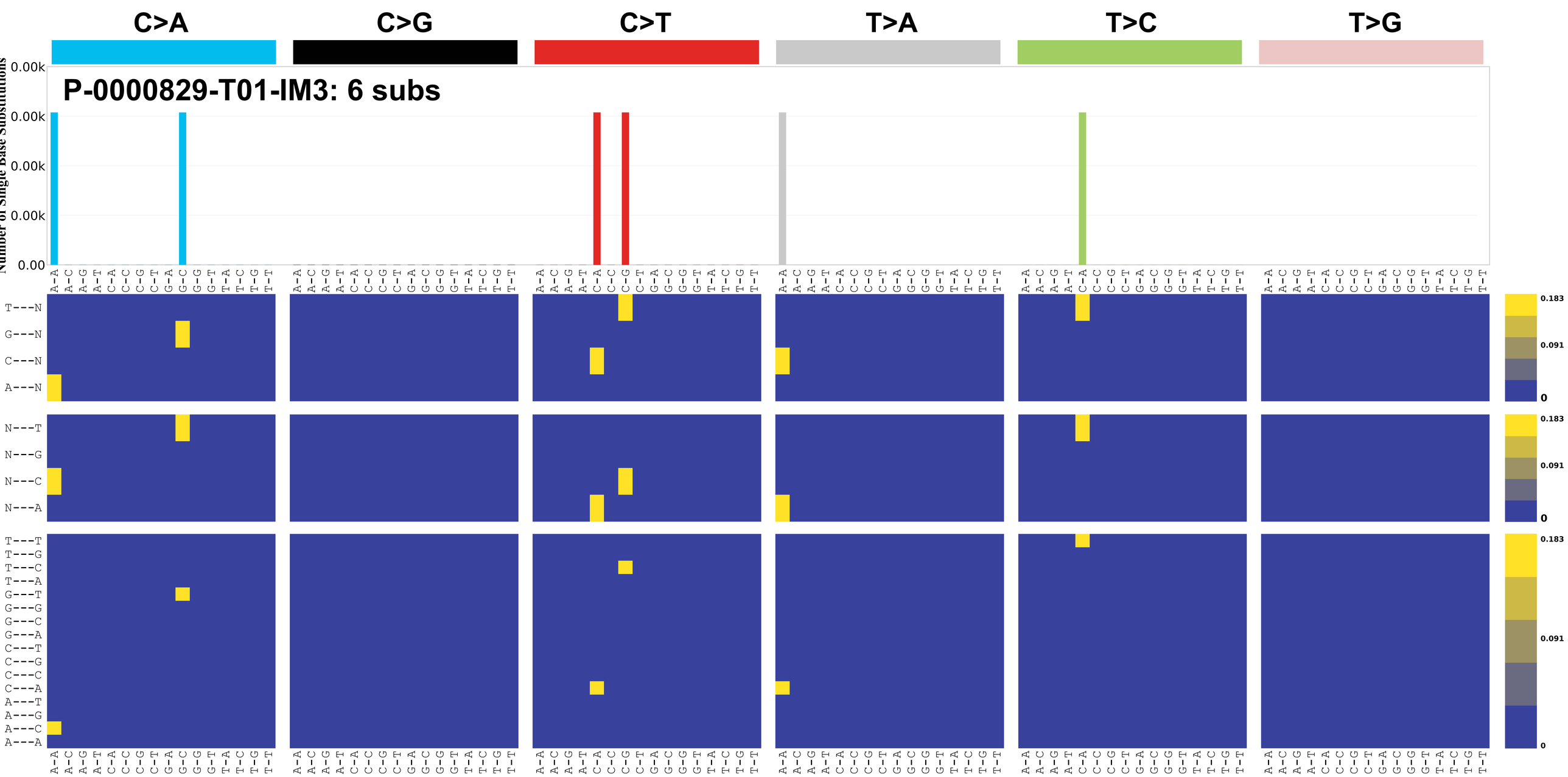

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000037-T01-IM3: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

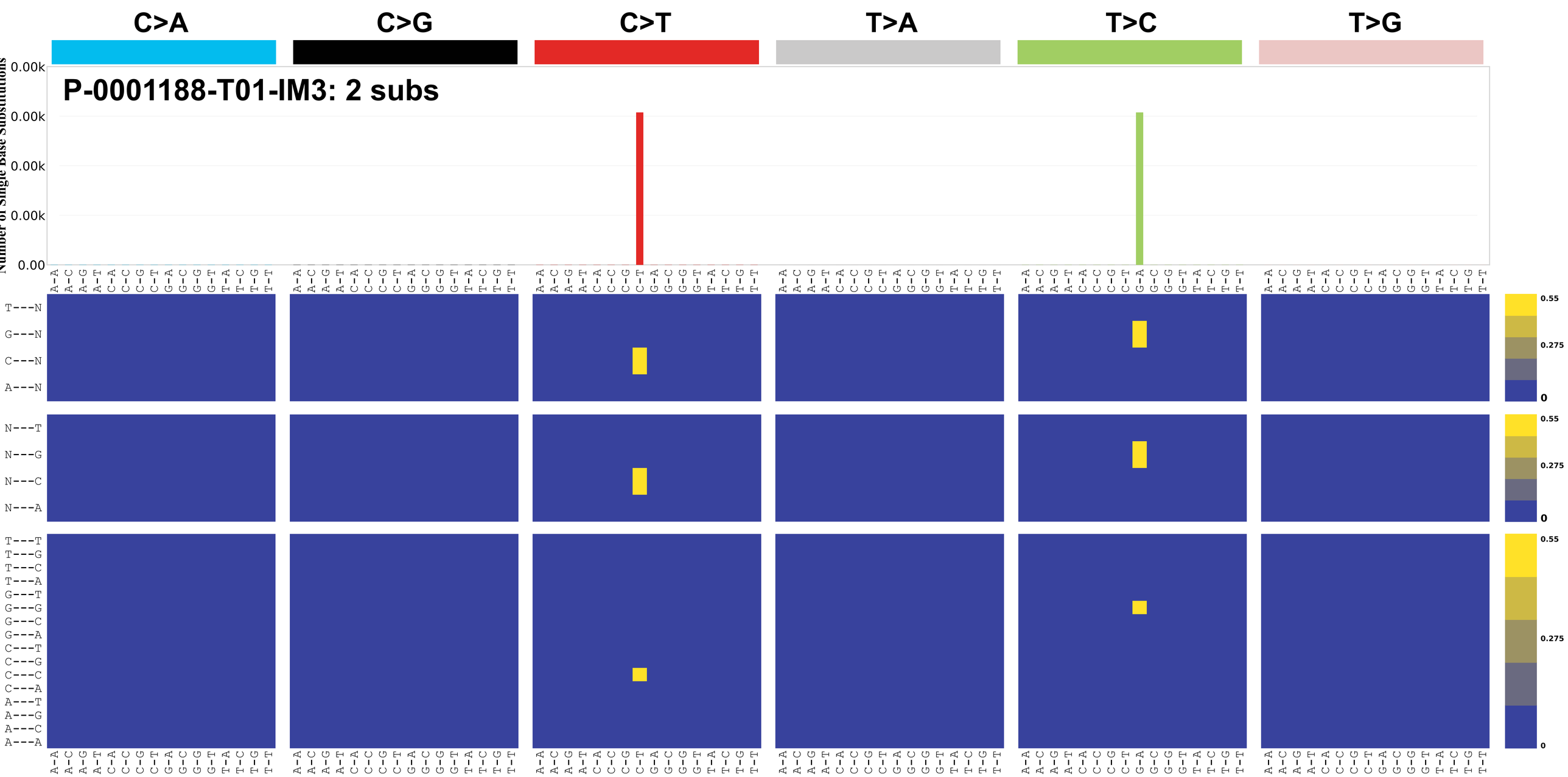

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000182-T01-IM3: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

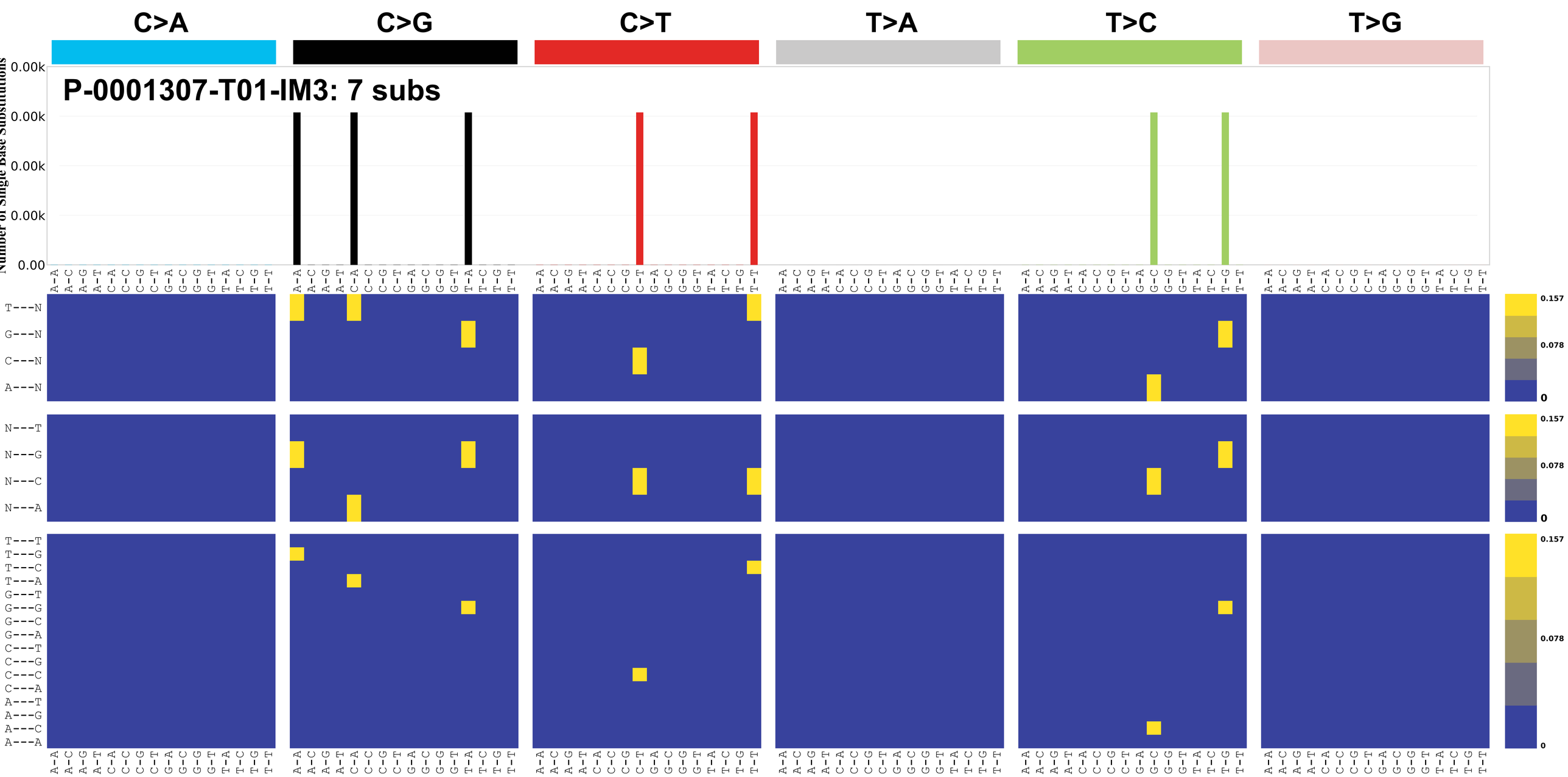

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000218-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

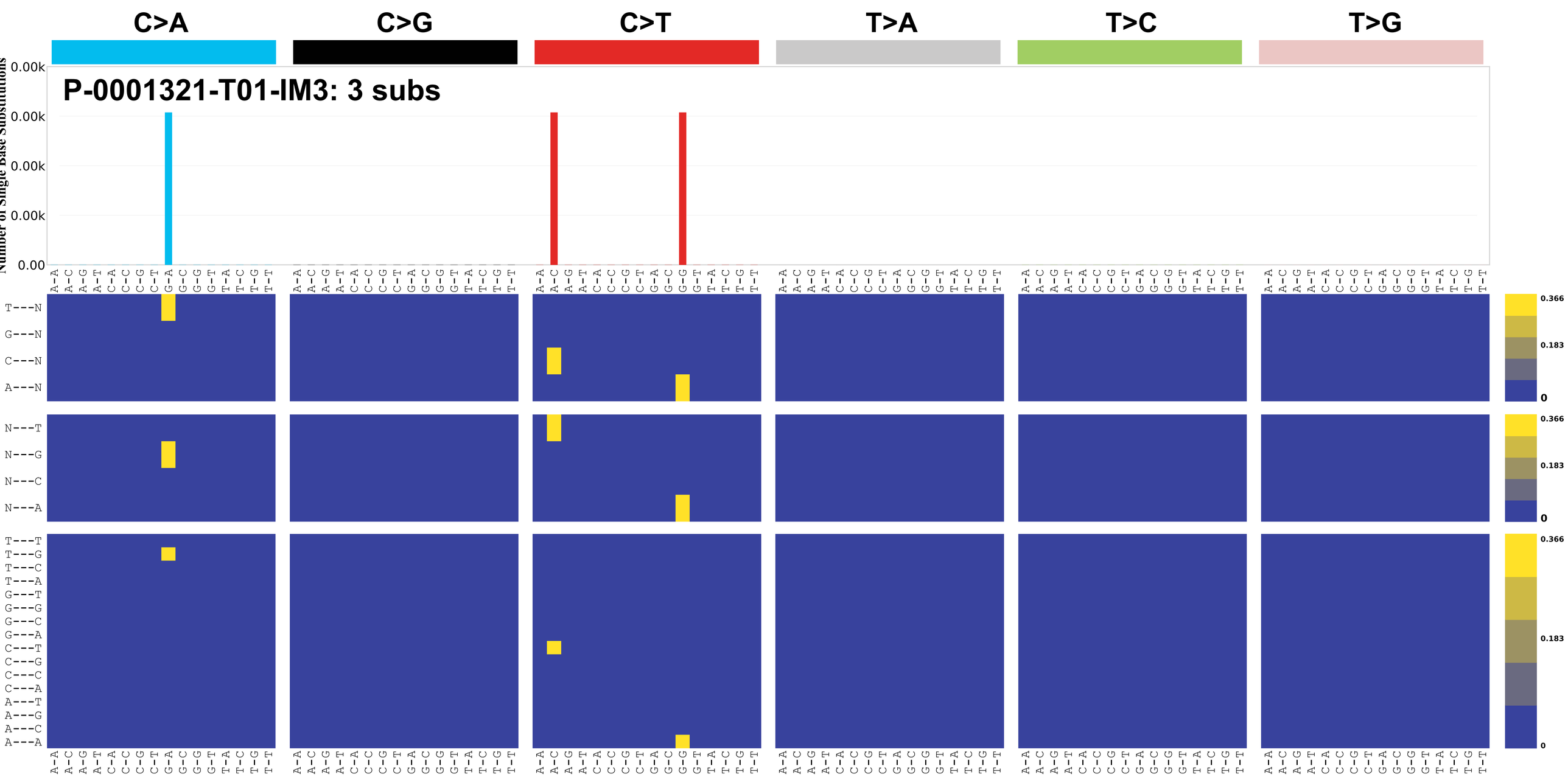

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000228-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

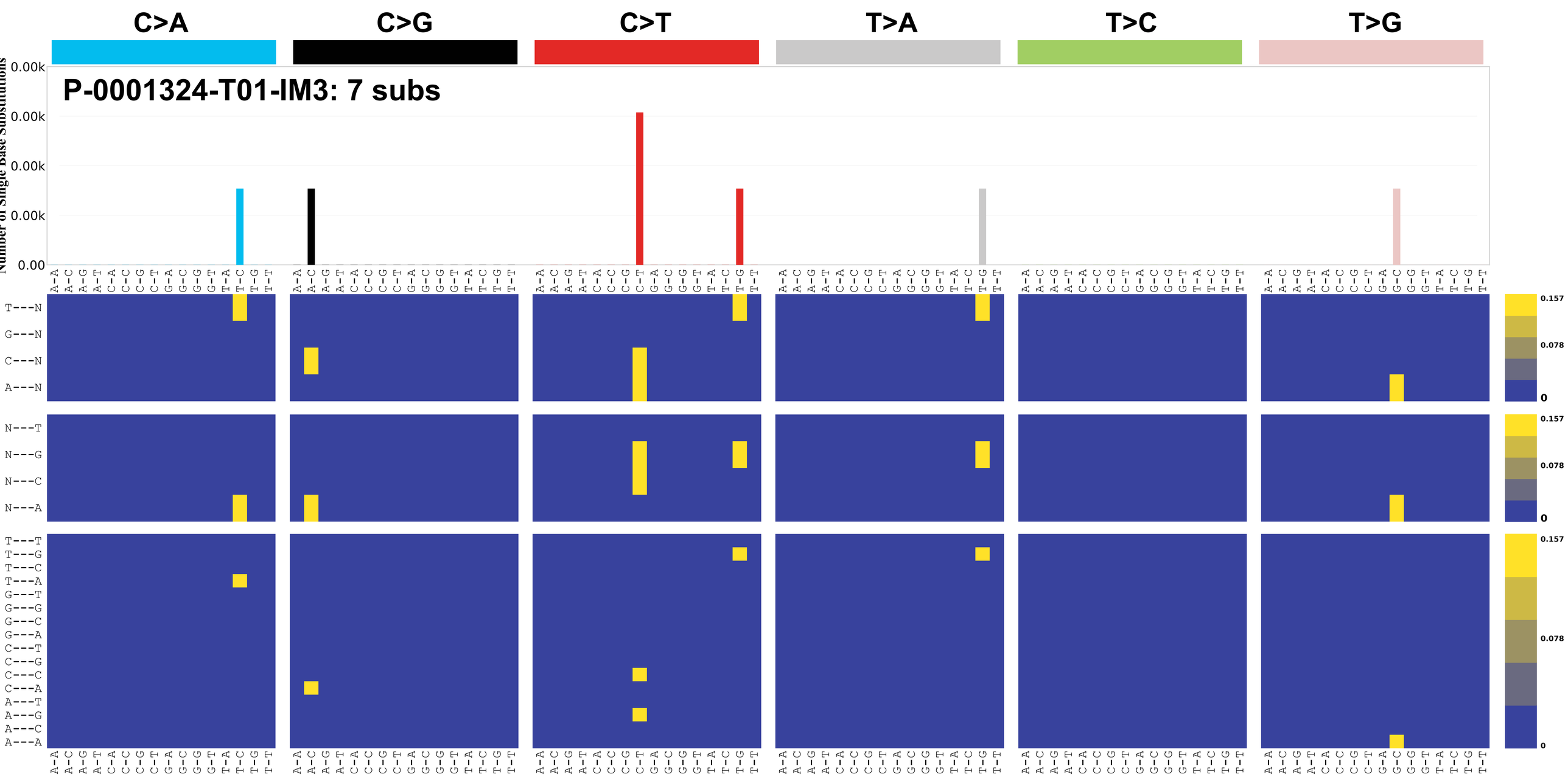

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000587-T01-IM3: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.440
0.220
0
0.440
0.220
0
0.220
0.110
0

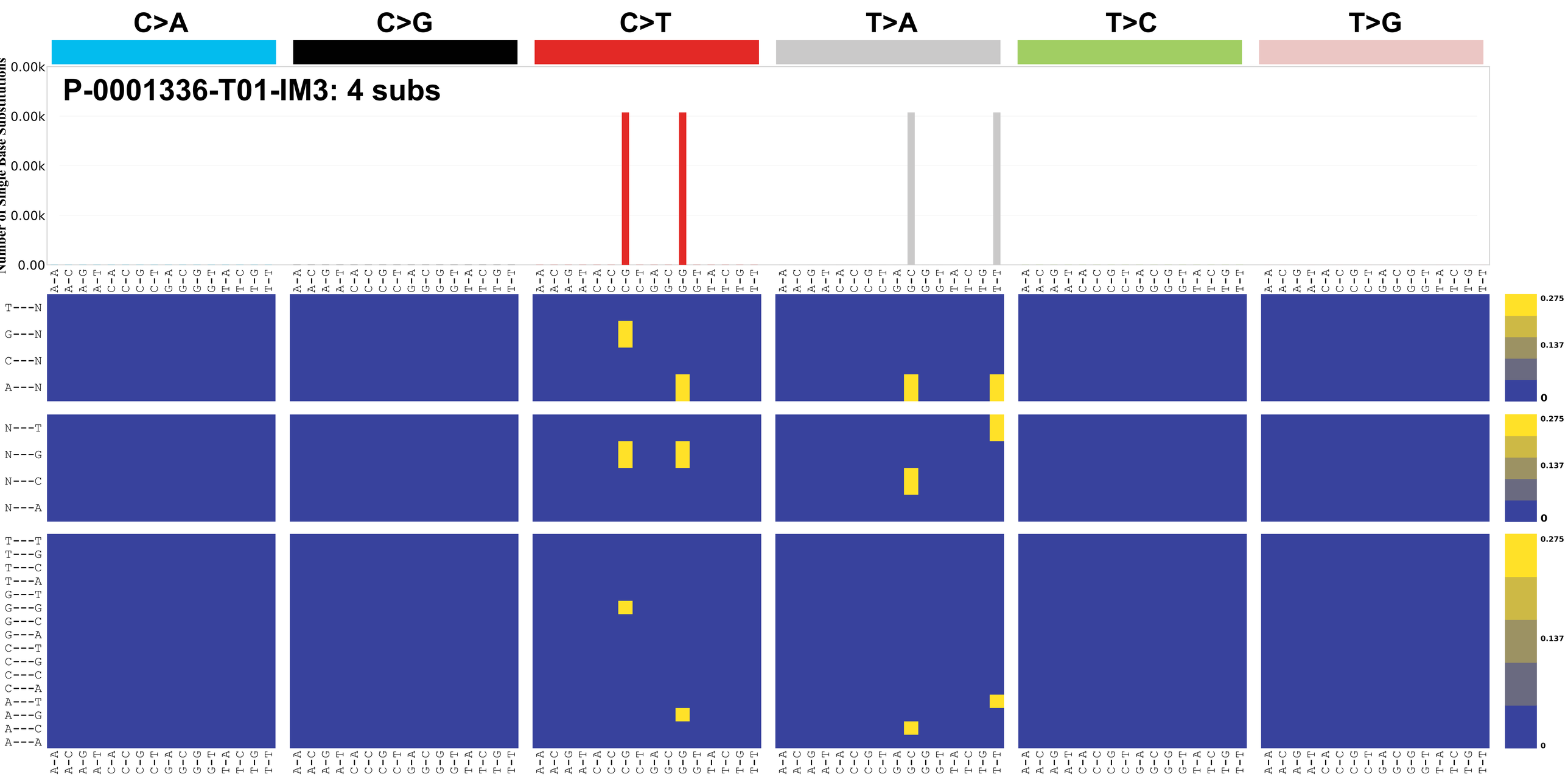

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0000829-T01-IM3: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

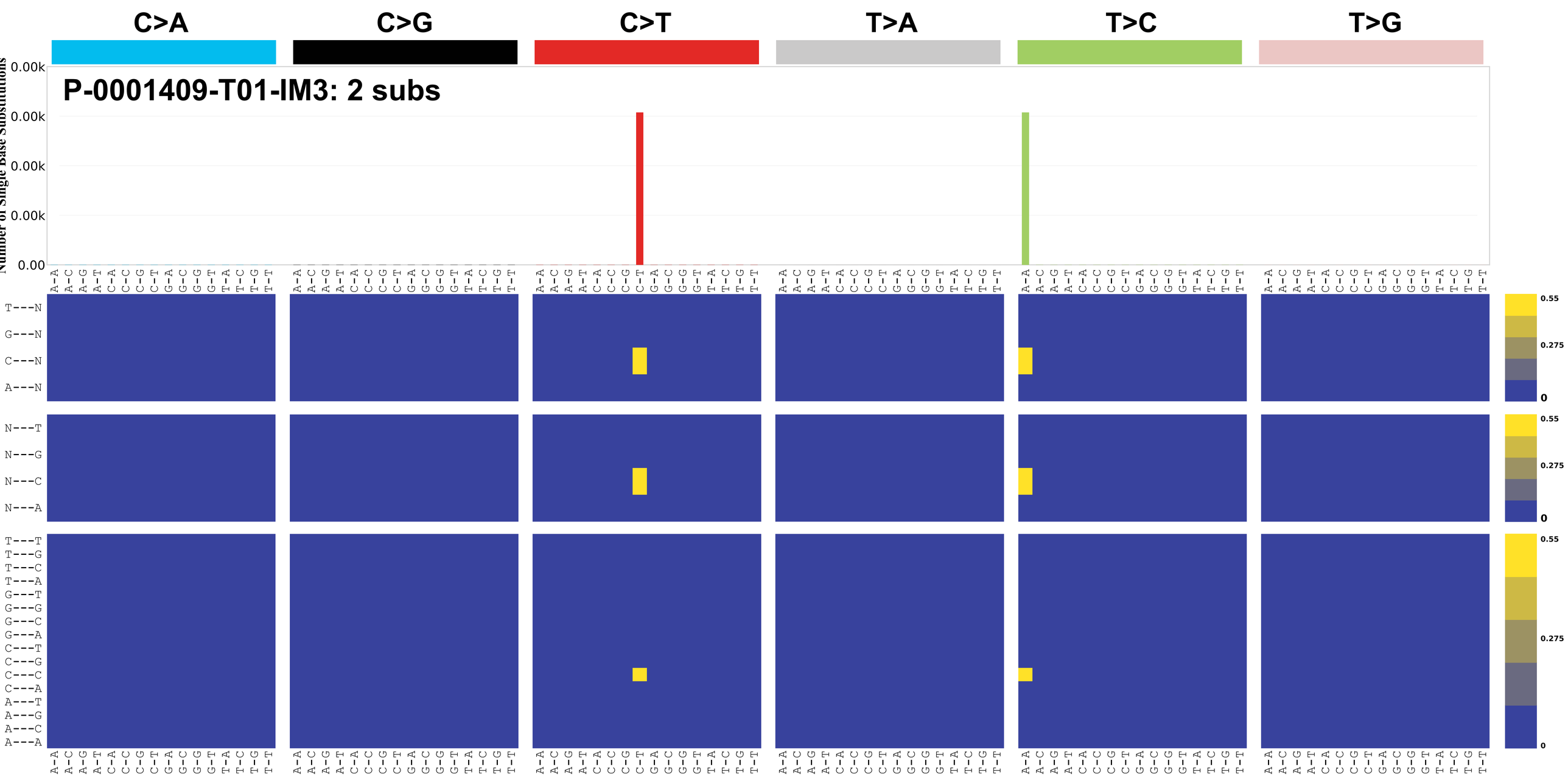

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001188-T01-IM3: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

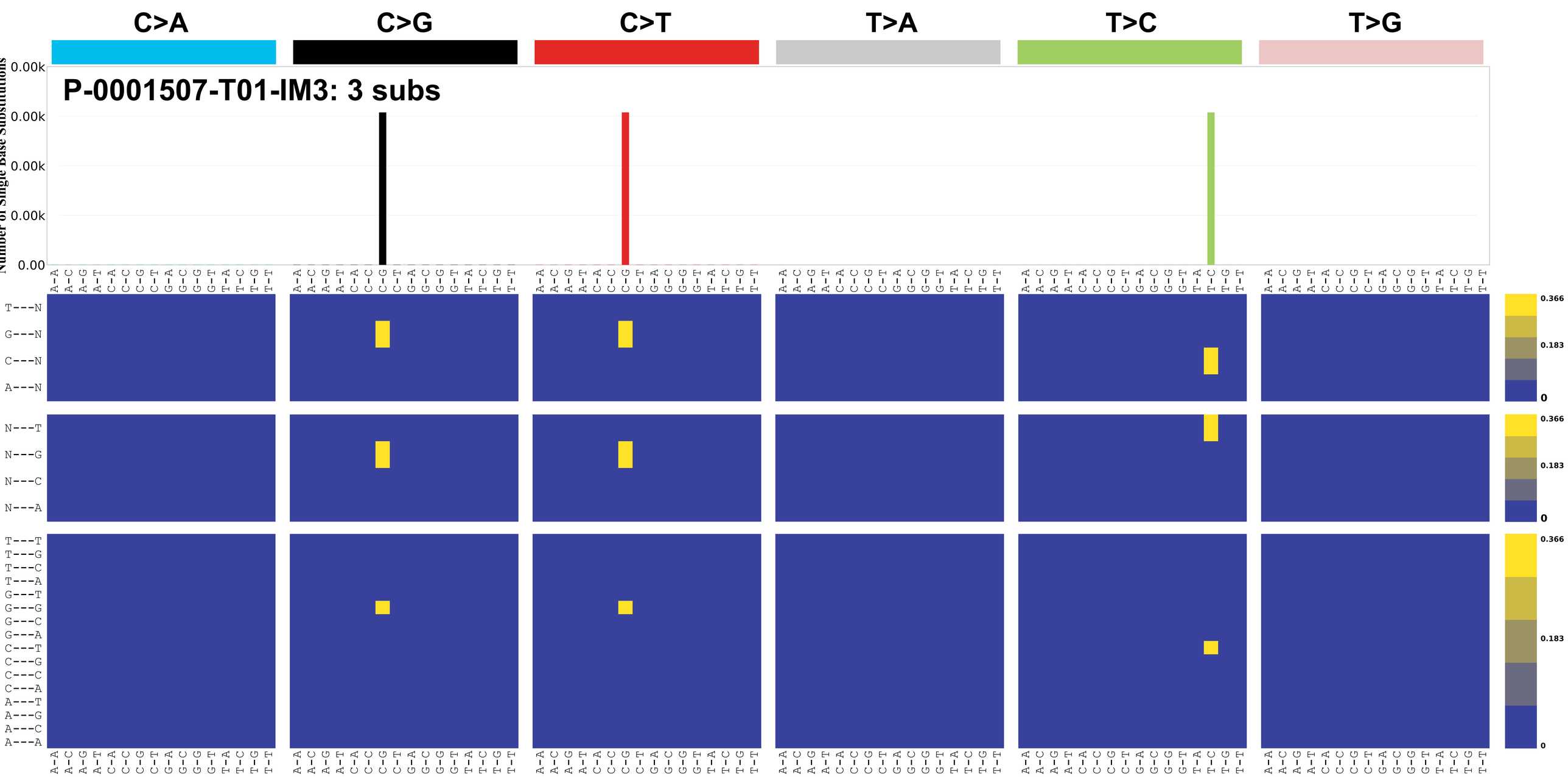

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001307-T01-IM3: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

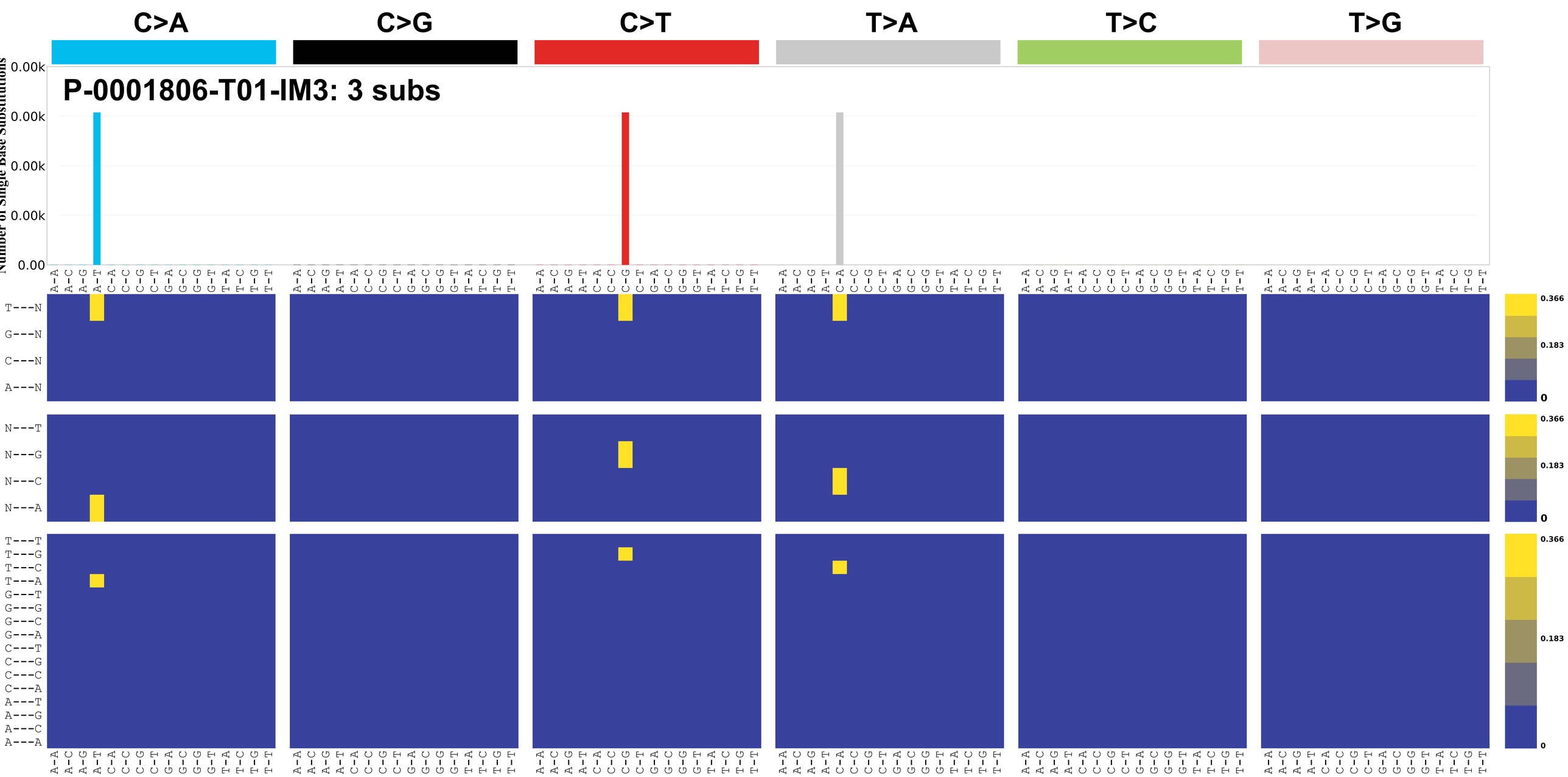

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001321-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

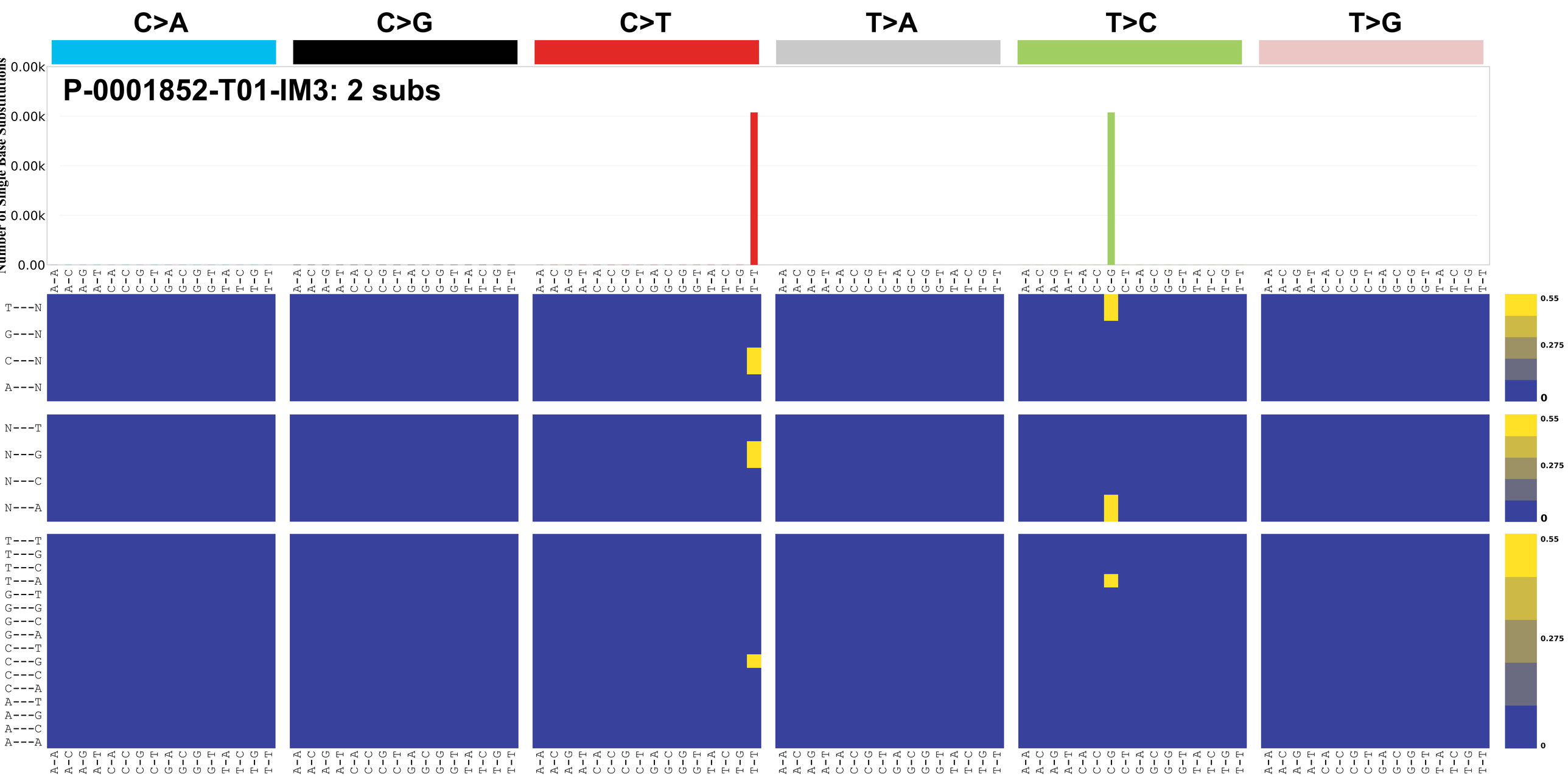

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001324-T01-IM3: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

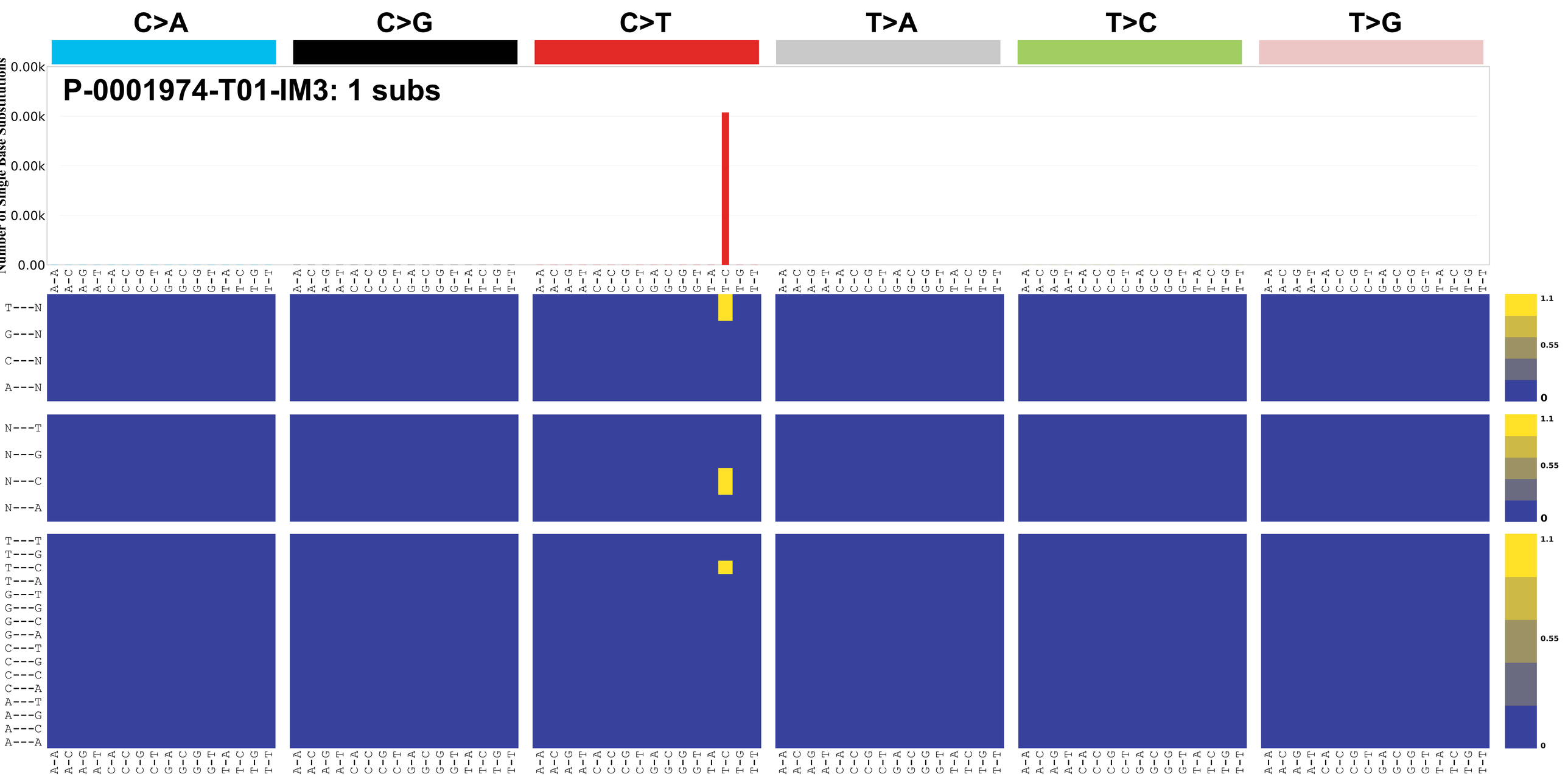

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001336-T01-IM3: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

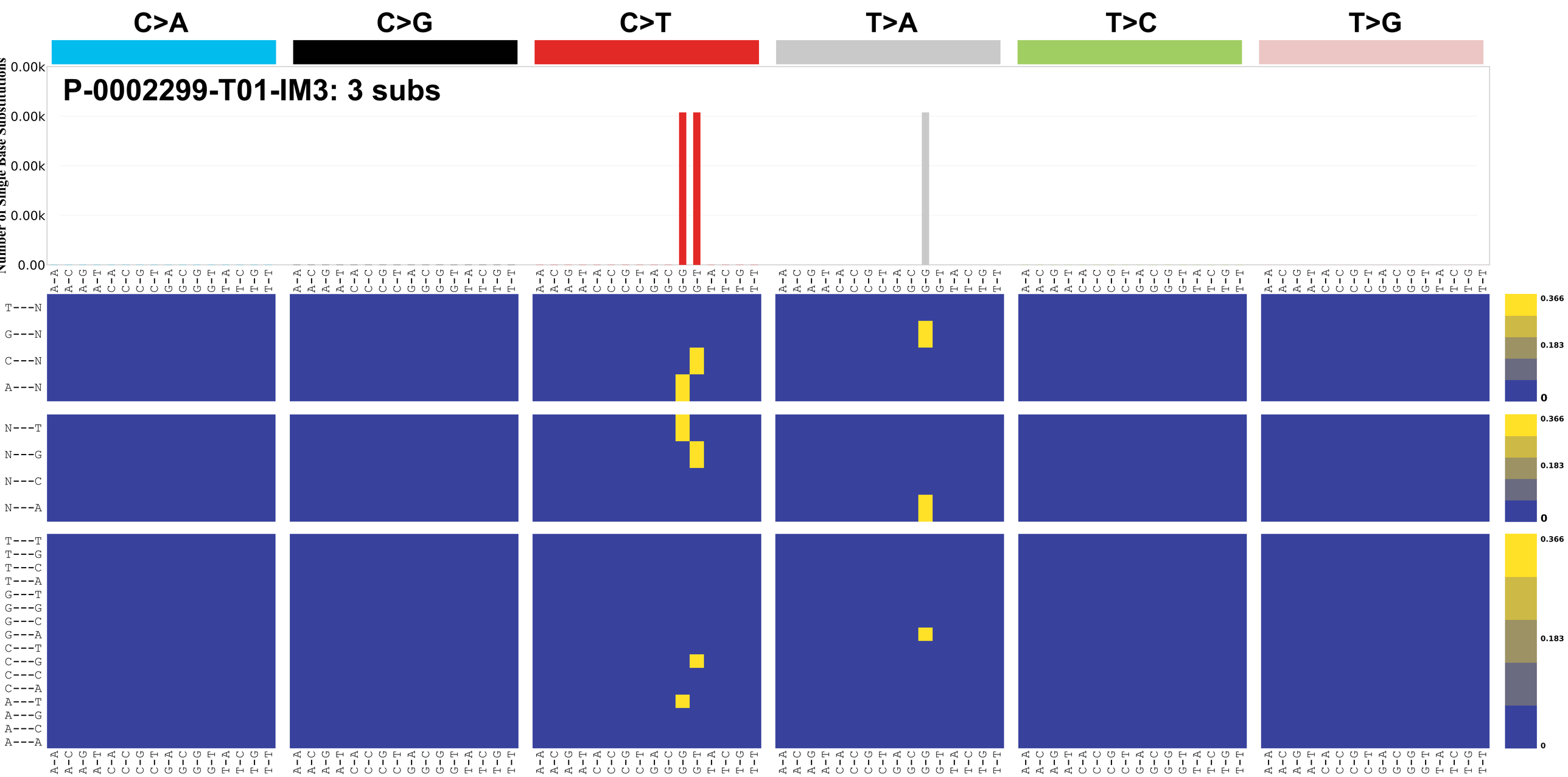

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001409-T01-IM3: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

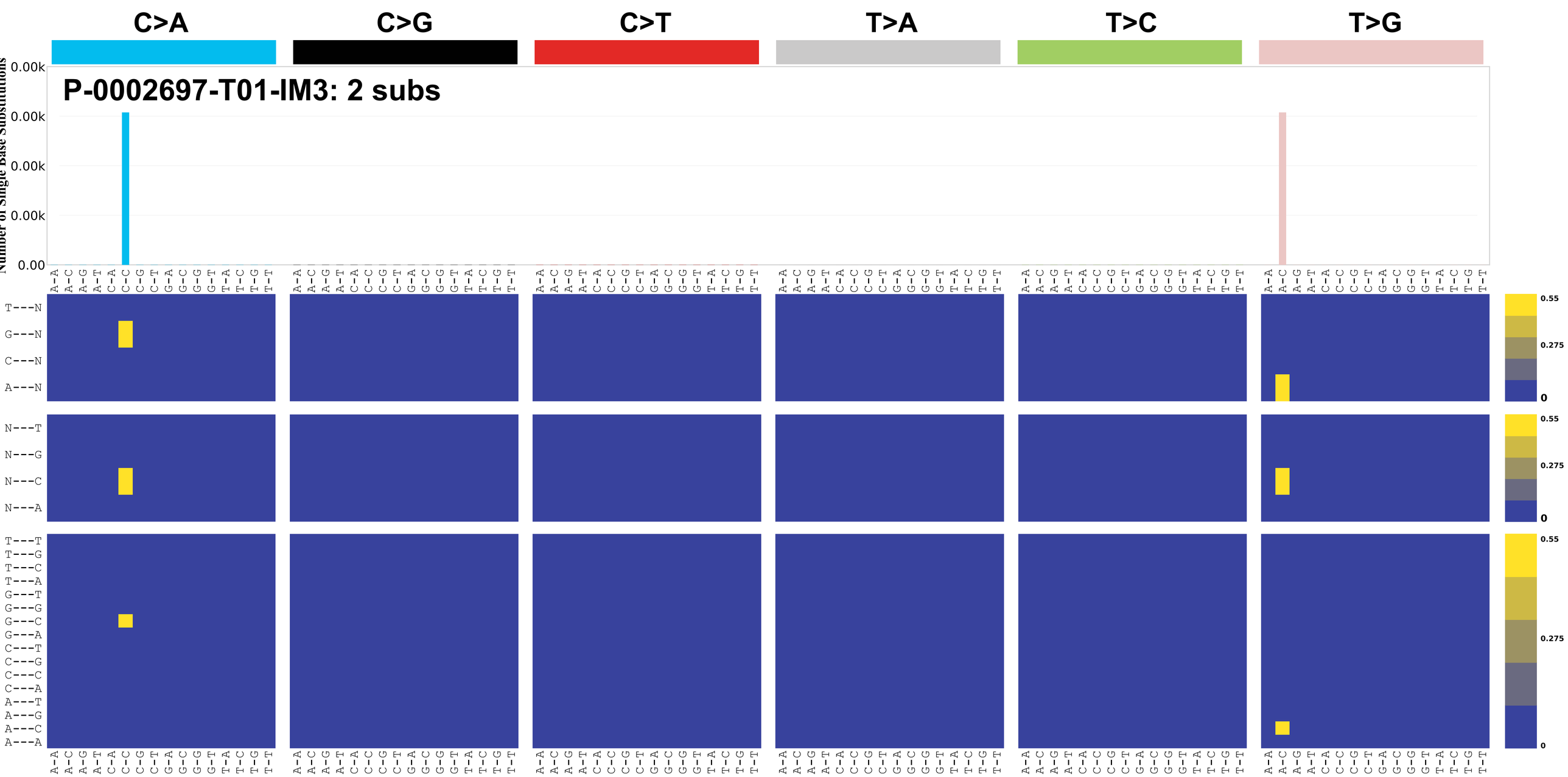

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001507-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

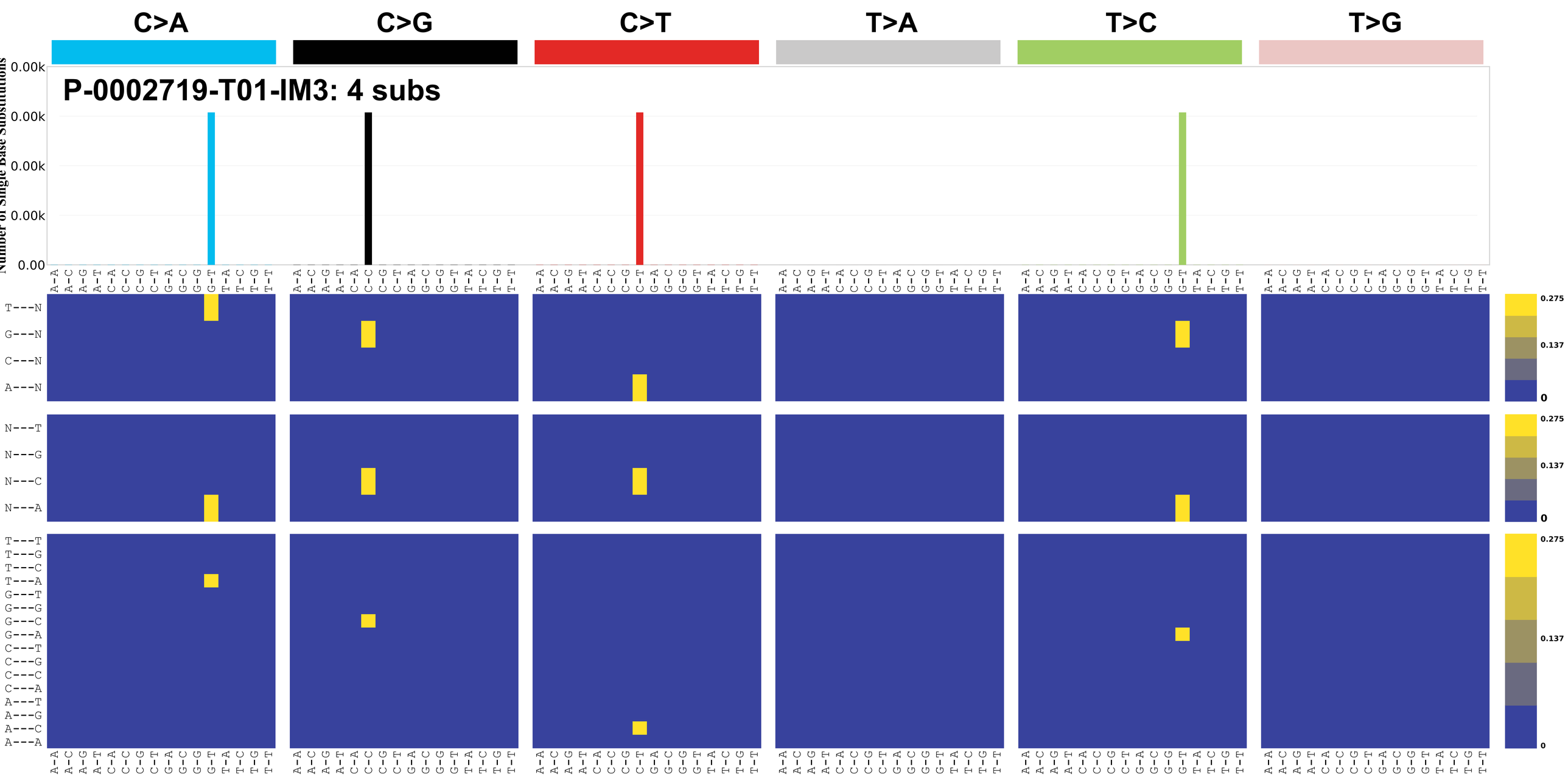

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001806-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

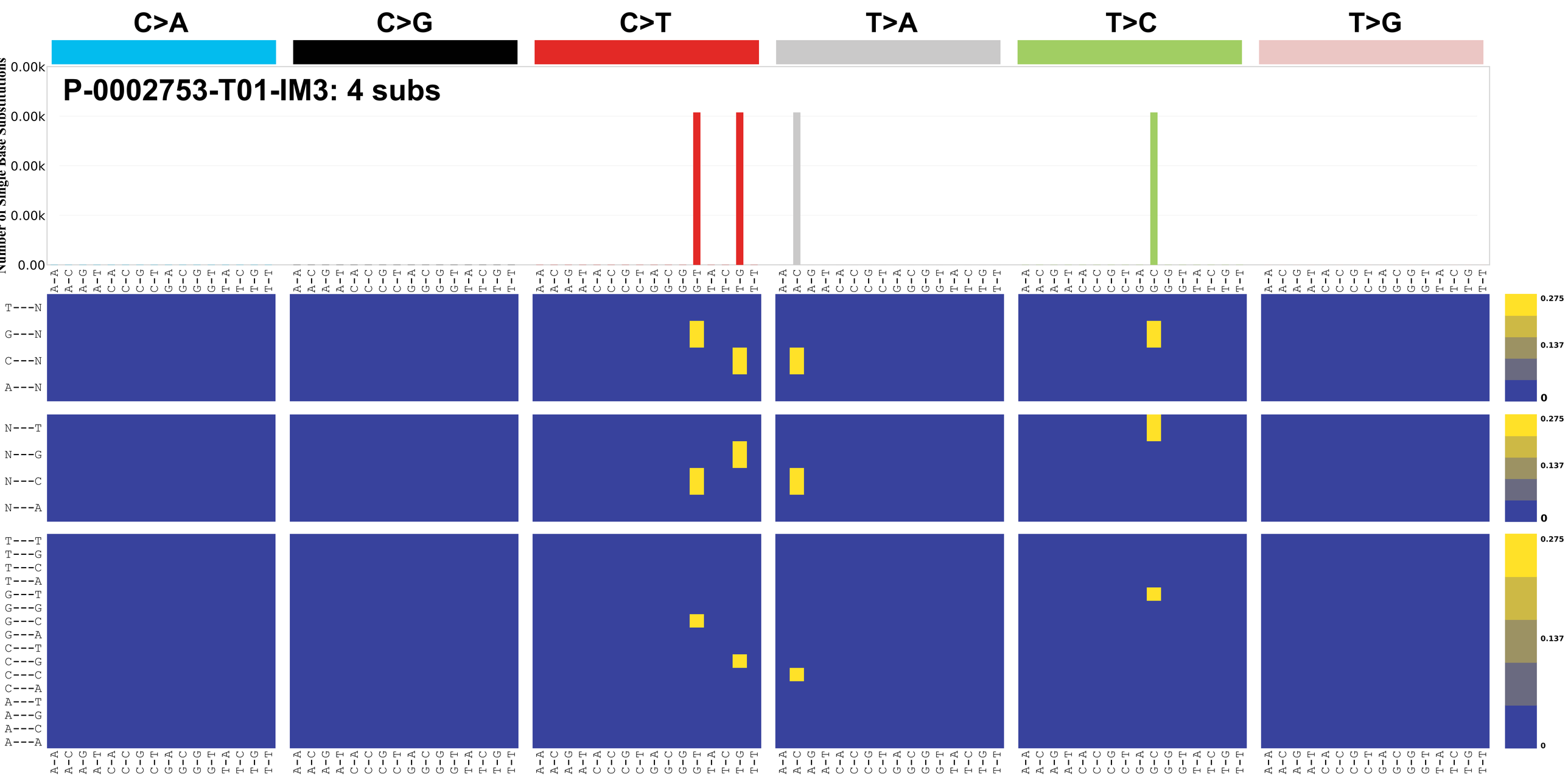

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001852-T01-IM3: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

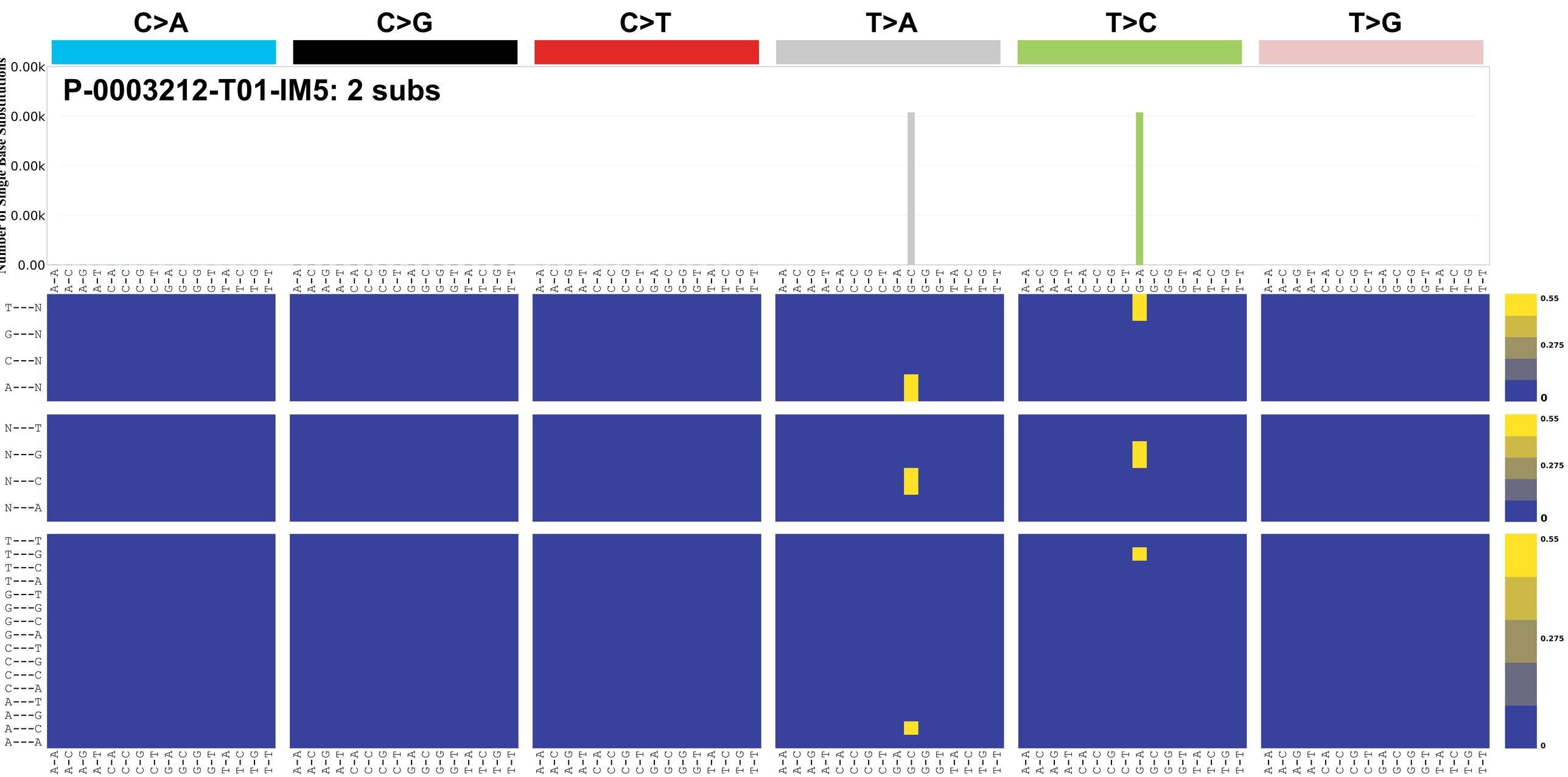

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0001974-T01-IM3: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

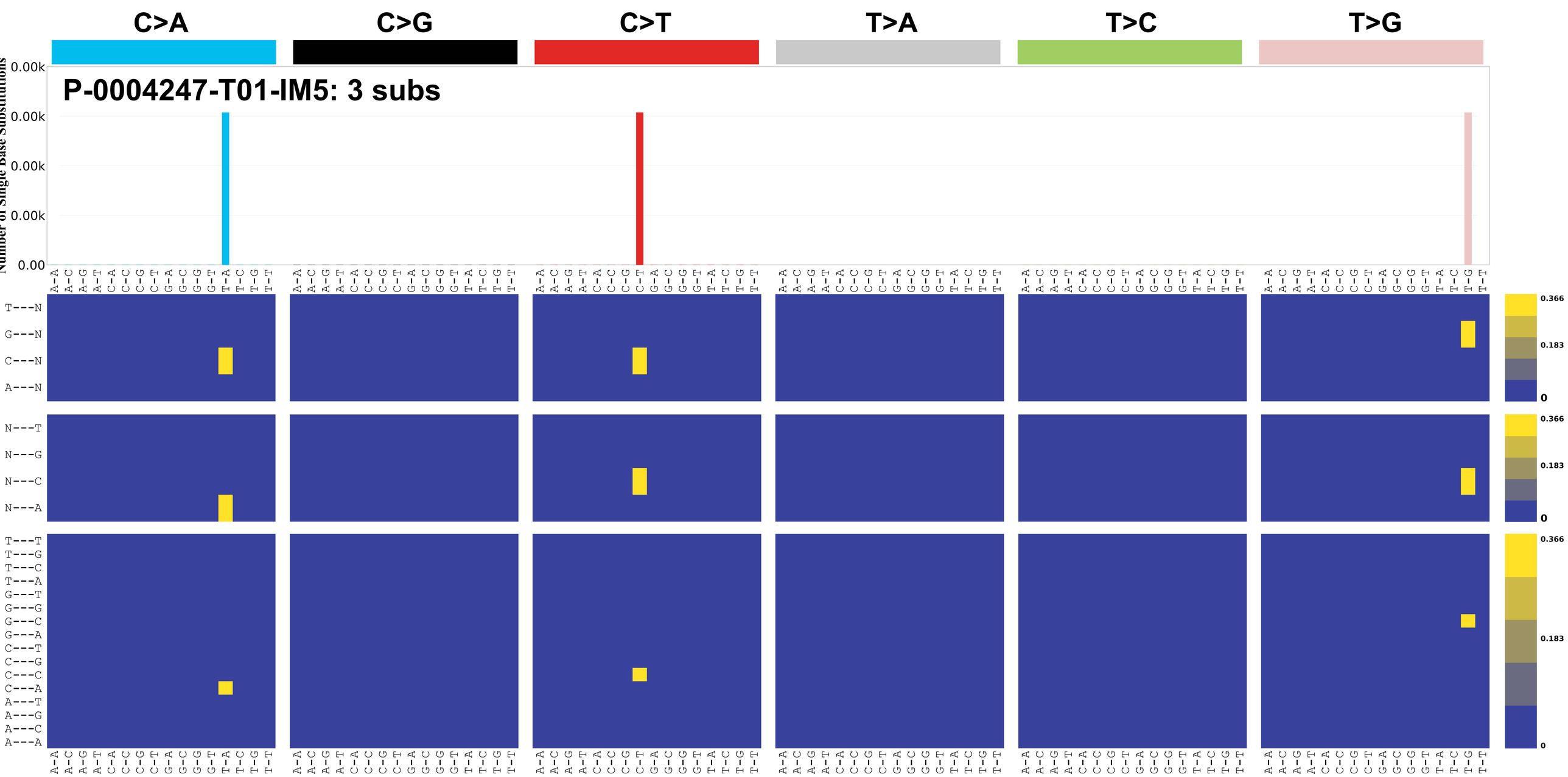

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0002299-T01-IM3: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

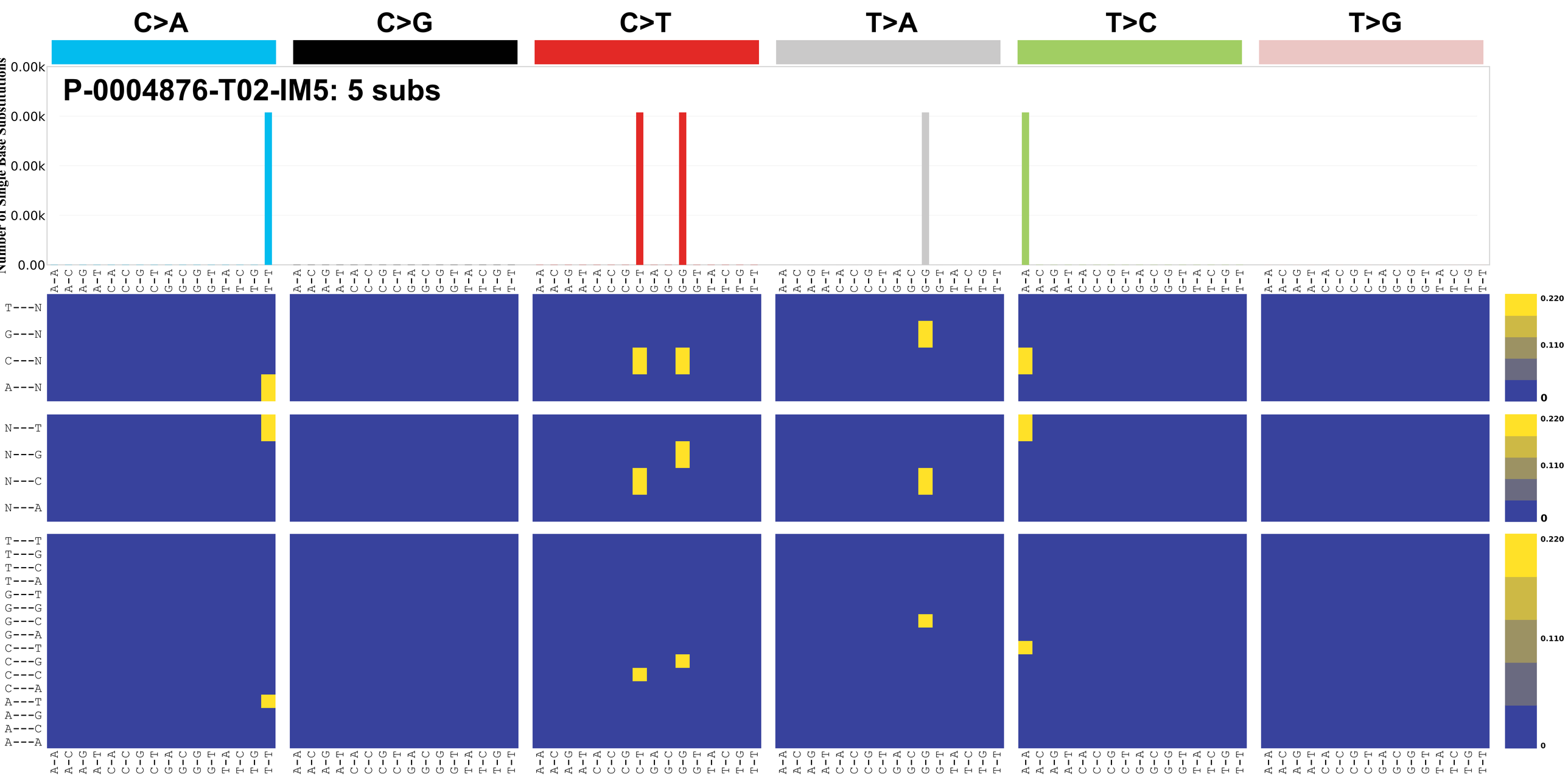

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0002697-T01-IM3: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

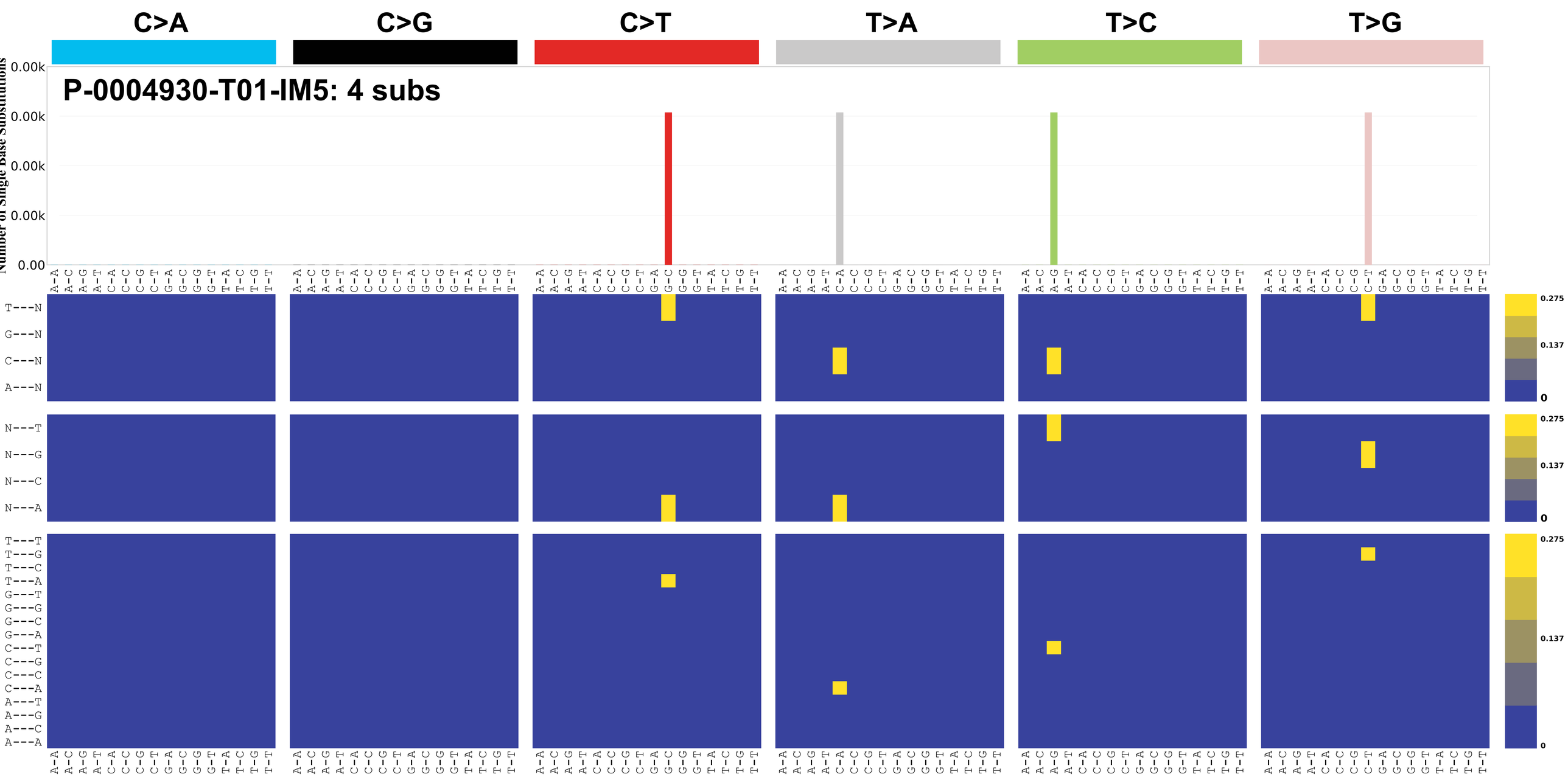

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0002719-T01-IM3: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

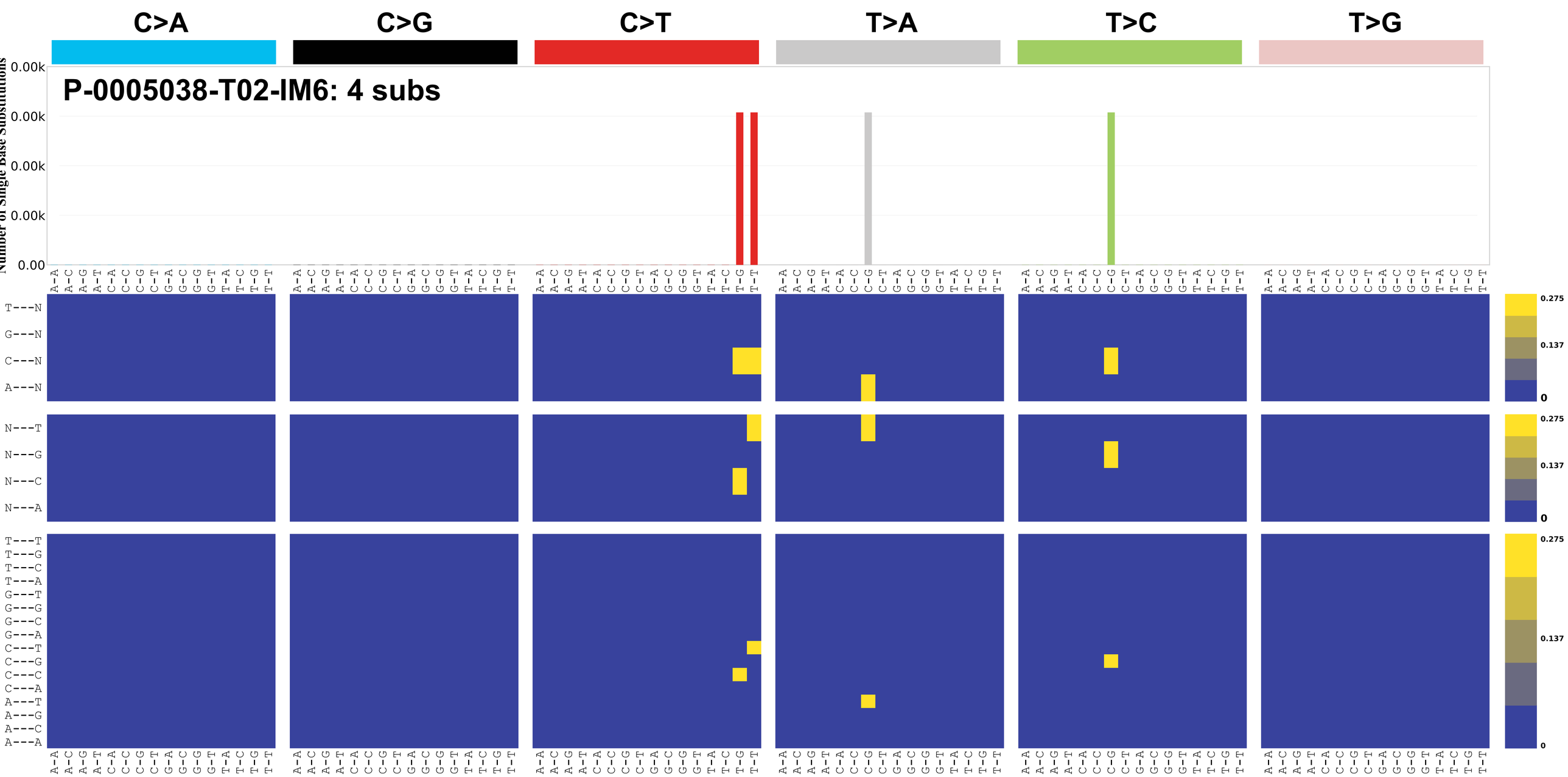

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0002753-T01-IM3: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

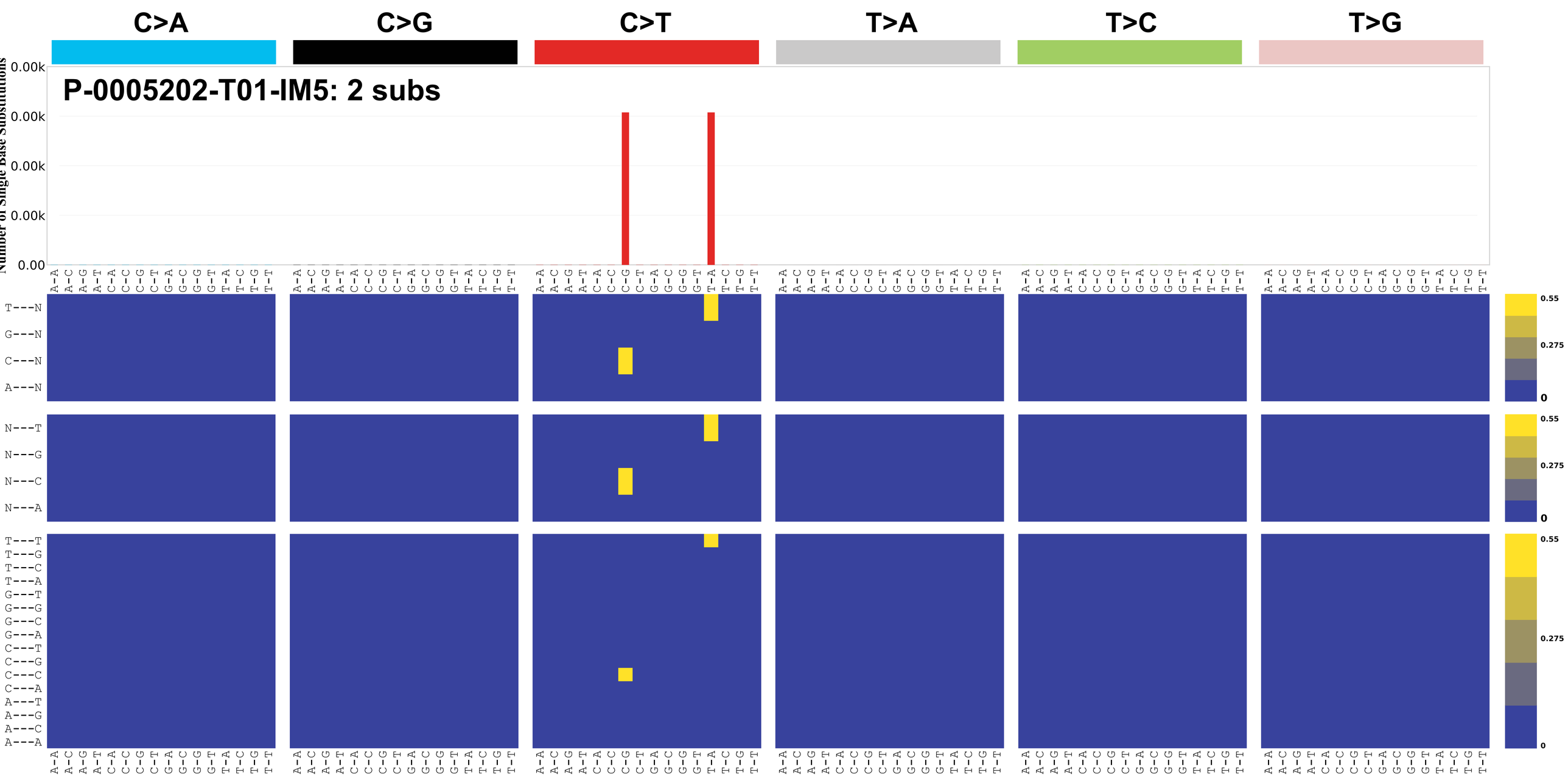

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0003212-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

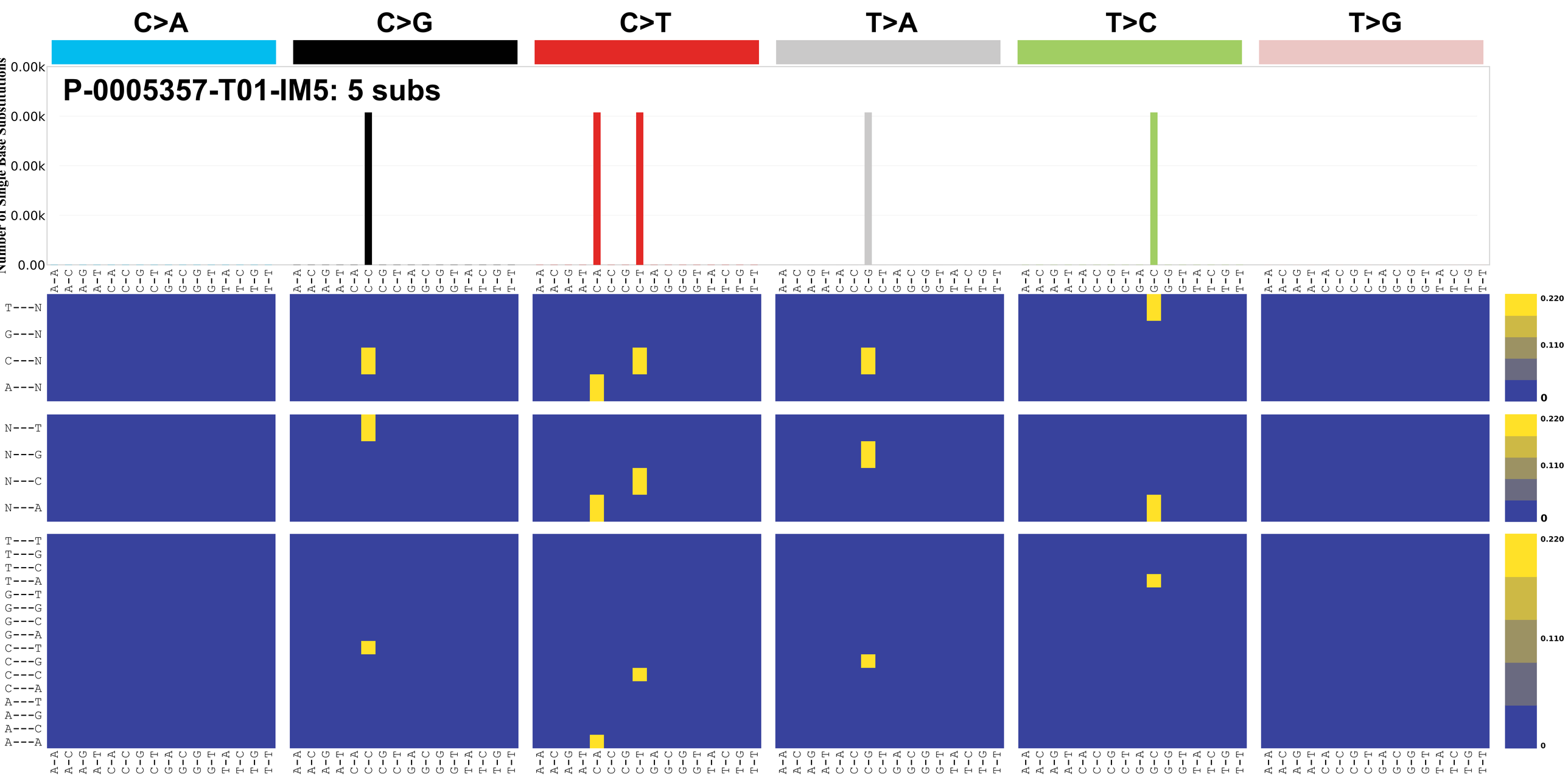

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0004247-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

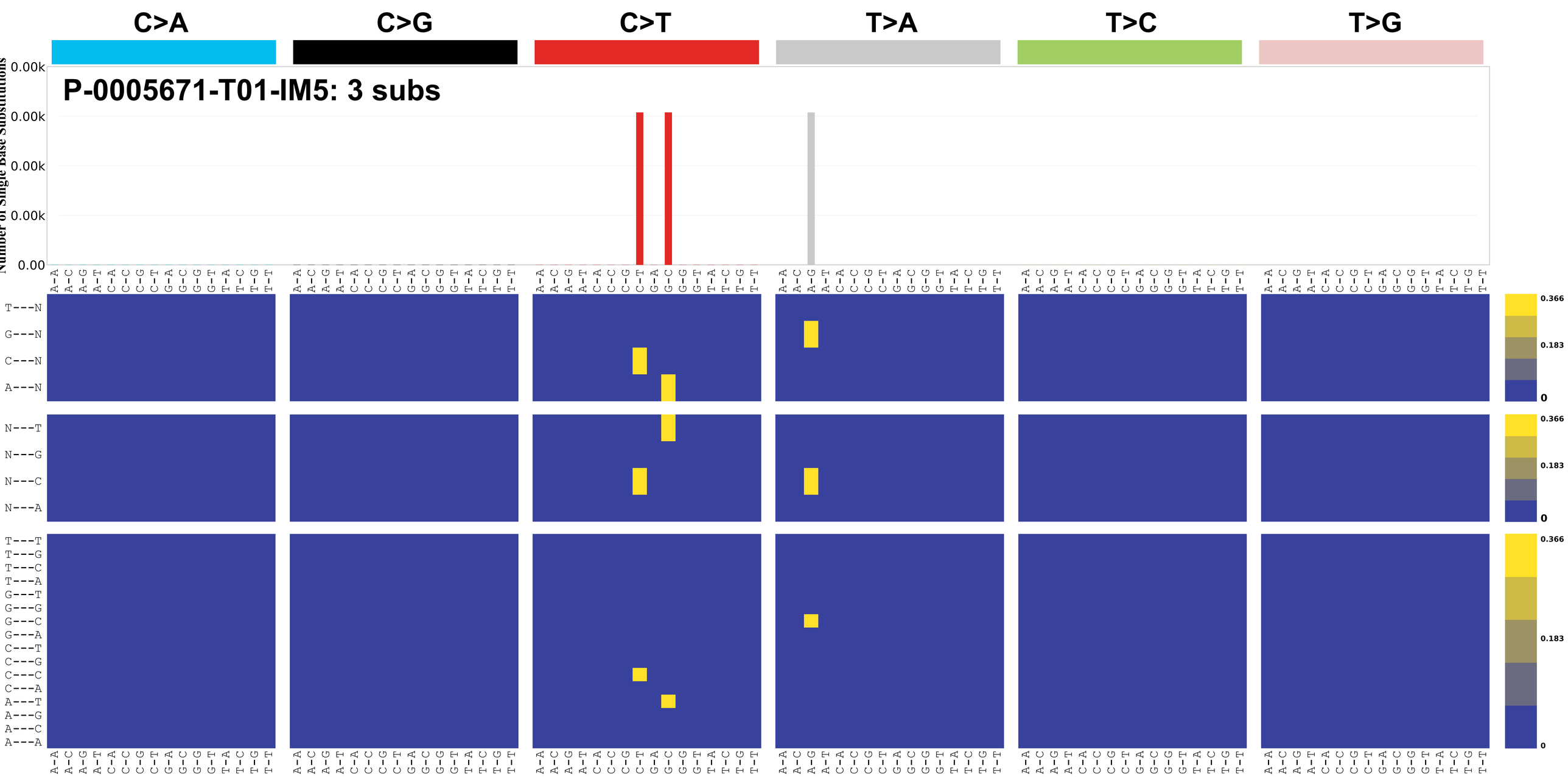

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0004876-T02-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

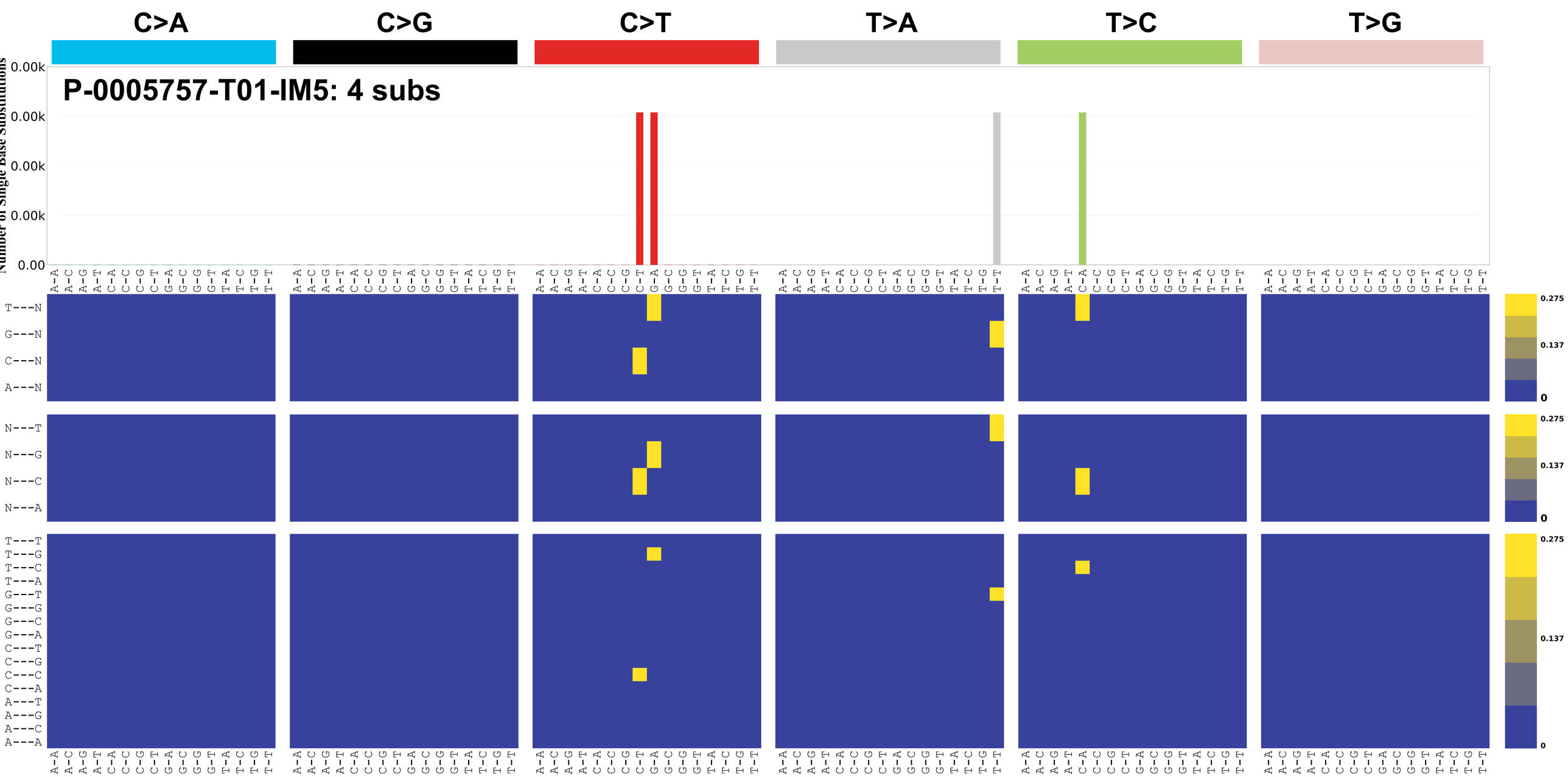

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0004930-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

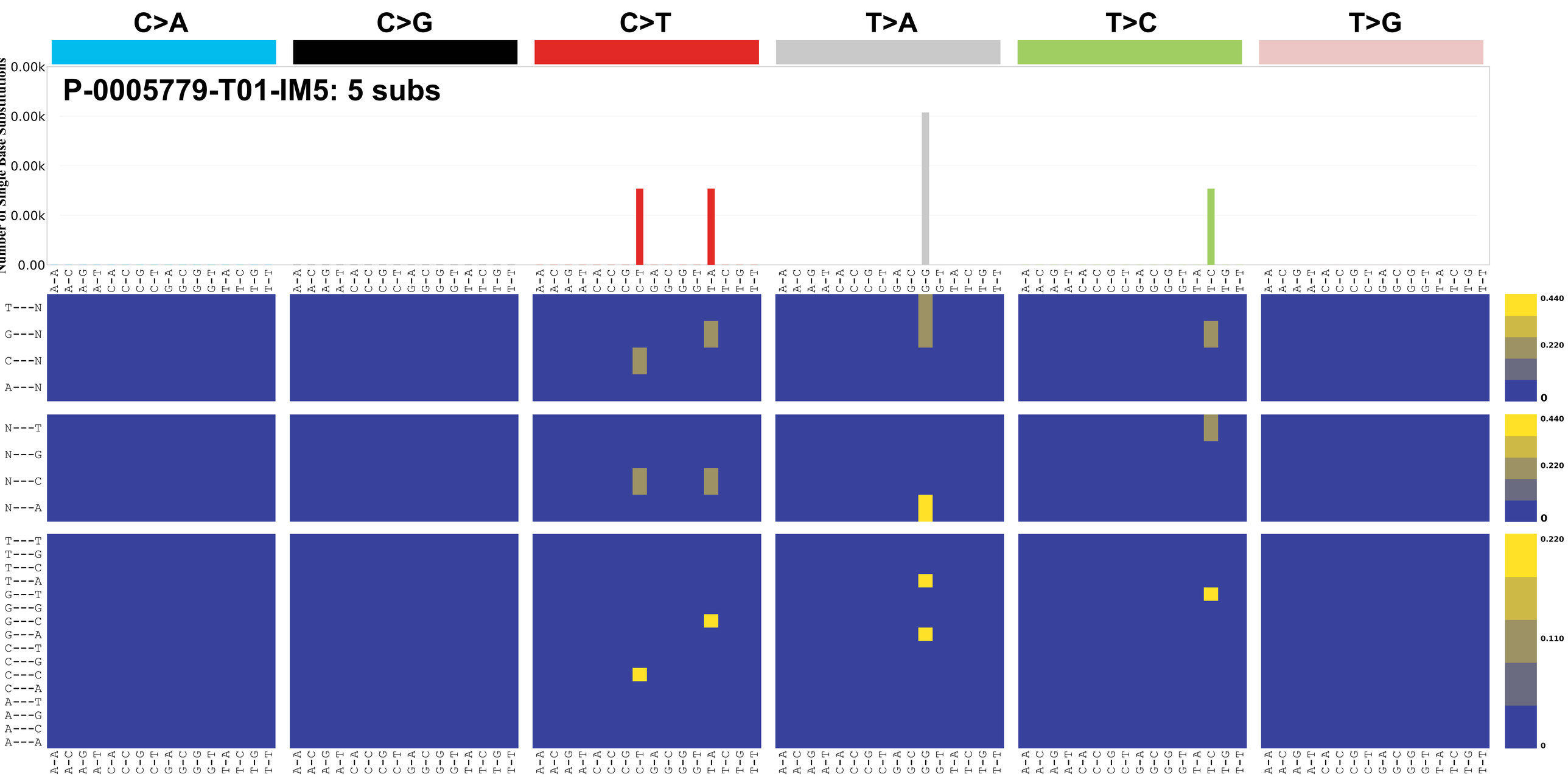

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005038-T02-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

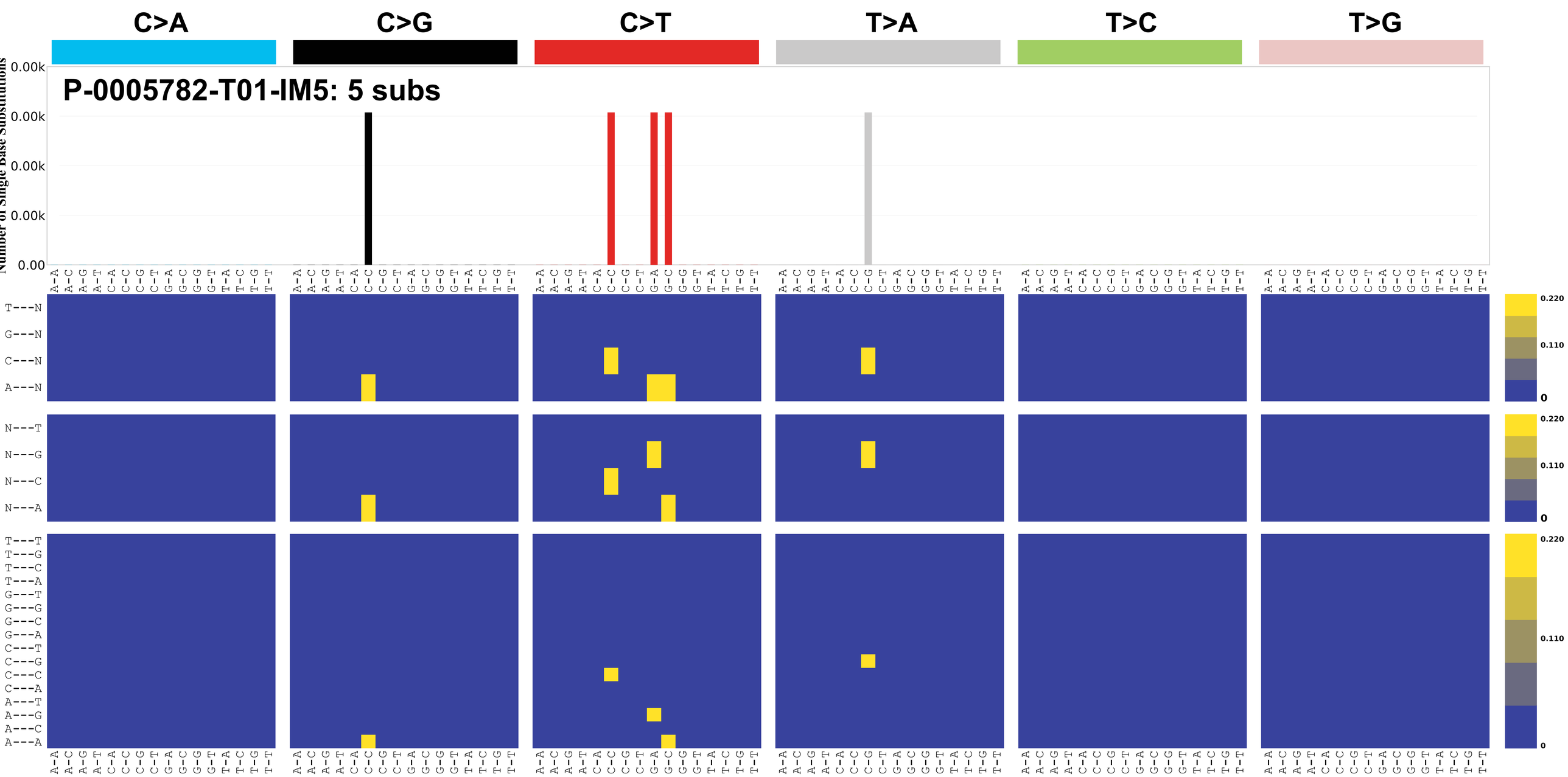

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005202-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

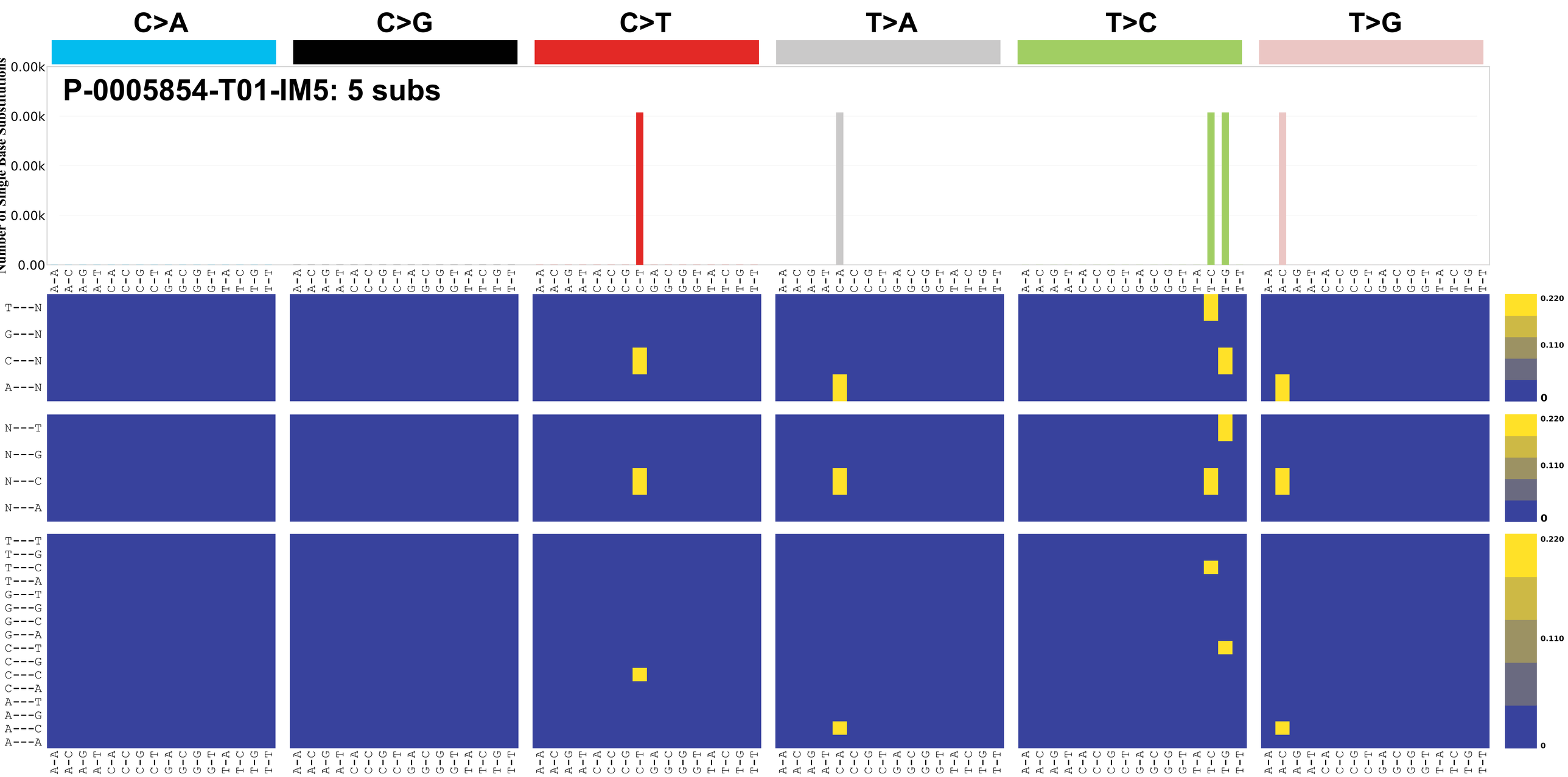

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005357-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

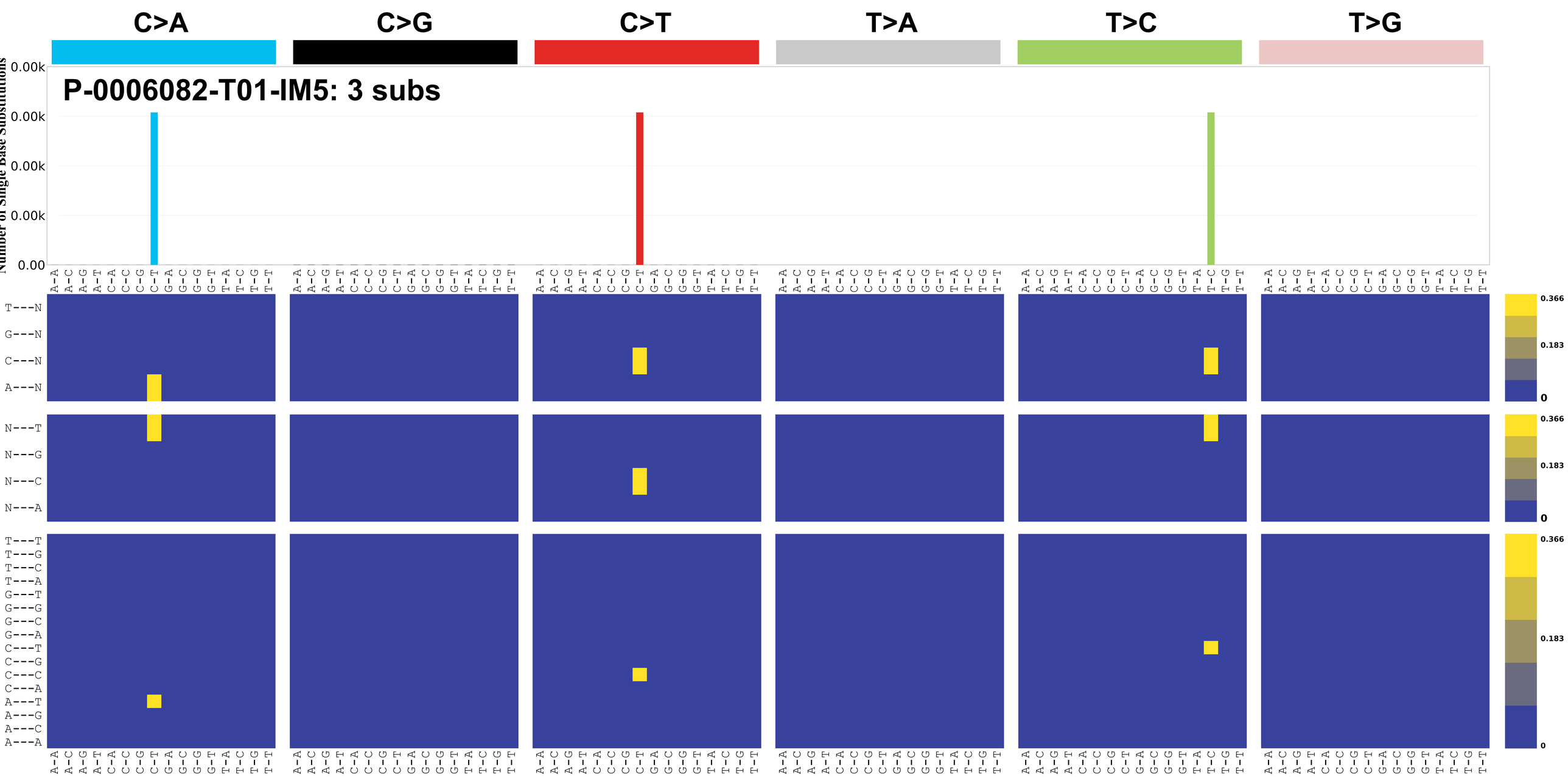

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005671-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

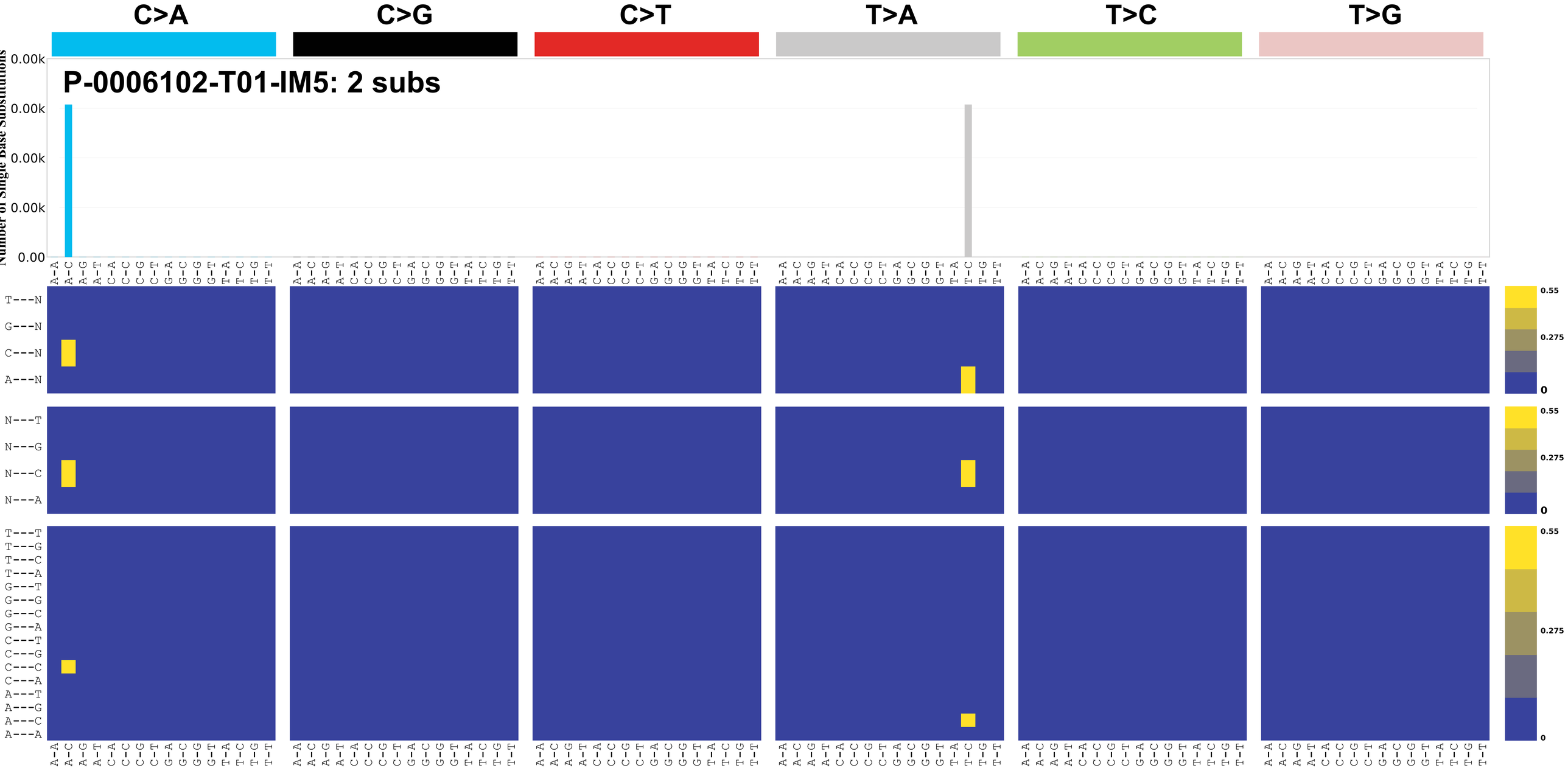

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005757-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

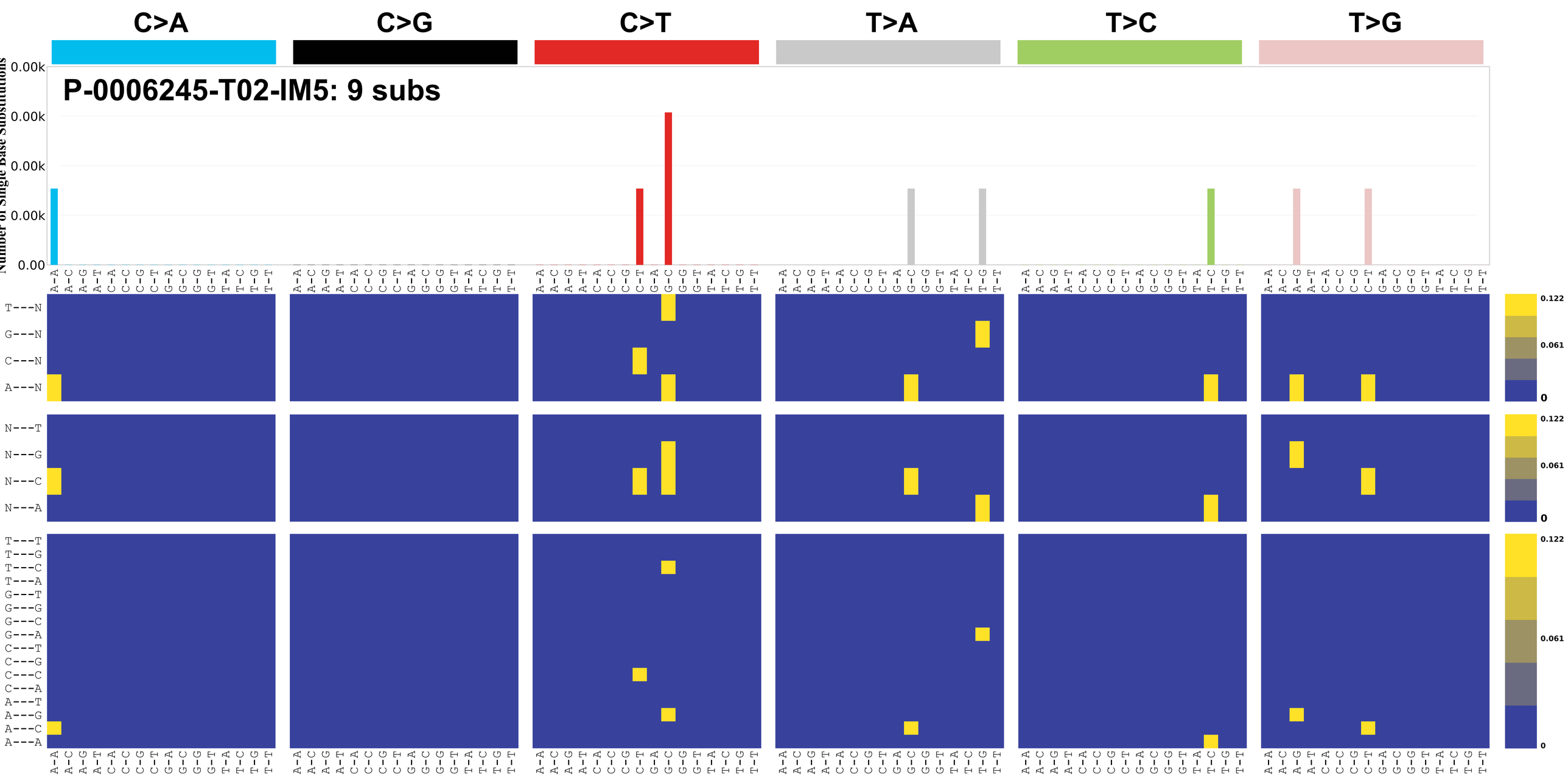

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005779-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.440
0.220
0
0.440
0.220
0
0.220
0.110
0

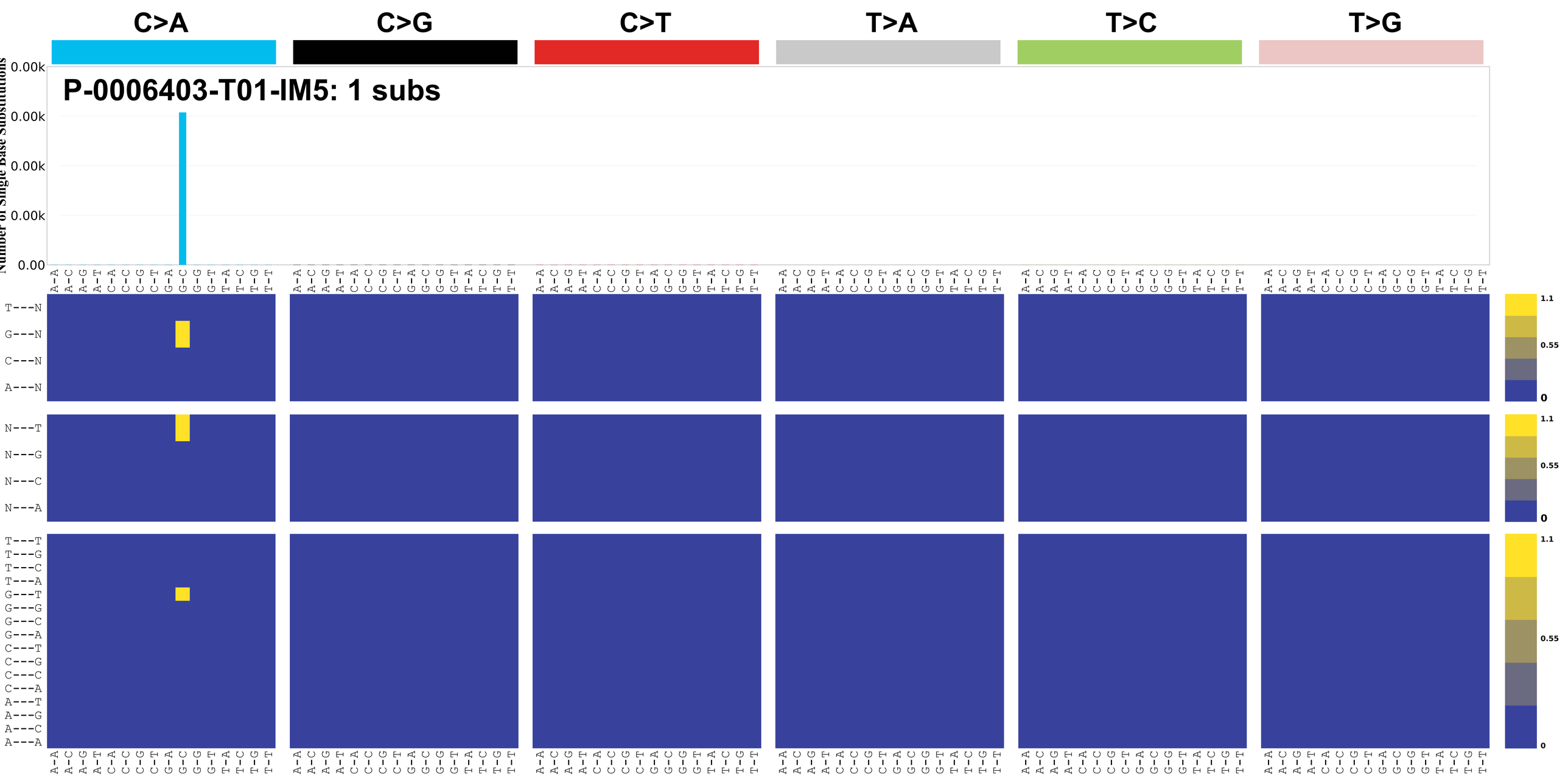

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005782-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

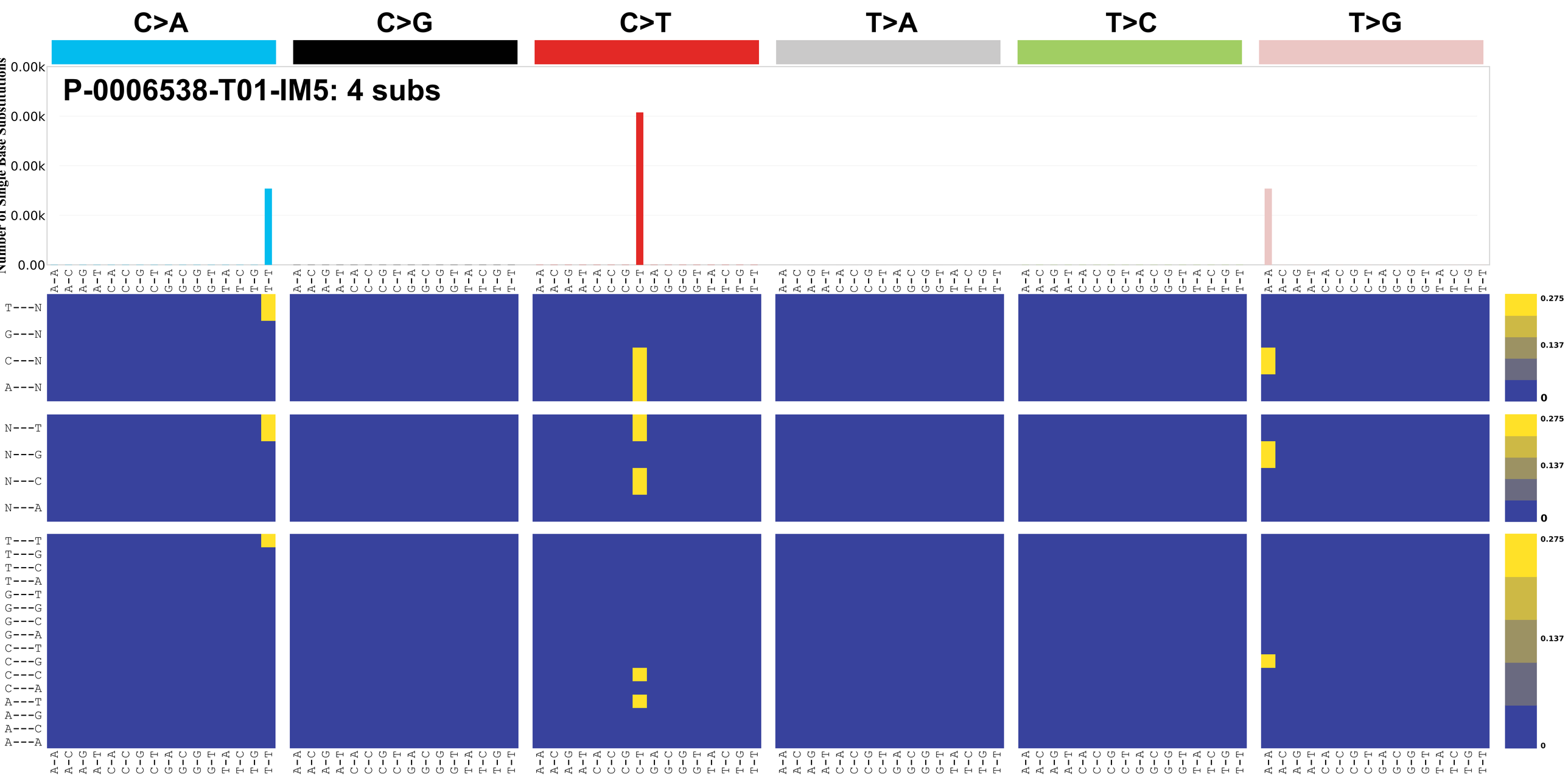

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0005854-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

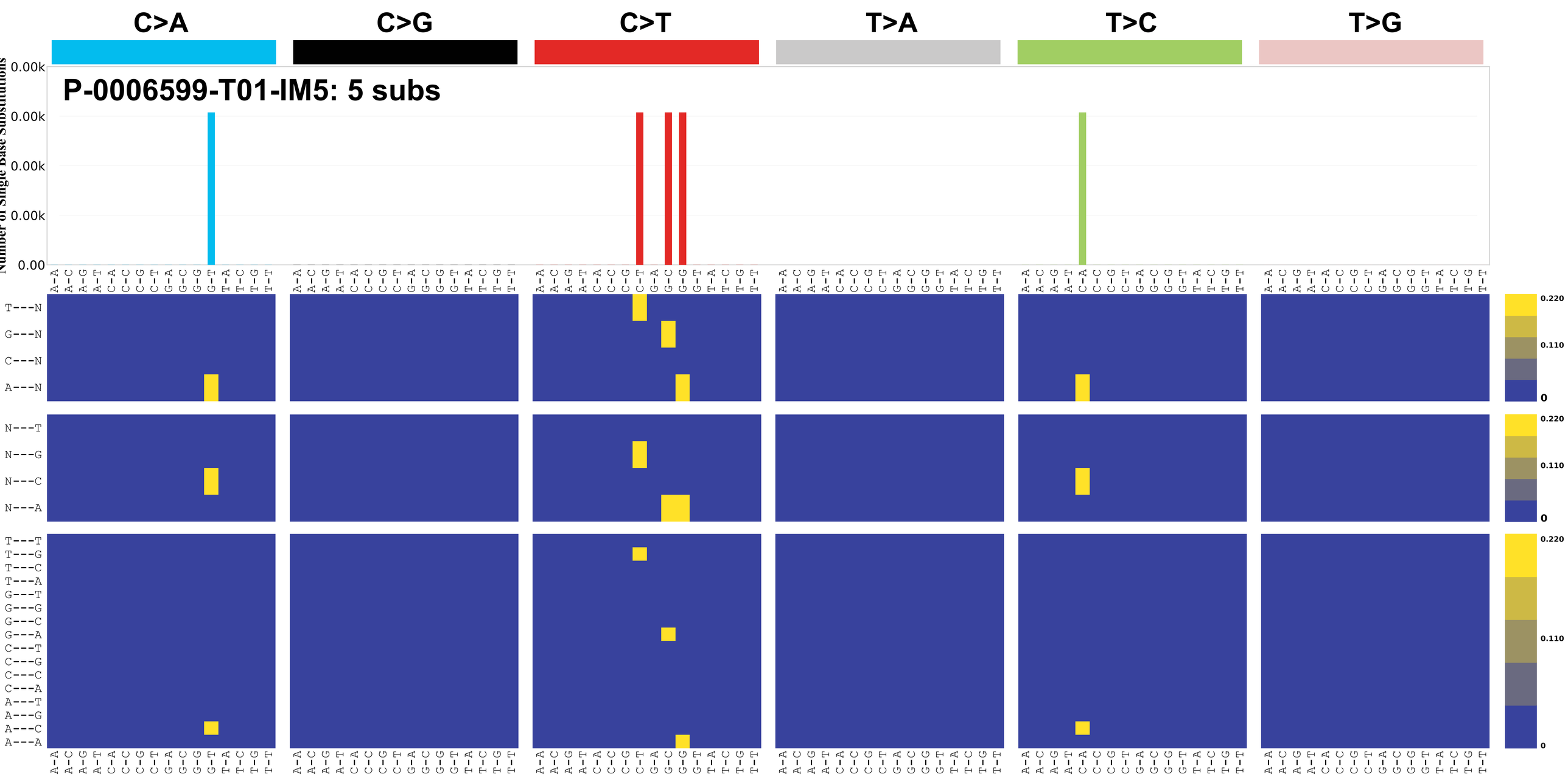

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006082-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

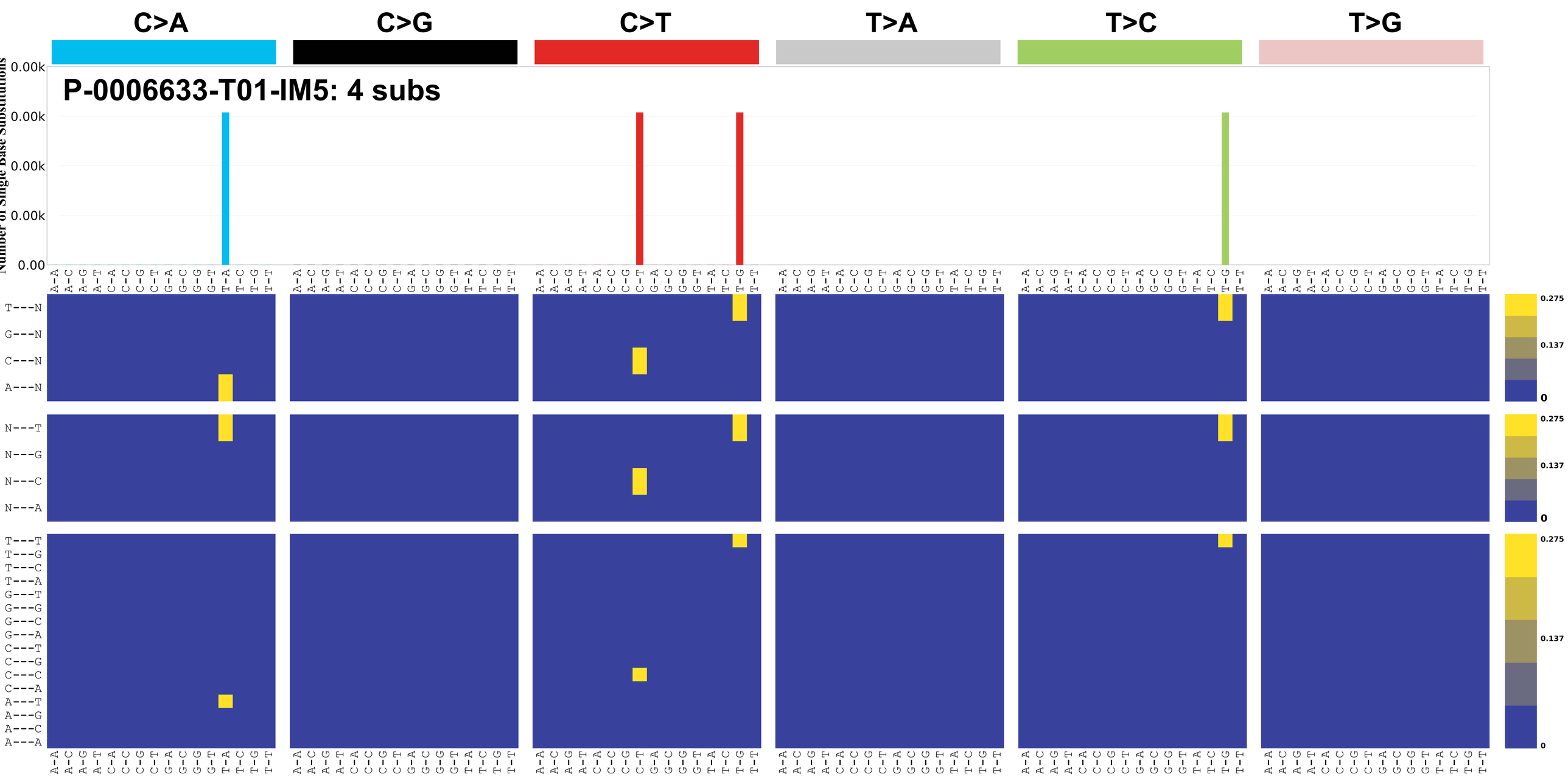

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006102-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

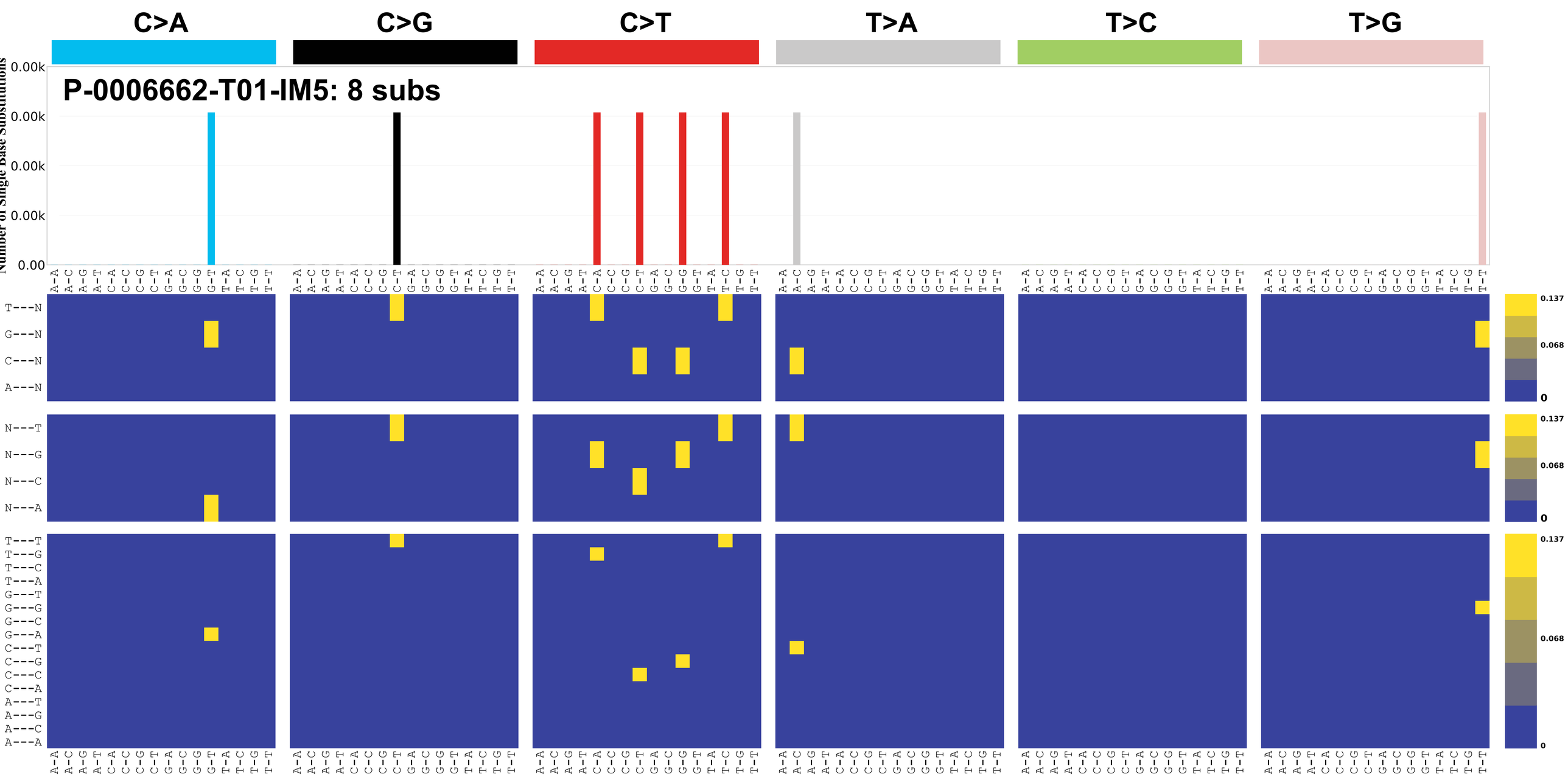

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006245-T02-IM5: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.122
0.061
0

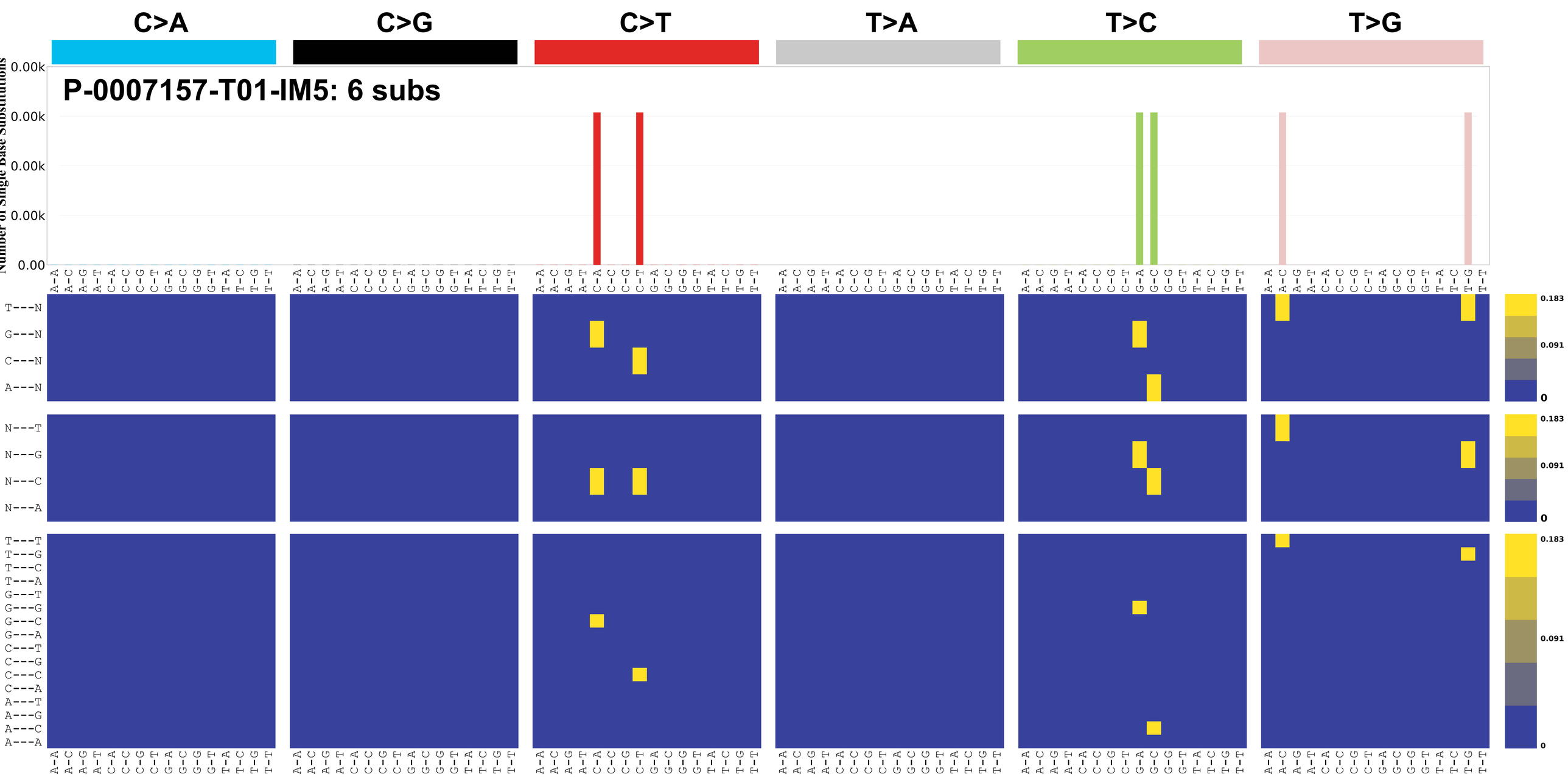

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006403-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

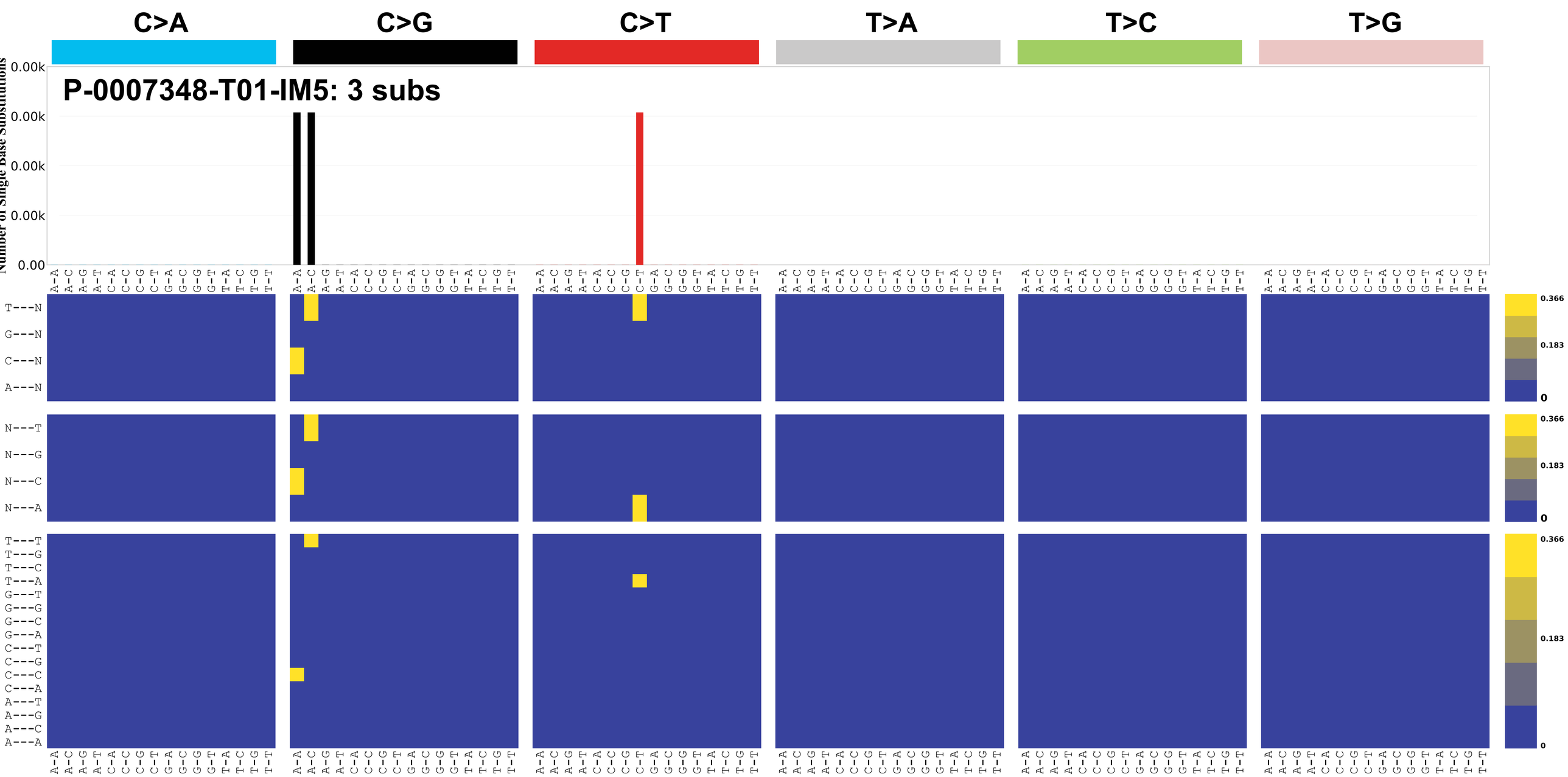

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006538-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

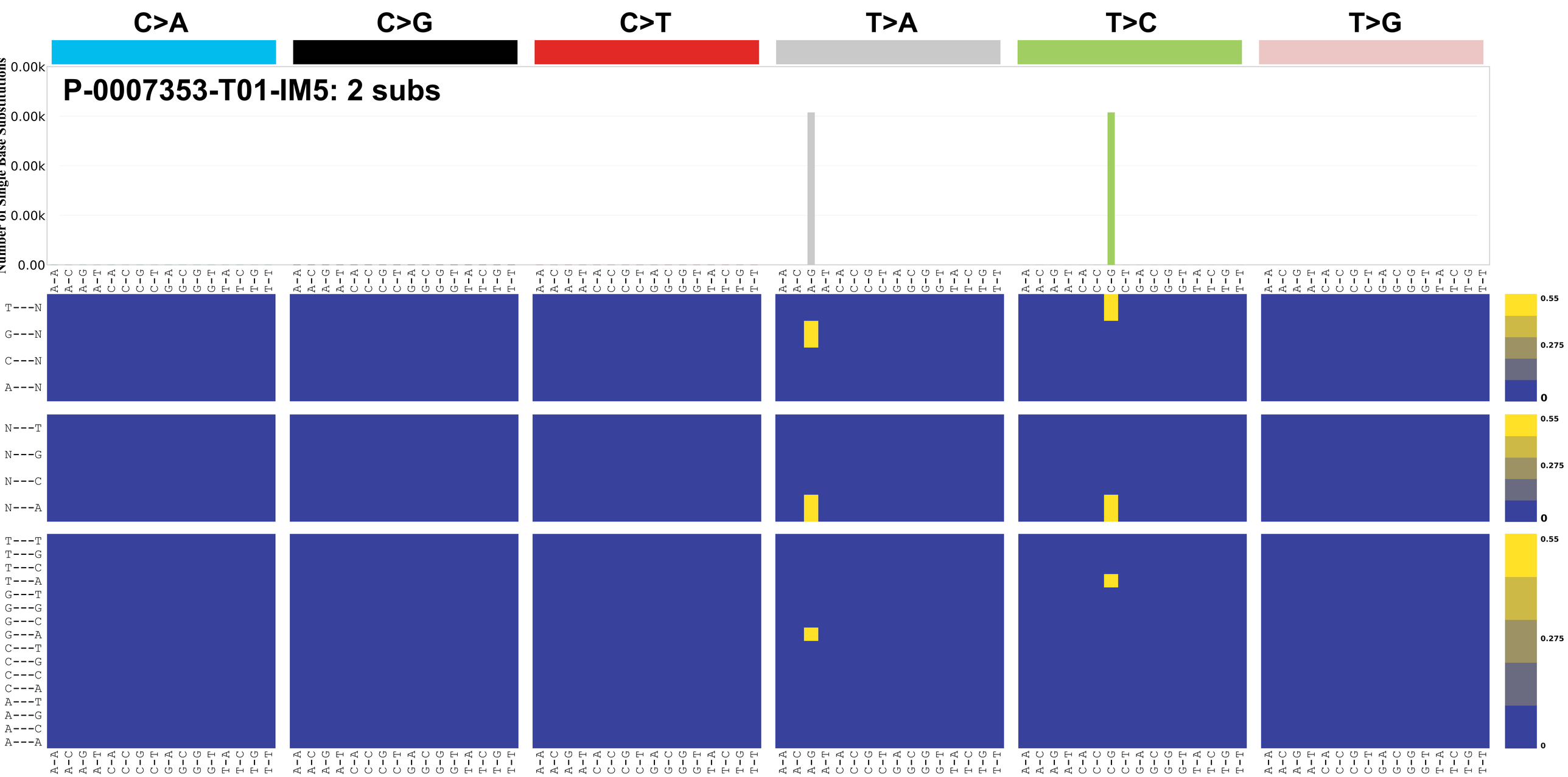

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006599-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

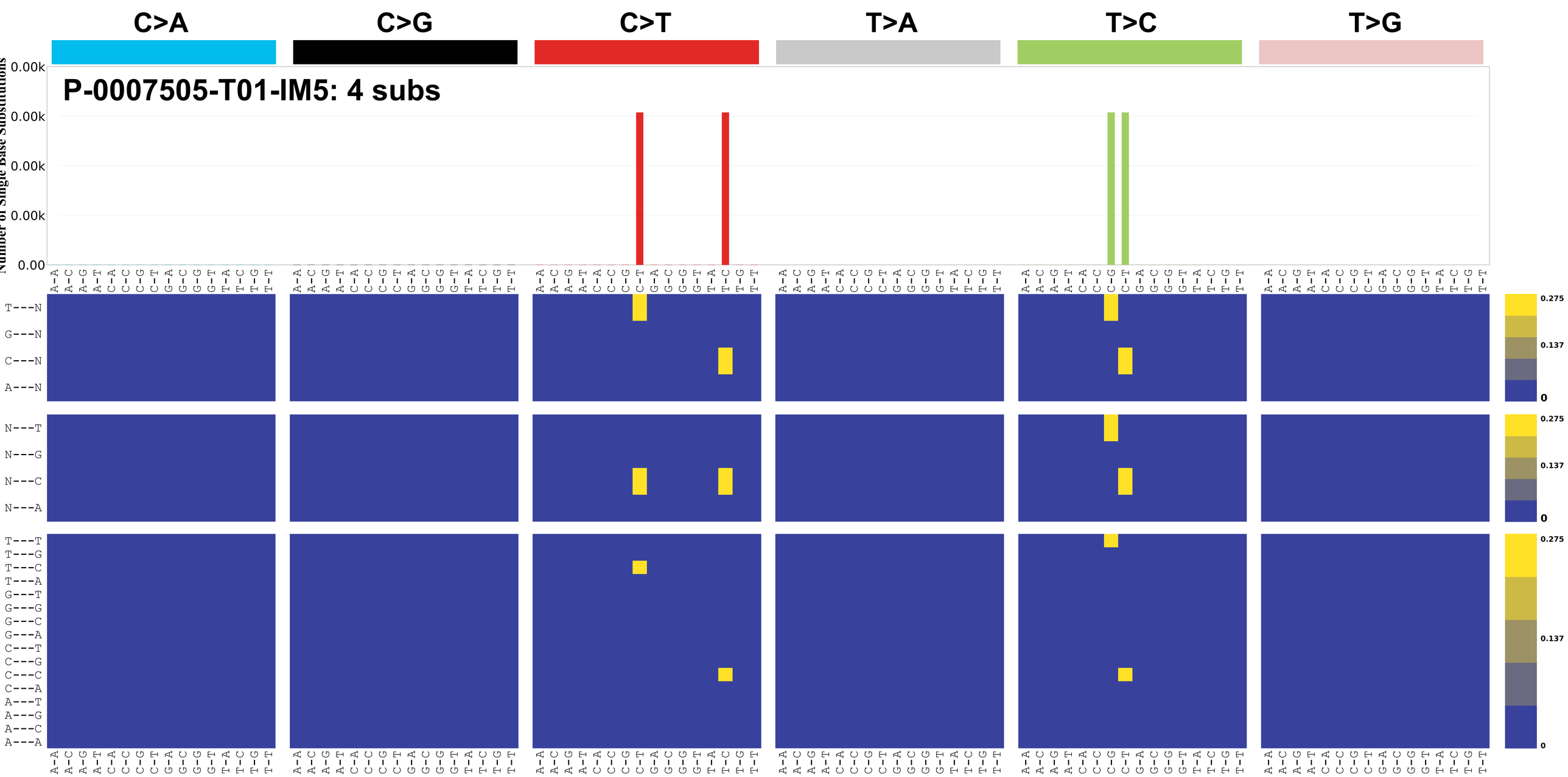

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006633-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

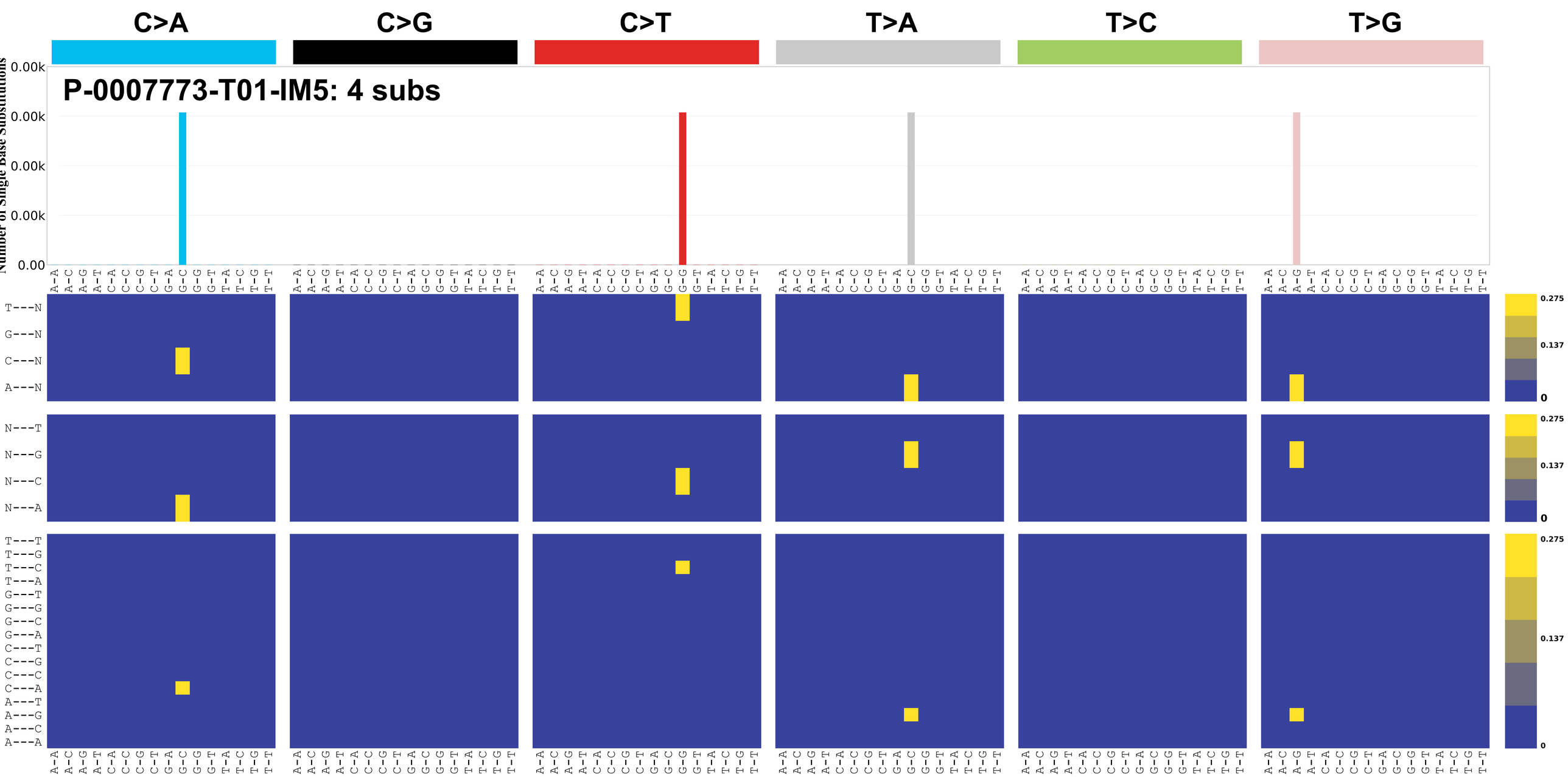

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0006662-T01-IM5: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

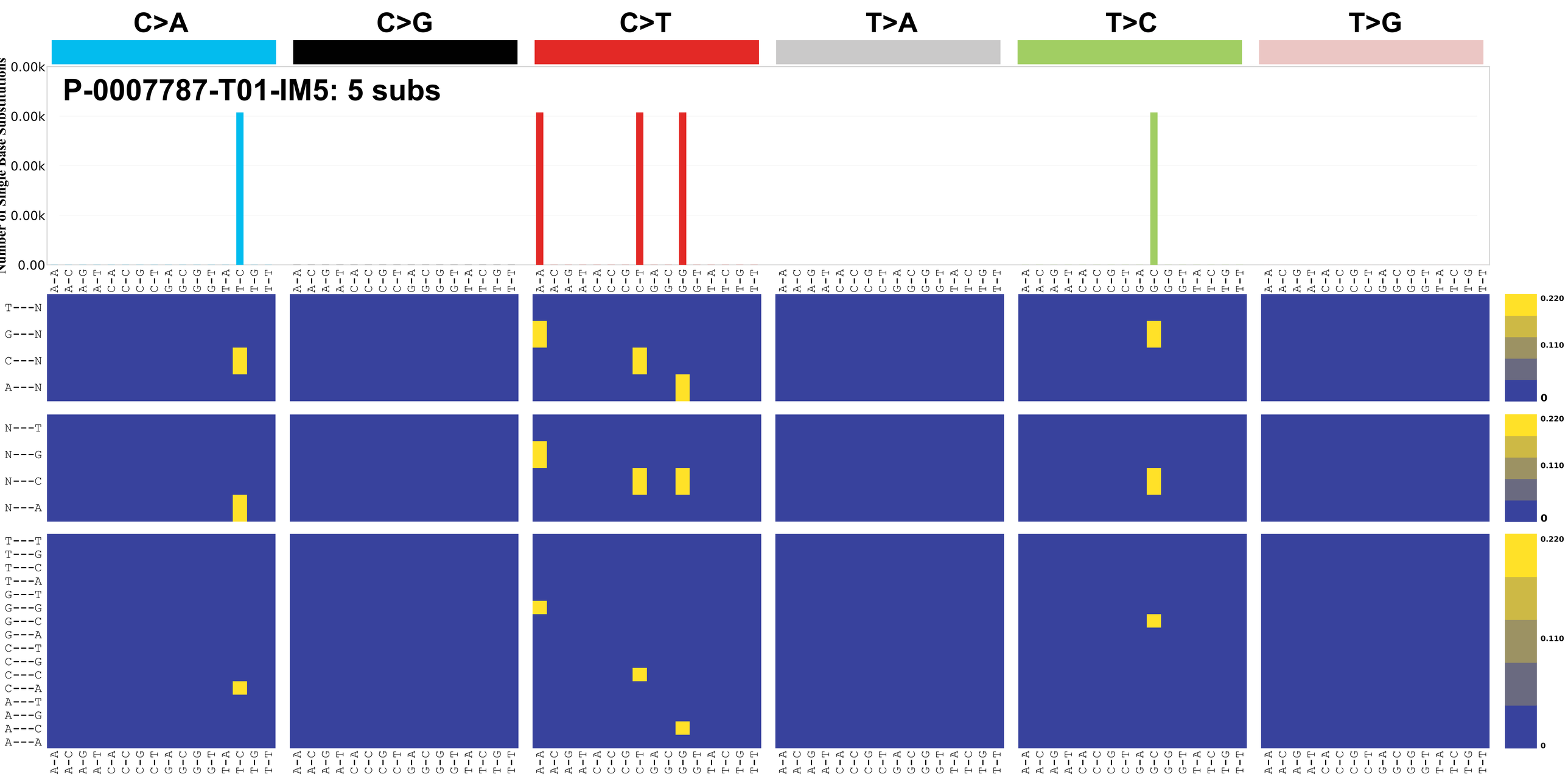

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007157-T01-IM5: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

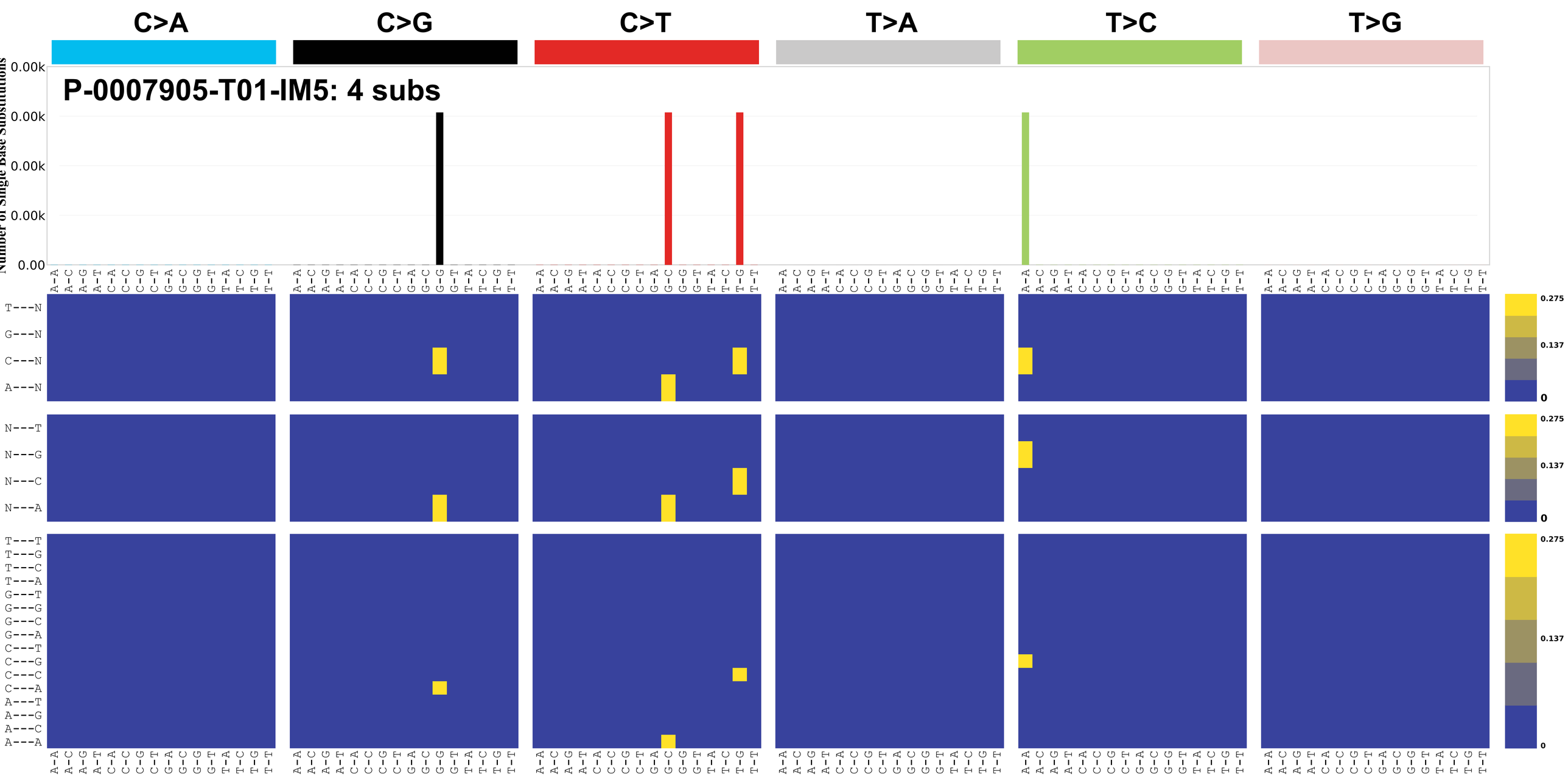

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007348-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

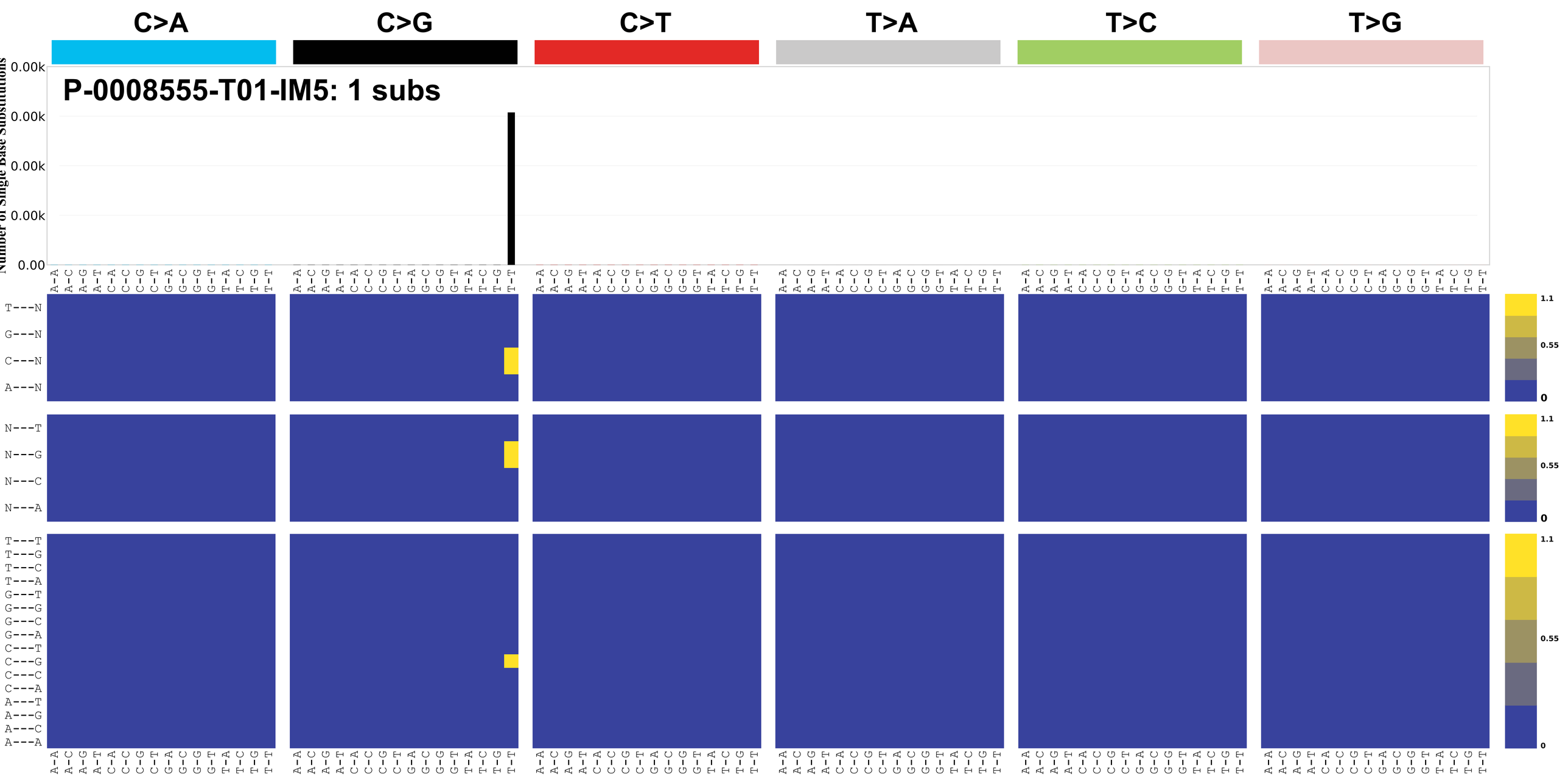

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007353-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

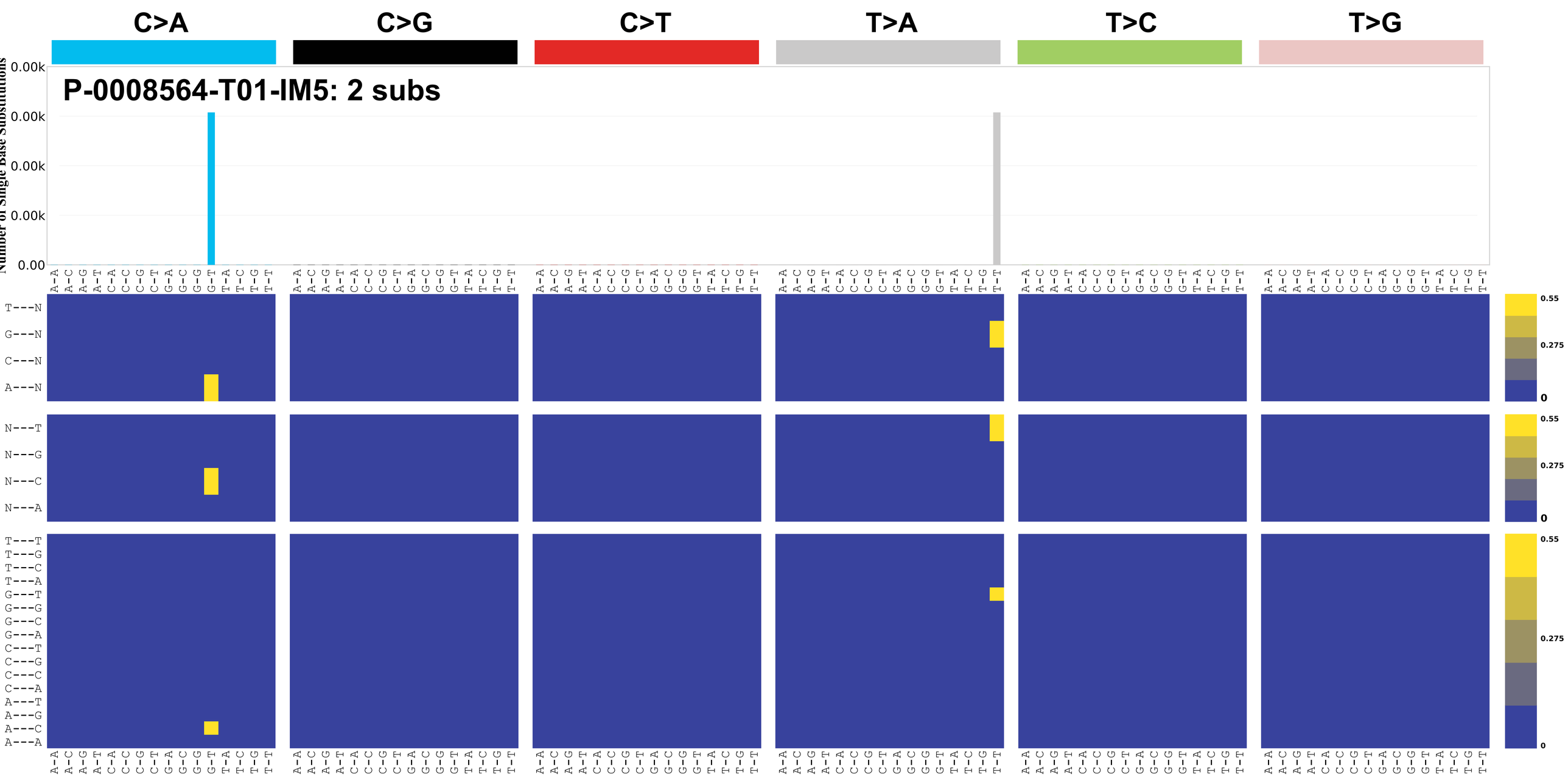

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007505-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

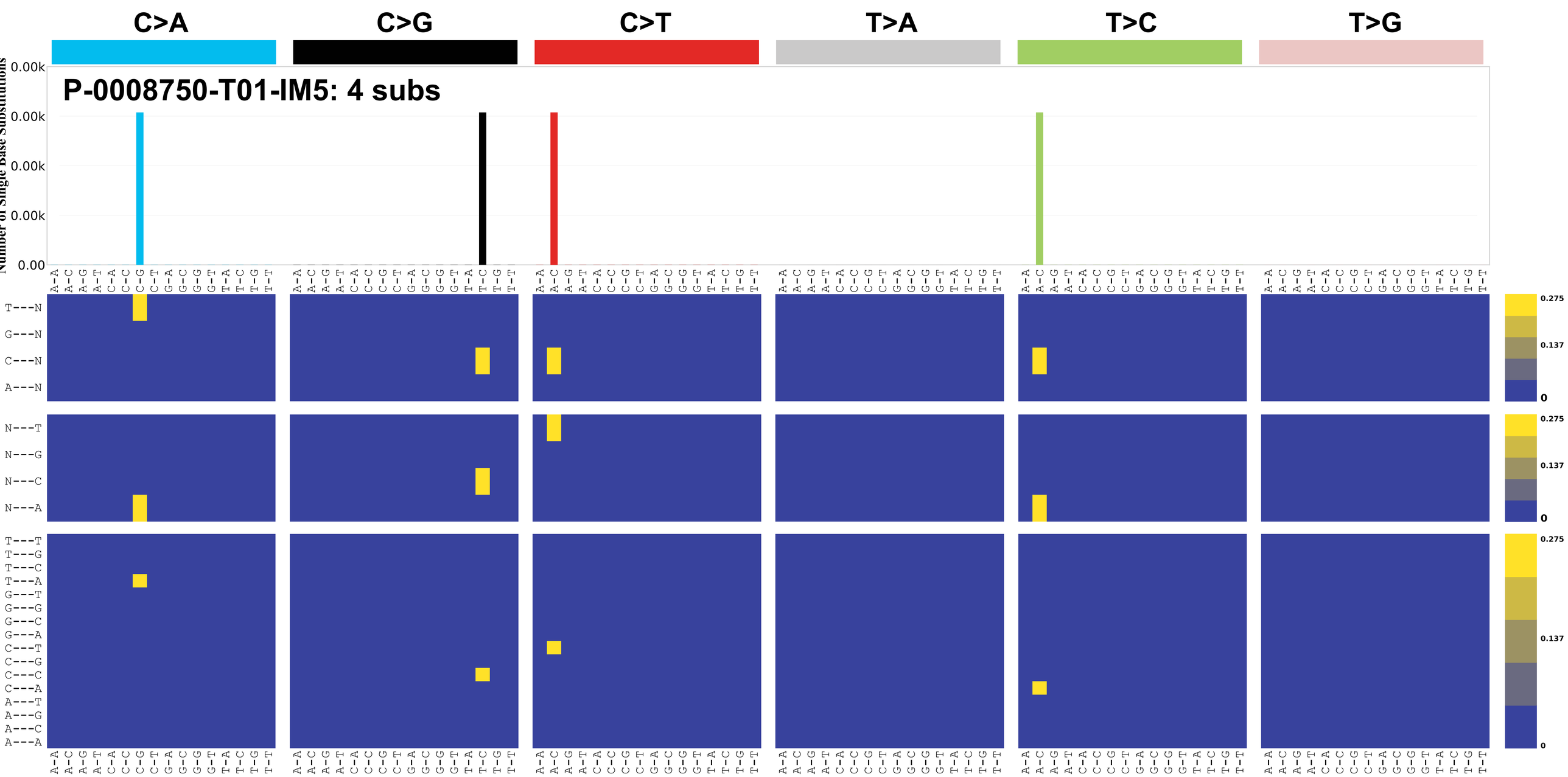

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007773-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

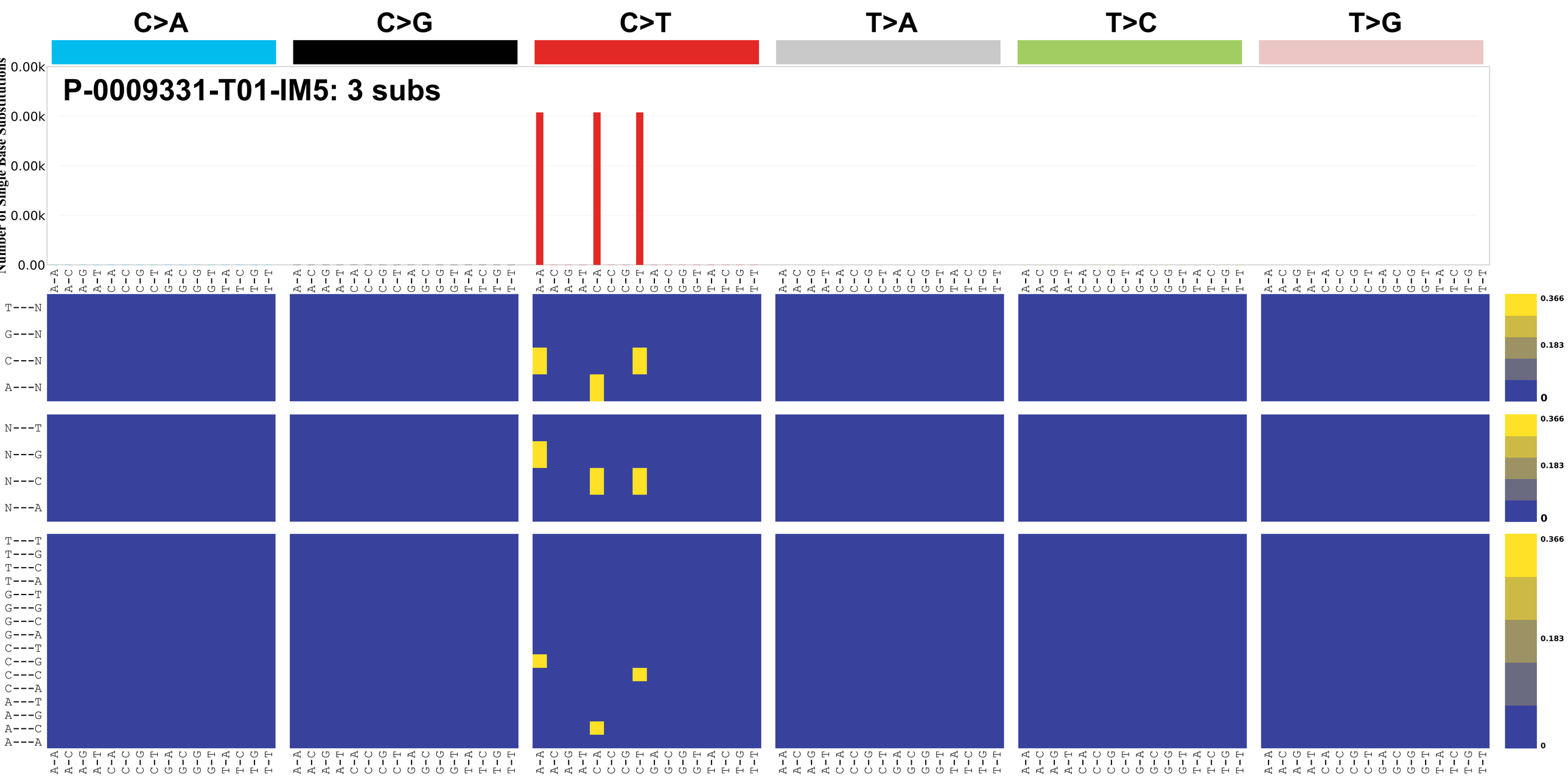

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007787-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

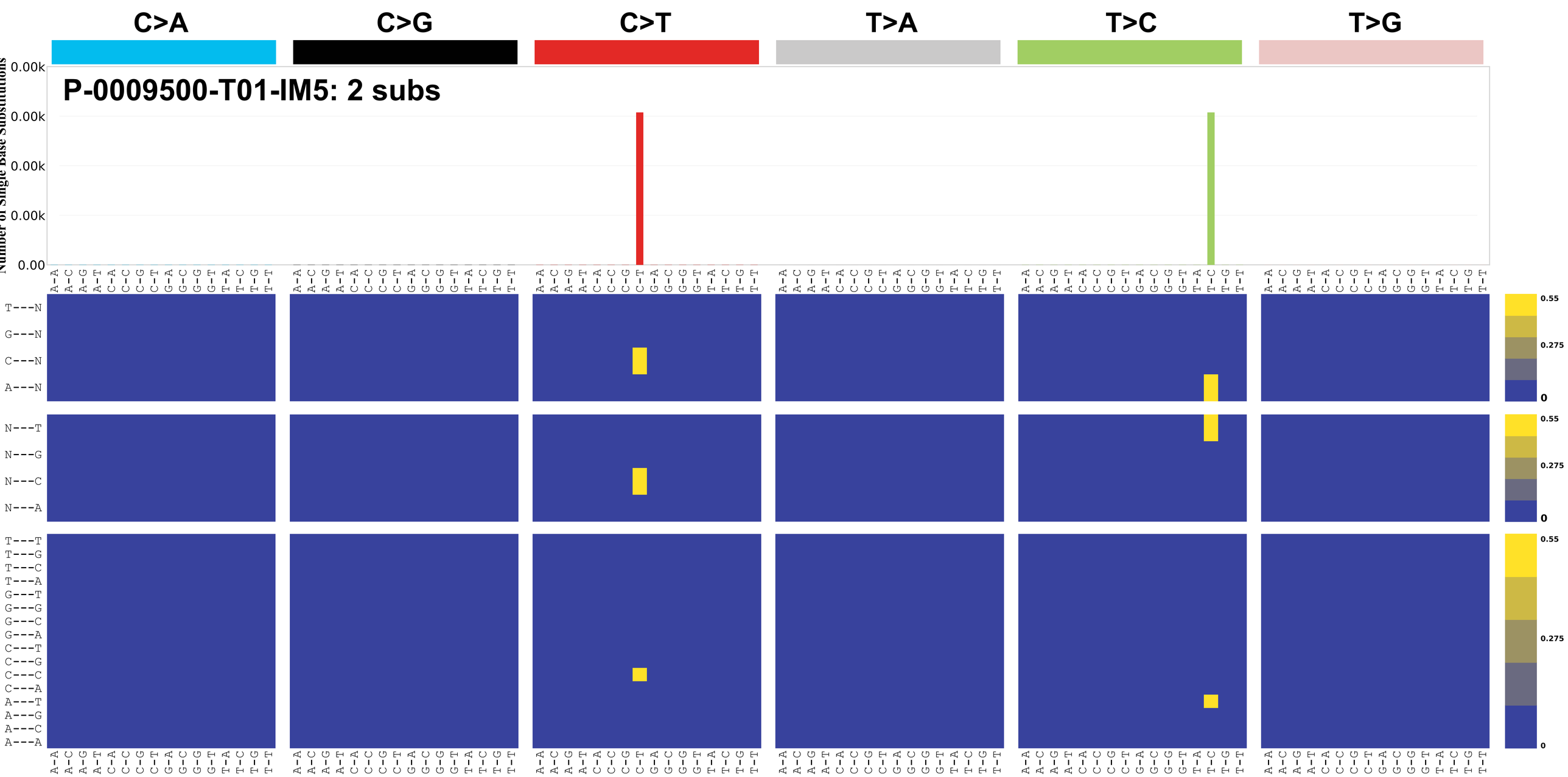

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0007905-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

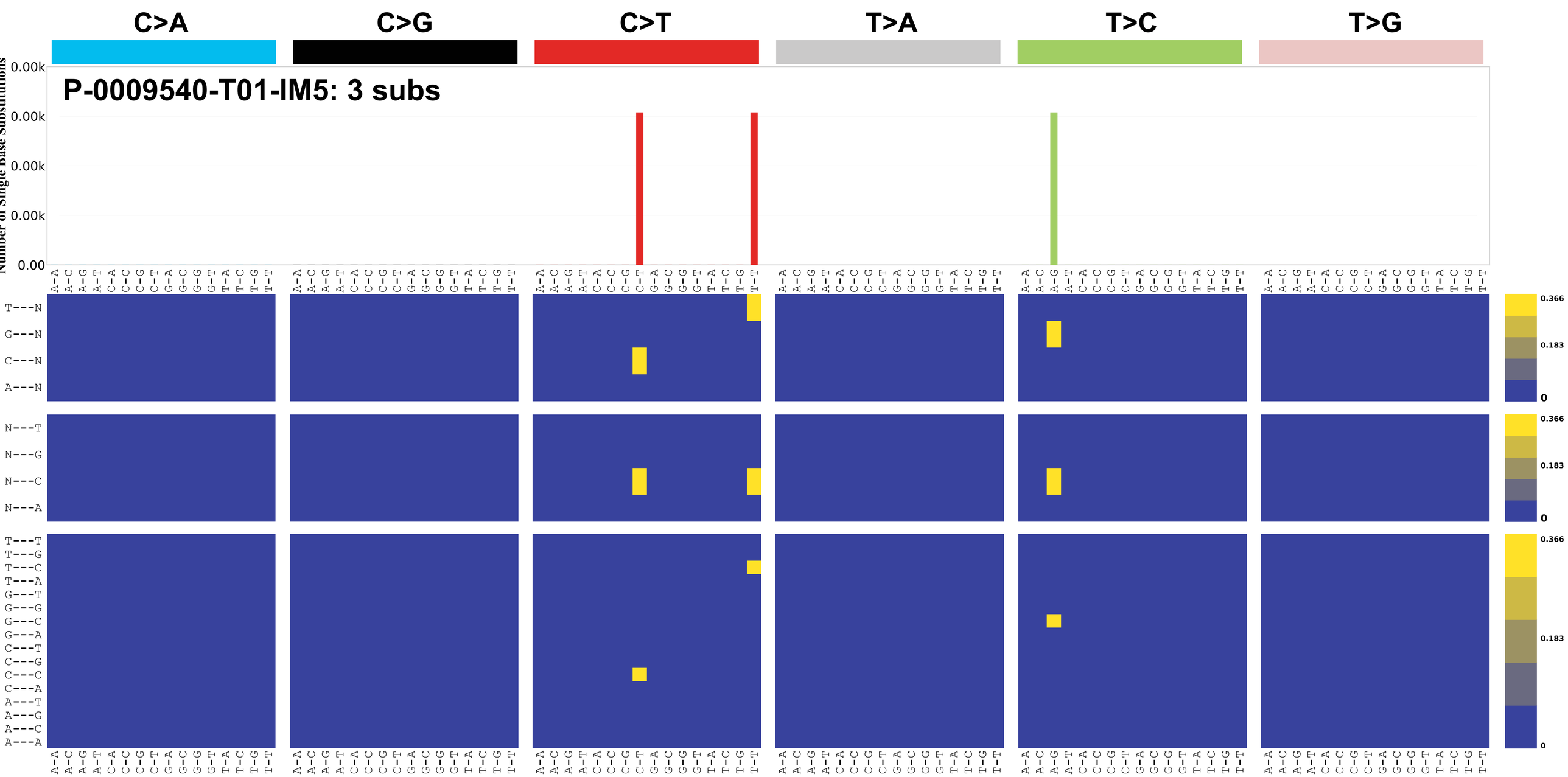

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0008555-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

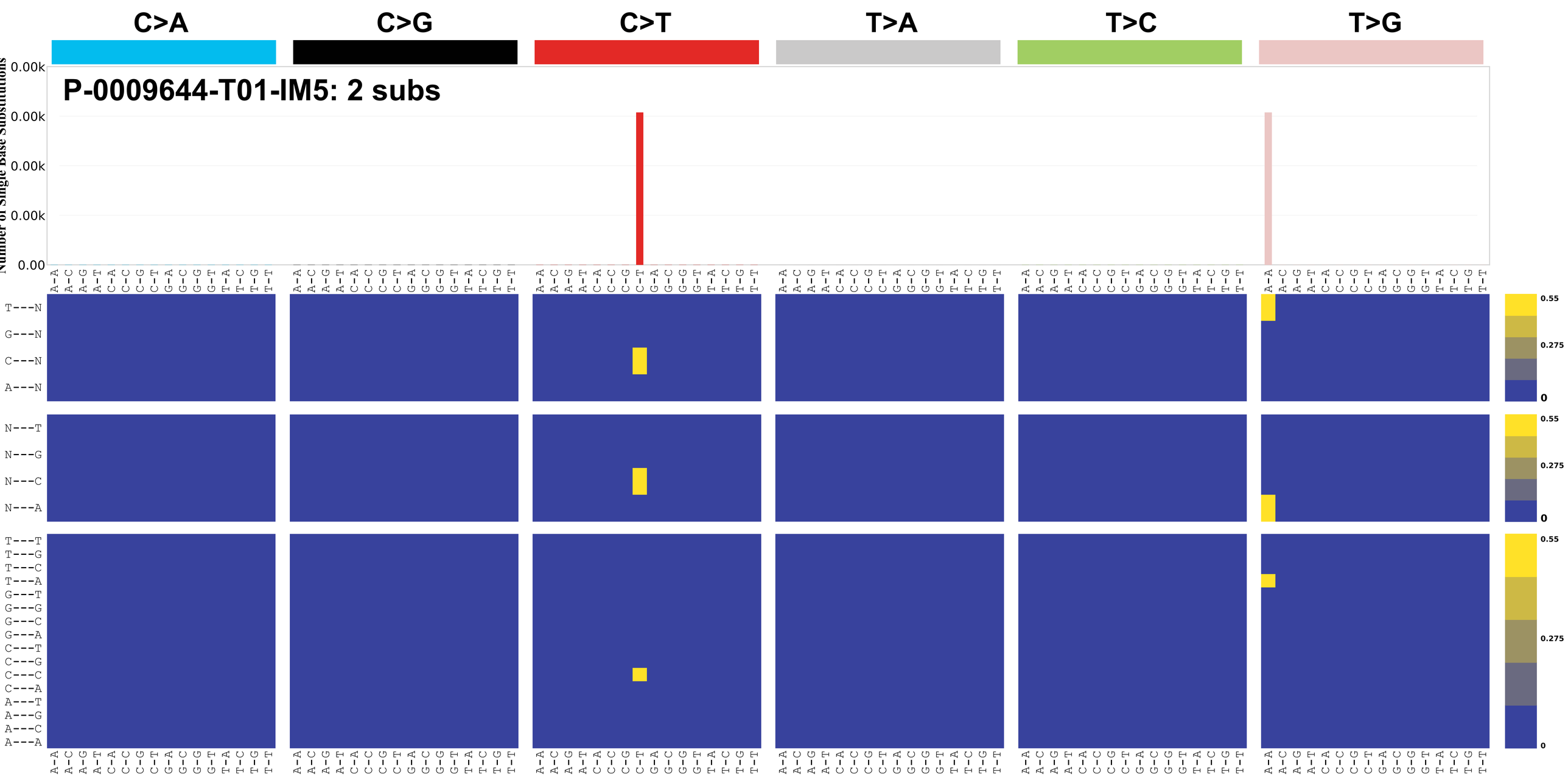

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0008564-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

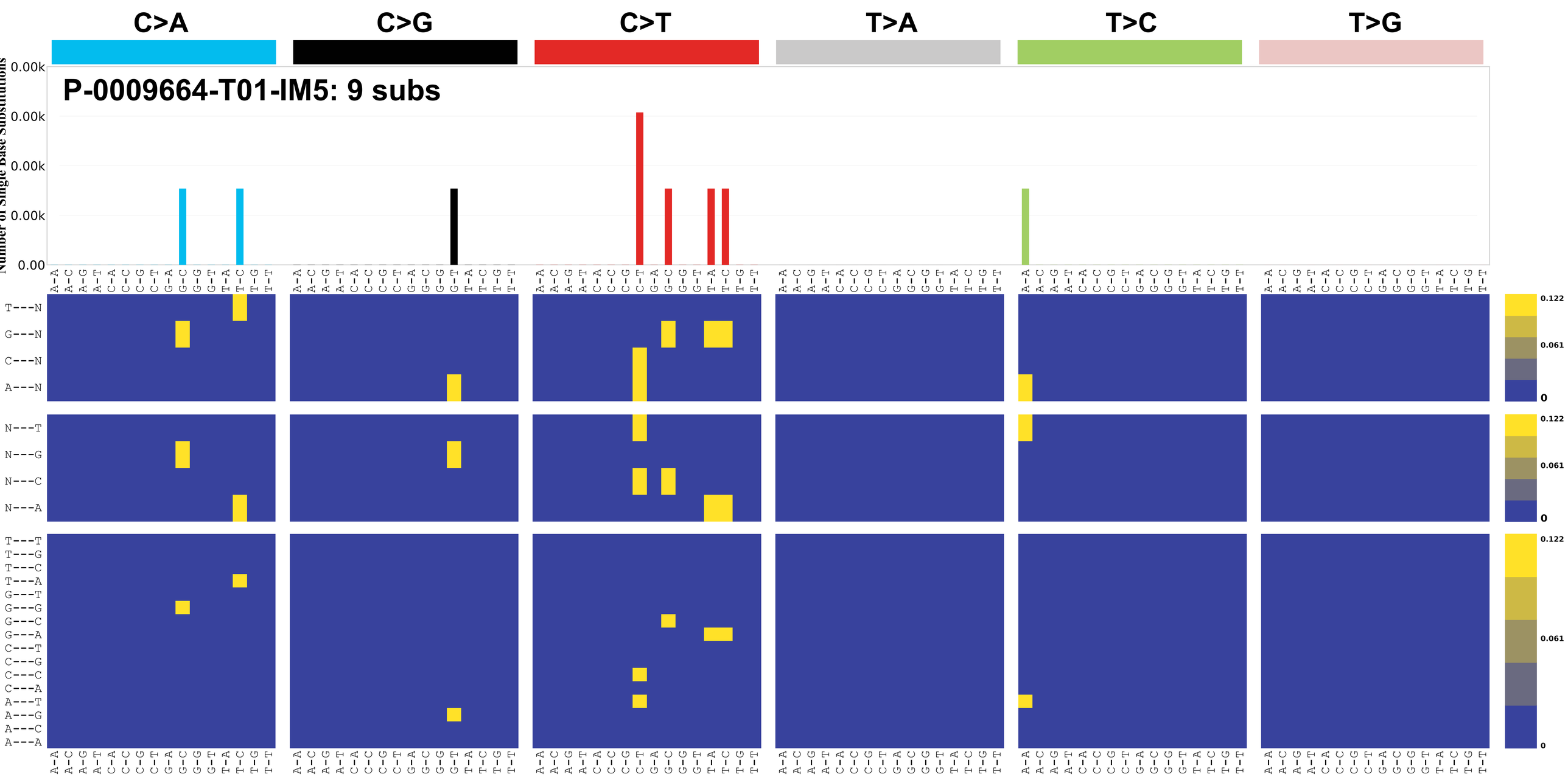

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0008750-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

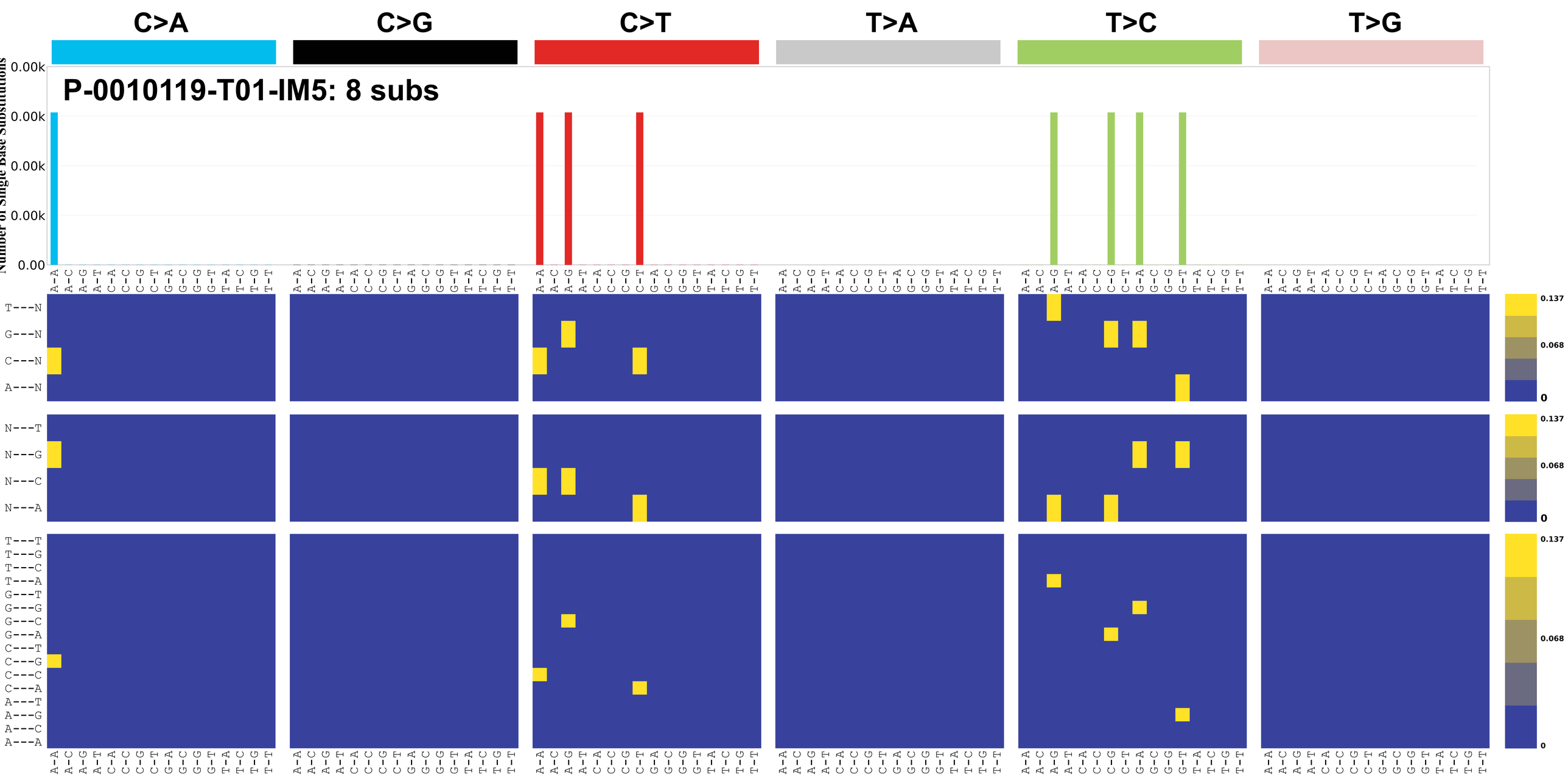

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0009331-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

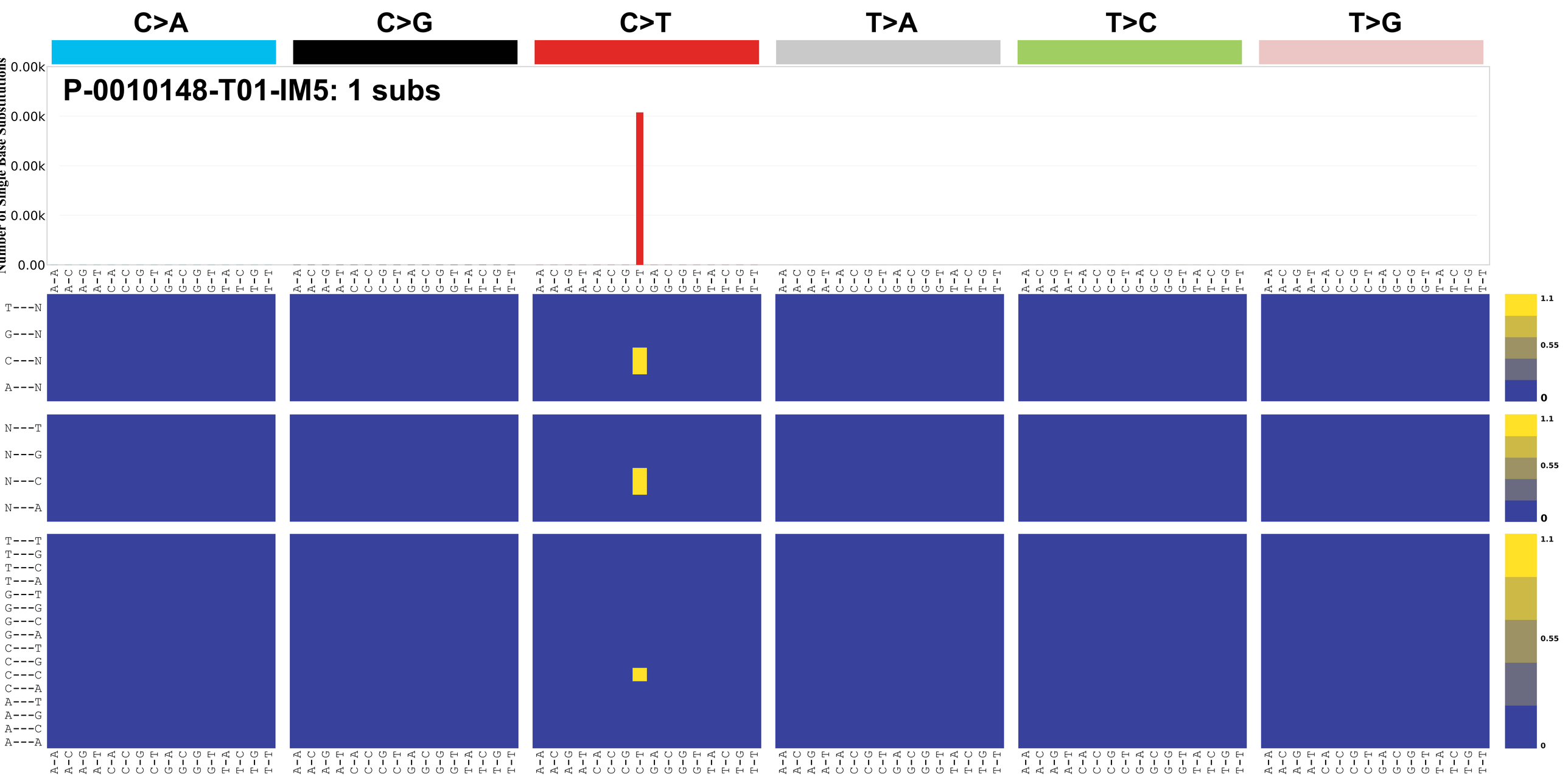

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0009500-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

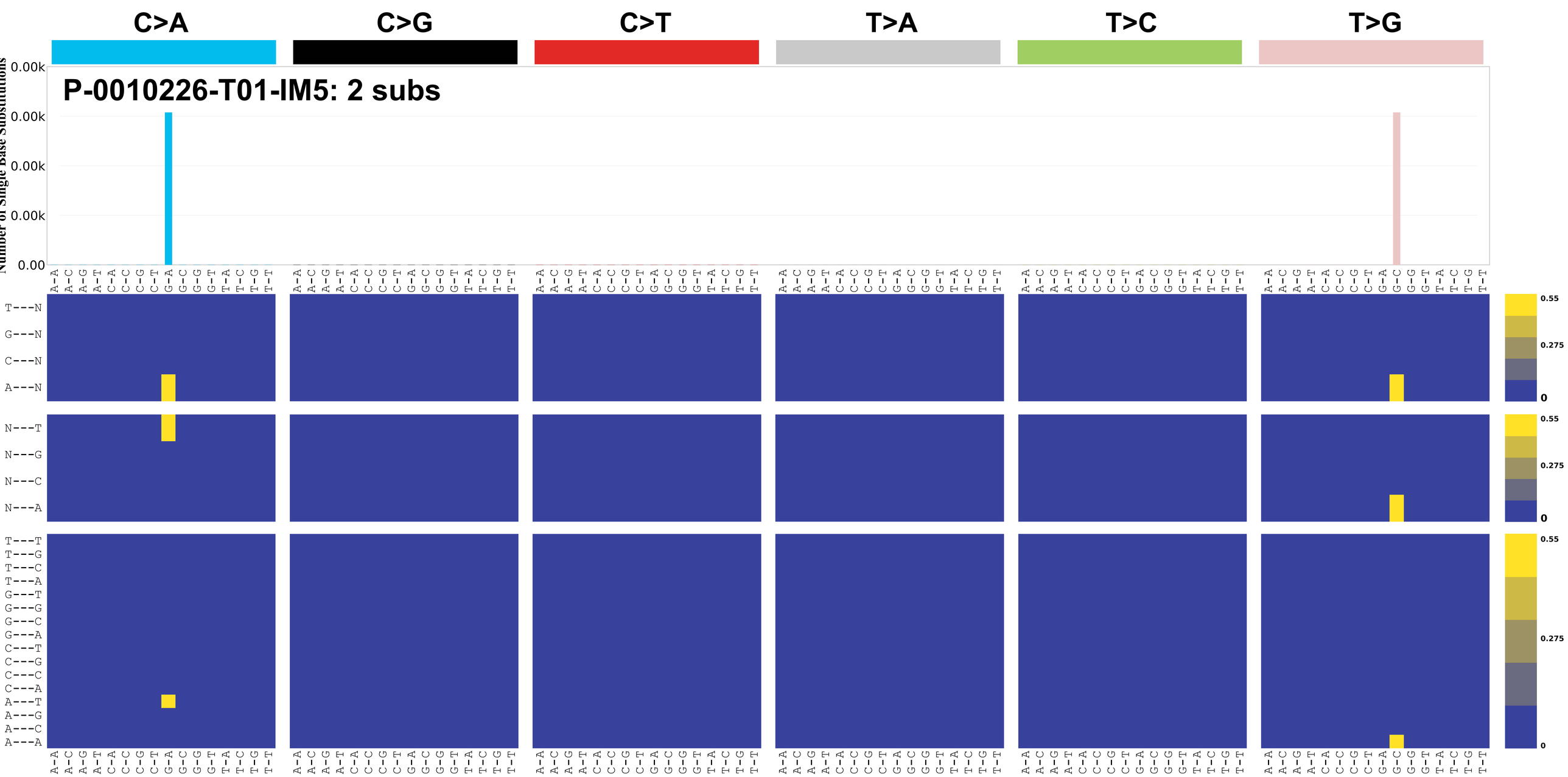

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0009540-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

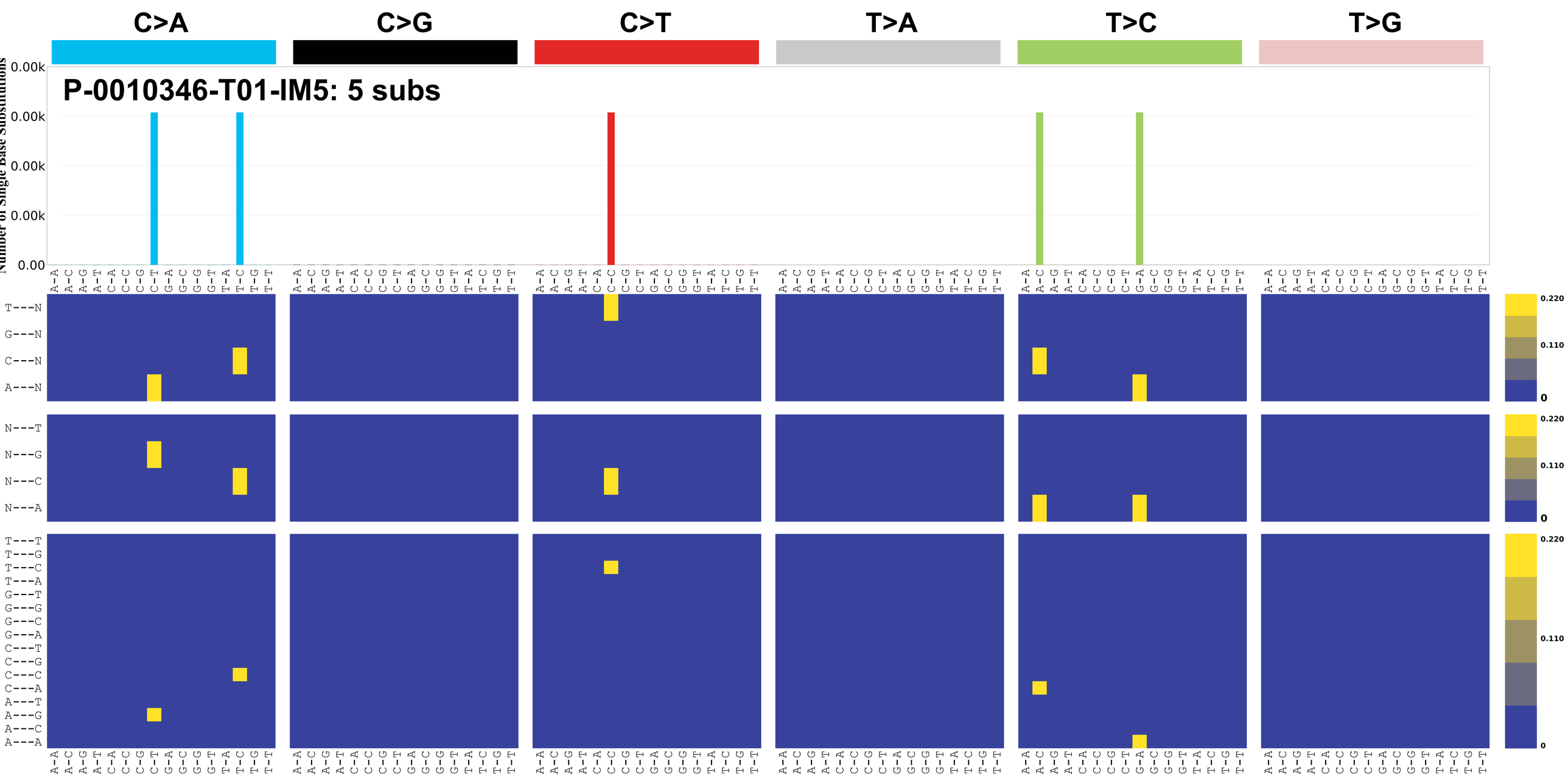

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0009644-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

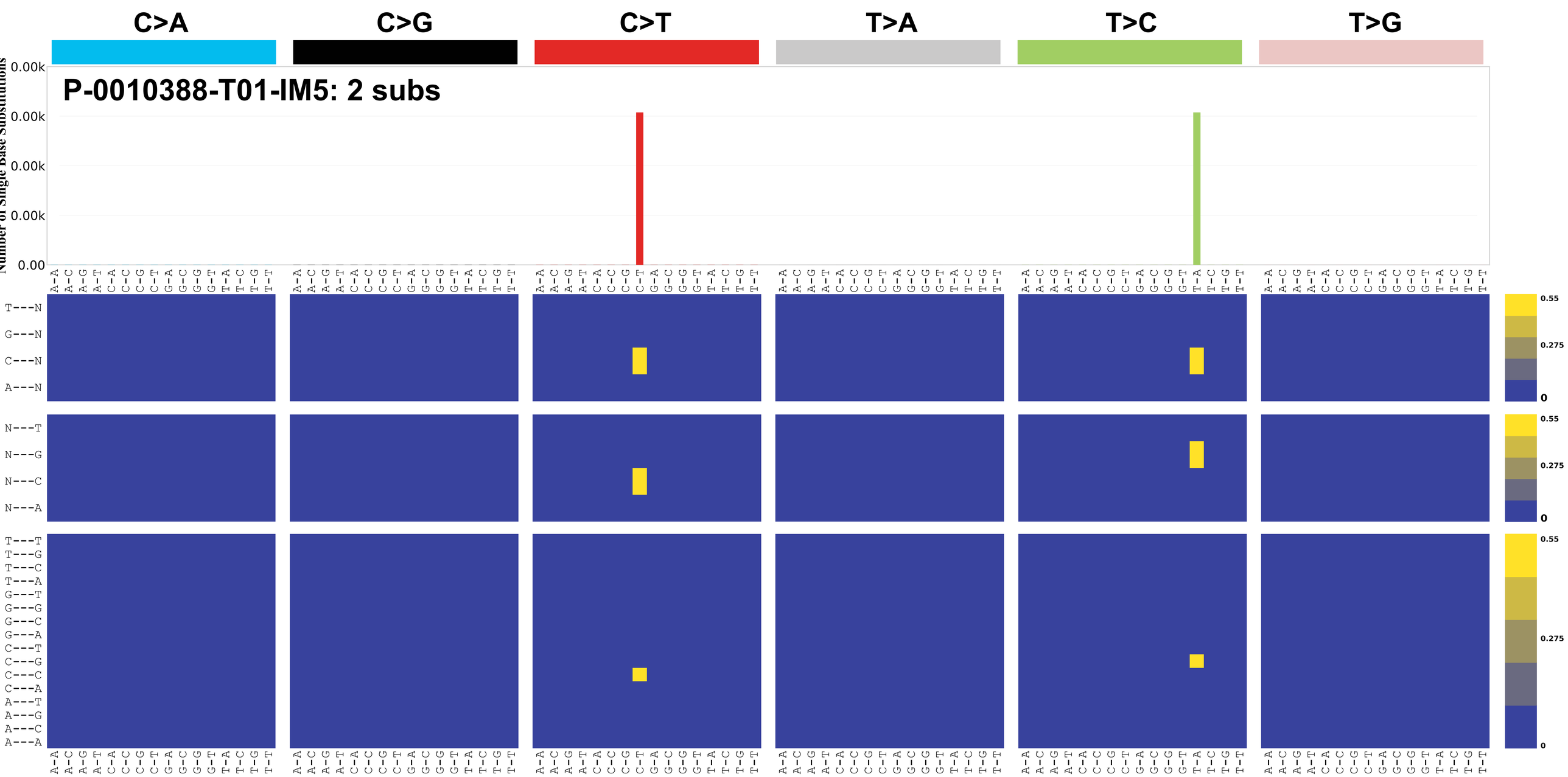

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0009664-T01-IM5: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.122
0.061
0

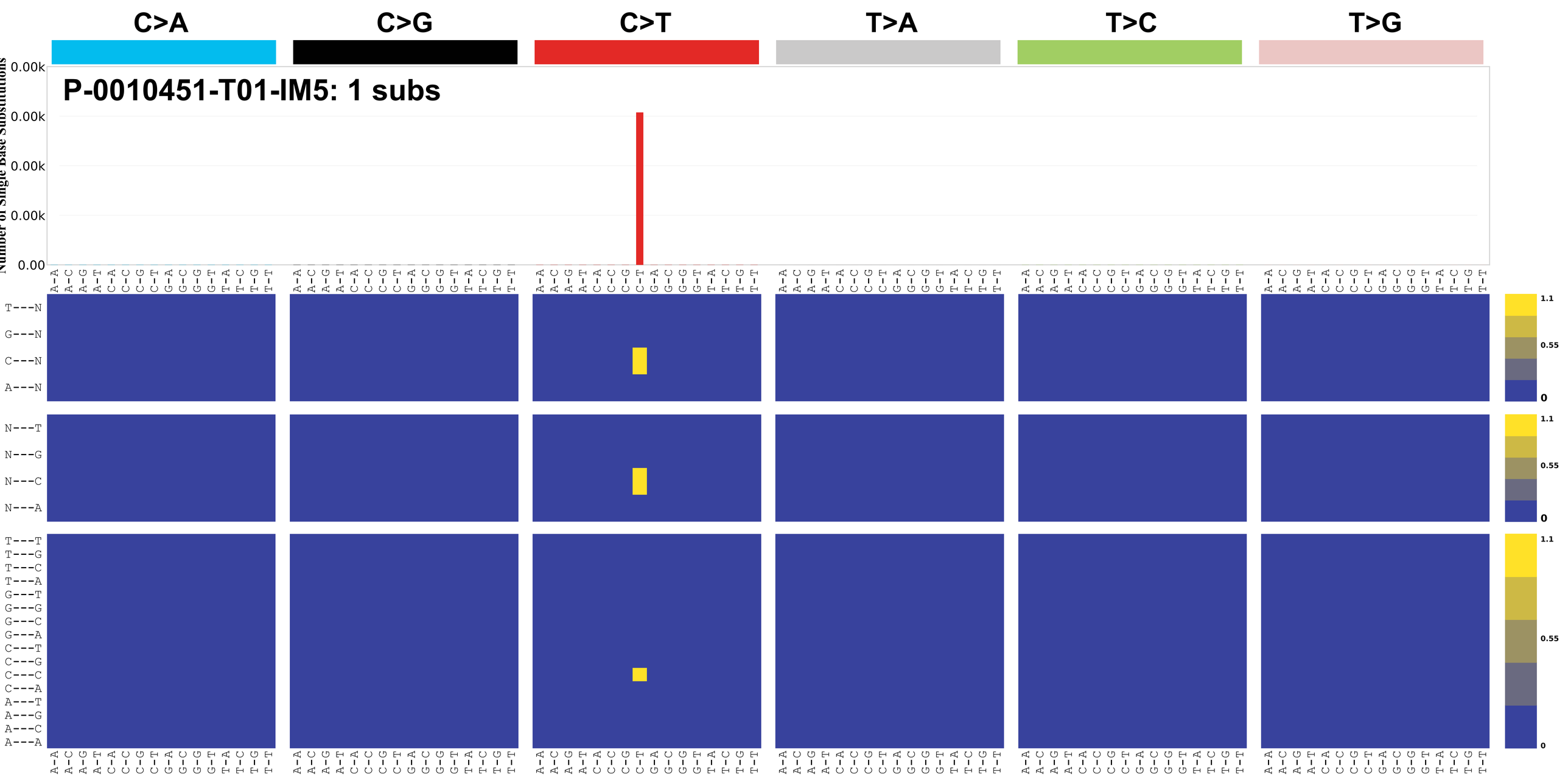

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010119-T01-IM5: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

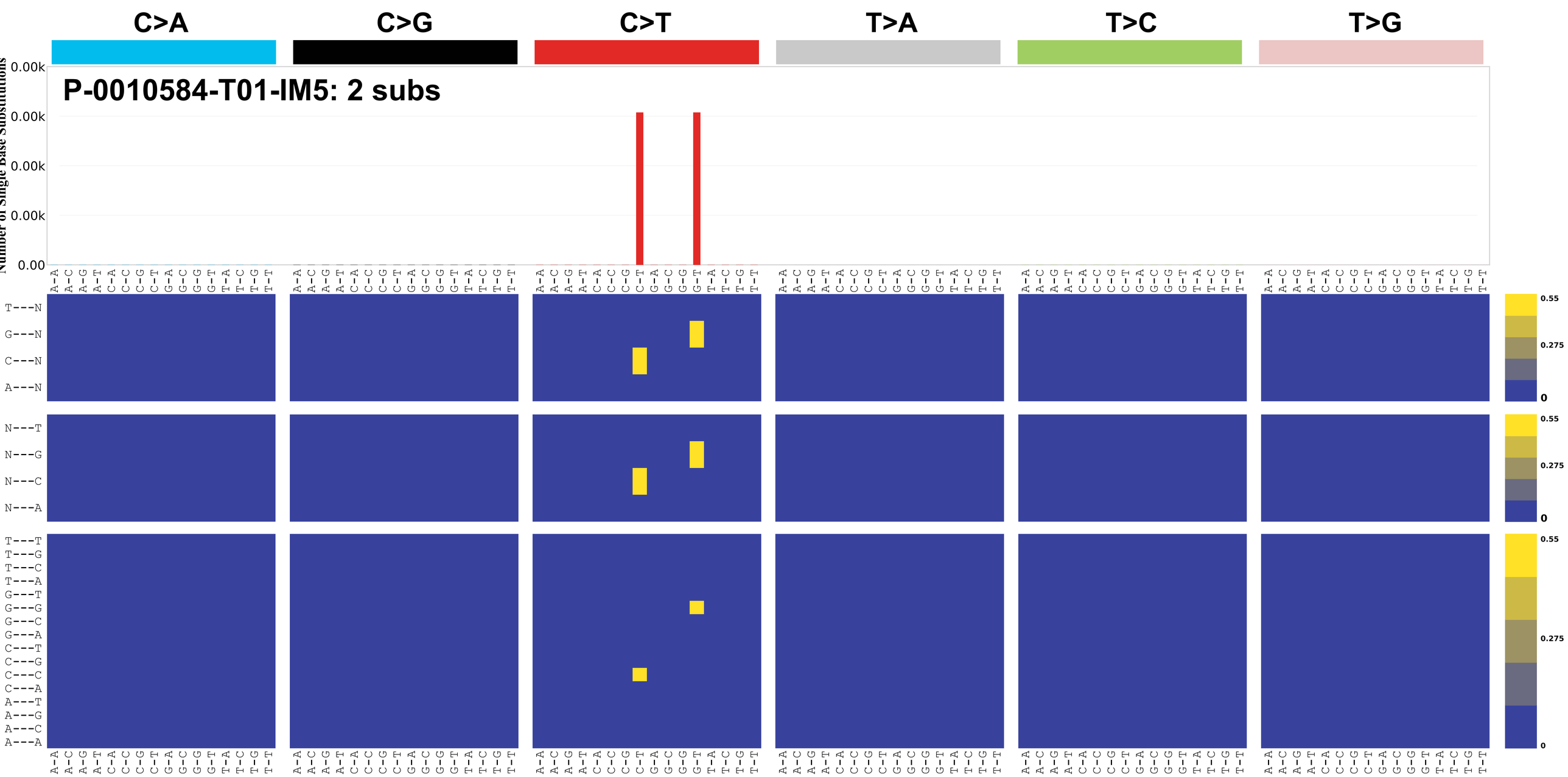

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010148-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

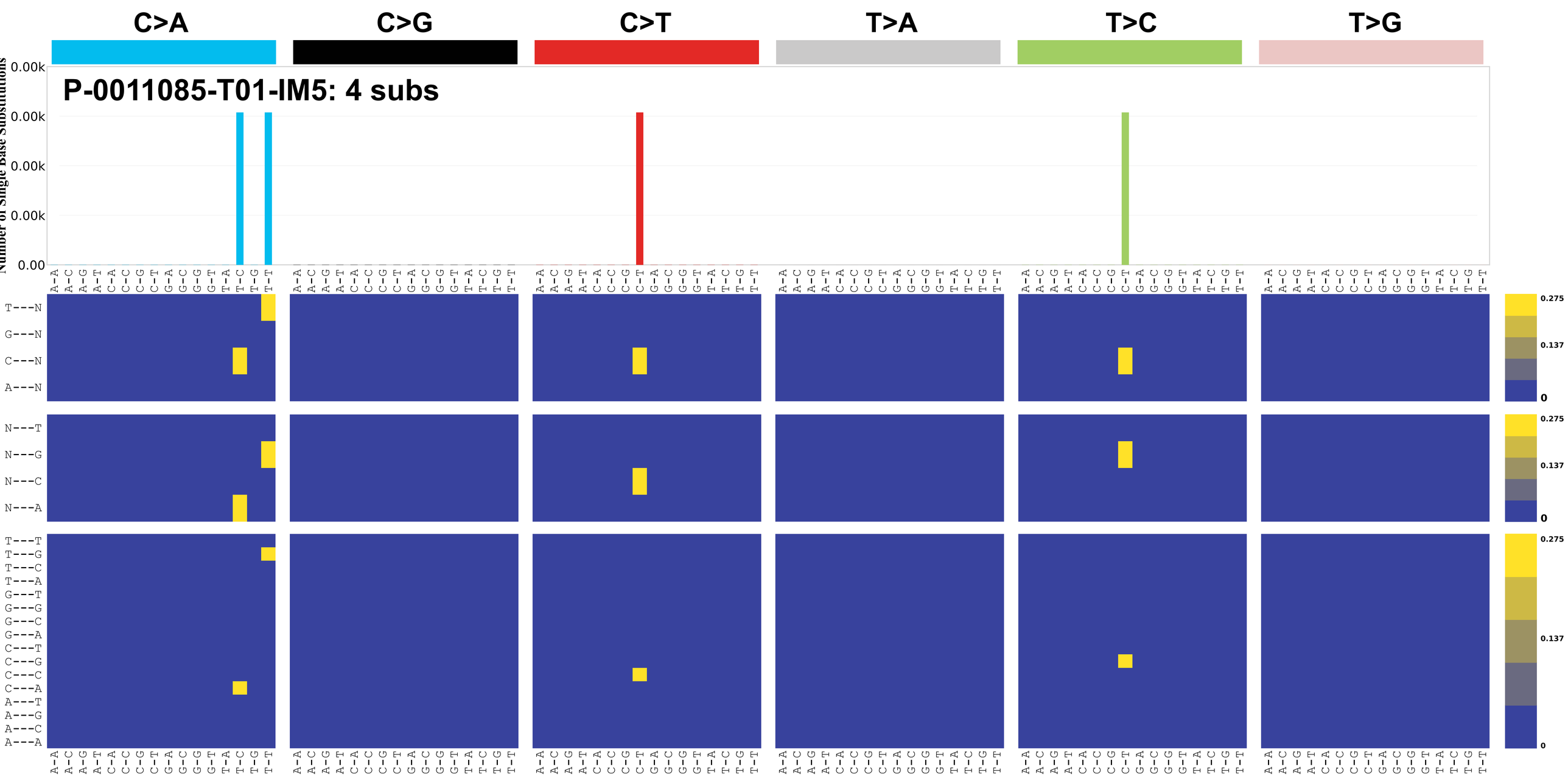

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010226-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

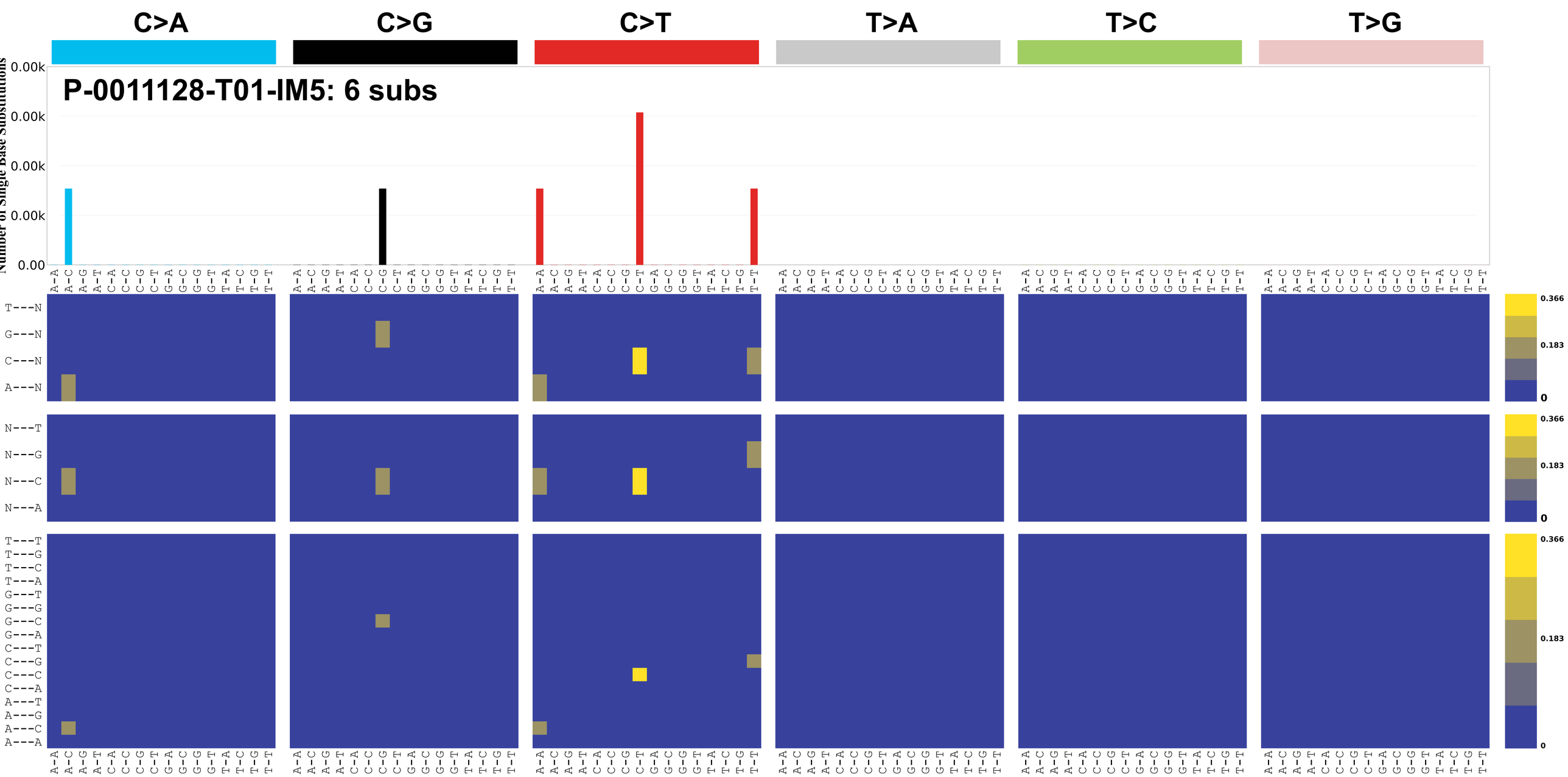

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010346-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

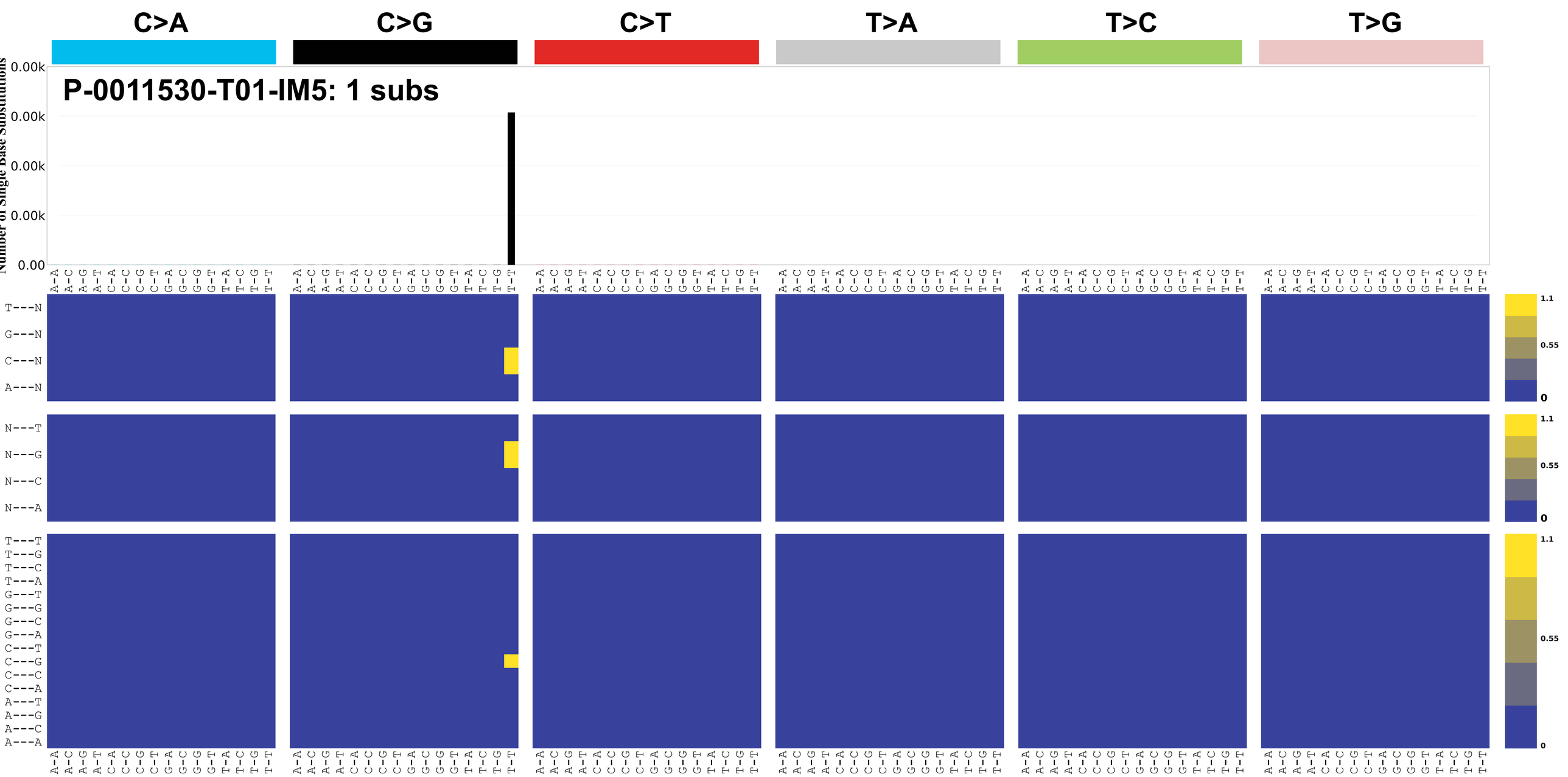

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010388-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

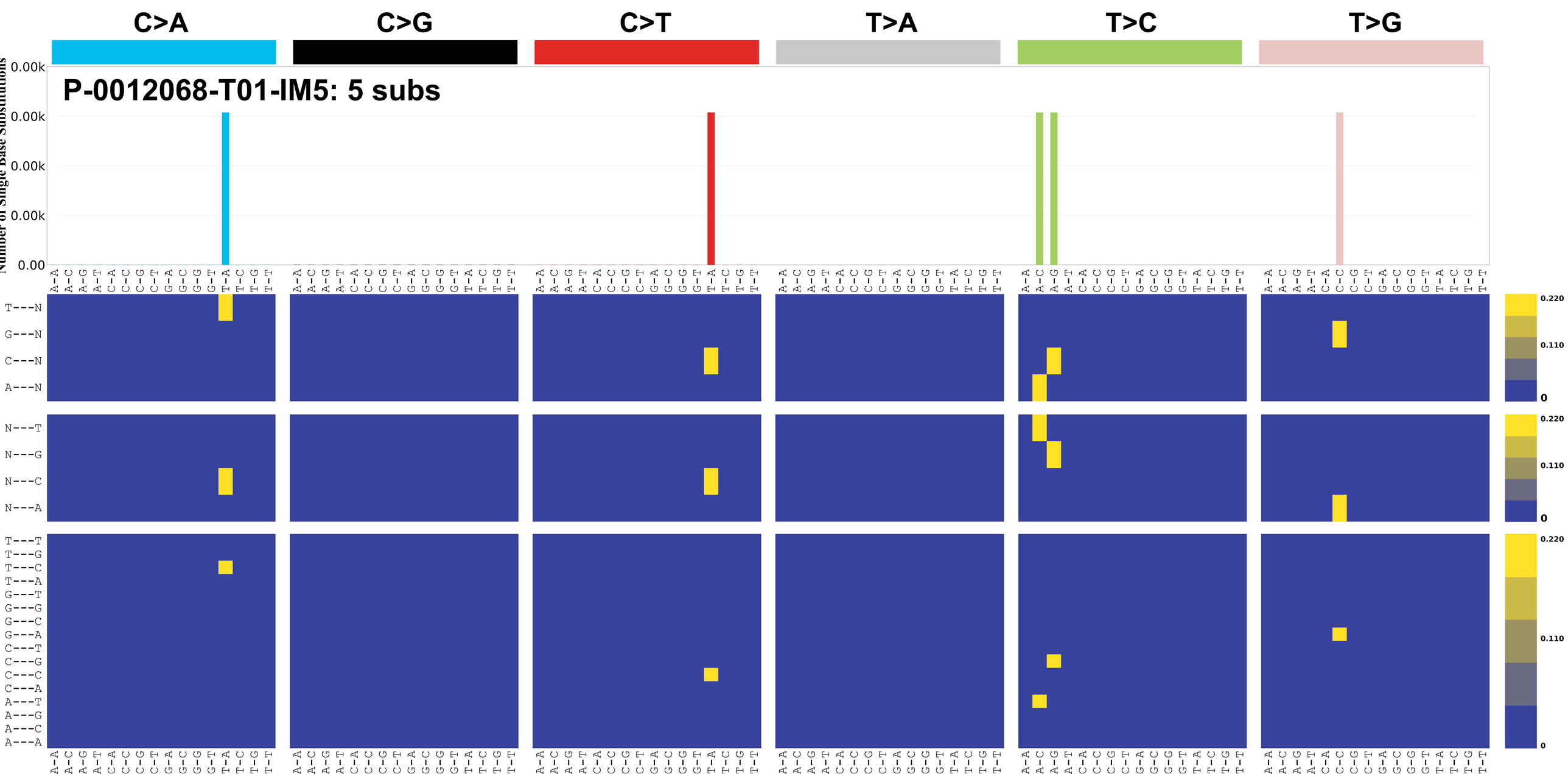

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010451-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

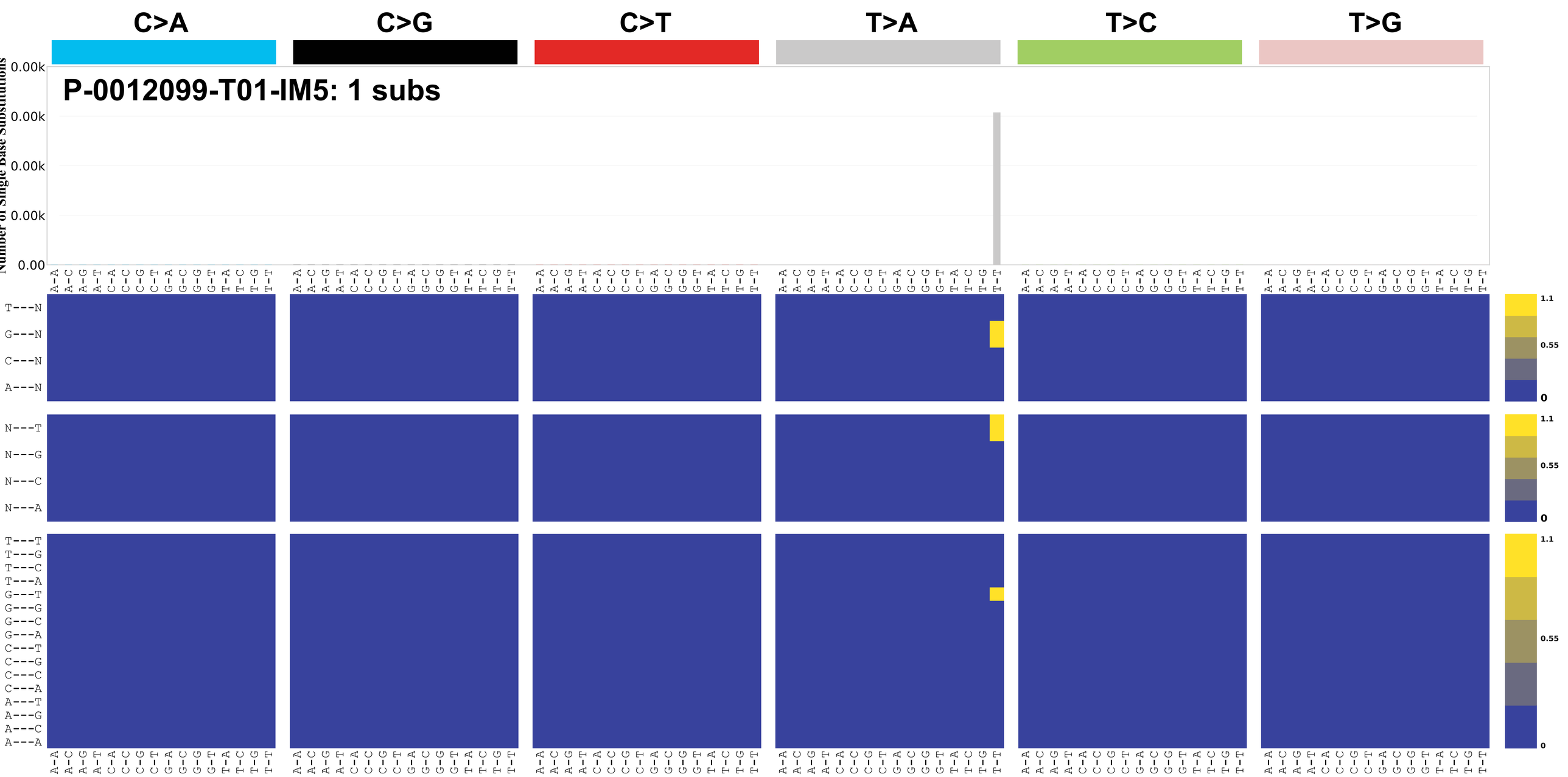

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0010584-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

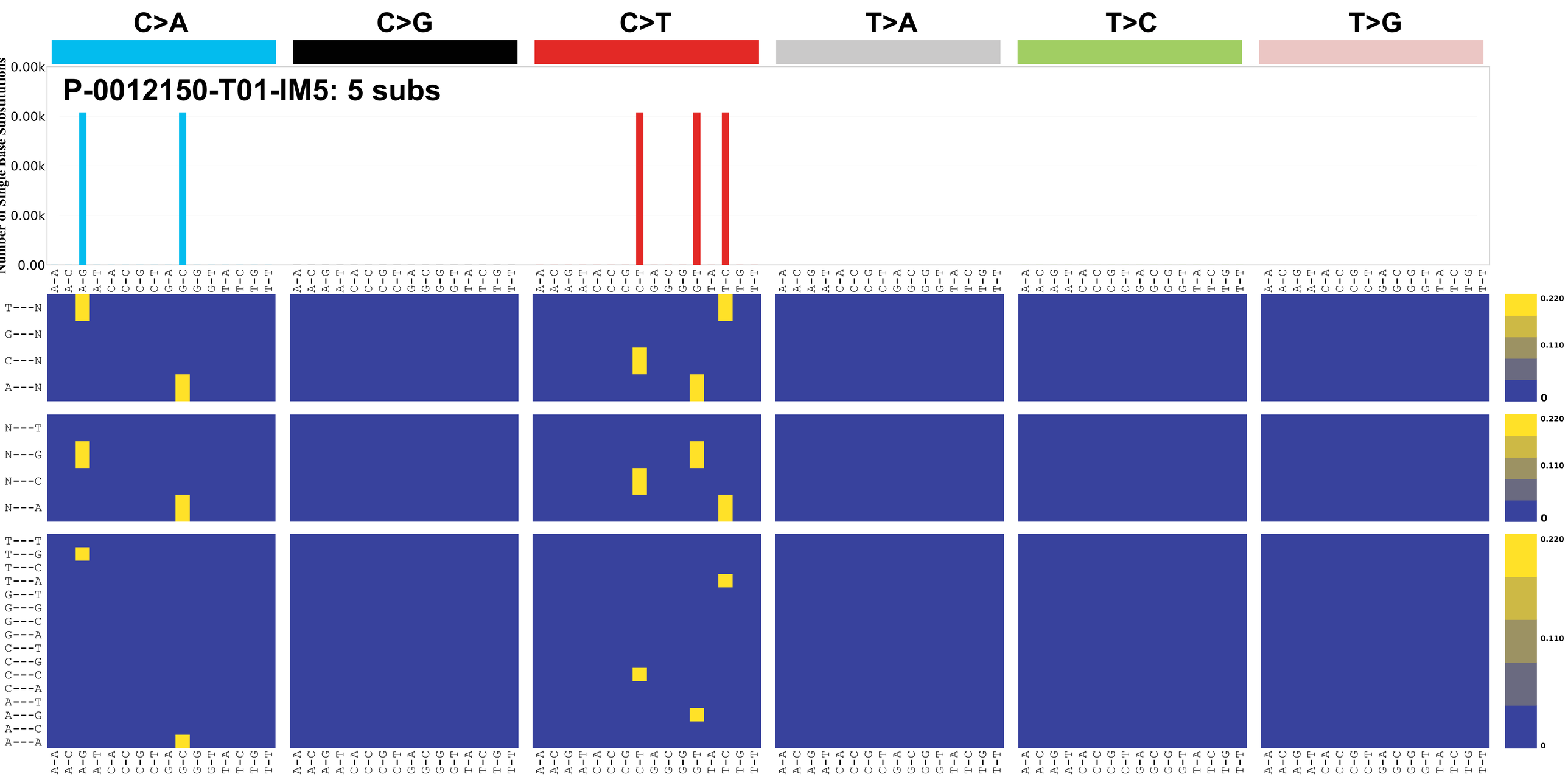

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0011085-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

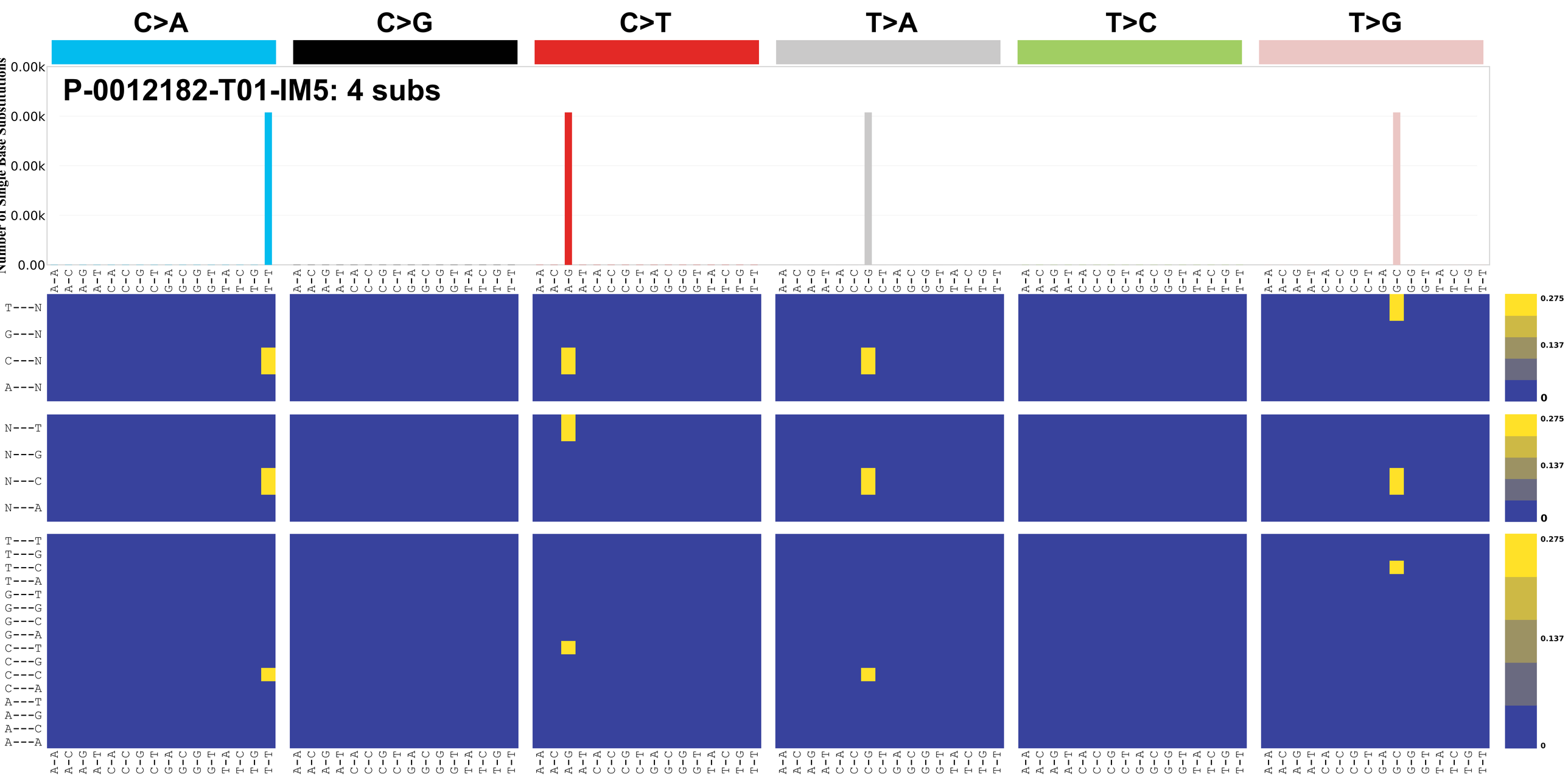

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0011128-T01-IM5: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

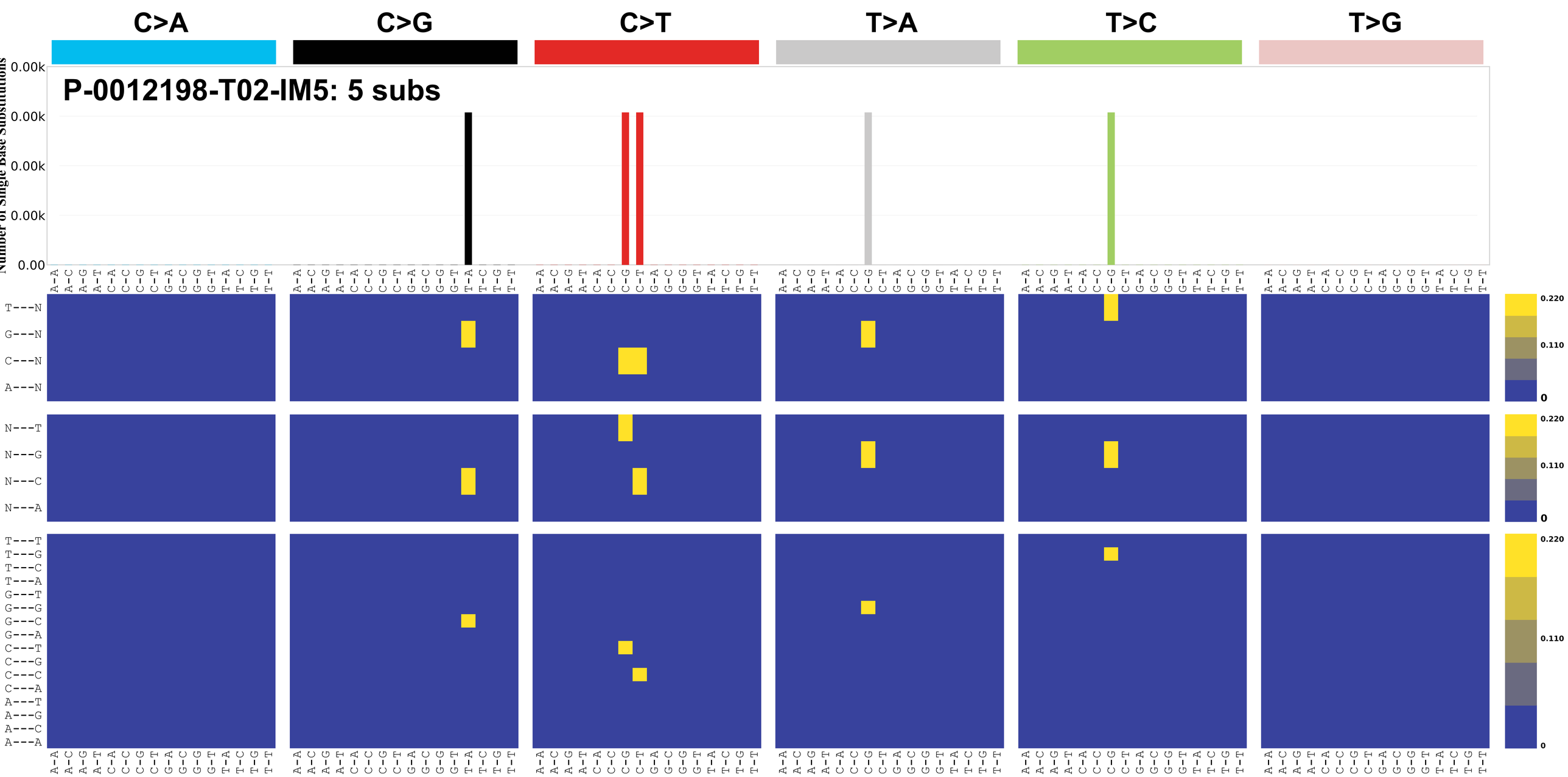

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0011530-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

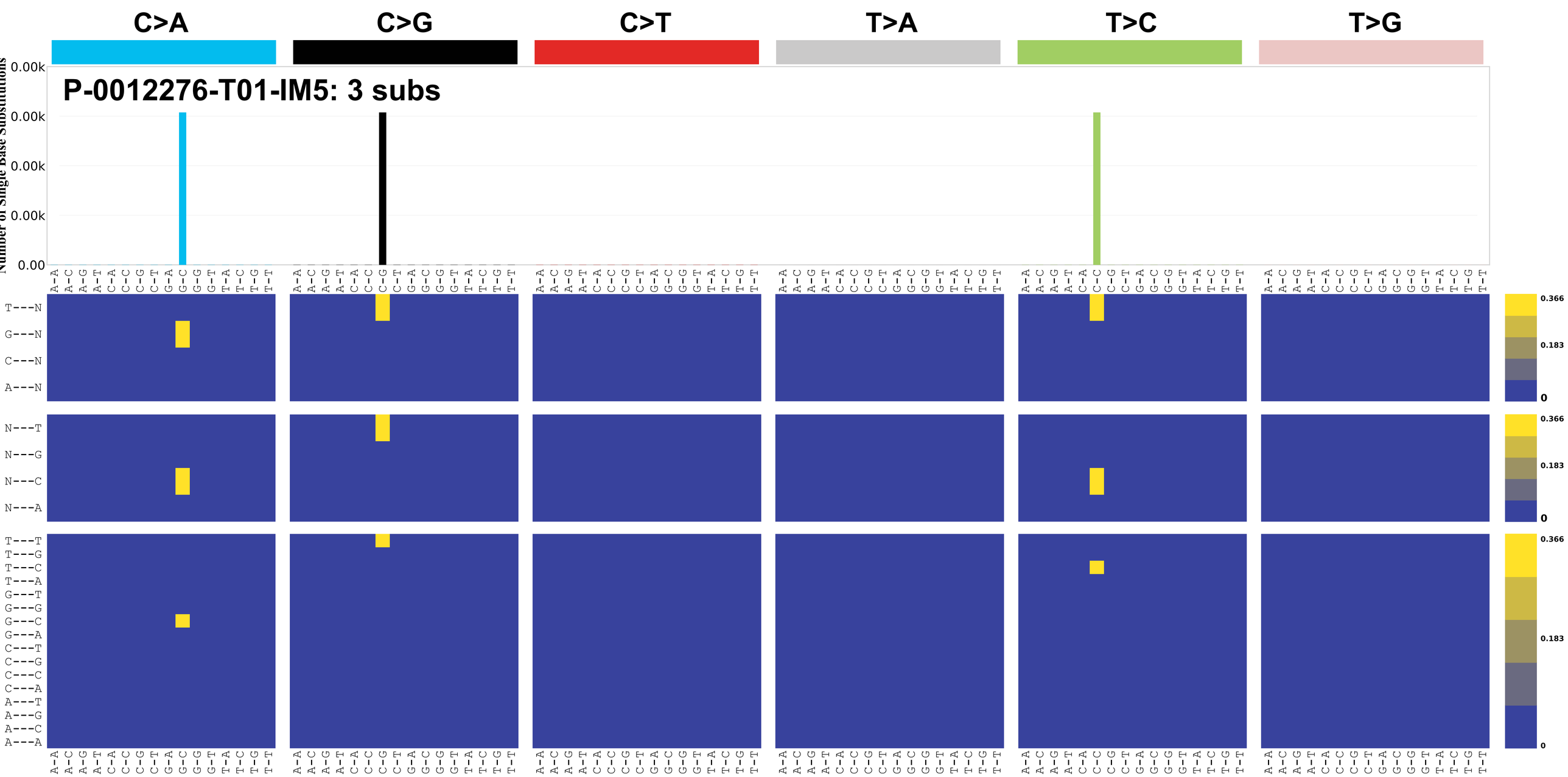

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012068-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

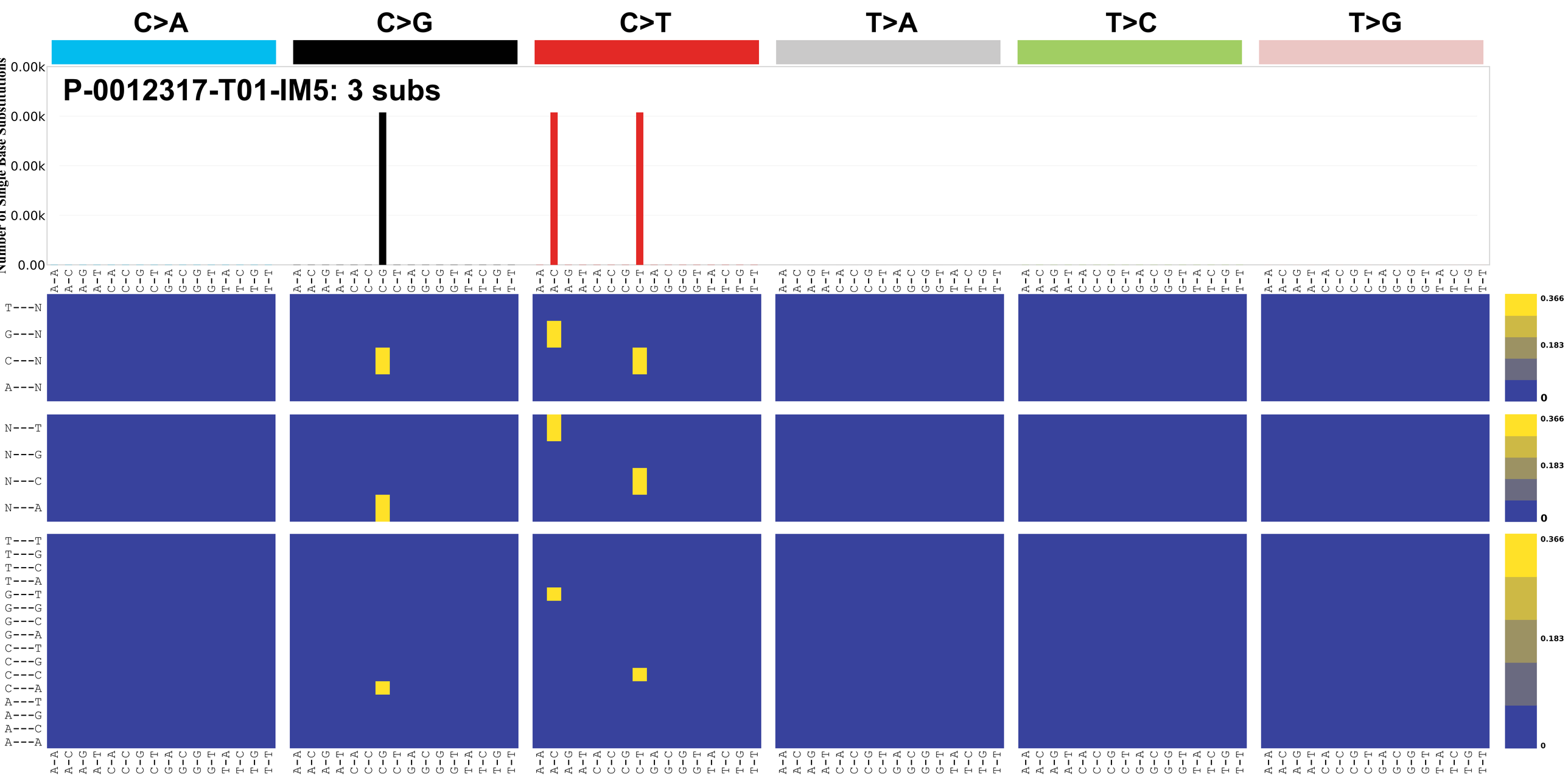

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012099-T01-IM5: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

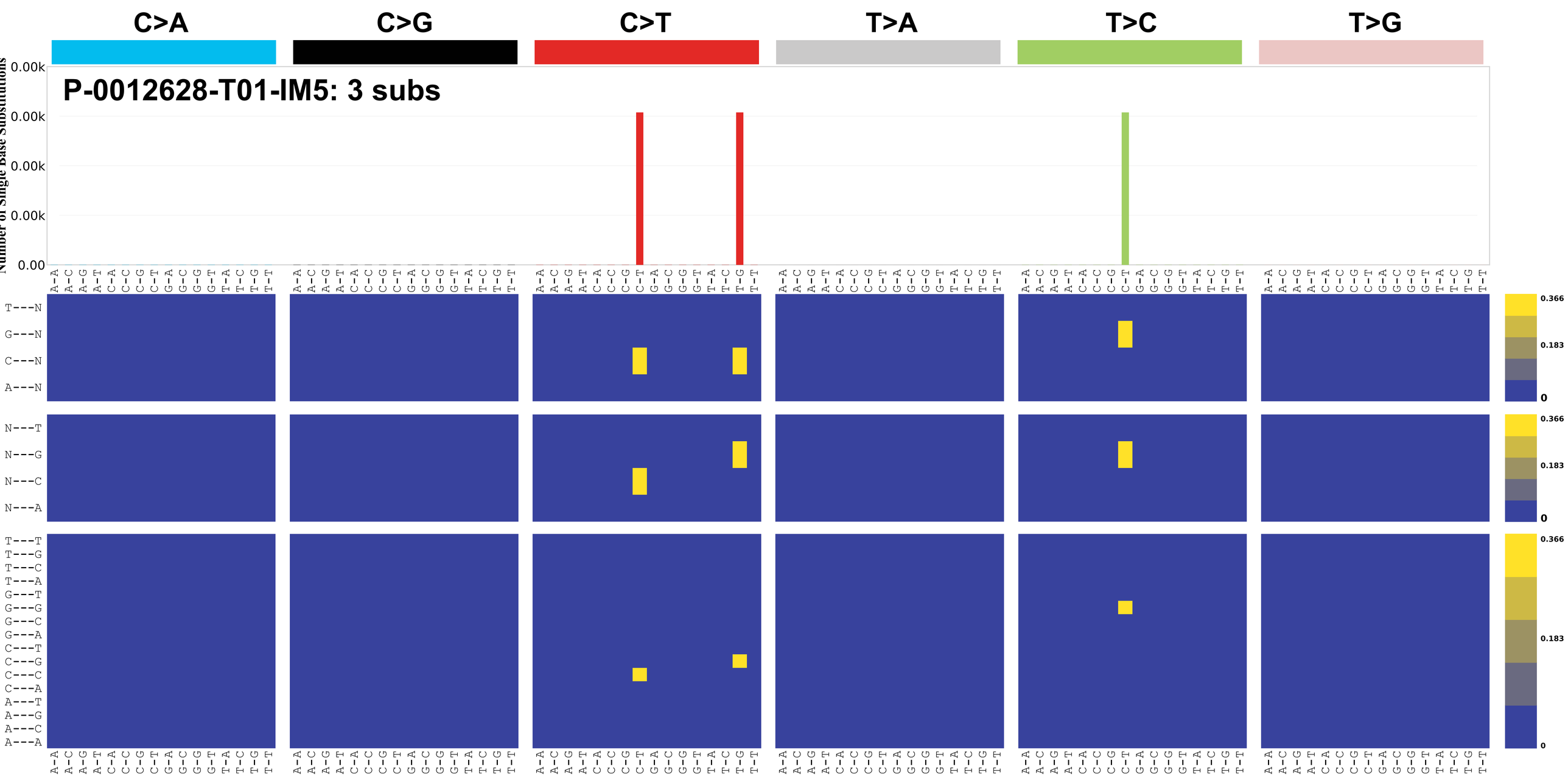

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012150-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

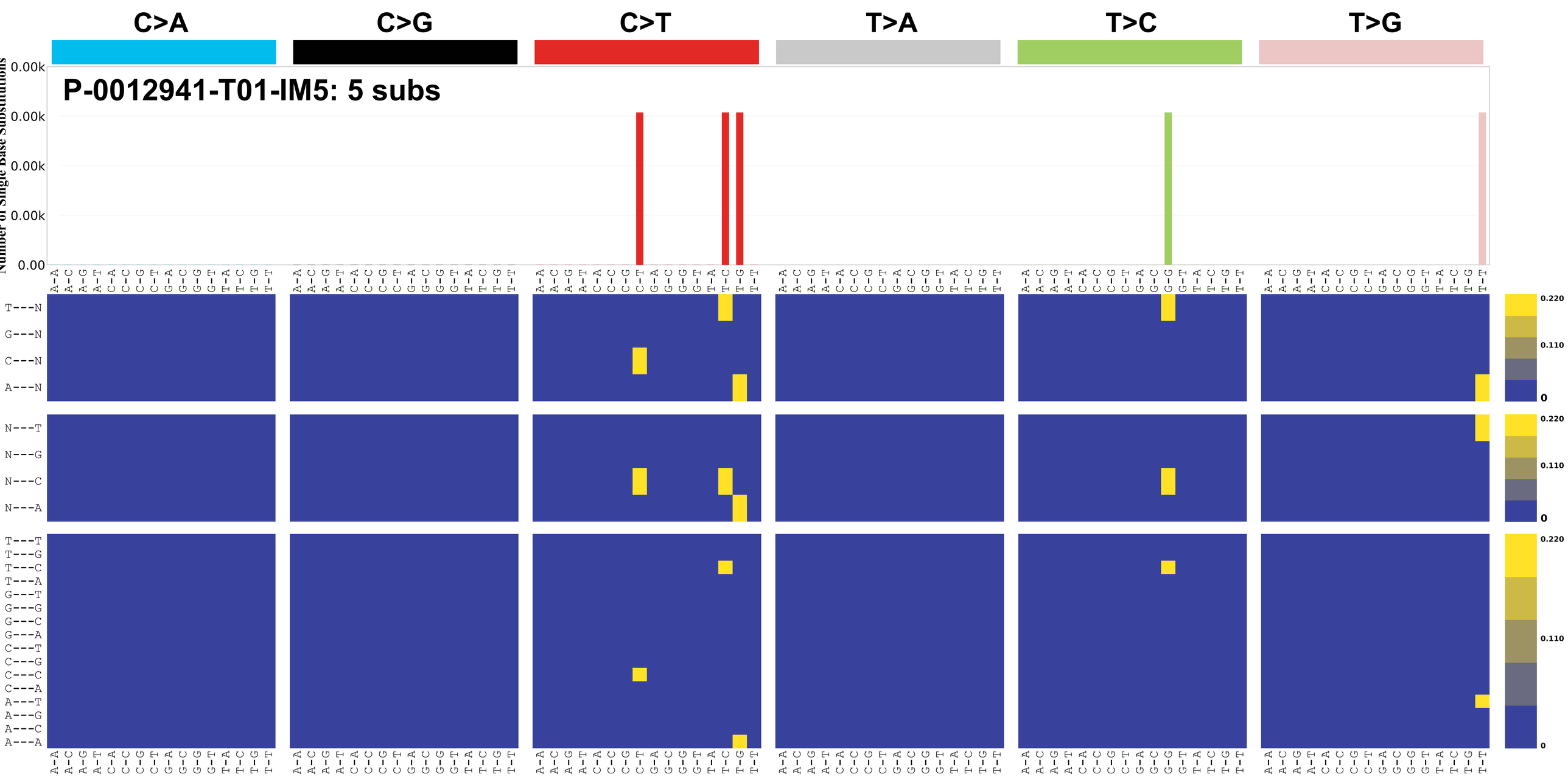

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012182-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

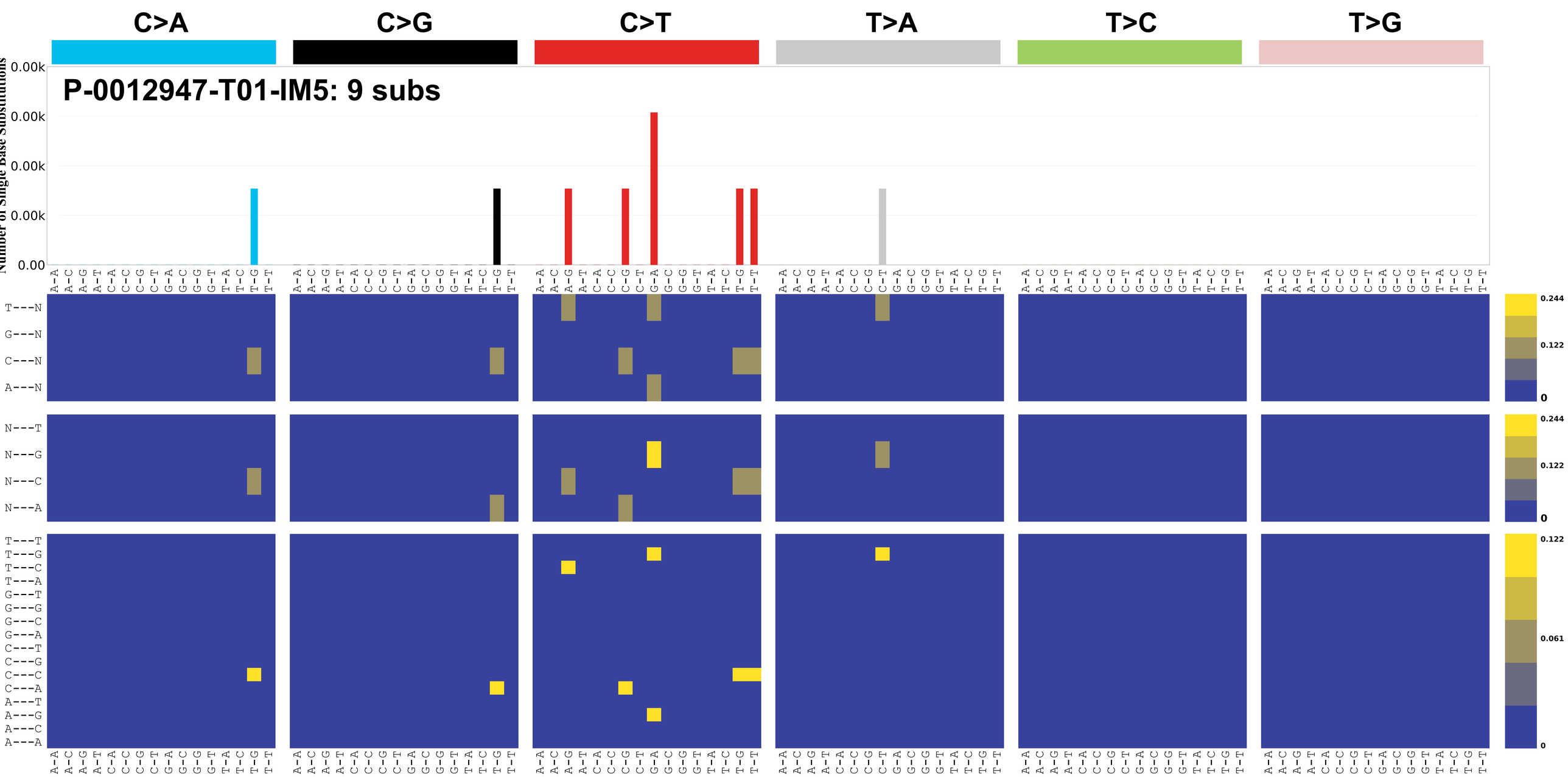

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012198-T02-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

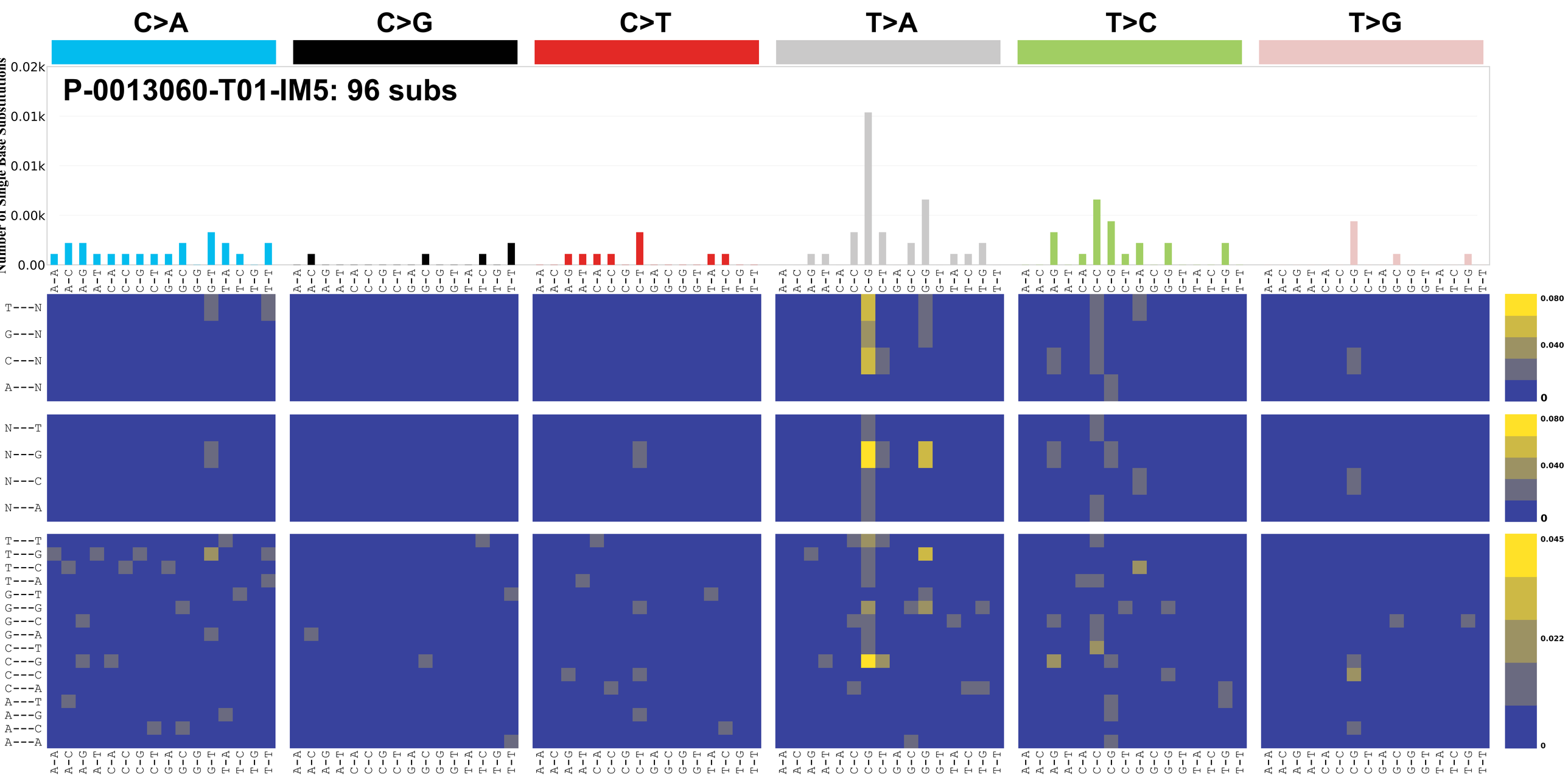

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012276-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

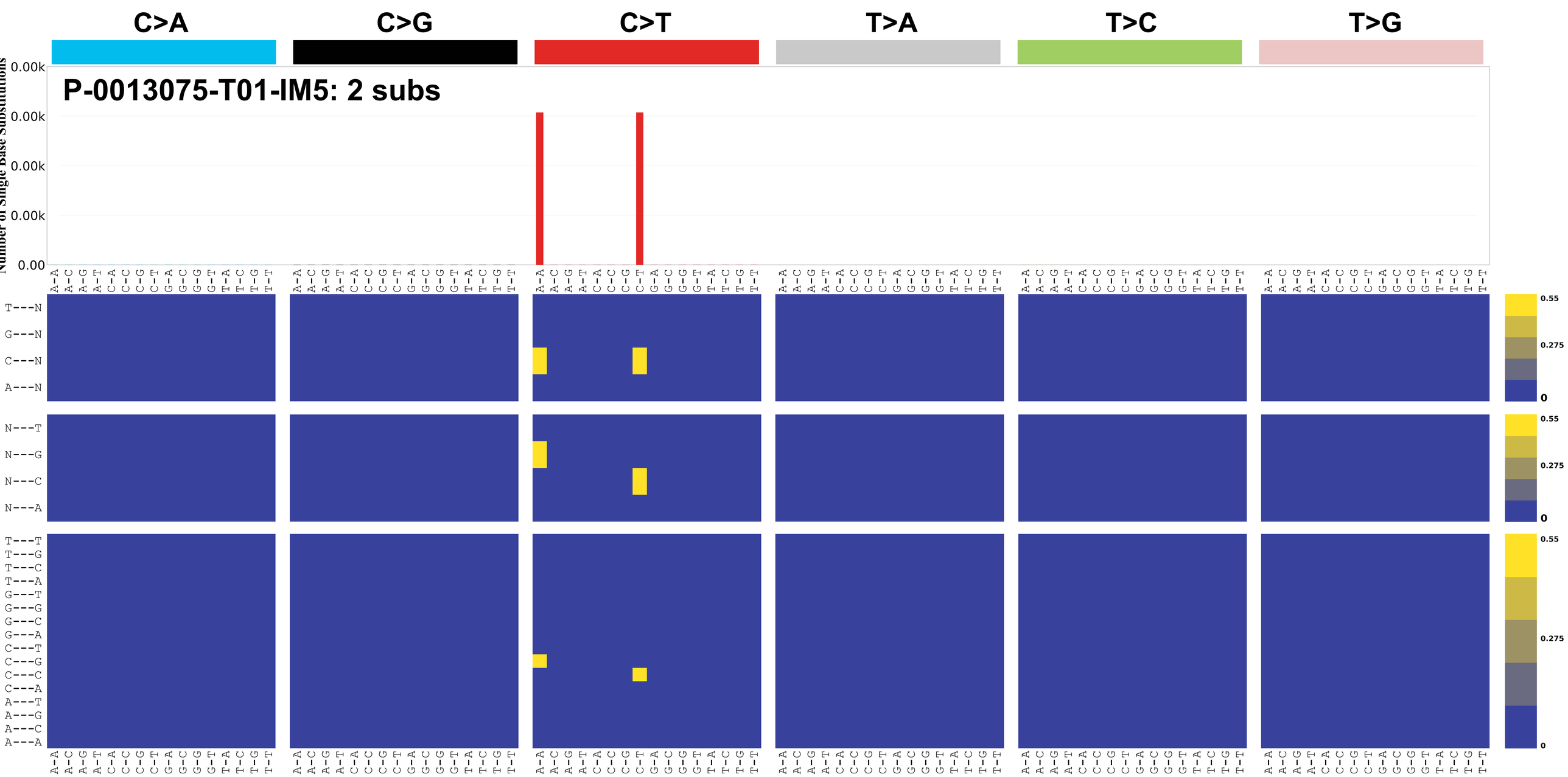

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012317-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

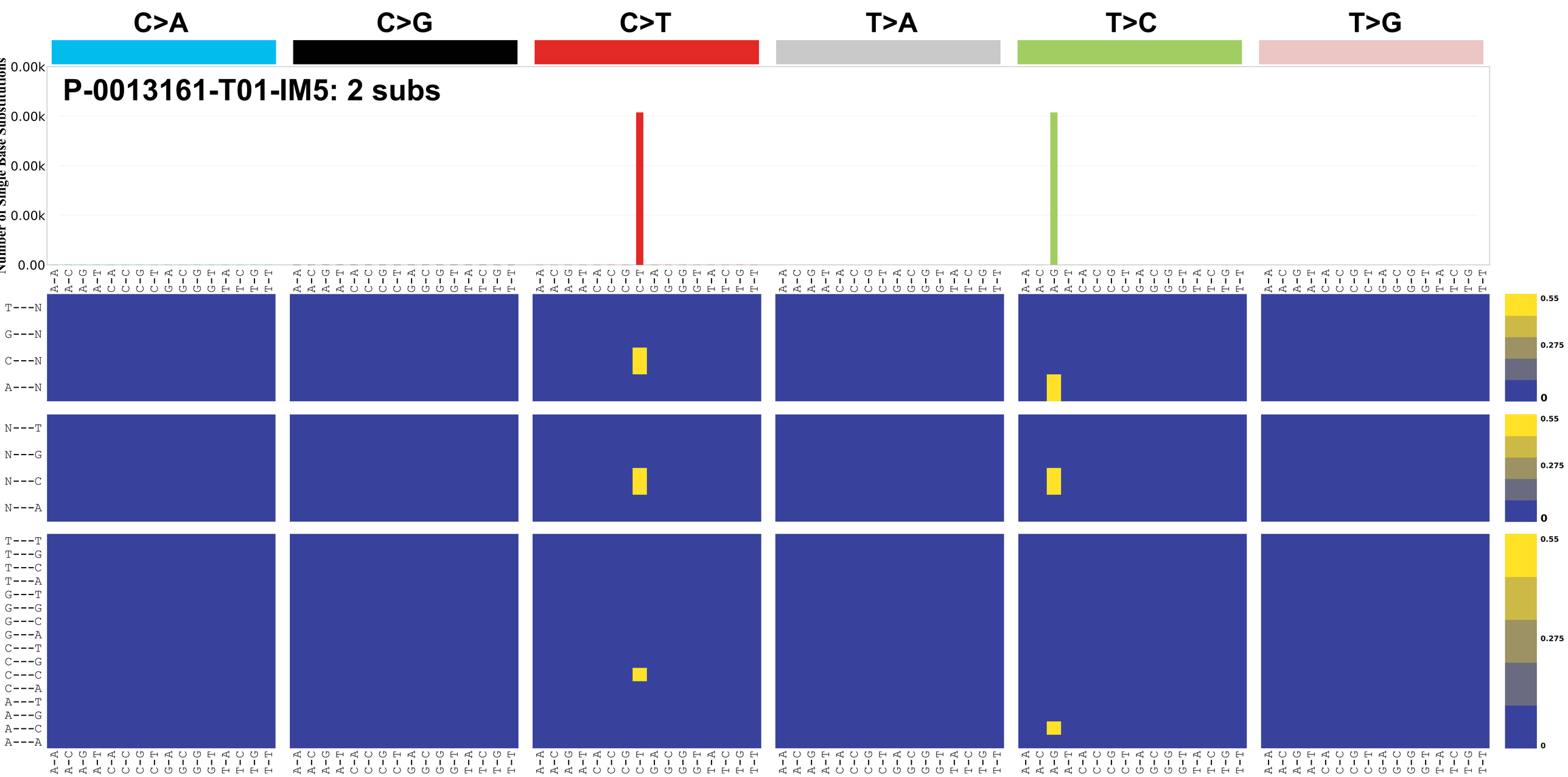

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012628-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

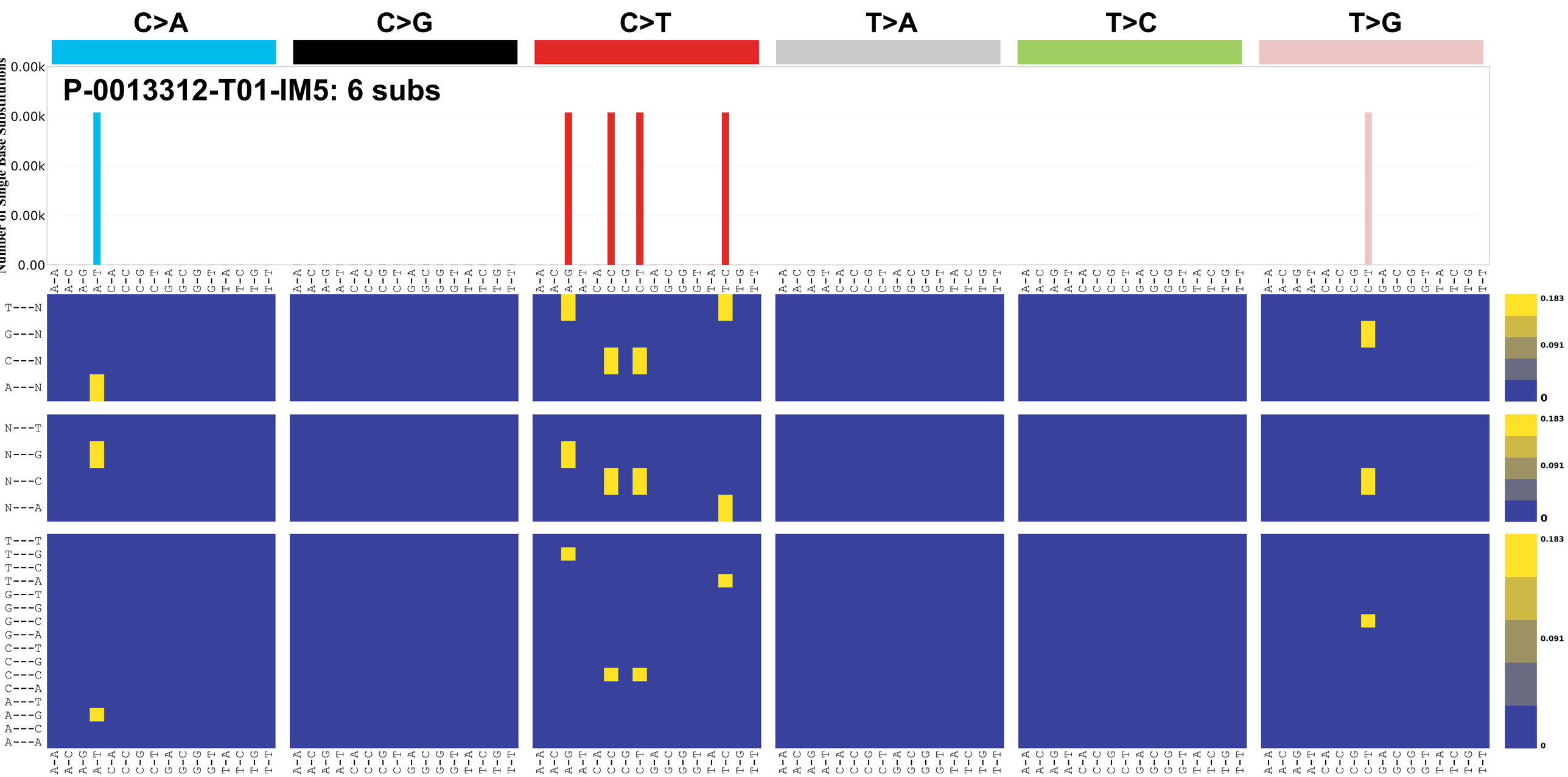

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012941-T01-IM5: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

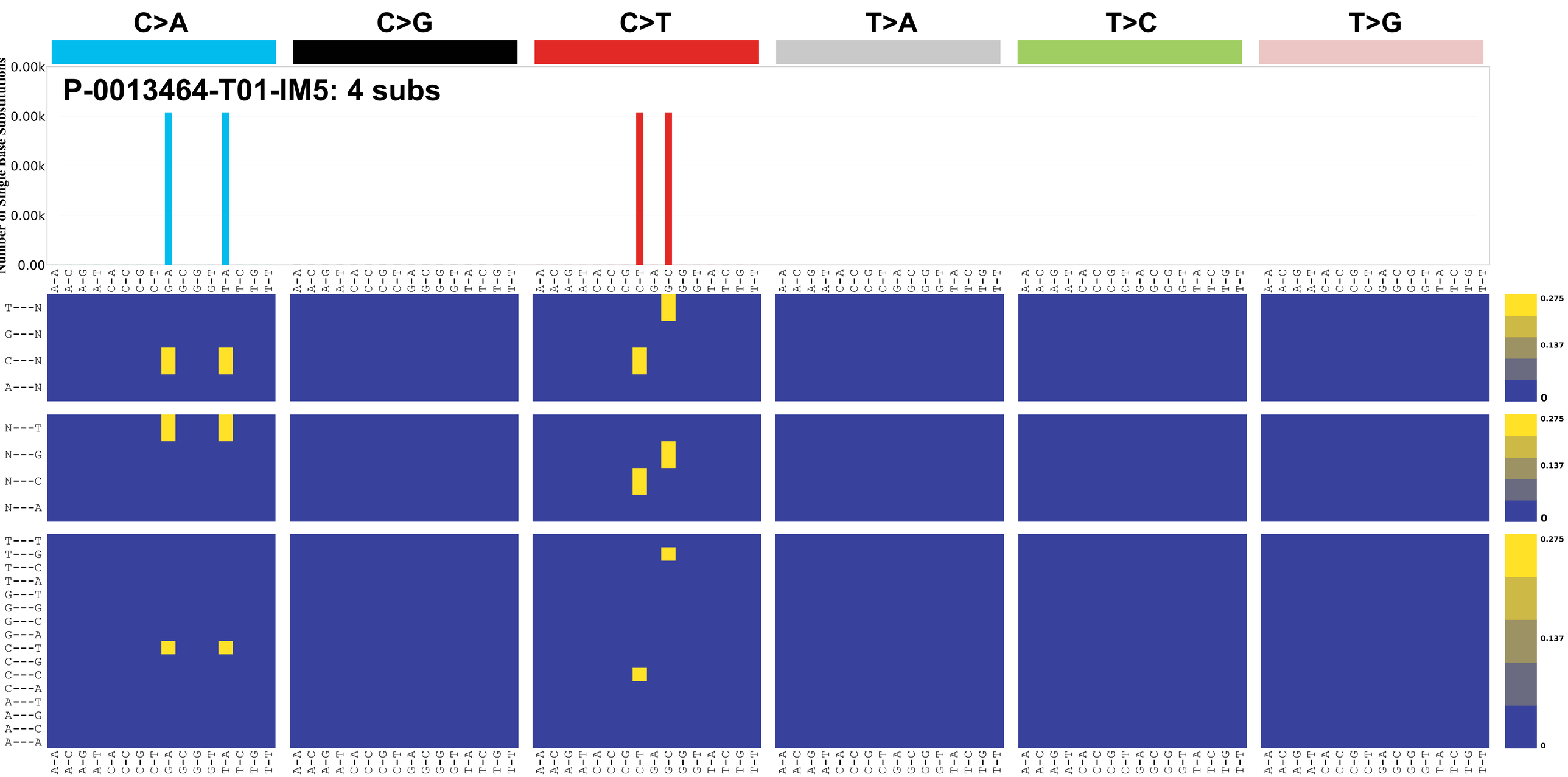

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0012947-T01-IM5: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.244
0.122
0
0.244
0.122
0
0.122
0.061
0

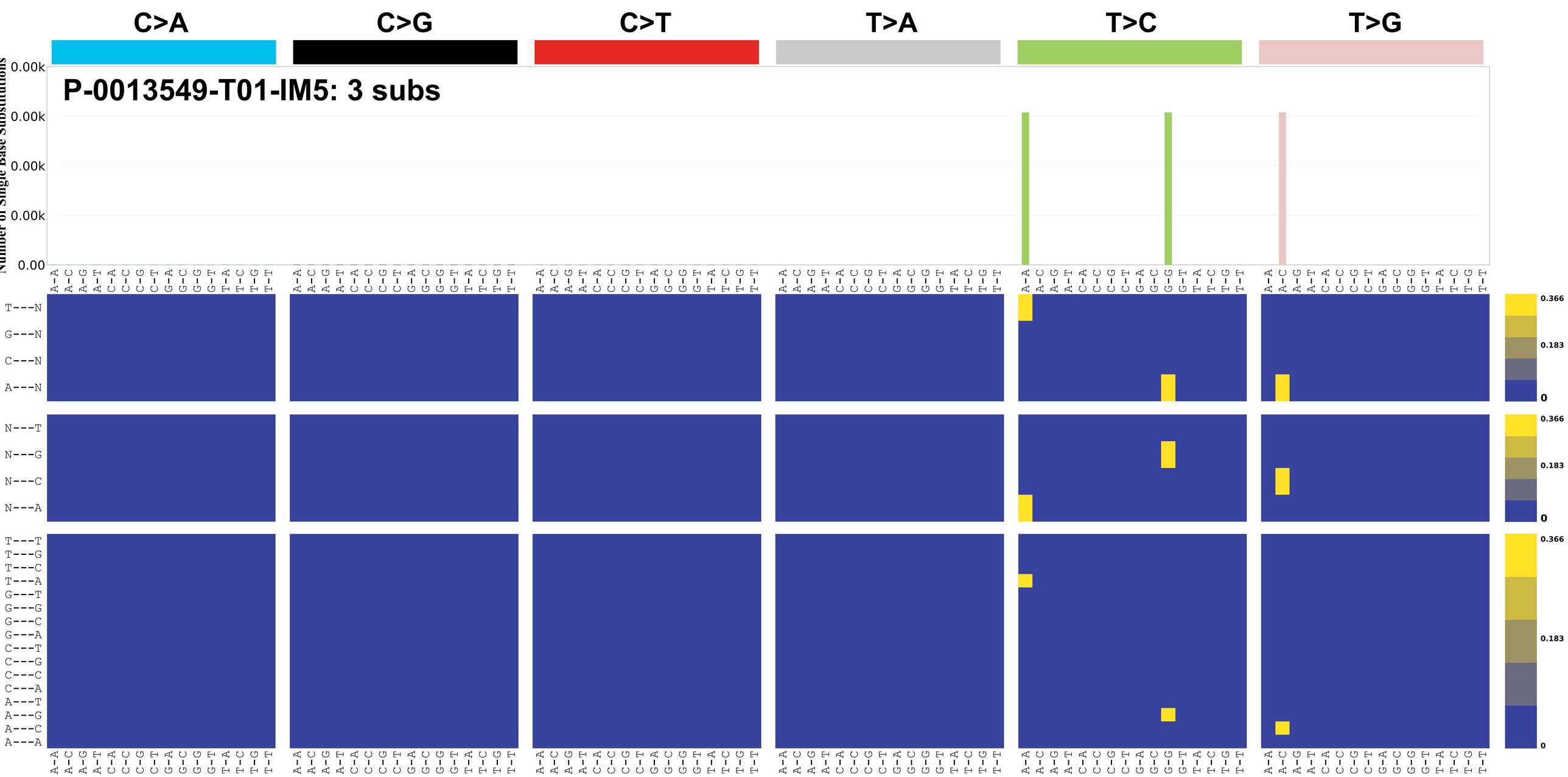

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013060-T01-IM5: 96 subs
Number of Single Base Substitutions
0.02k
0.01k
0.01k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.080
0.040
0
0.045
0.022

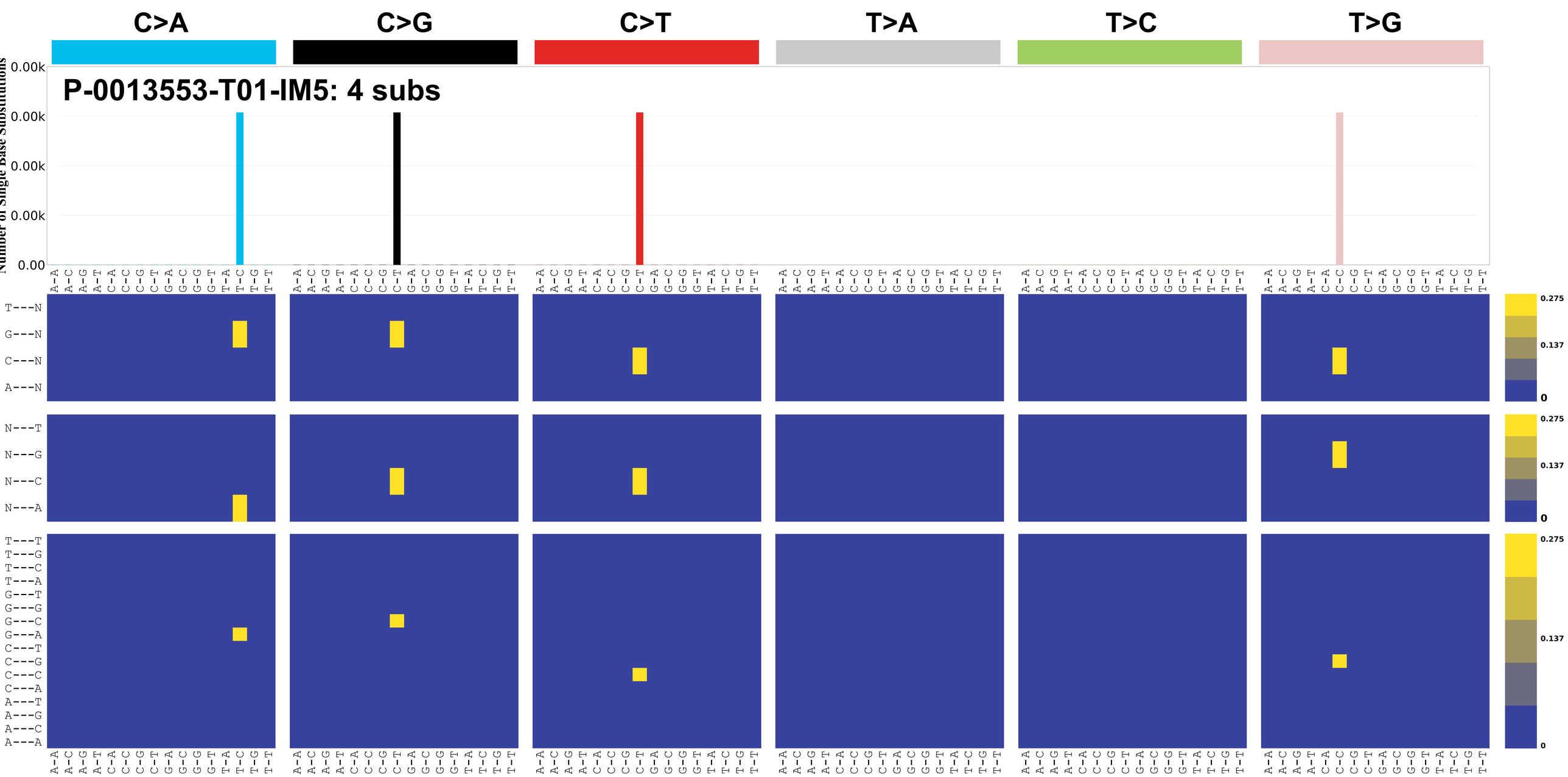

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013075-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

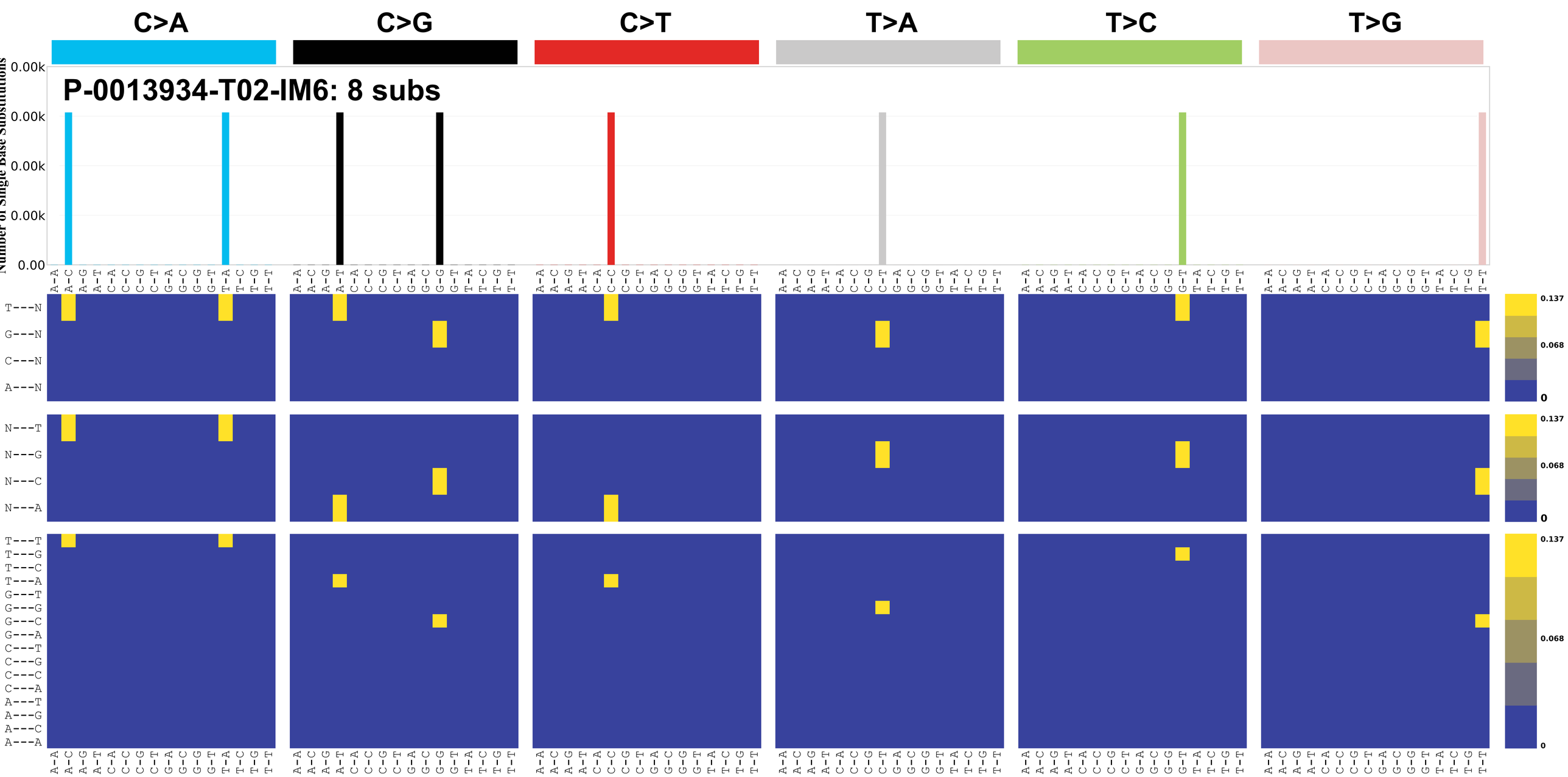

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013161-T01-IM5: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

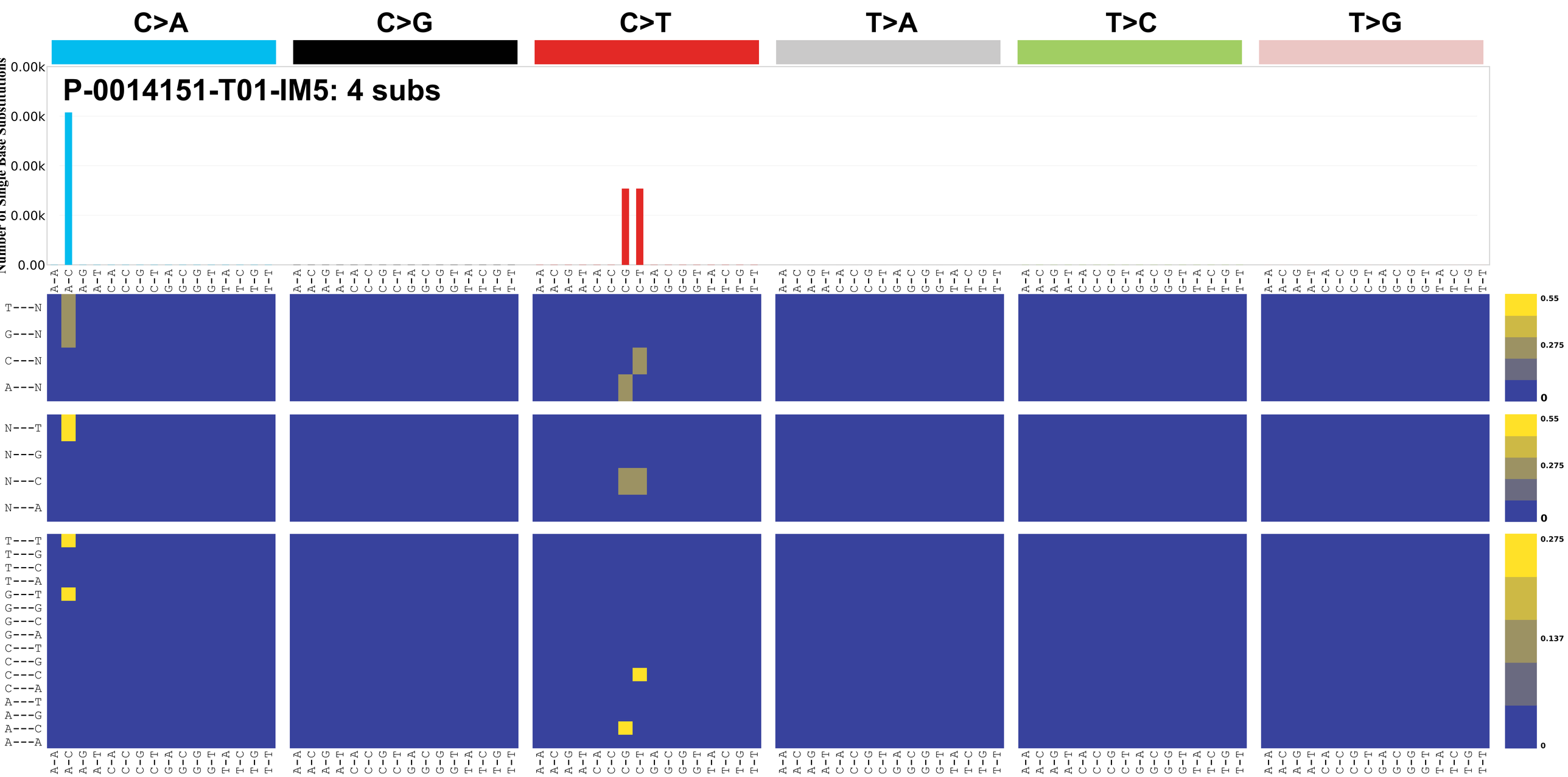

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013312-T01-IM5: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

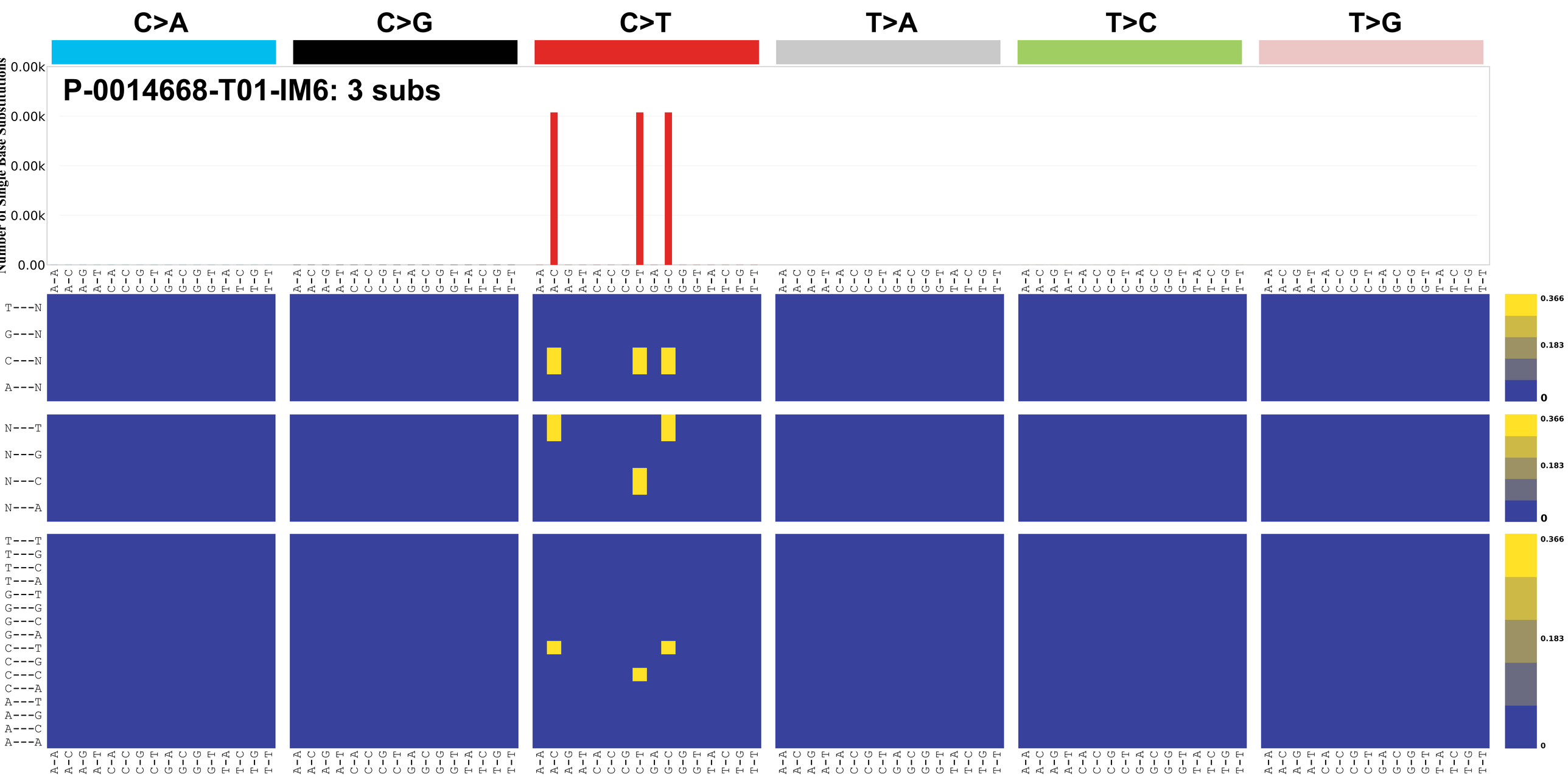

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013464-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

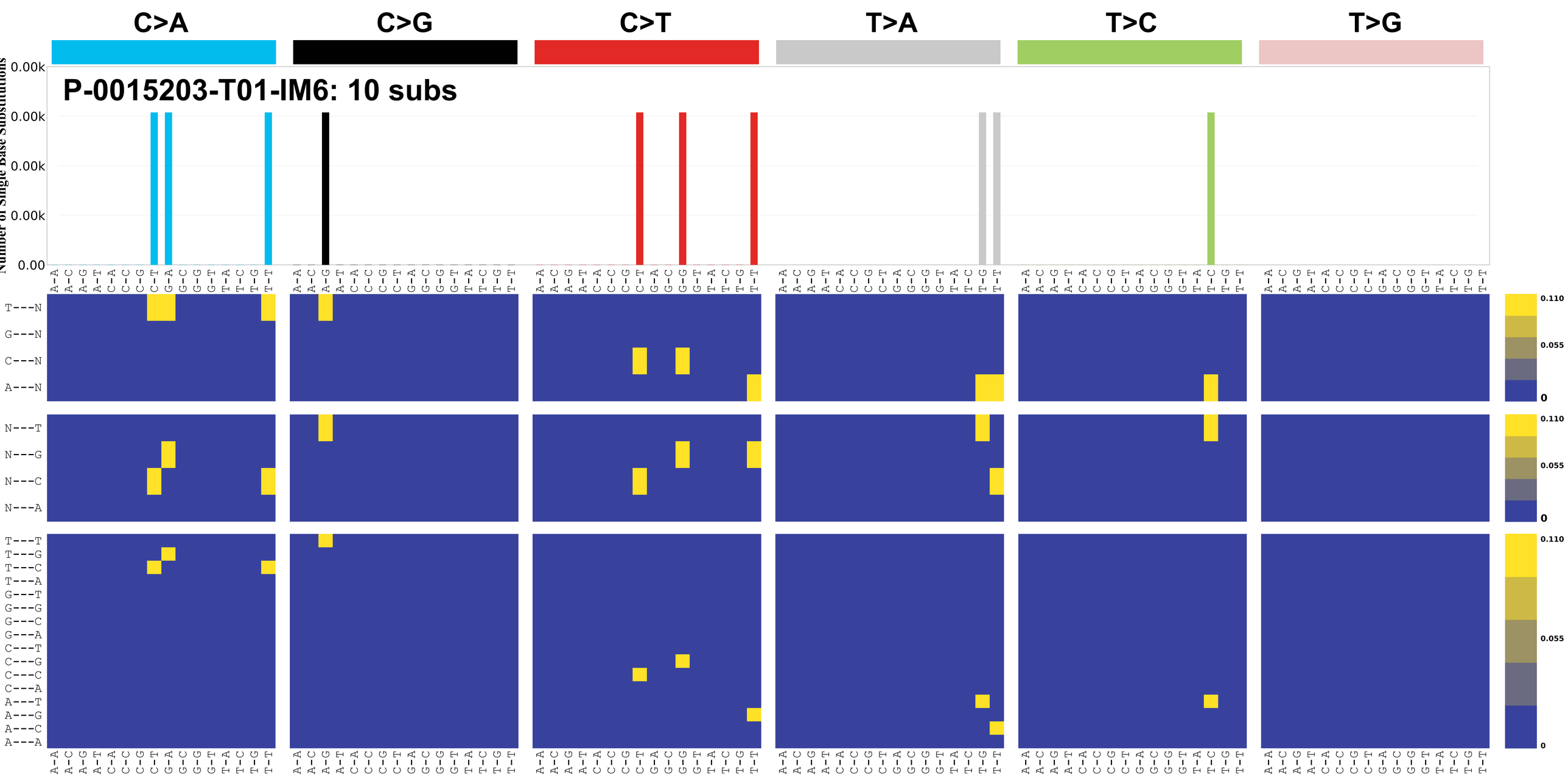

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013549-T01-IM5: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

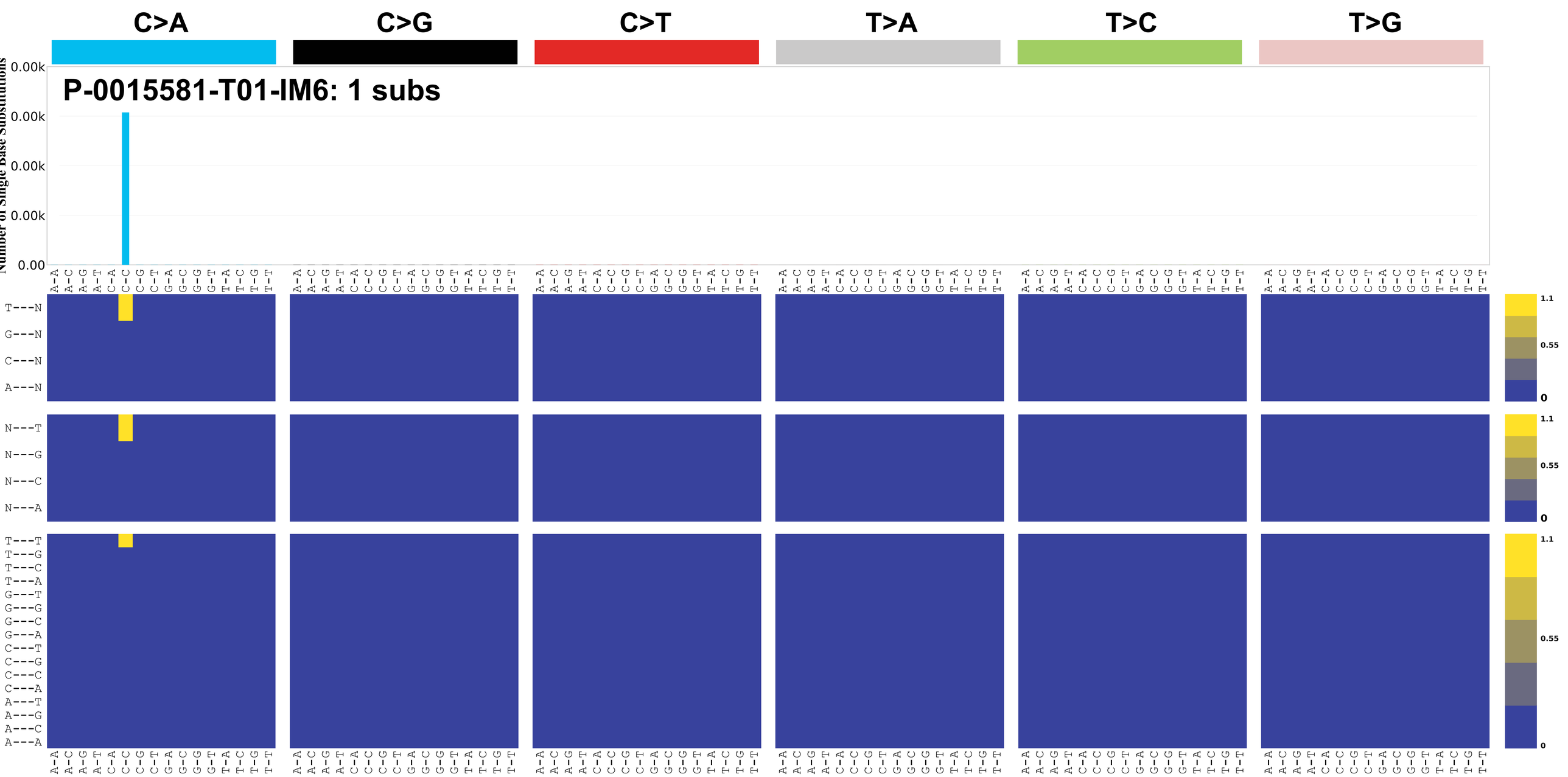

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013553-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

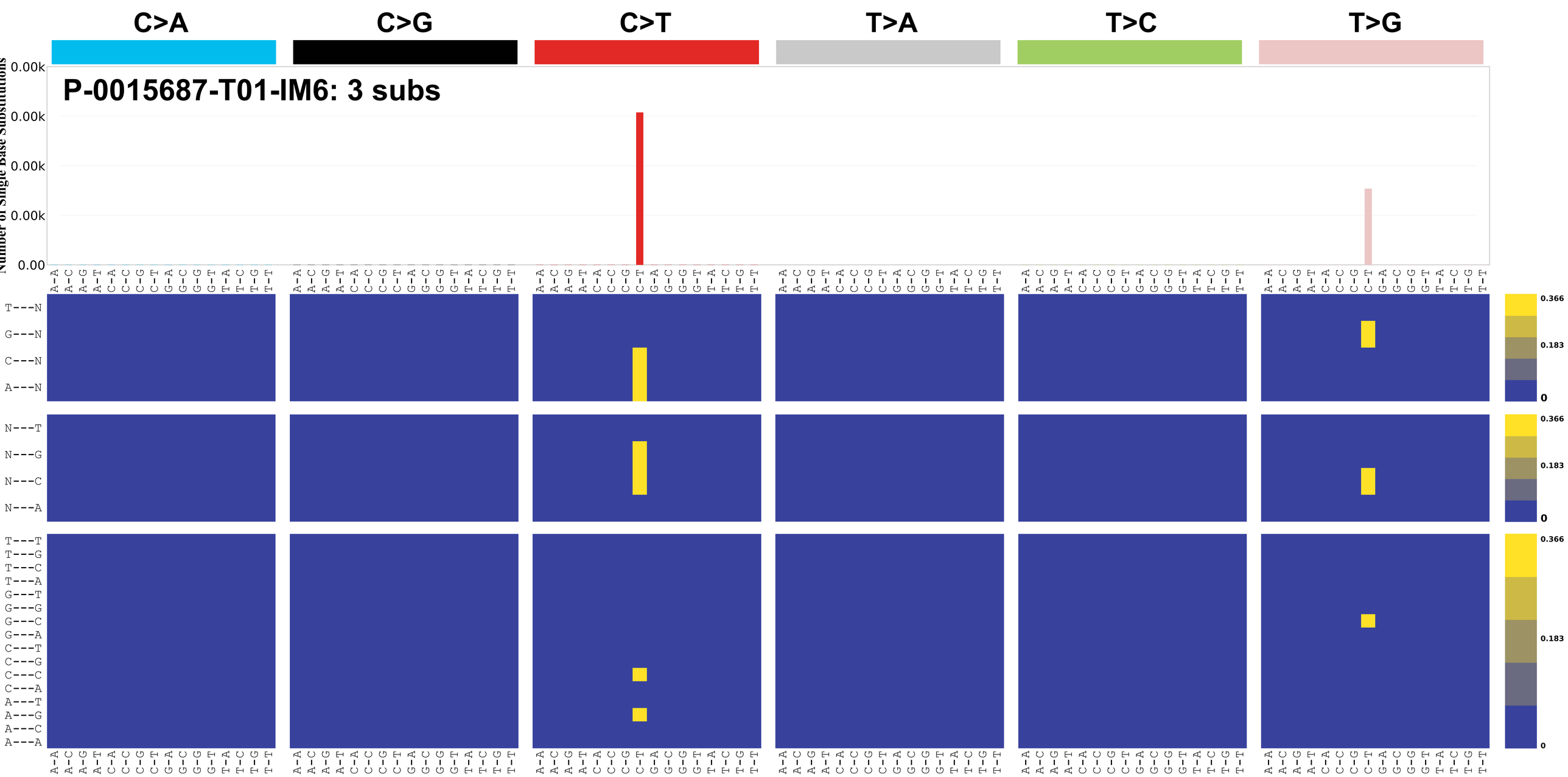

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0013934-T02-IM6: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

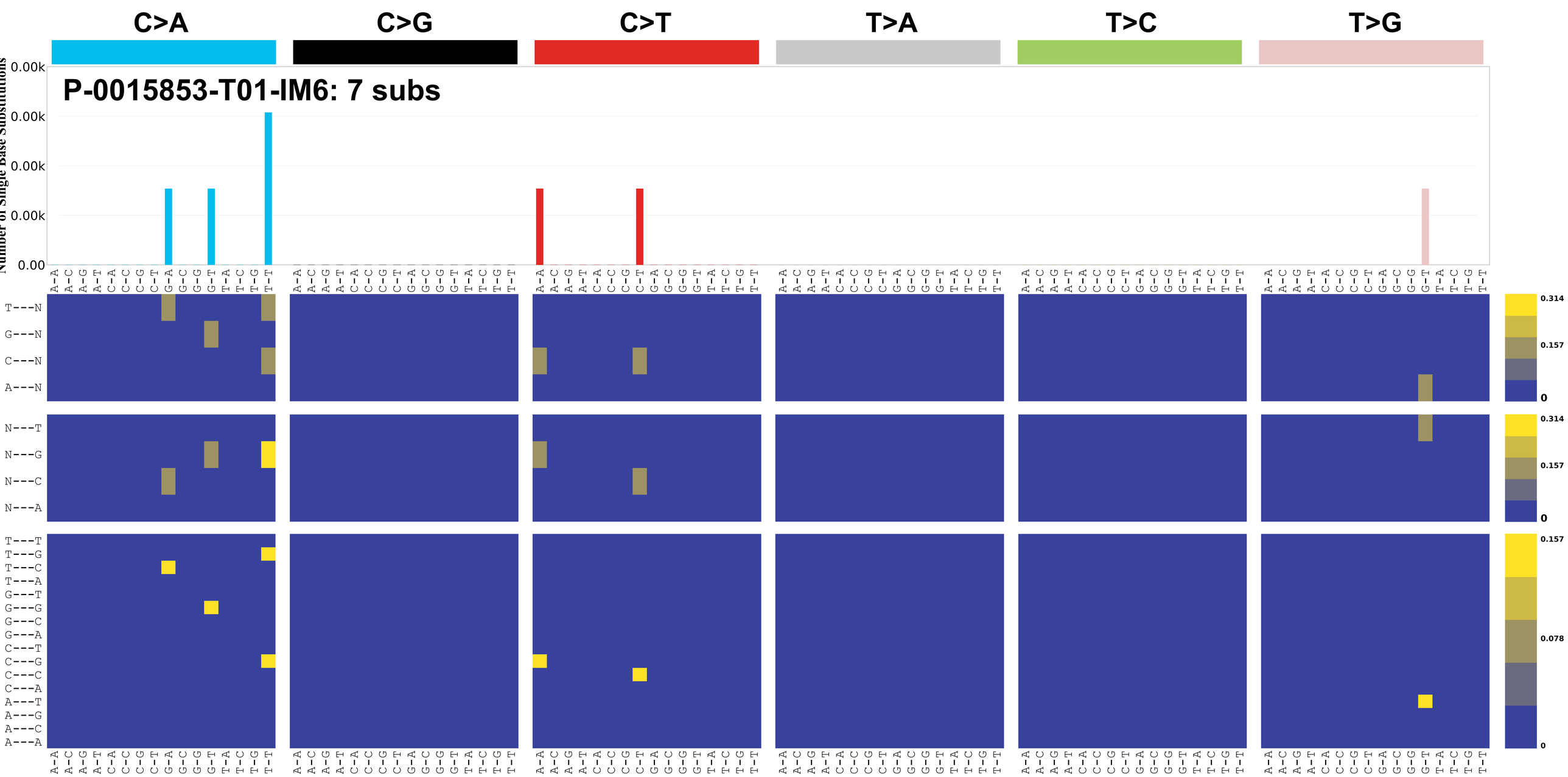

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0014151-T01-IM5: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0
0.55
0.275
0
0.275
0.137
0

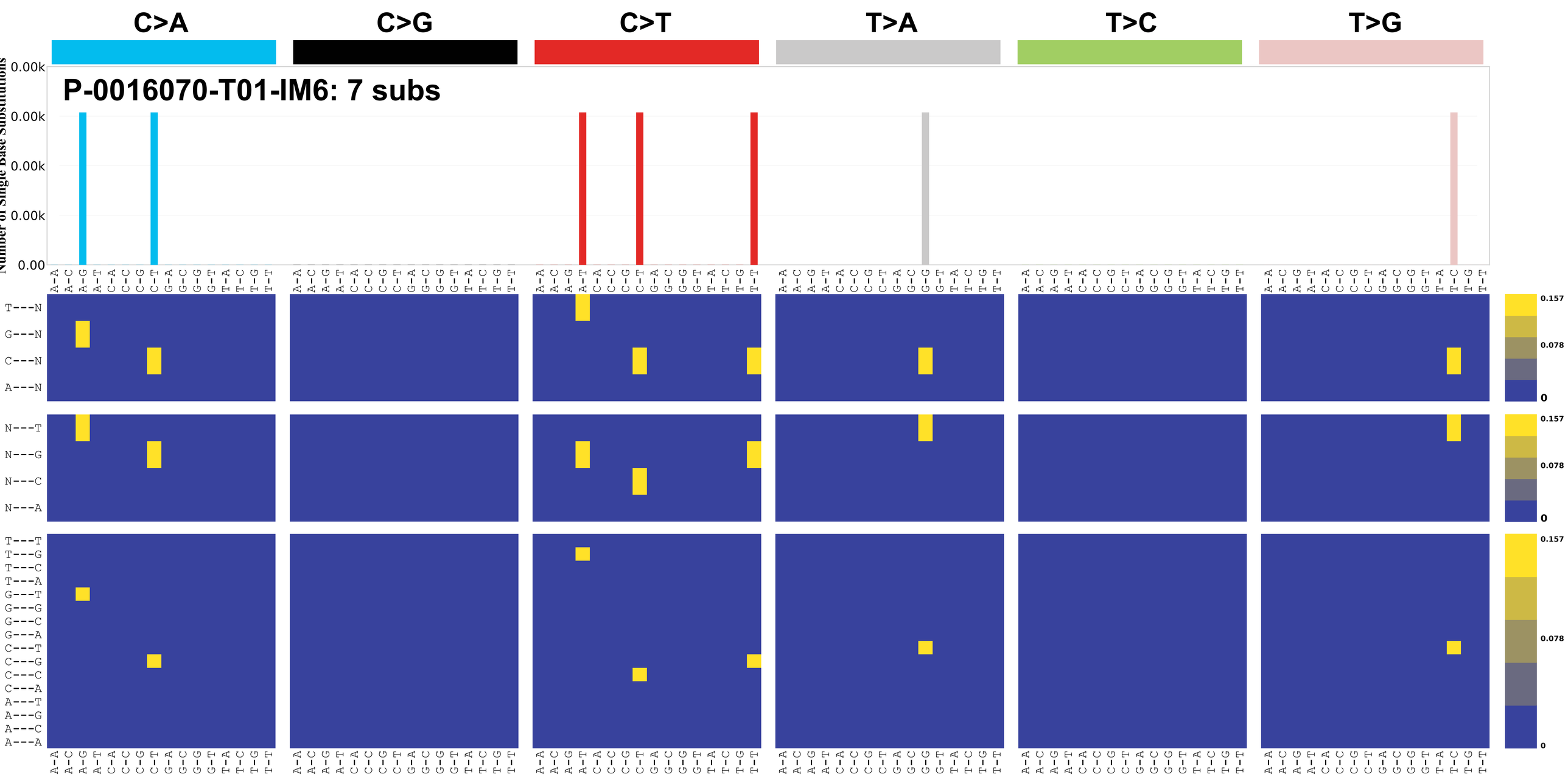

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0014668-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

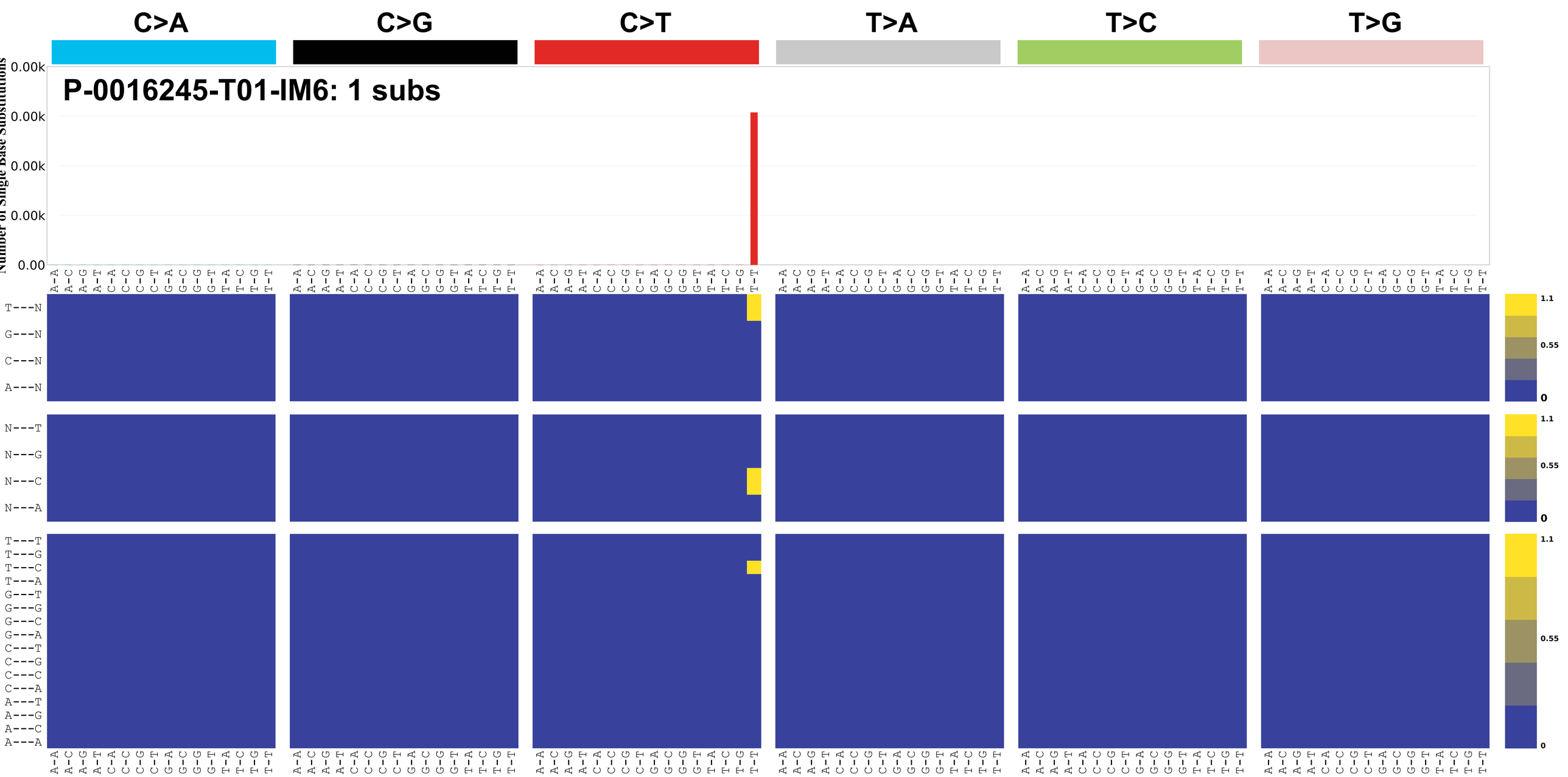

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0015203-T01-IM6: 10 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.110
0.055
0

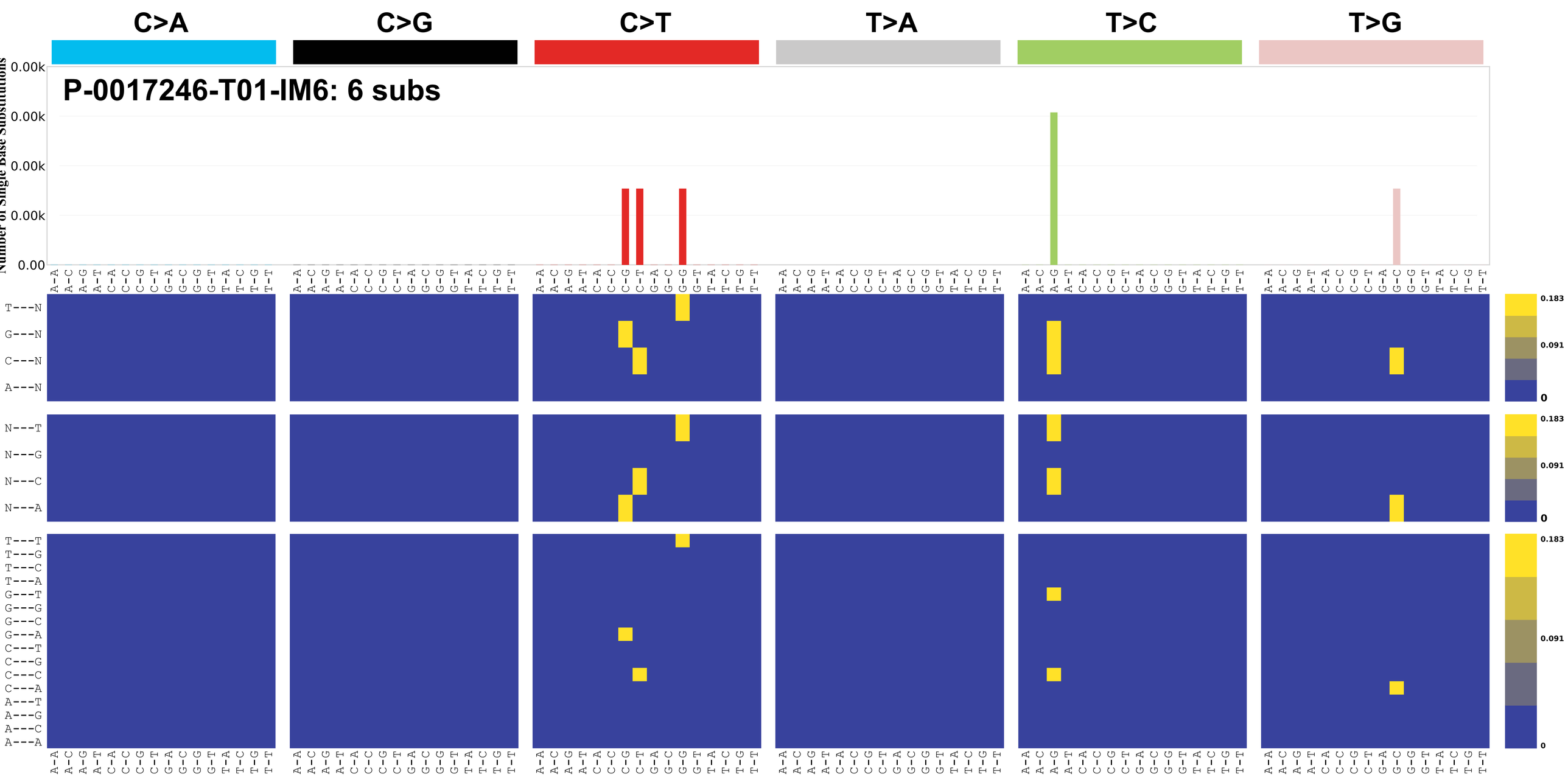

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0015581-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

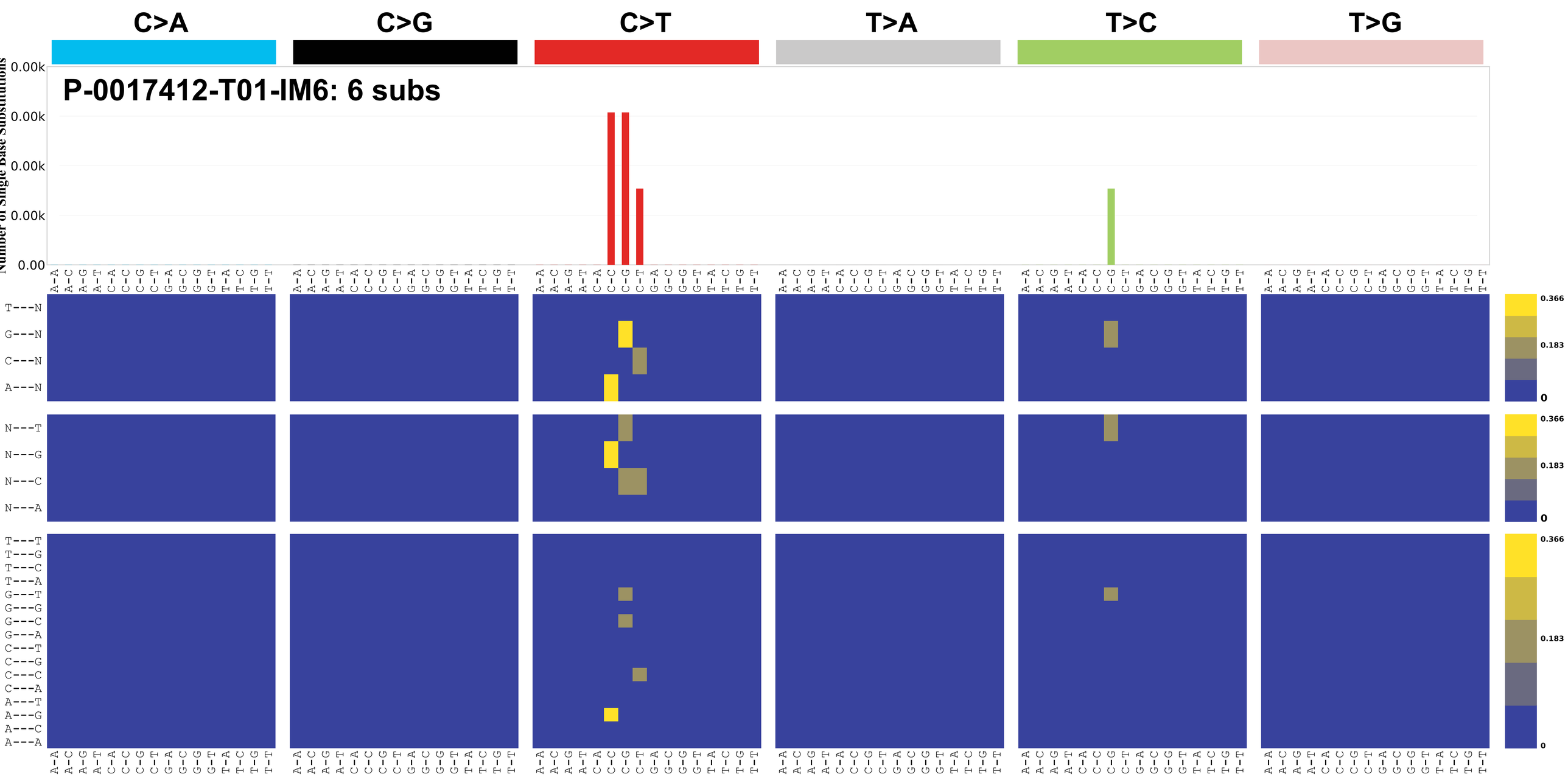

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0015687-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

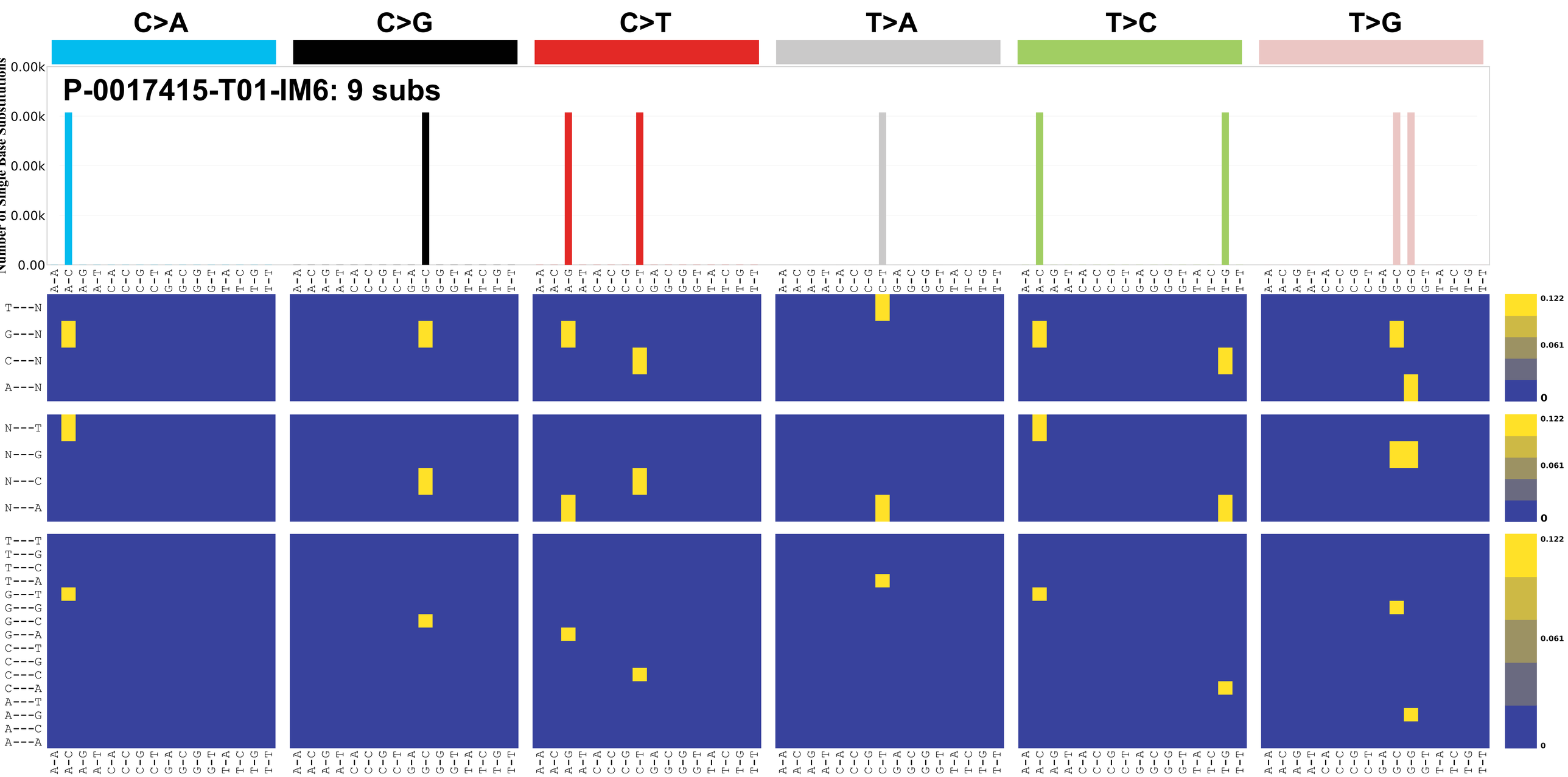

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0015853-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.314
0.157
0
0.314
0.157
0
0.157
0.078
0

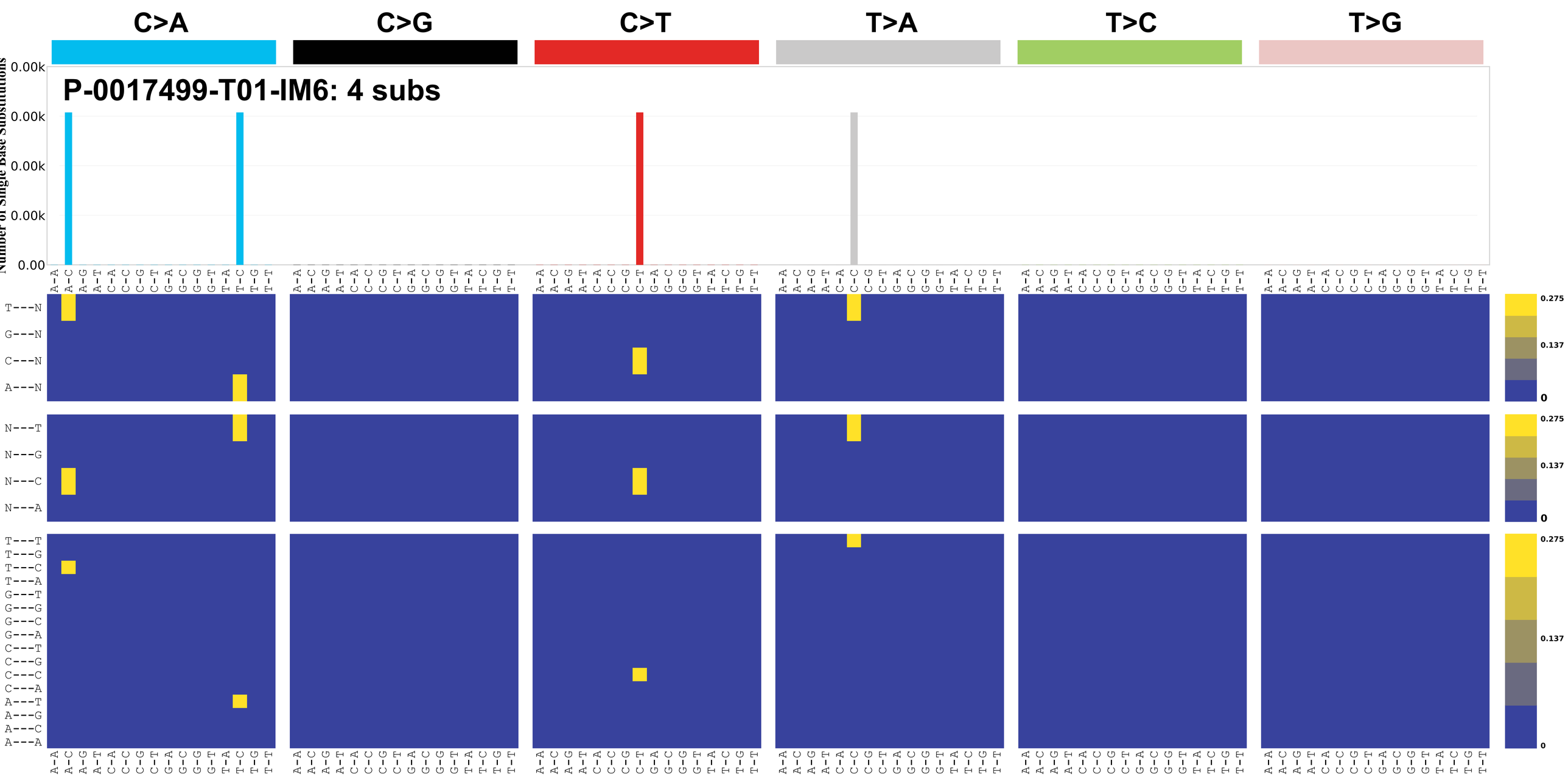

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0016070-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

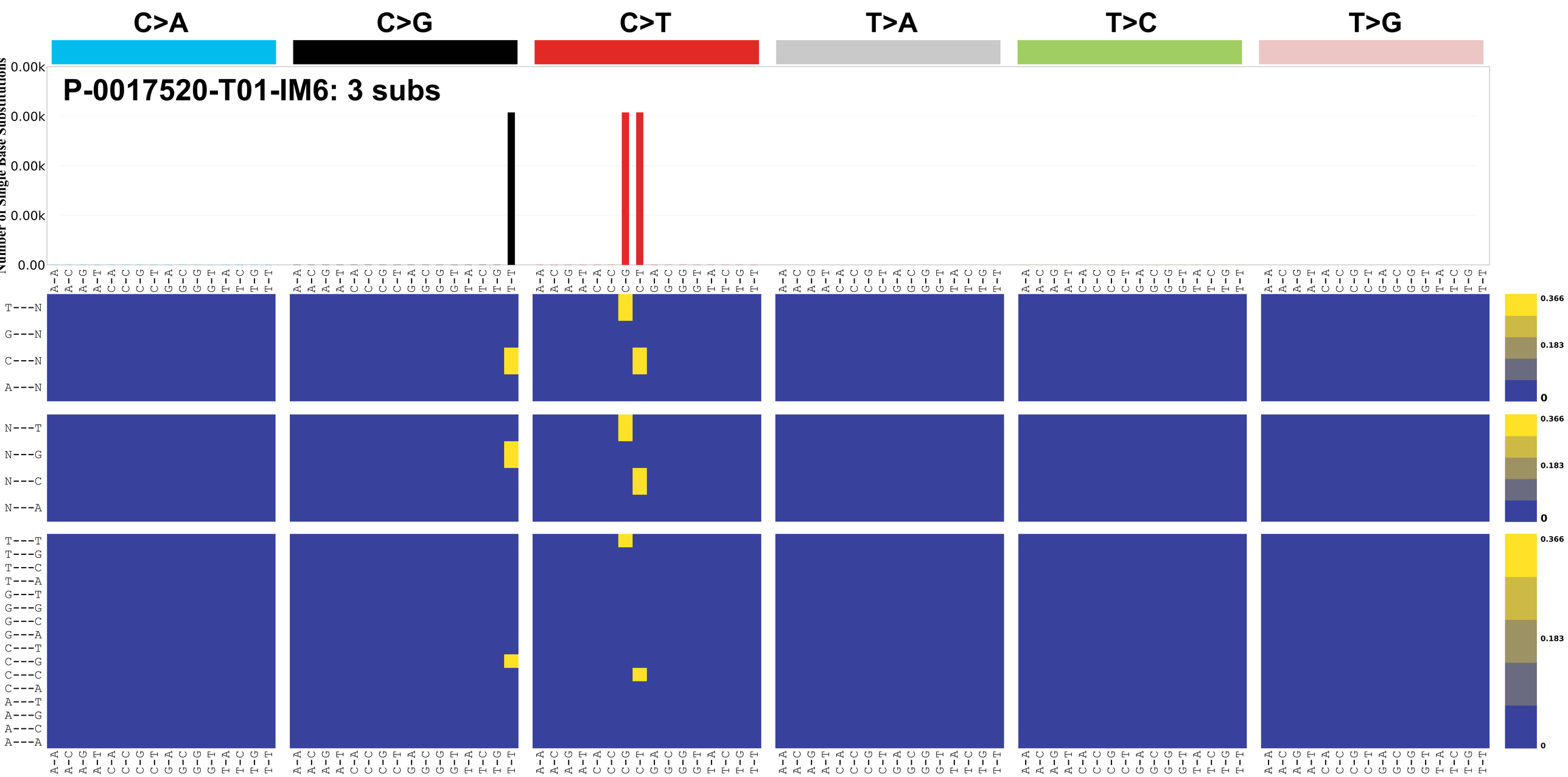

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0016245-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

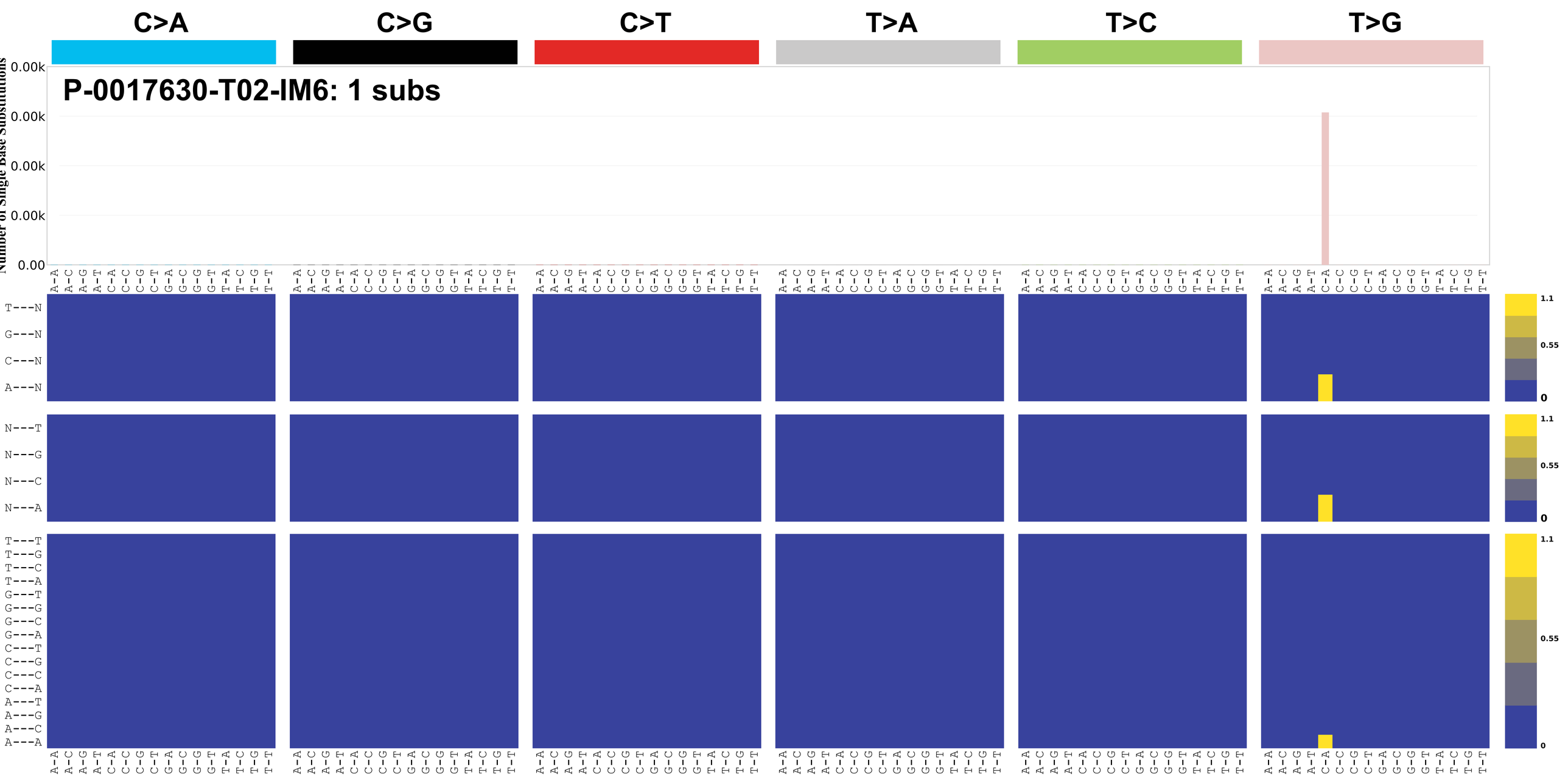

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017246-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

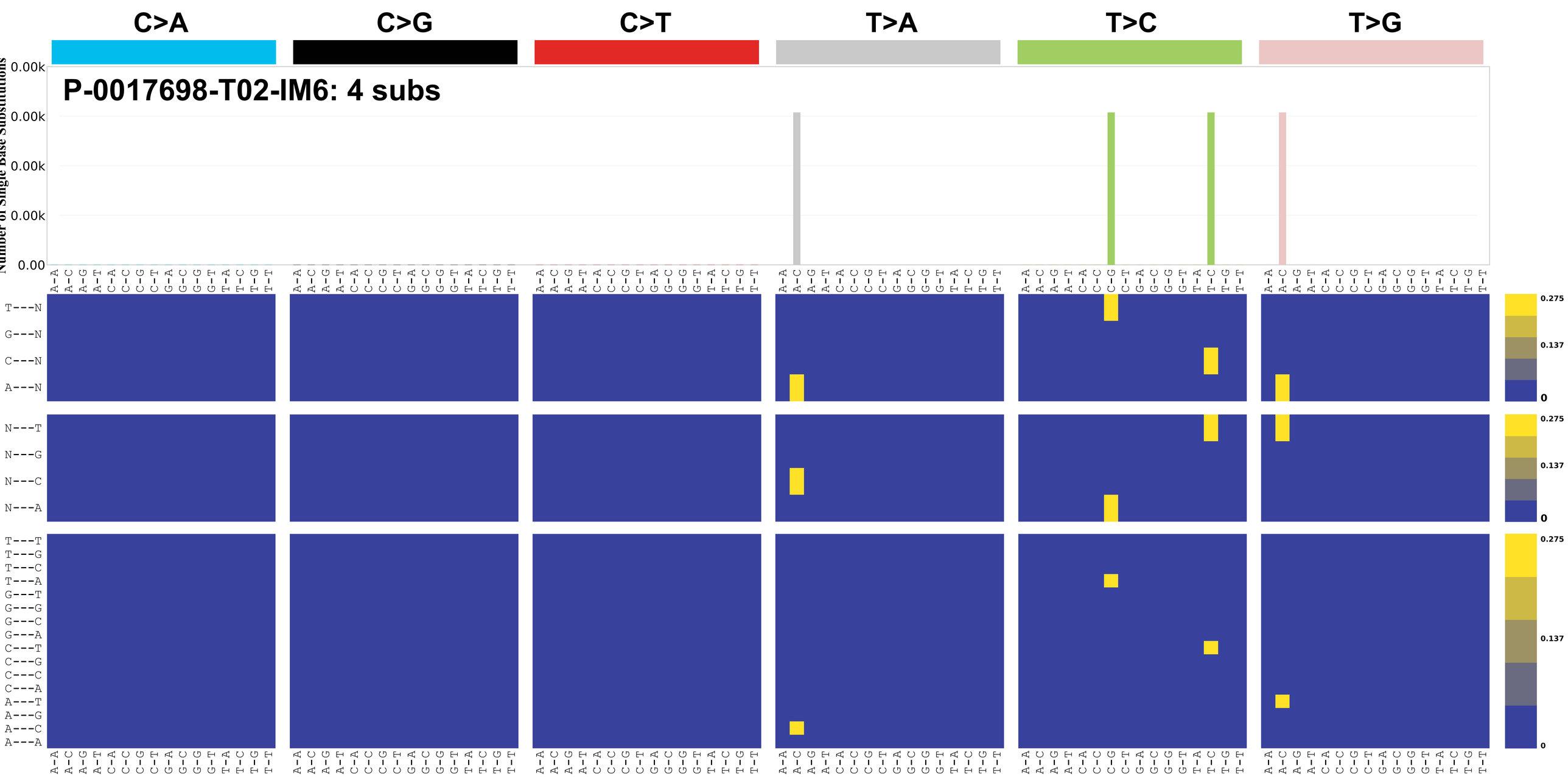

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017412-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

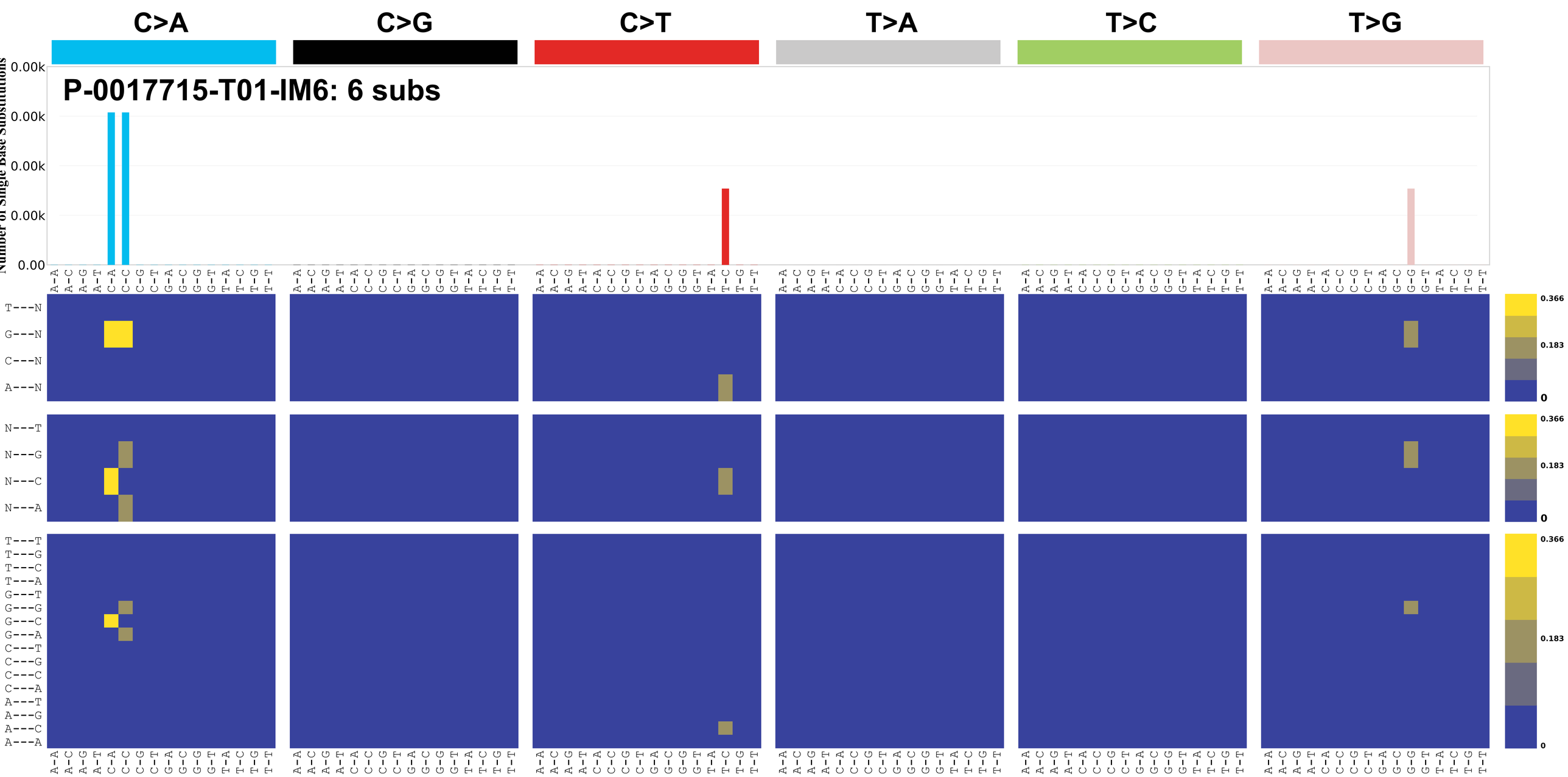

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017415-T01-IM6: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.122
0.061
0

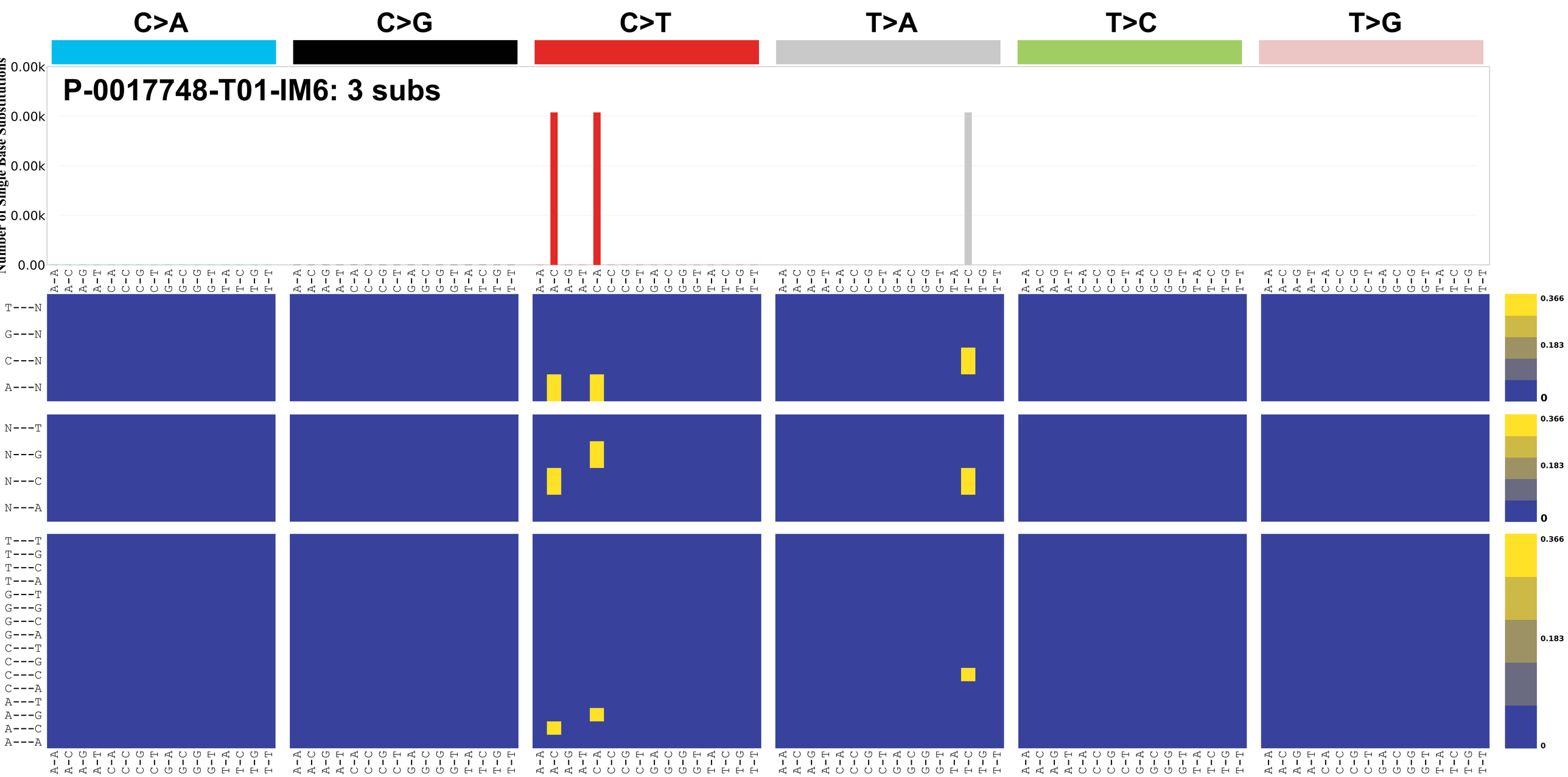

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017499-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

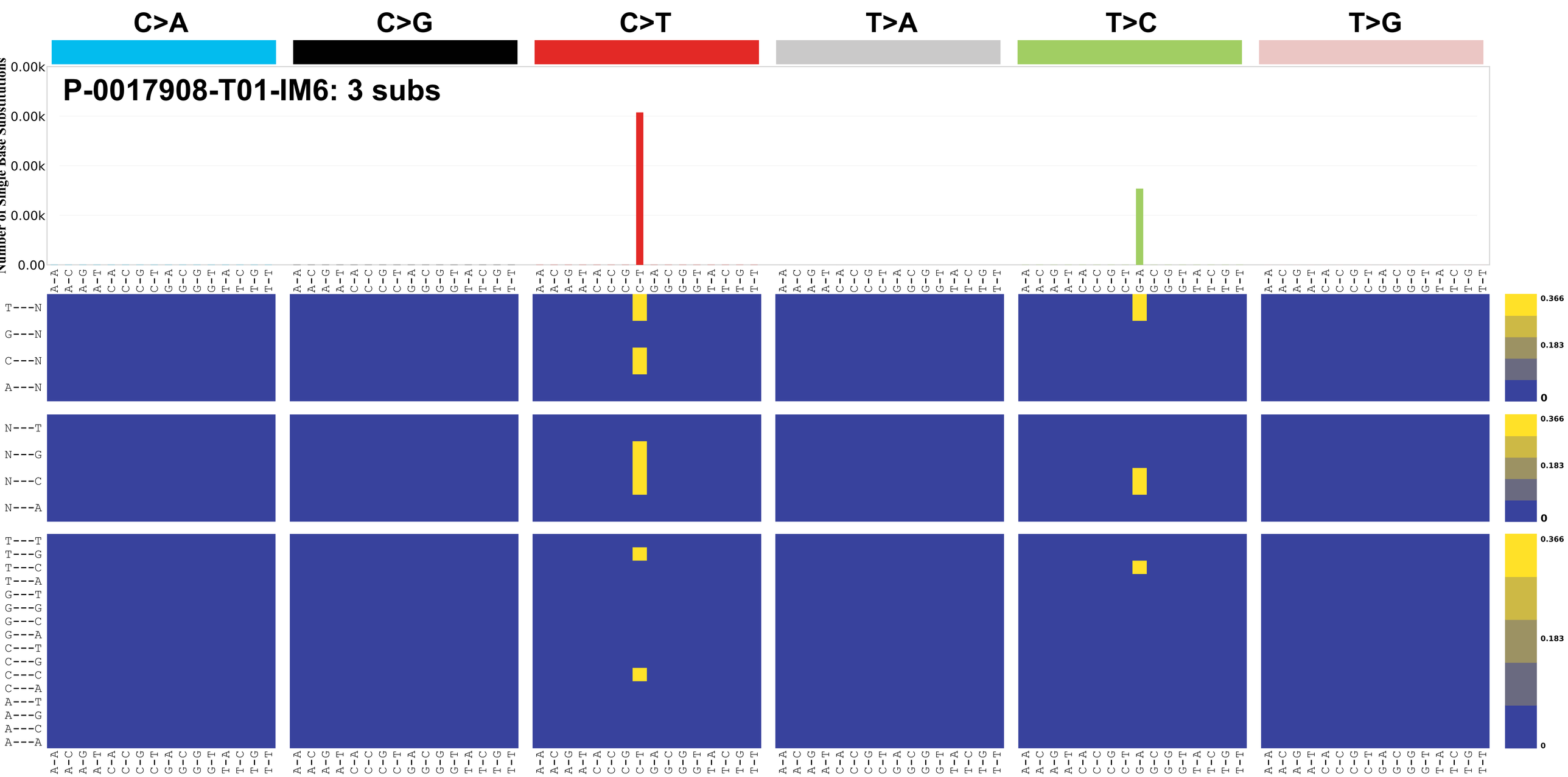

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017520-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

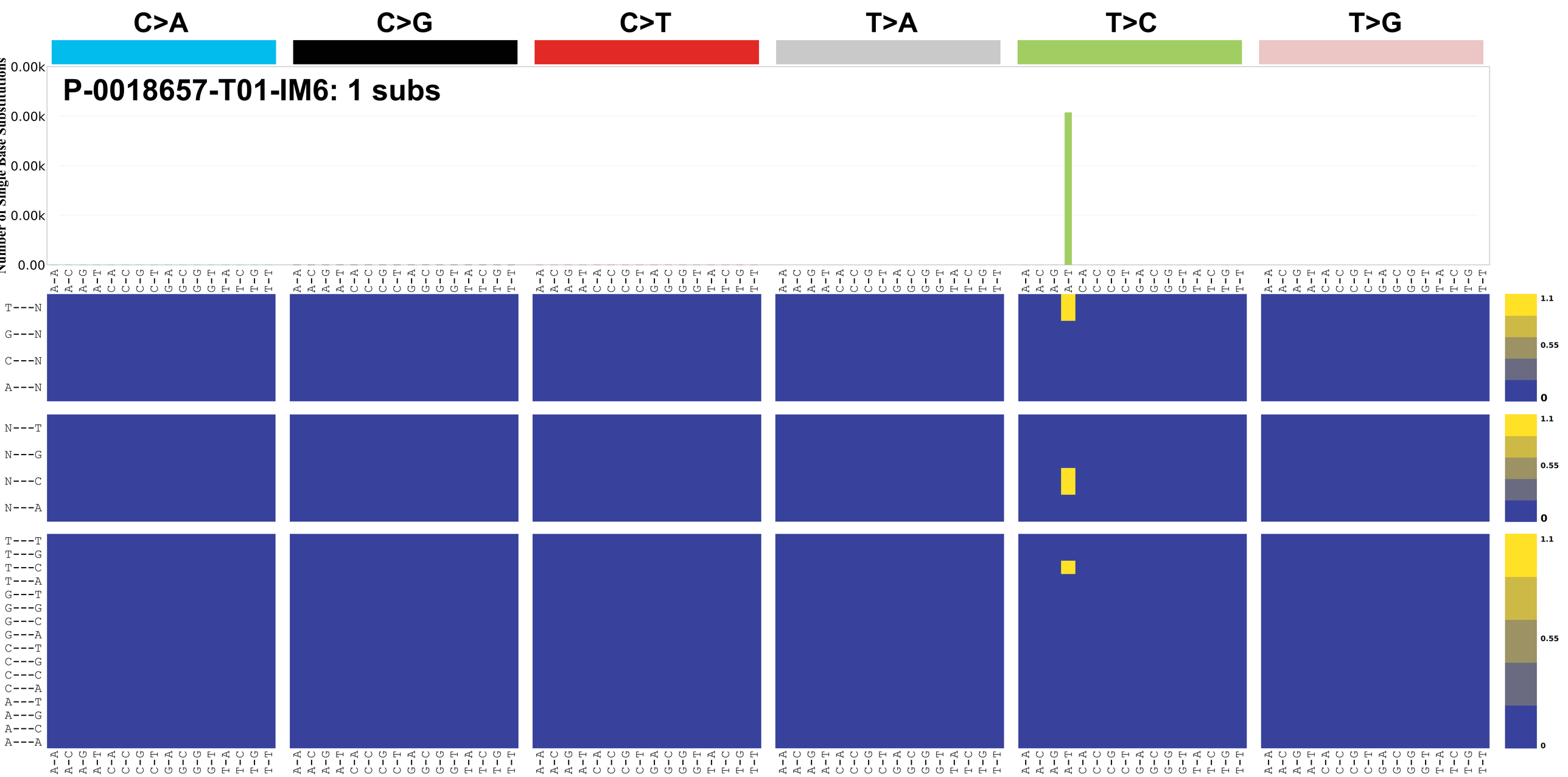

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017630-T02-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

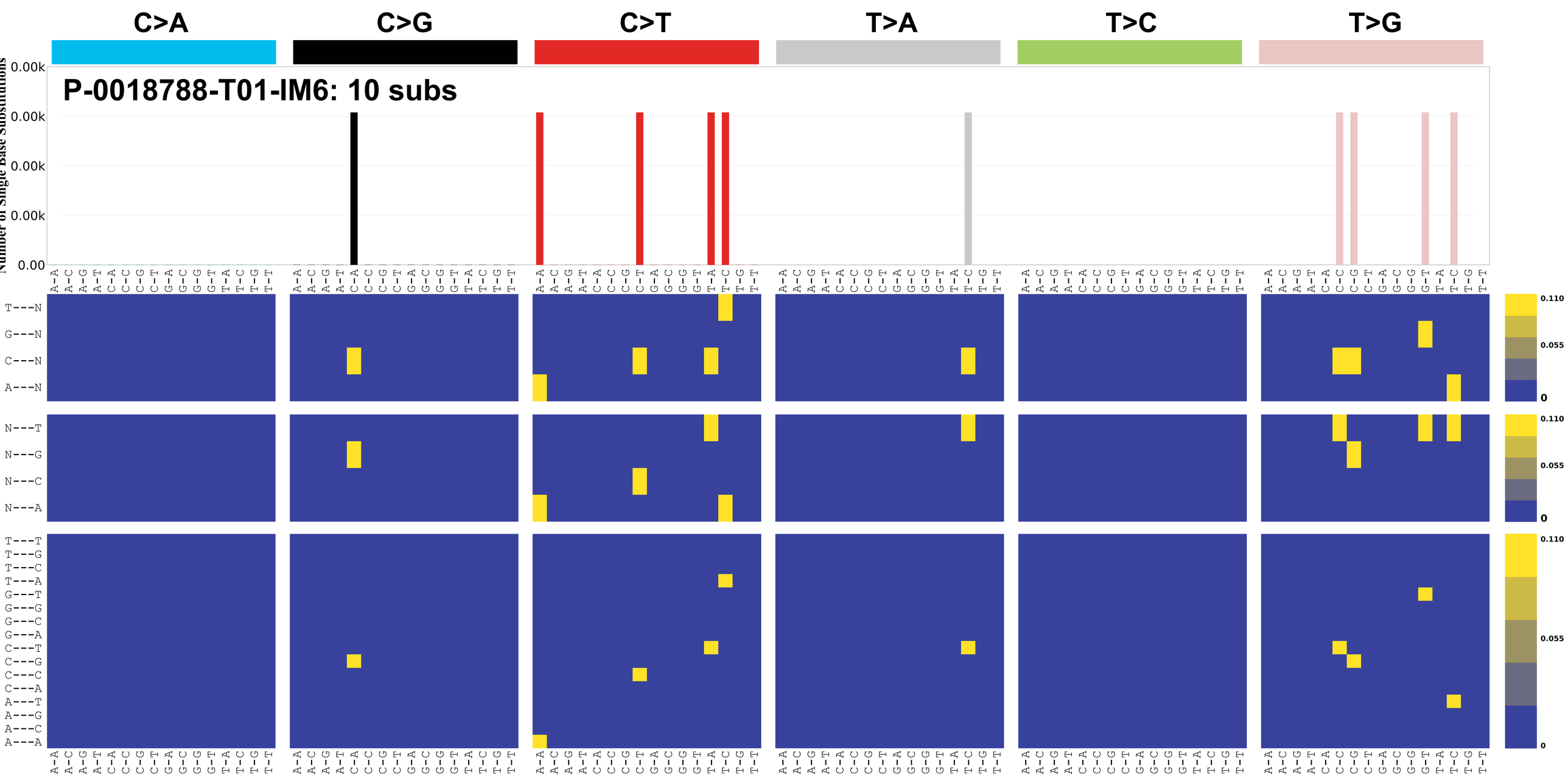

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017698-T02-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

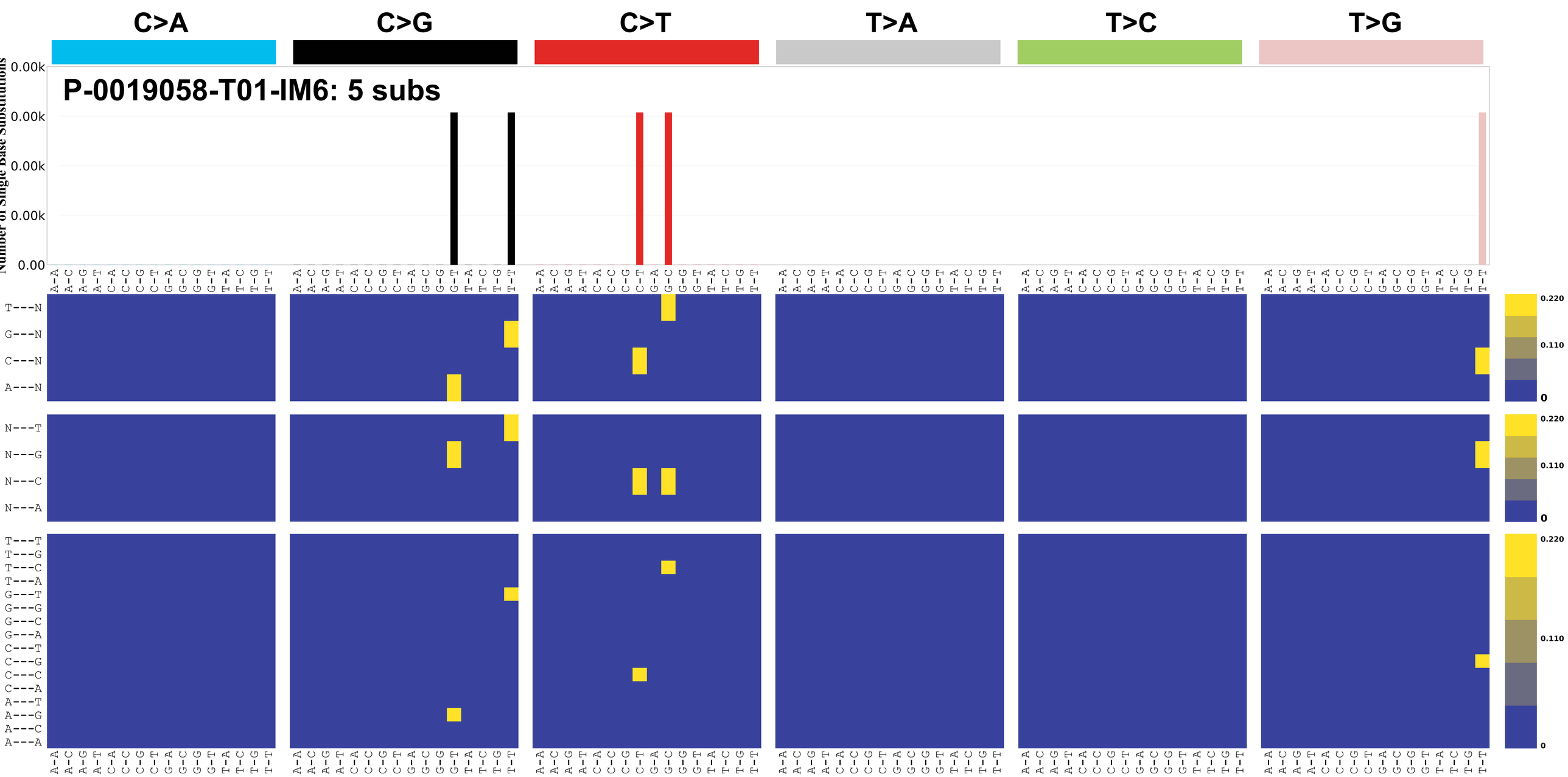

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017715-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

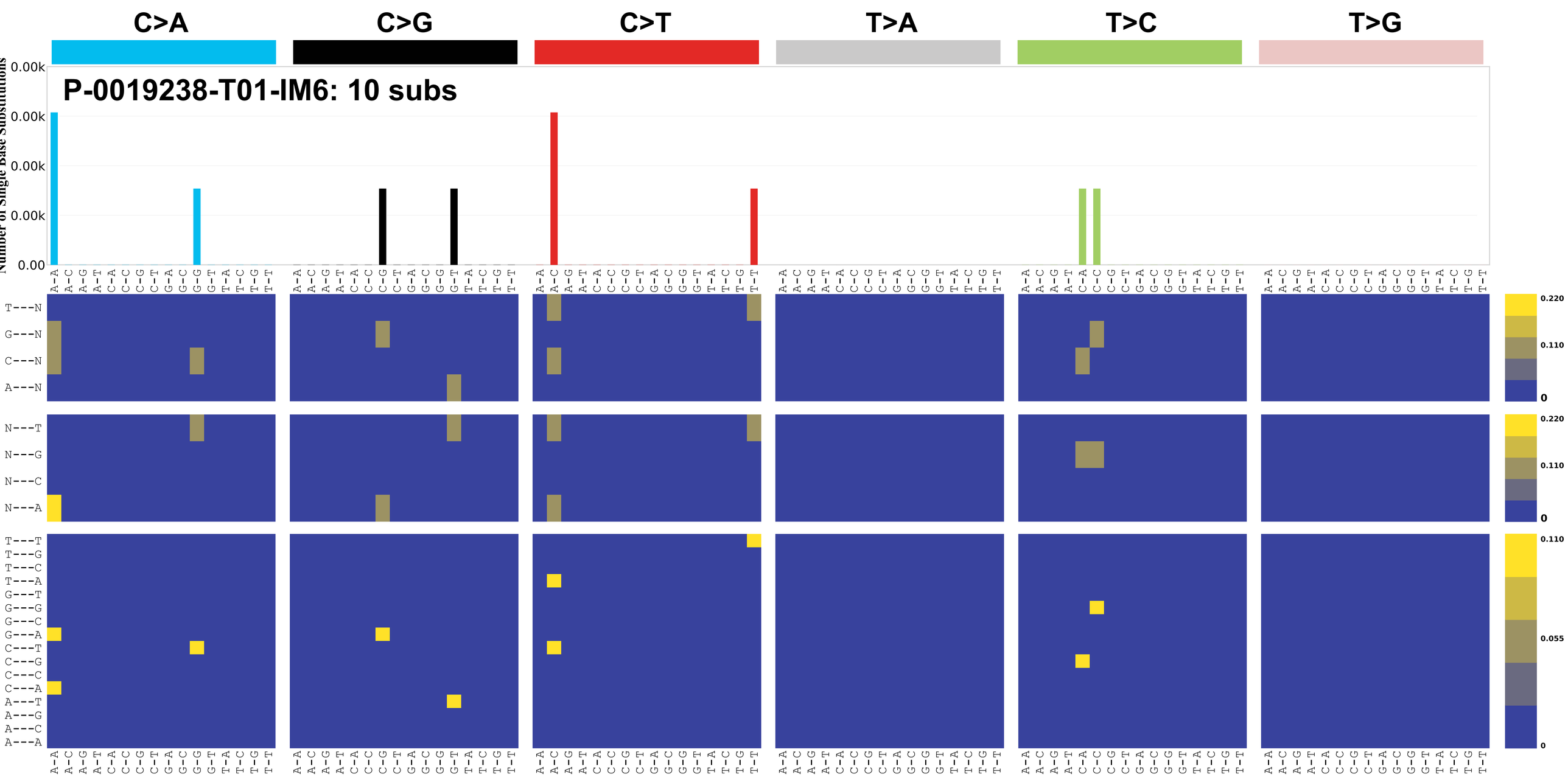

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017748-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

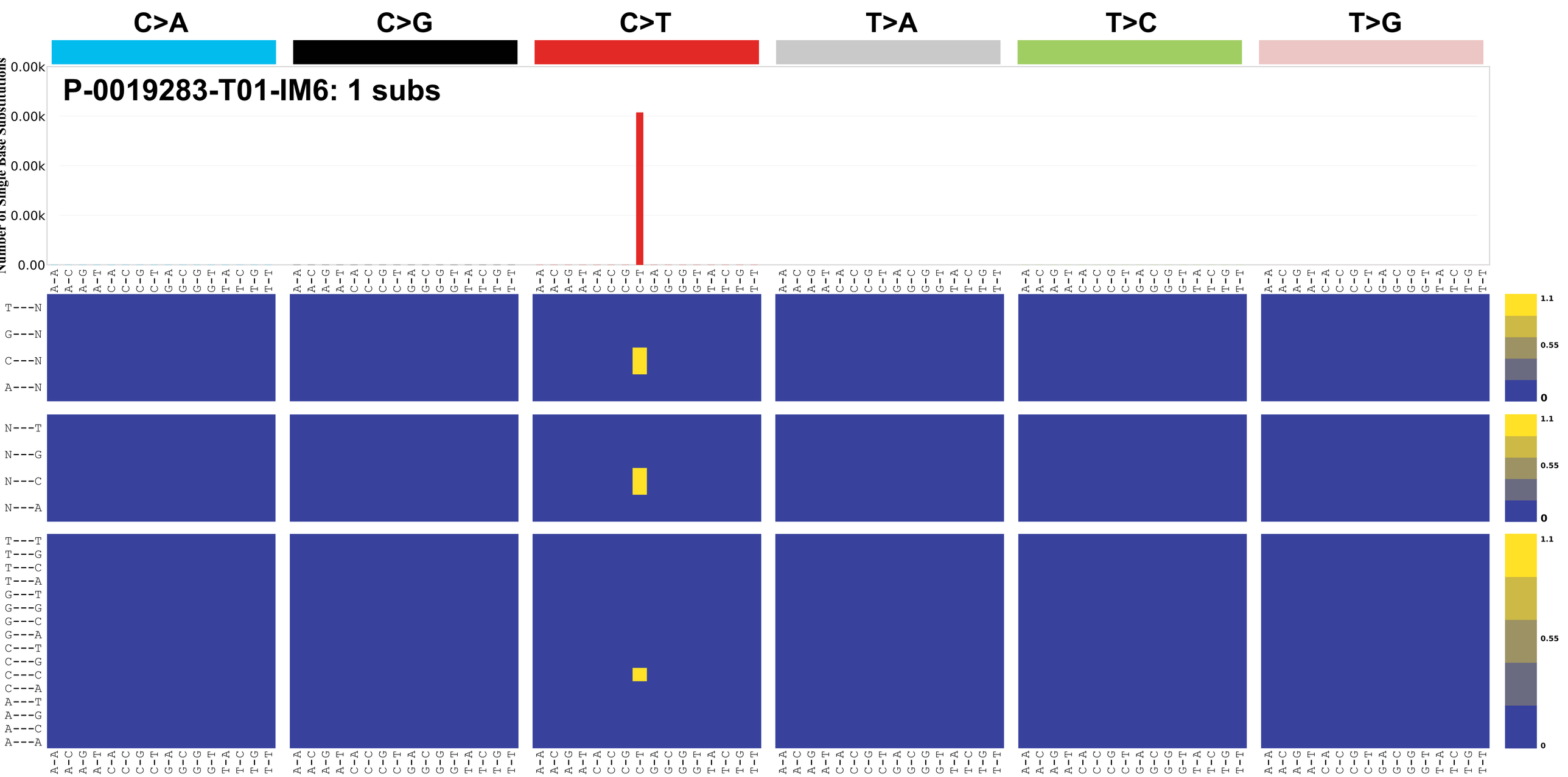

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0017908-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

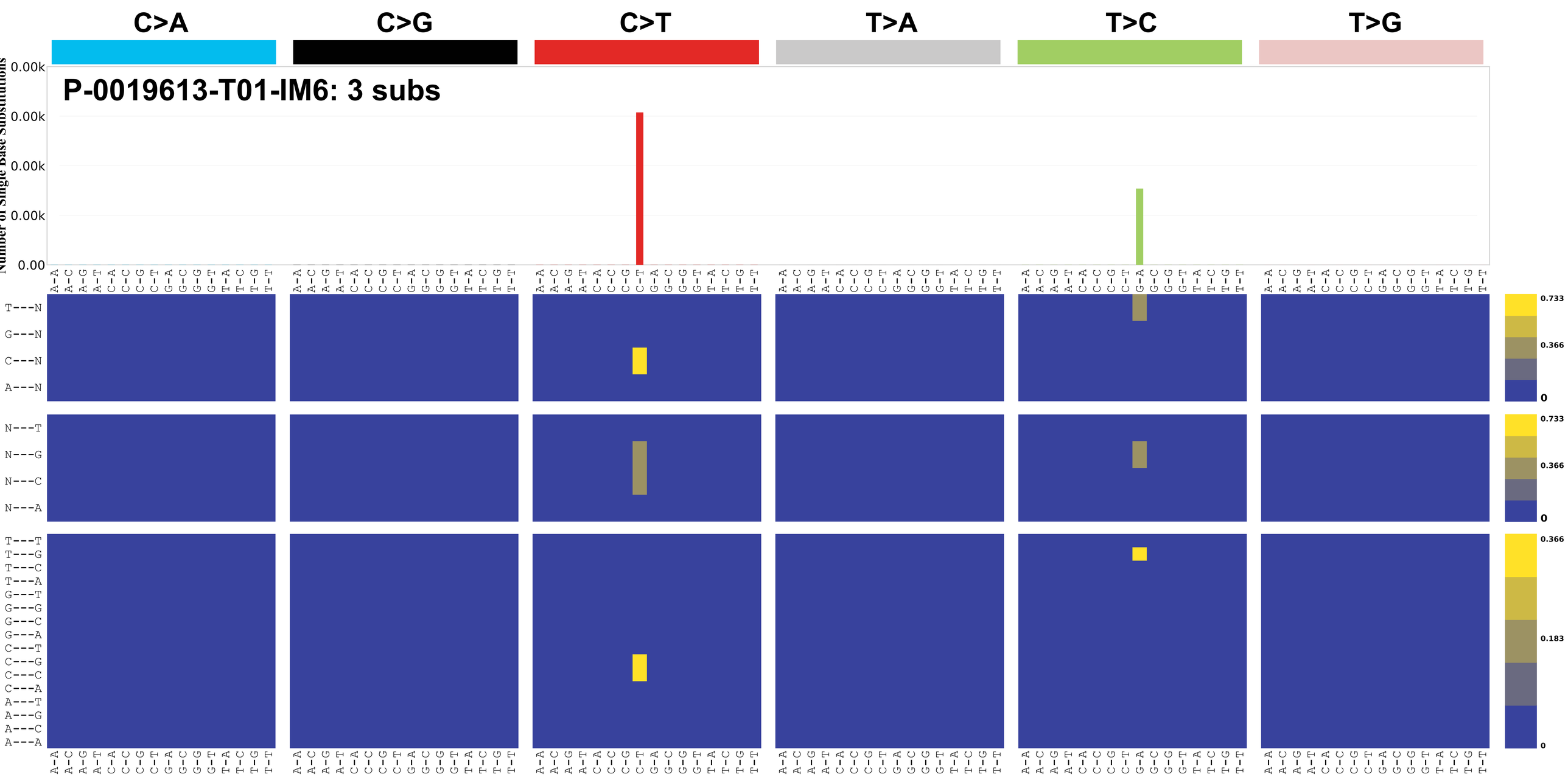

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0018657-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

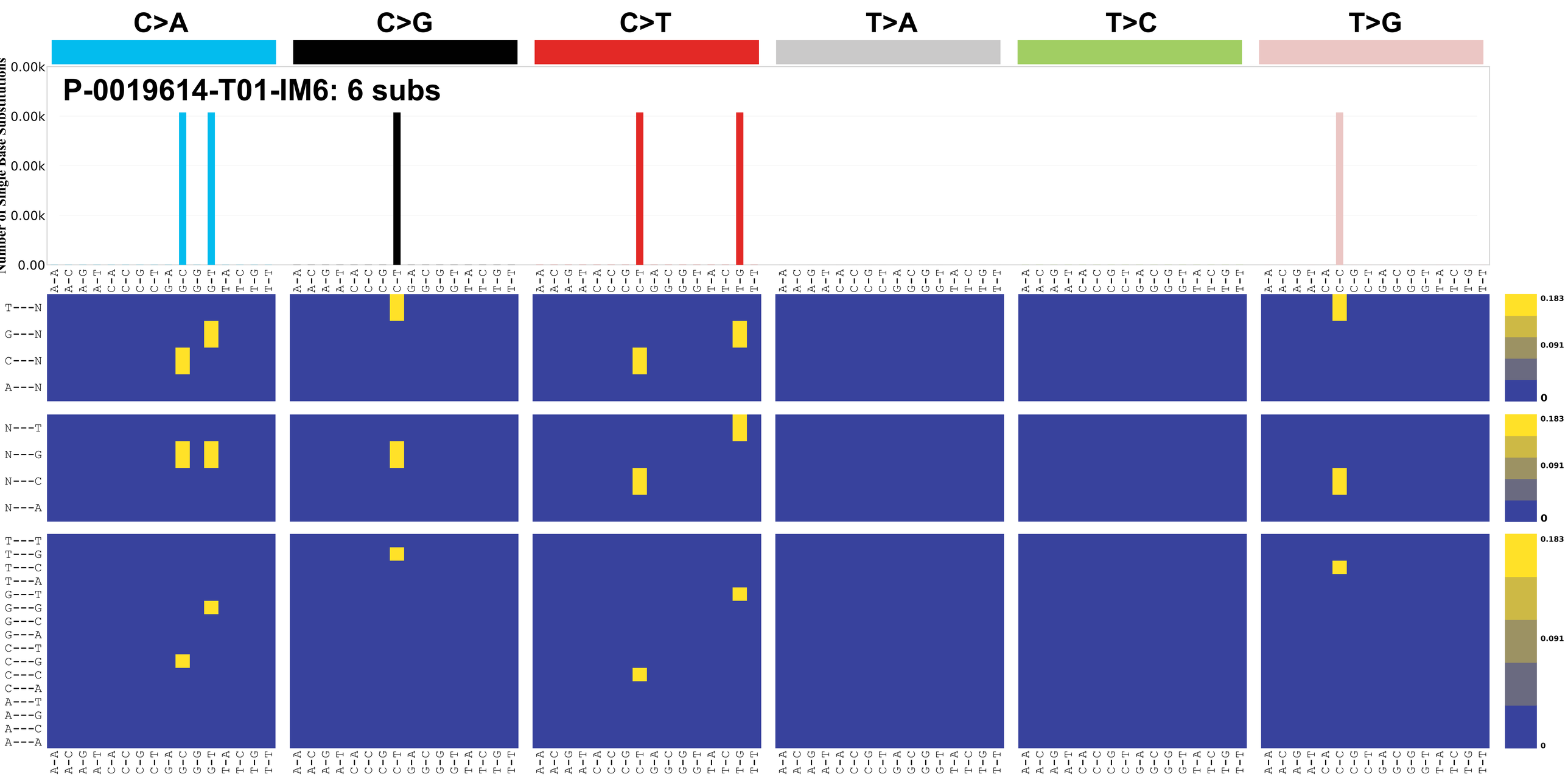

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0018788-T01-IM6: 10 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.110
0.055
0

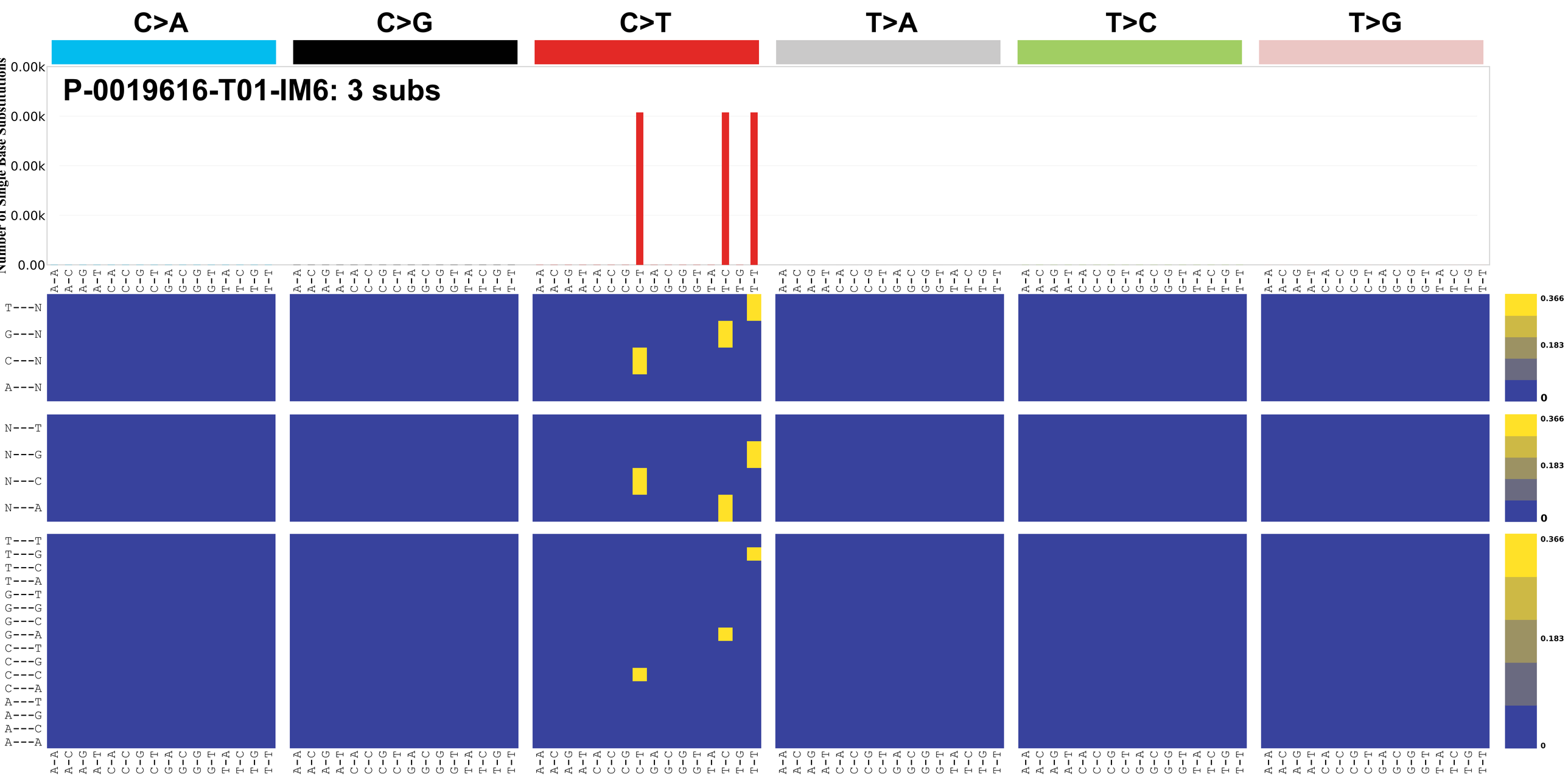

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019058-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

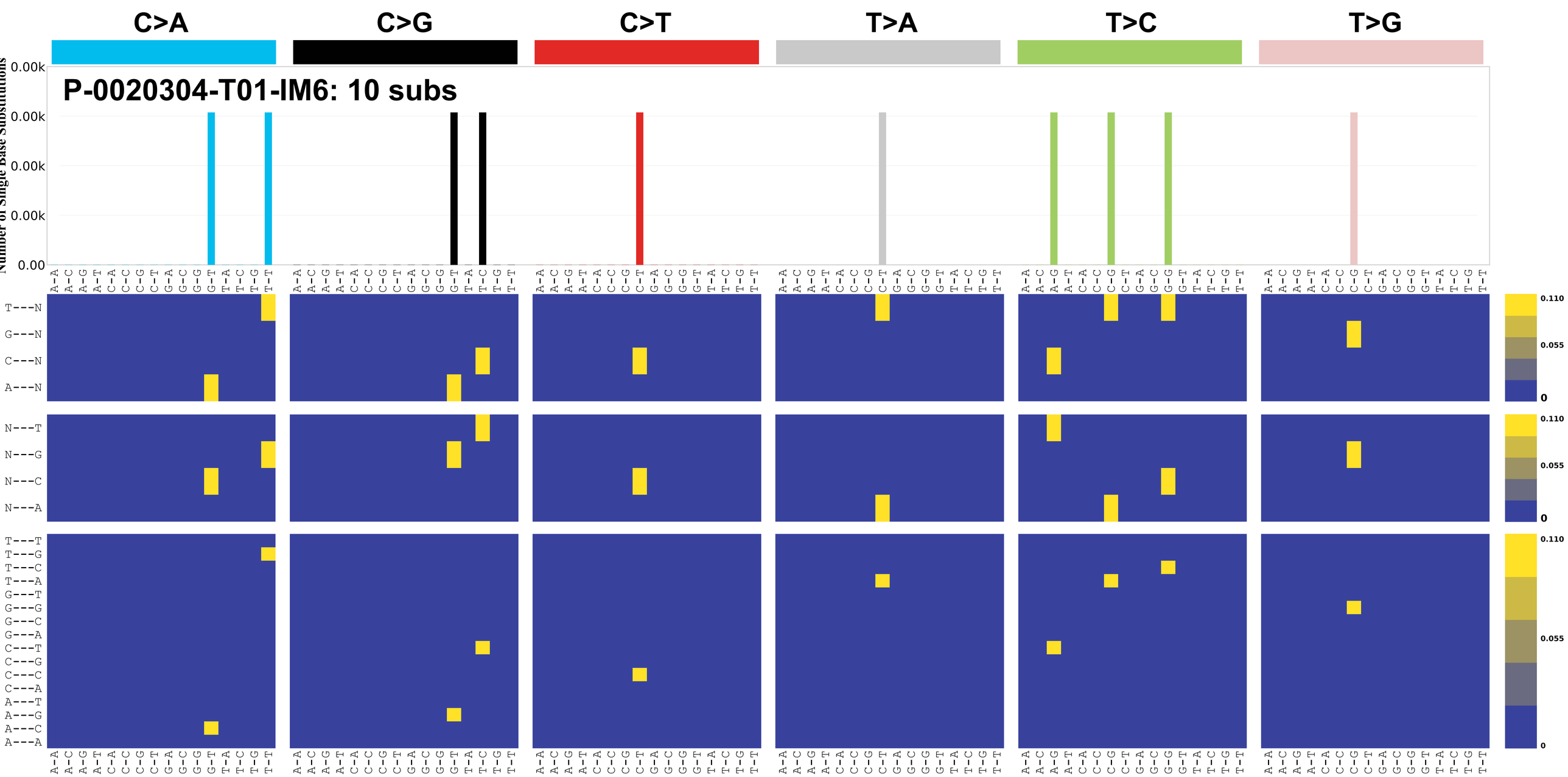

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019238-T01-IM6: 10 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0
0.110
0.055
0

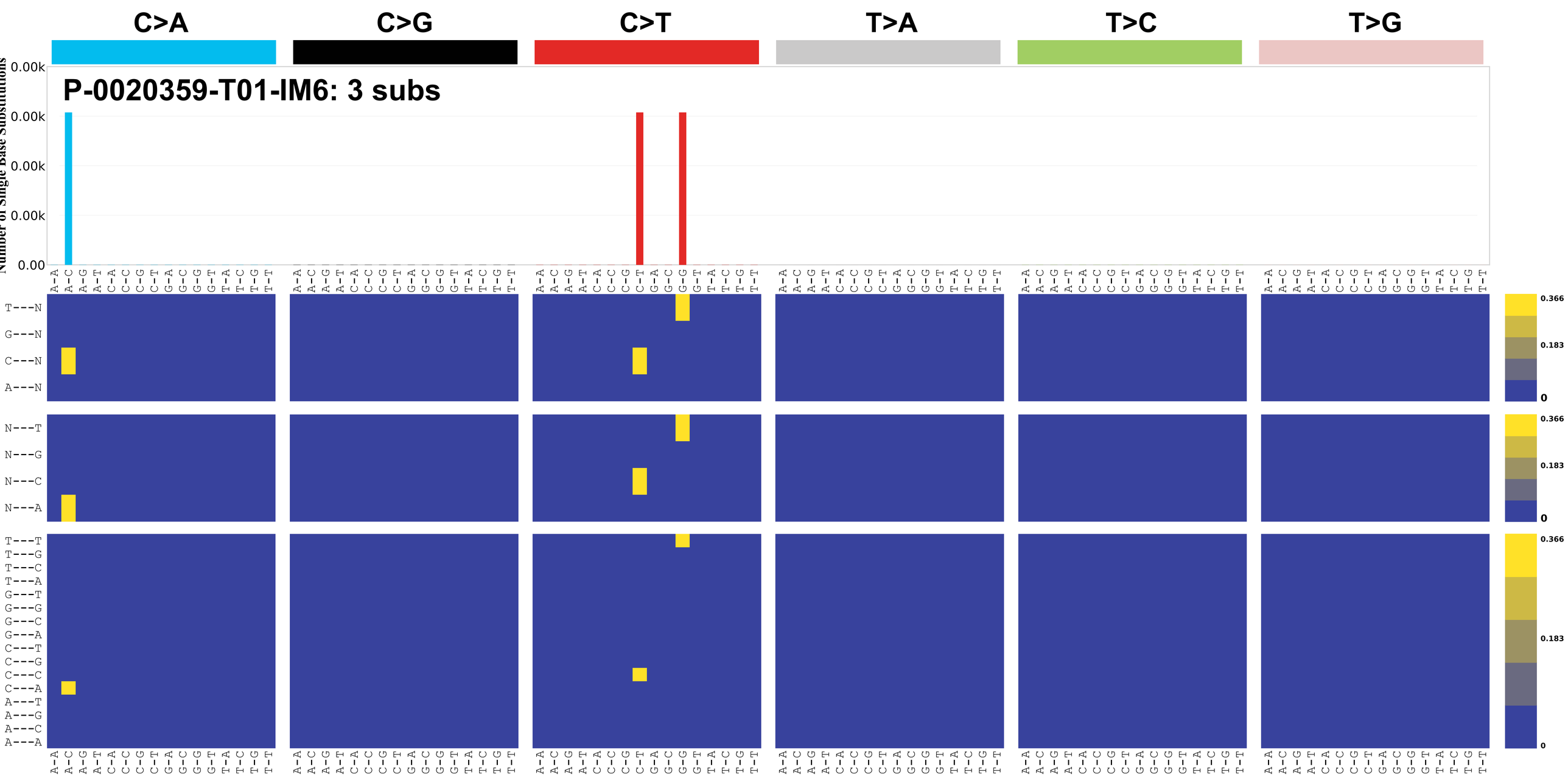

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019283-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

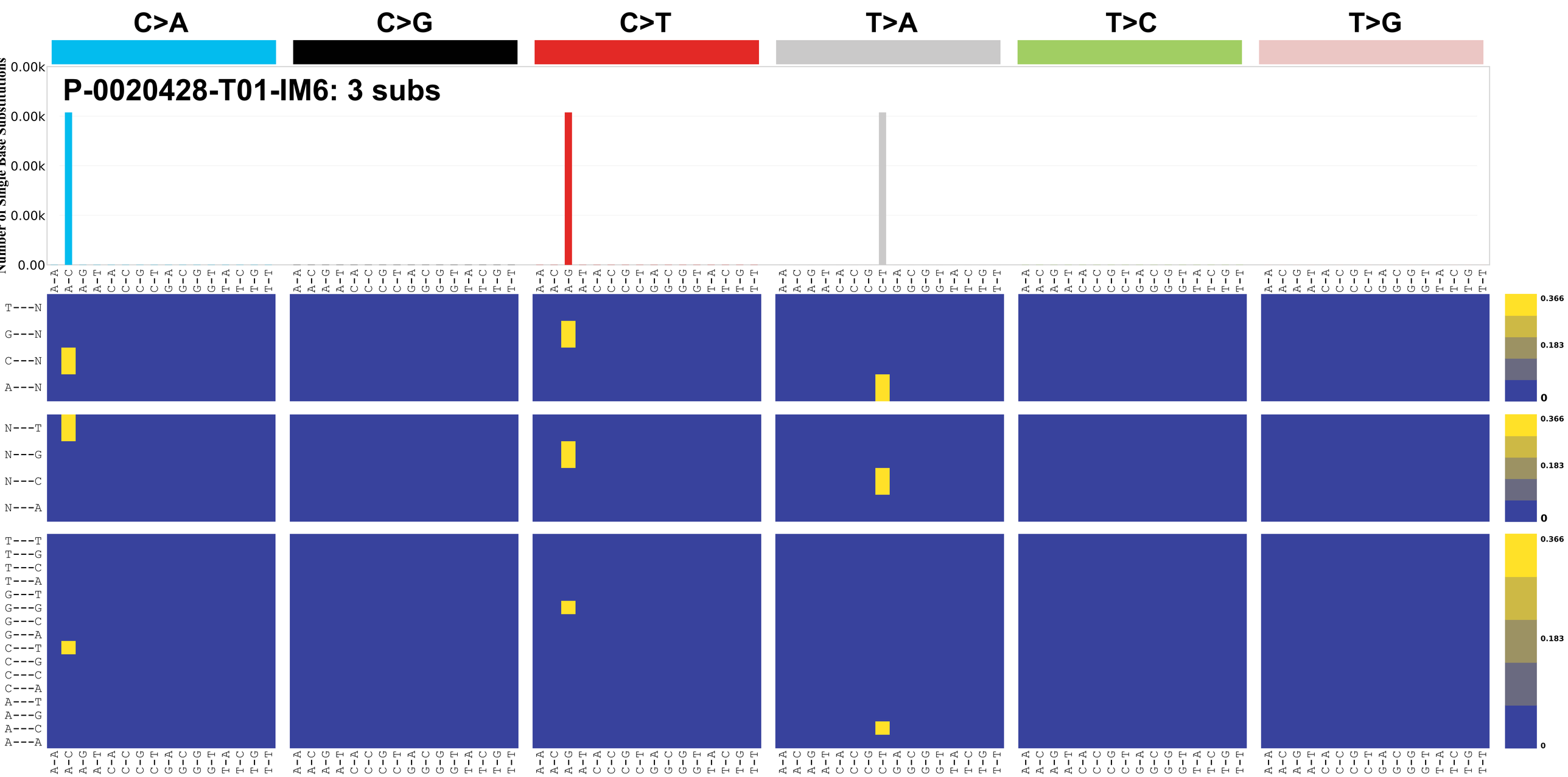

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019613-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.733
0.366
0
0.733
0.366
0
0.366
0.183
0

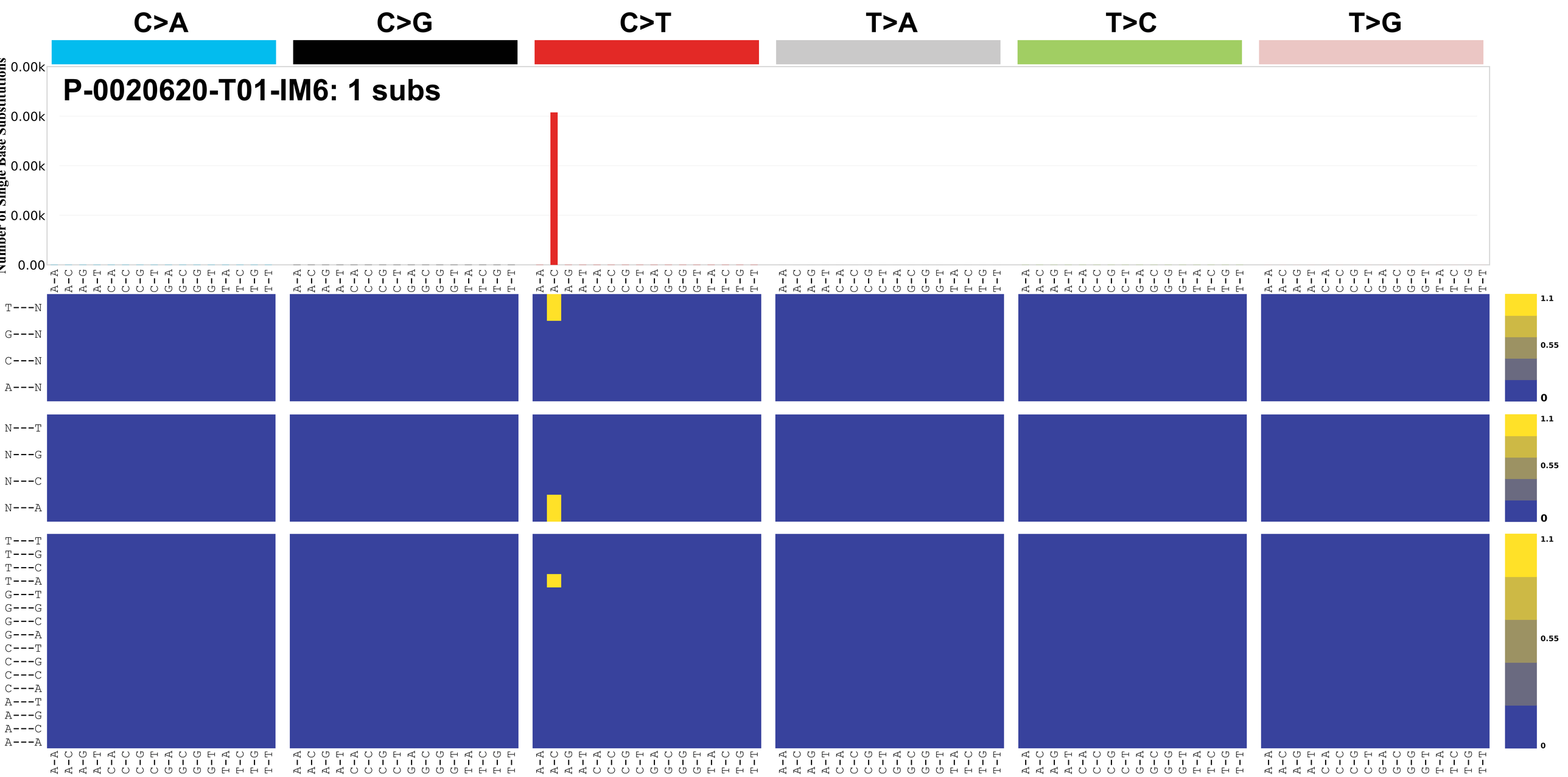

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019614-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

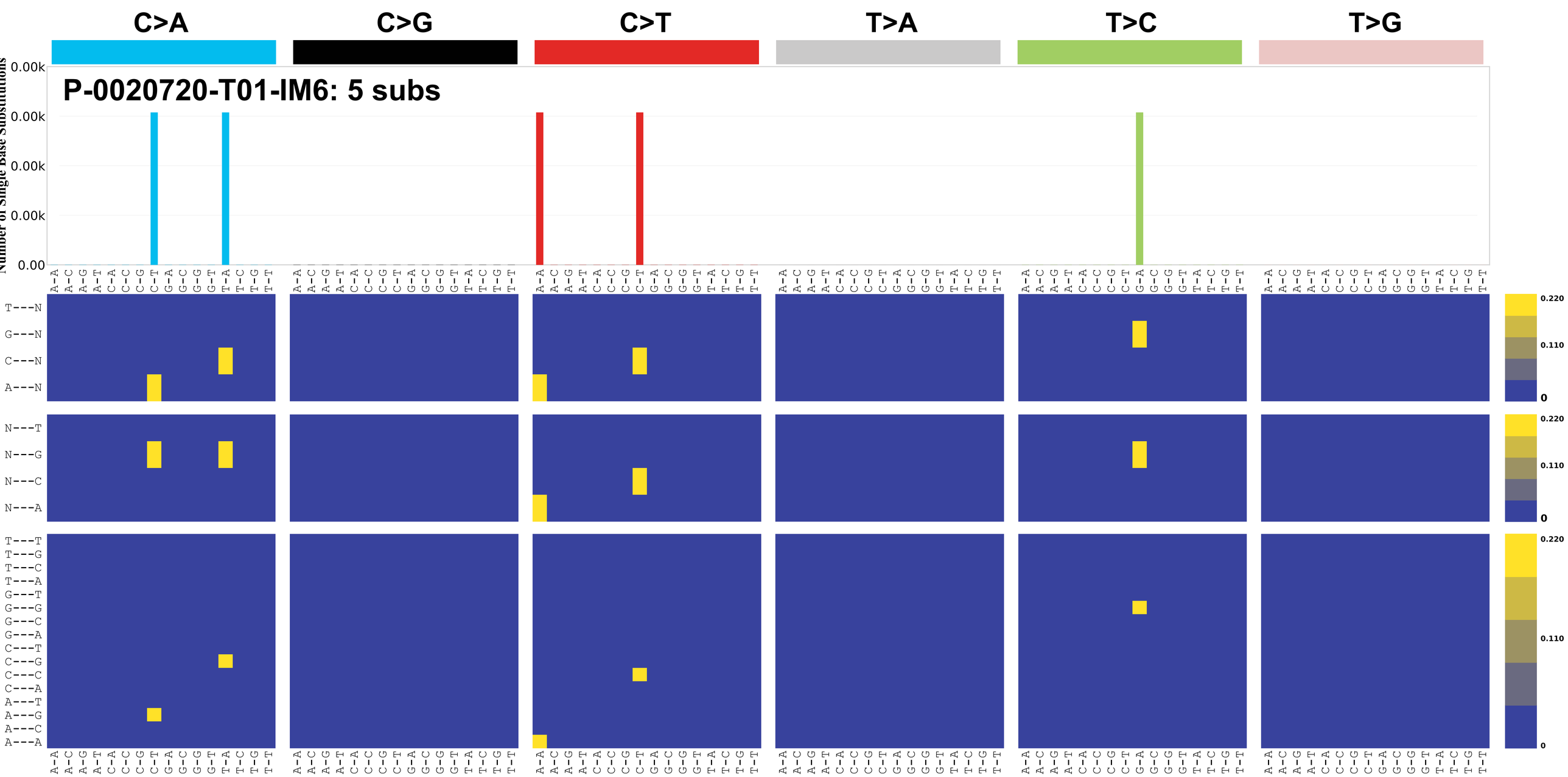

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0019616-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

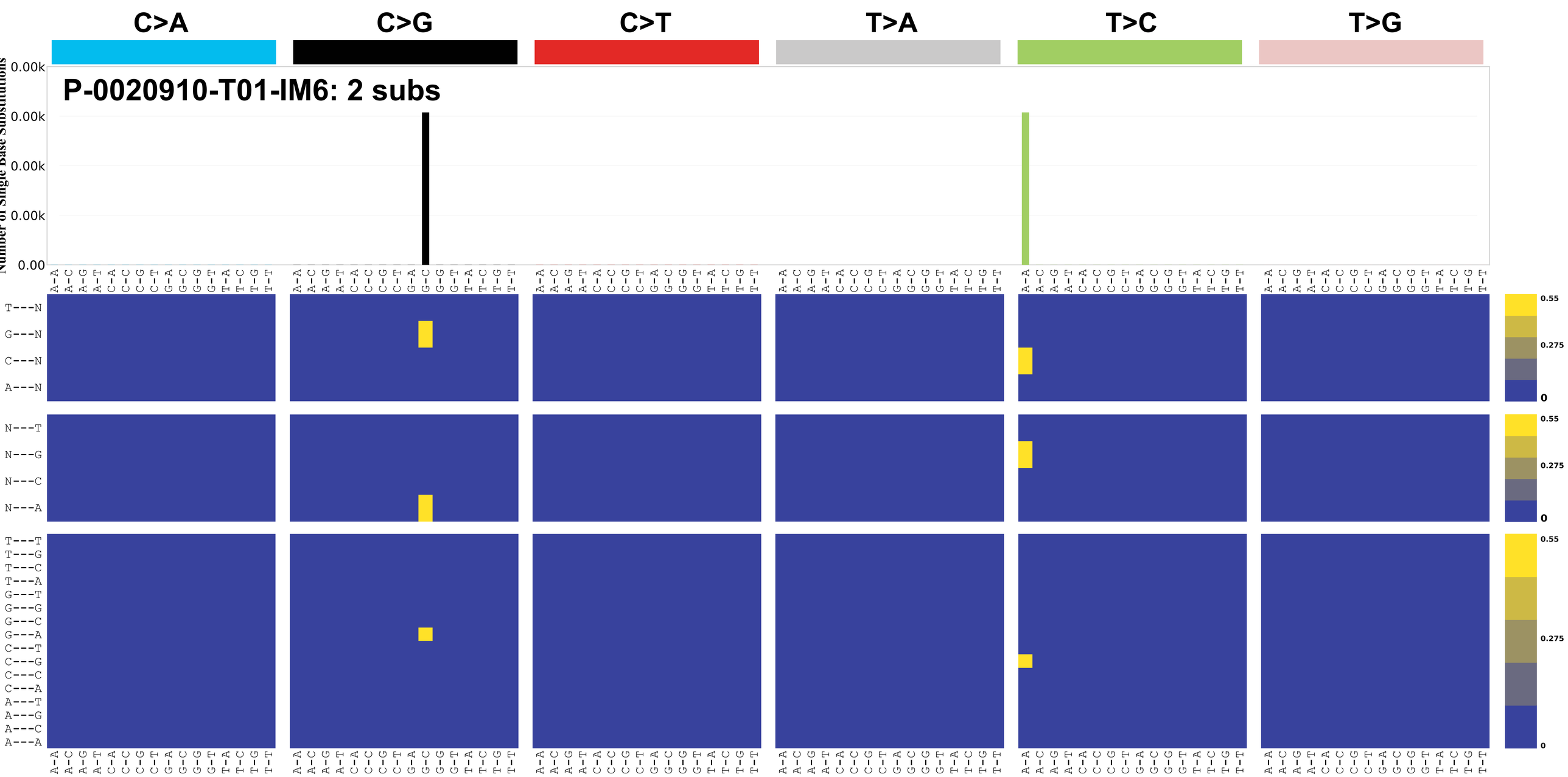

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020304-T01-IM6: 10 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.110
0.055
0

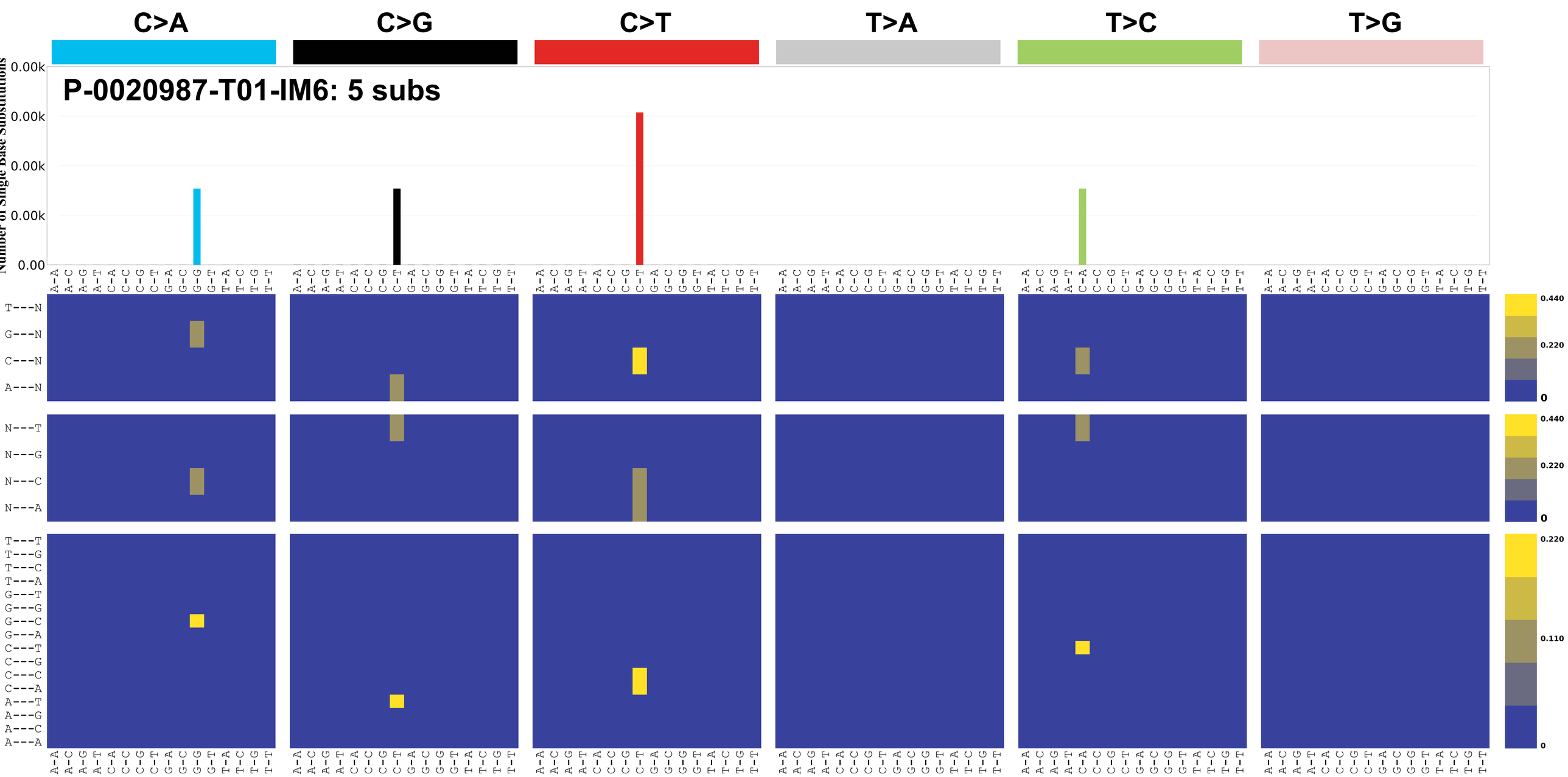

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020359-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

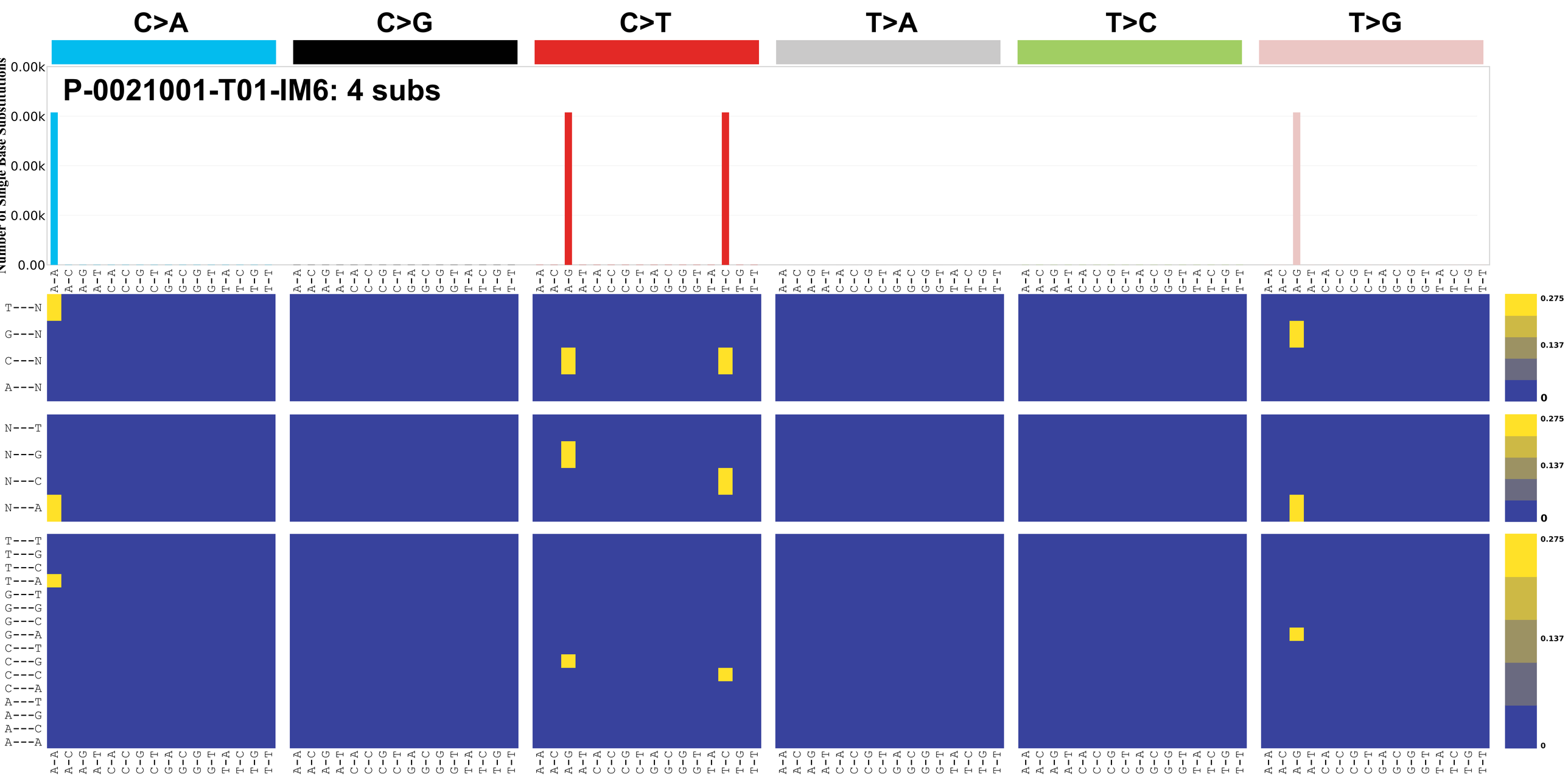

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020428-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

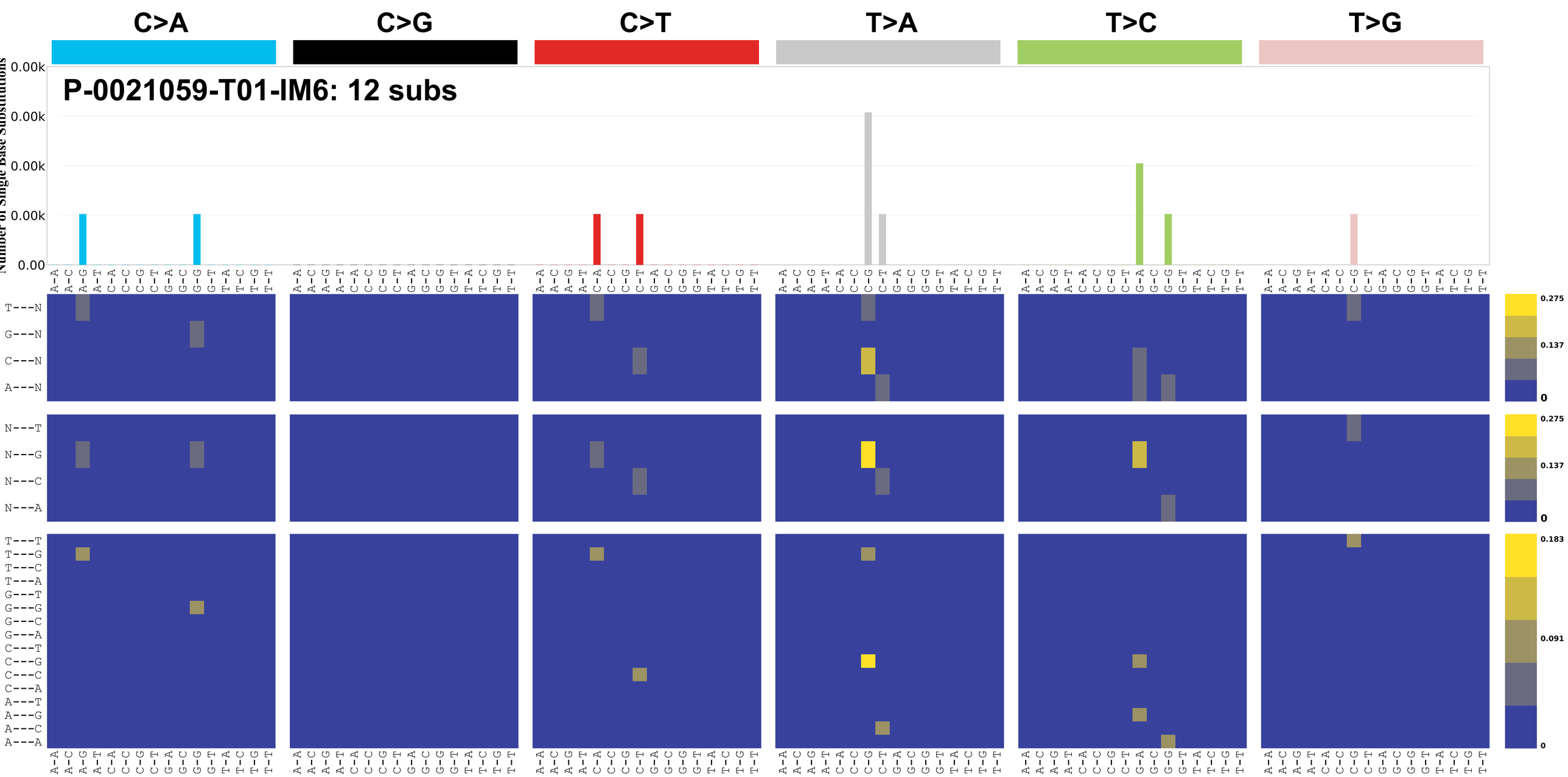

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020620-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

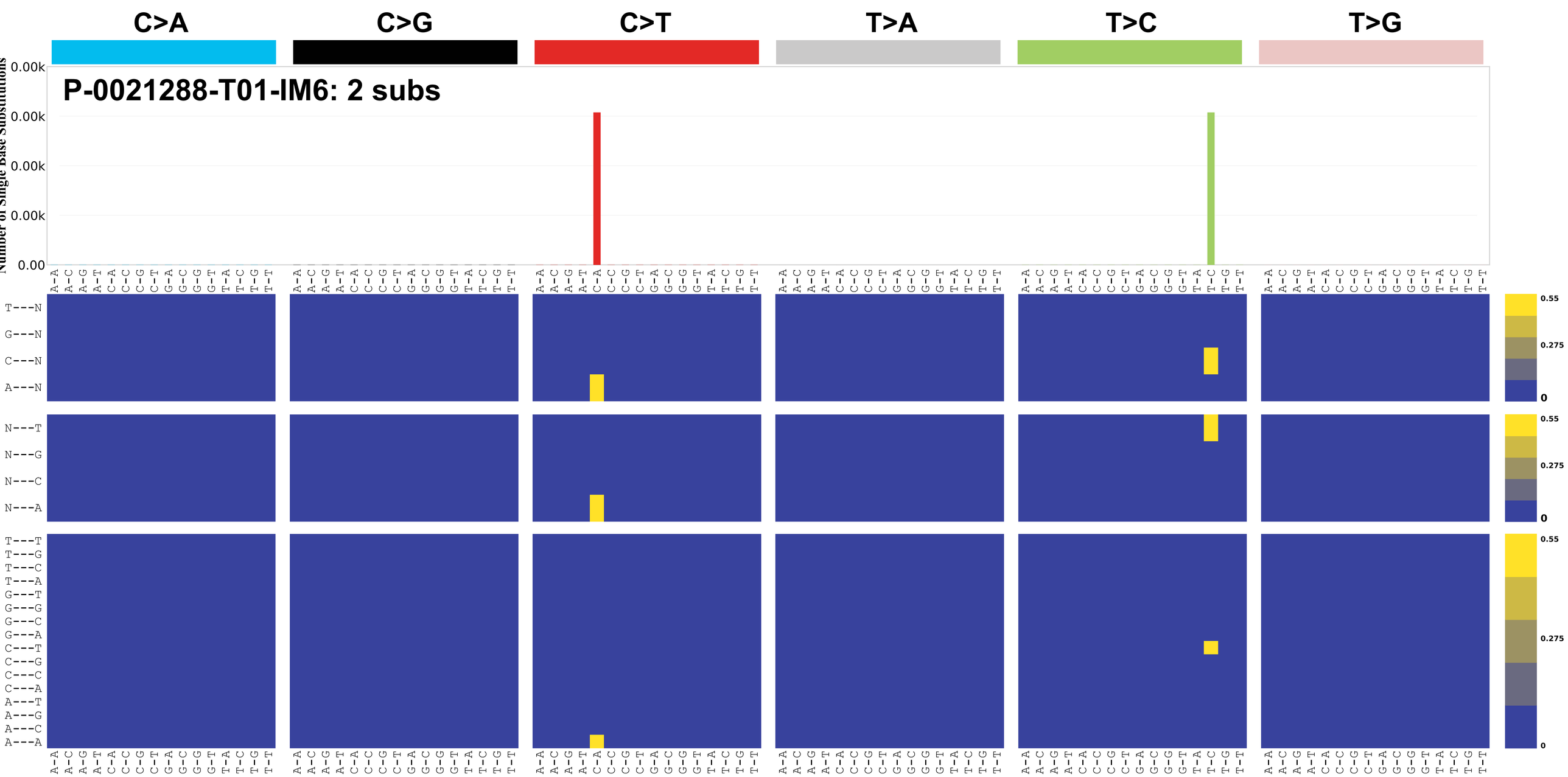

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020720-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
A-A A-C A-G A-T C-A C-C C-G C-T G-A G-C G-G G-T T-A T-C T-G T-T

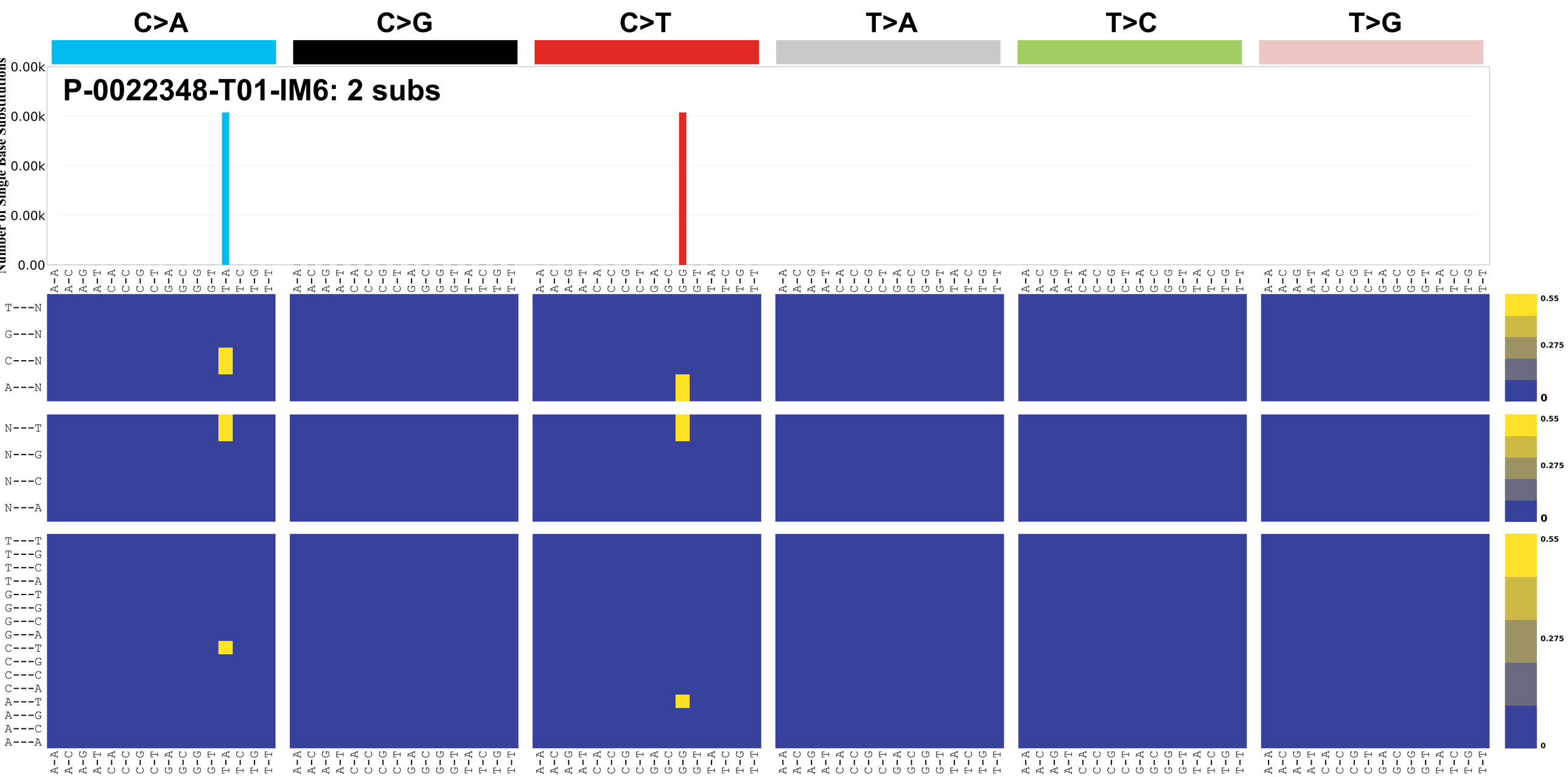

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020910-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

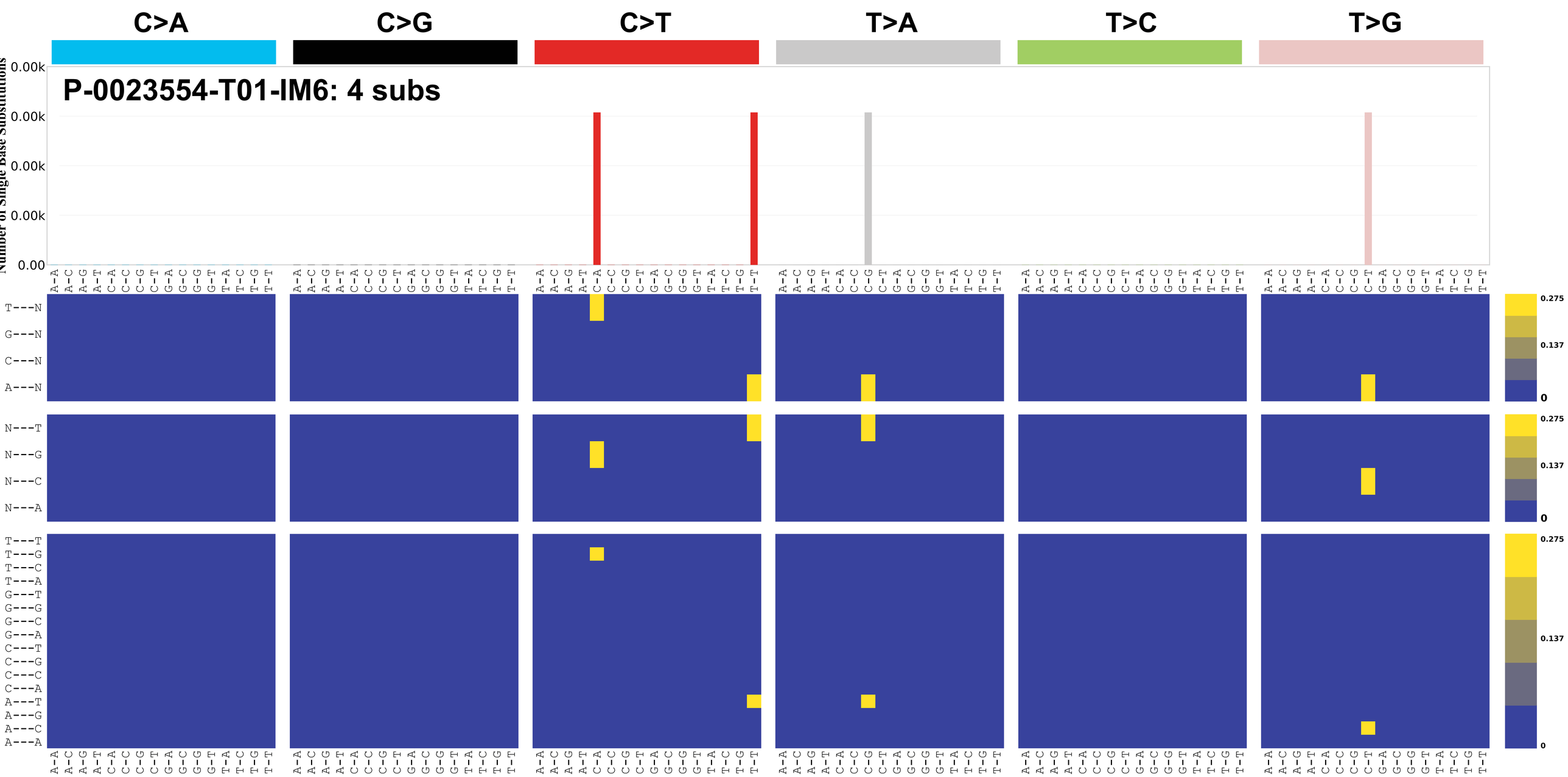

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0020987-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.440
0.220
0
0.440
0.220
0
0.220
0.110
0

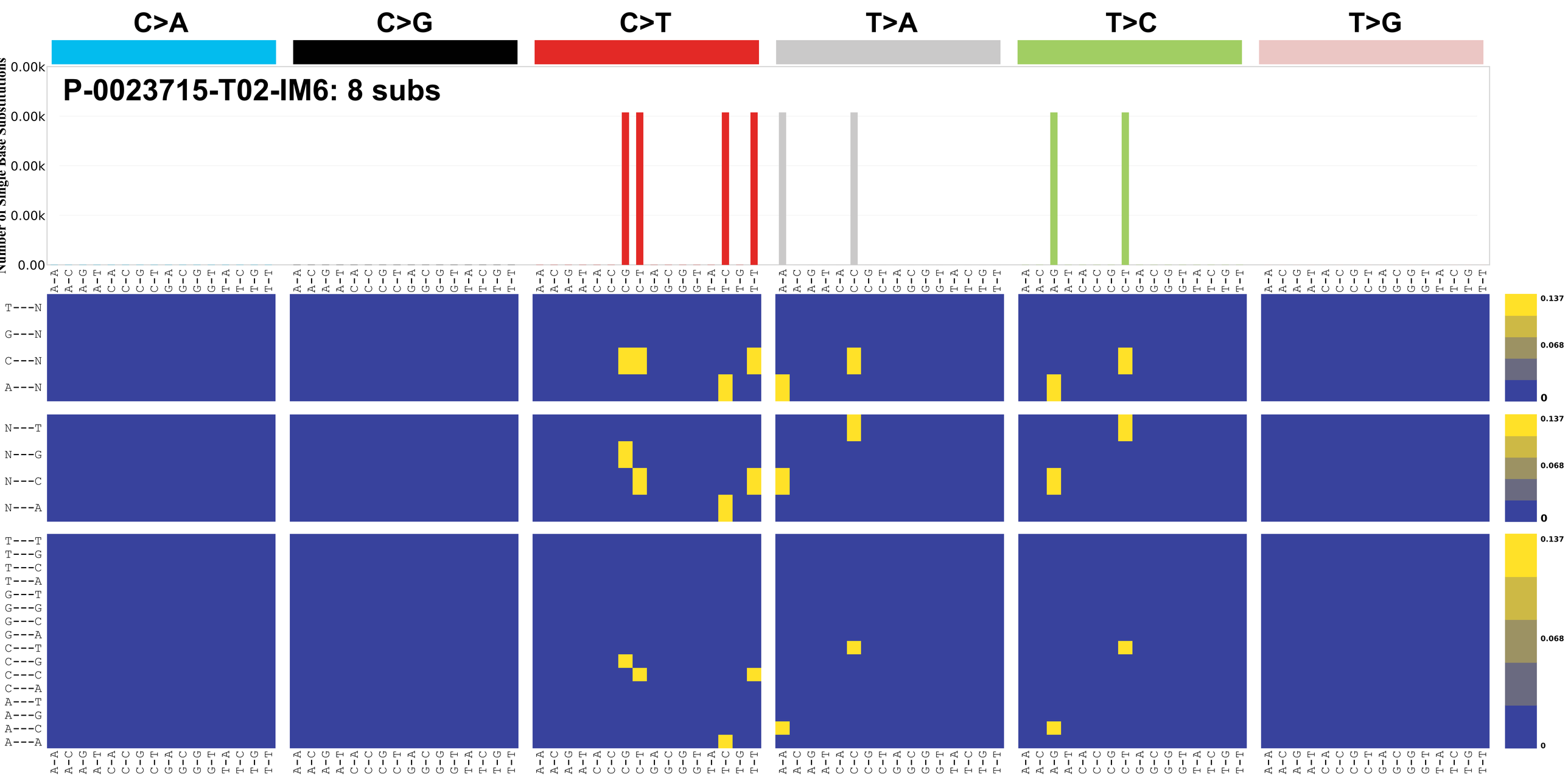

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0021001-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

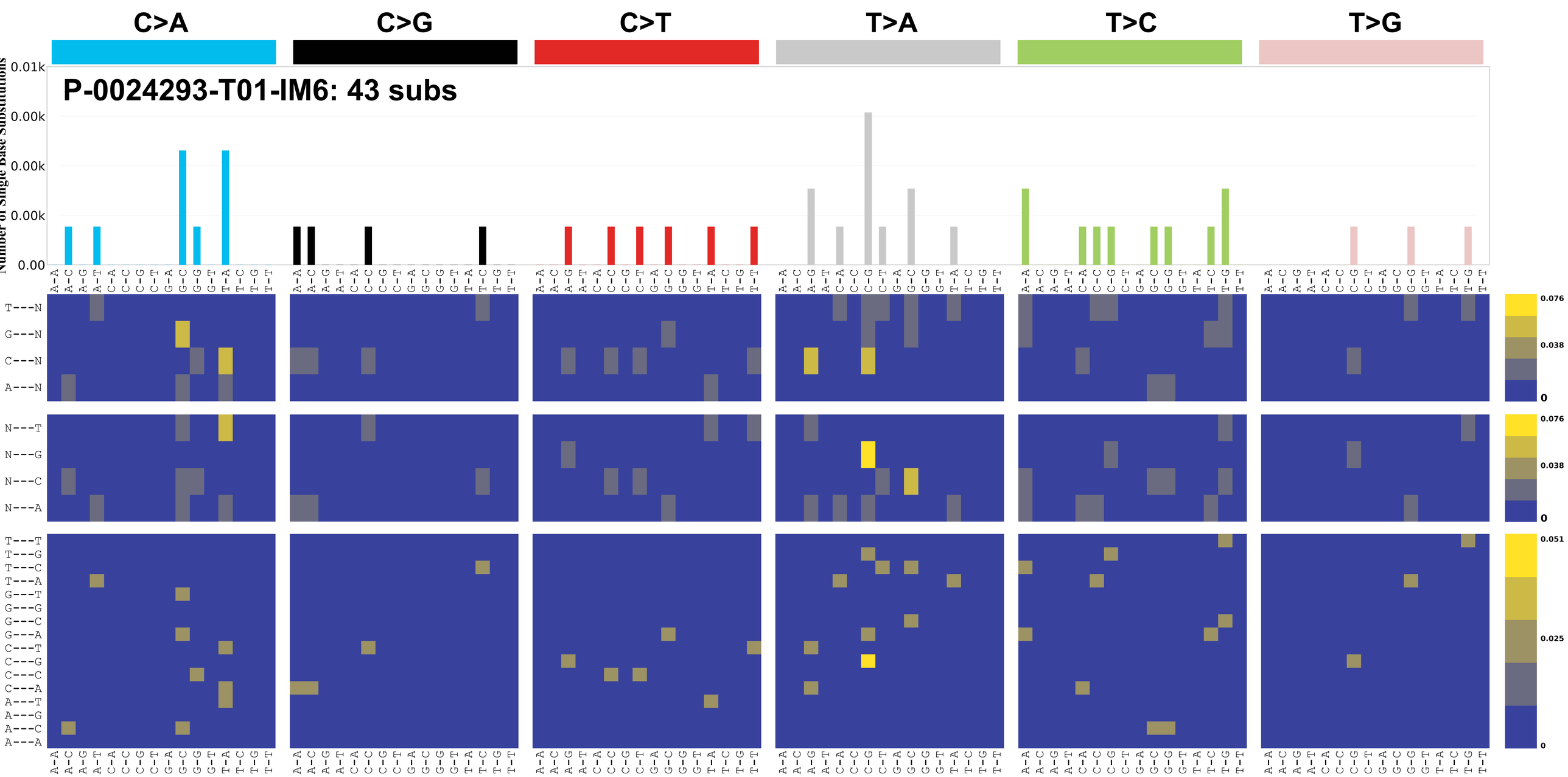

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0021059-T01-IM6: 12 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0
0.275
0.137
0
0.183
0.091
0

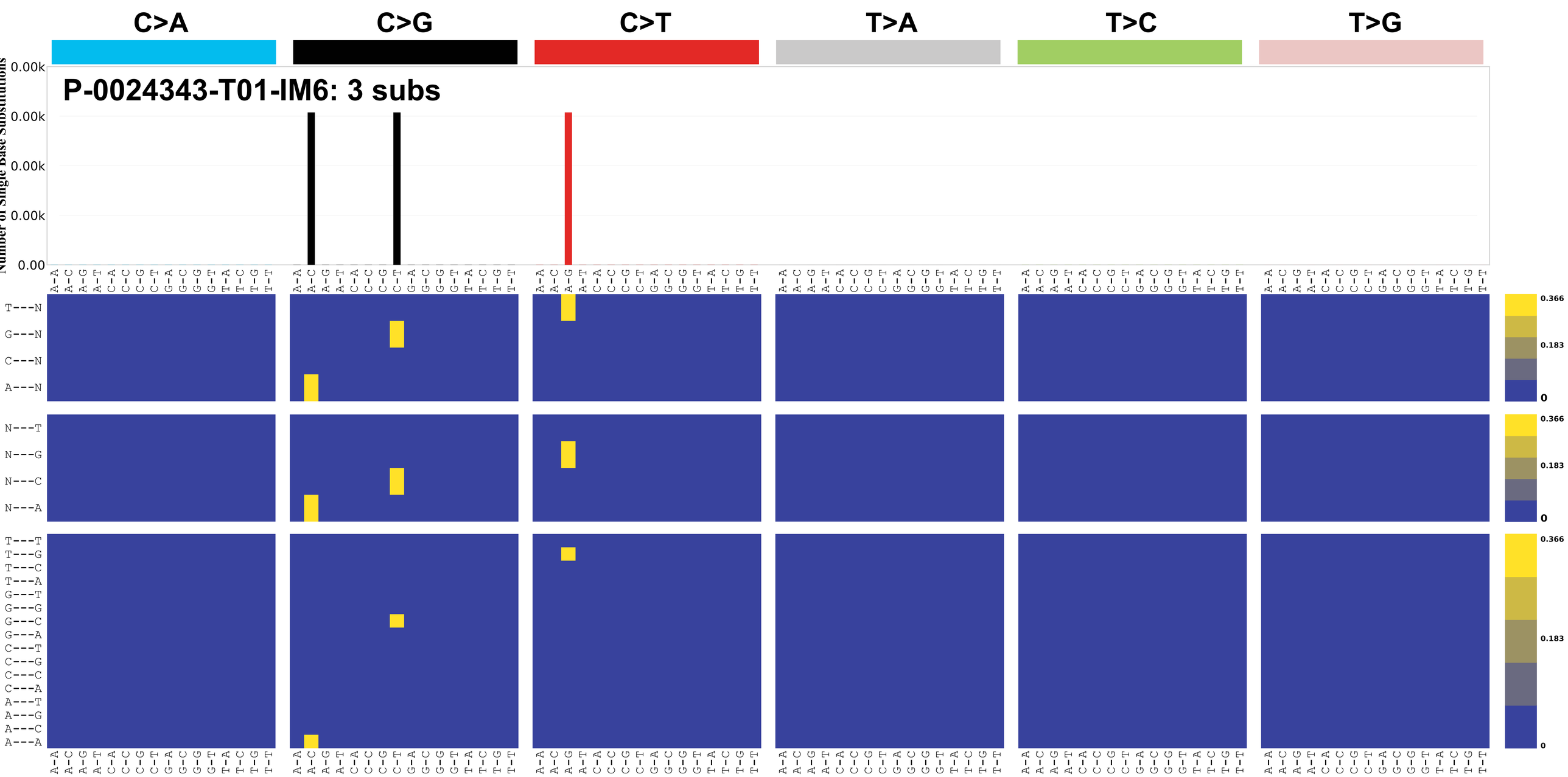

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0021288-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

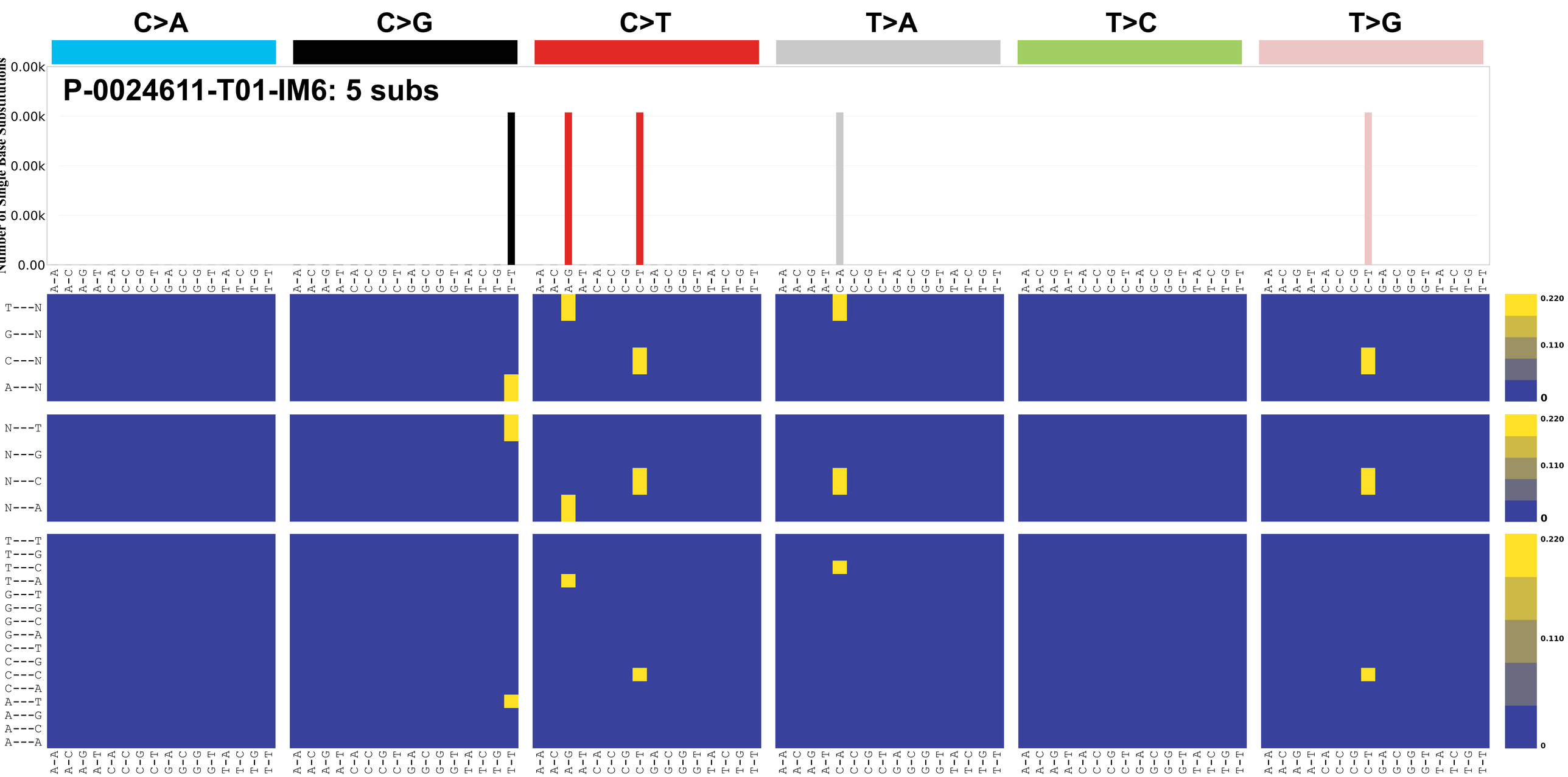

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0022348-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

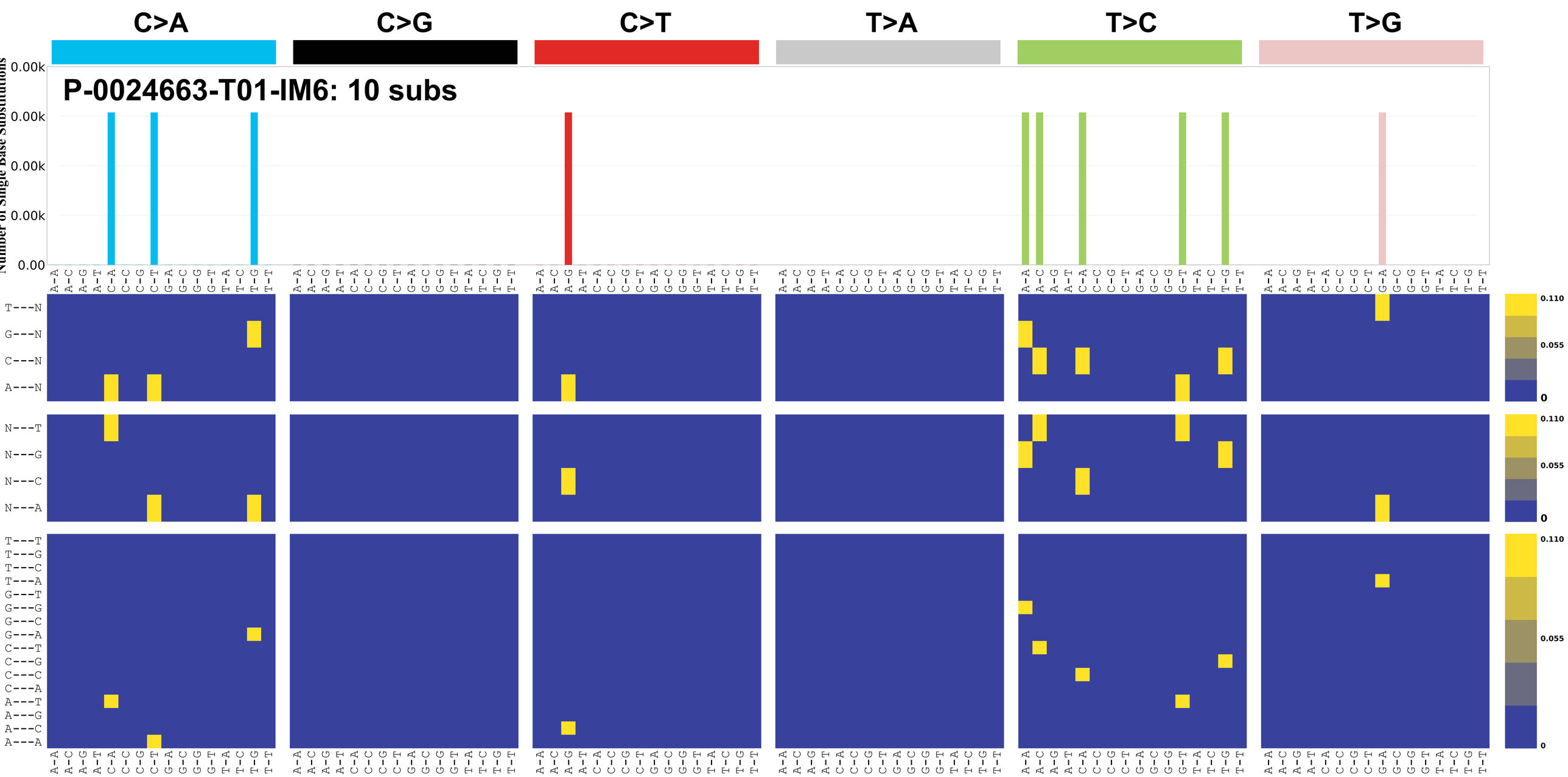

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0023554-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

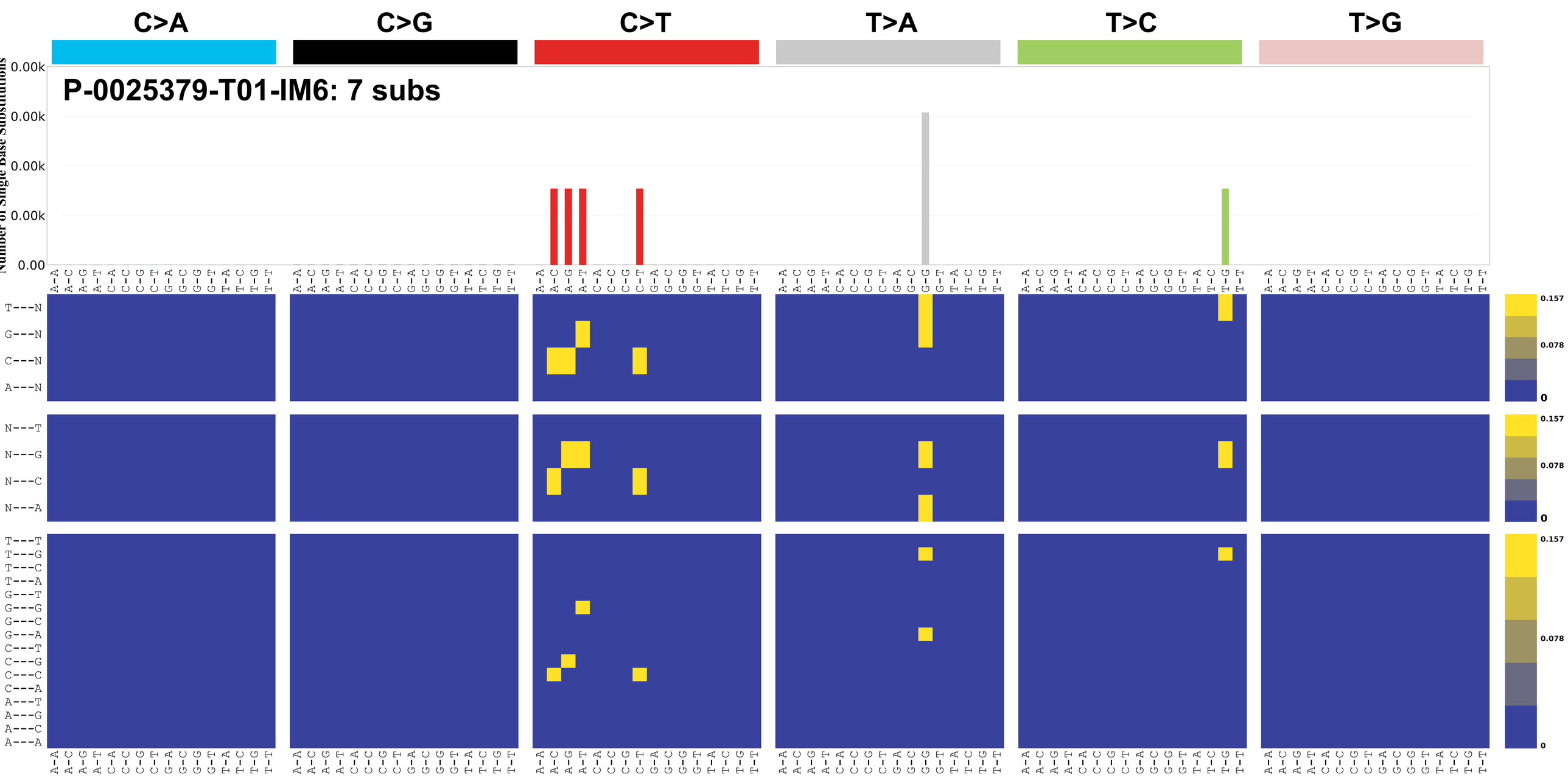

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0023715-T02-IM6: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

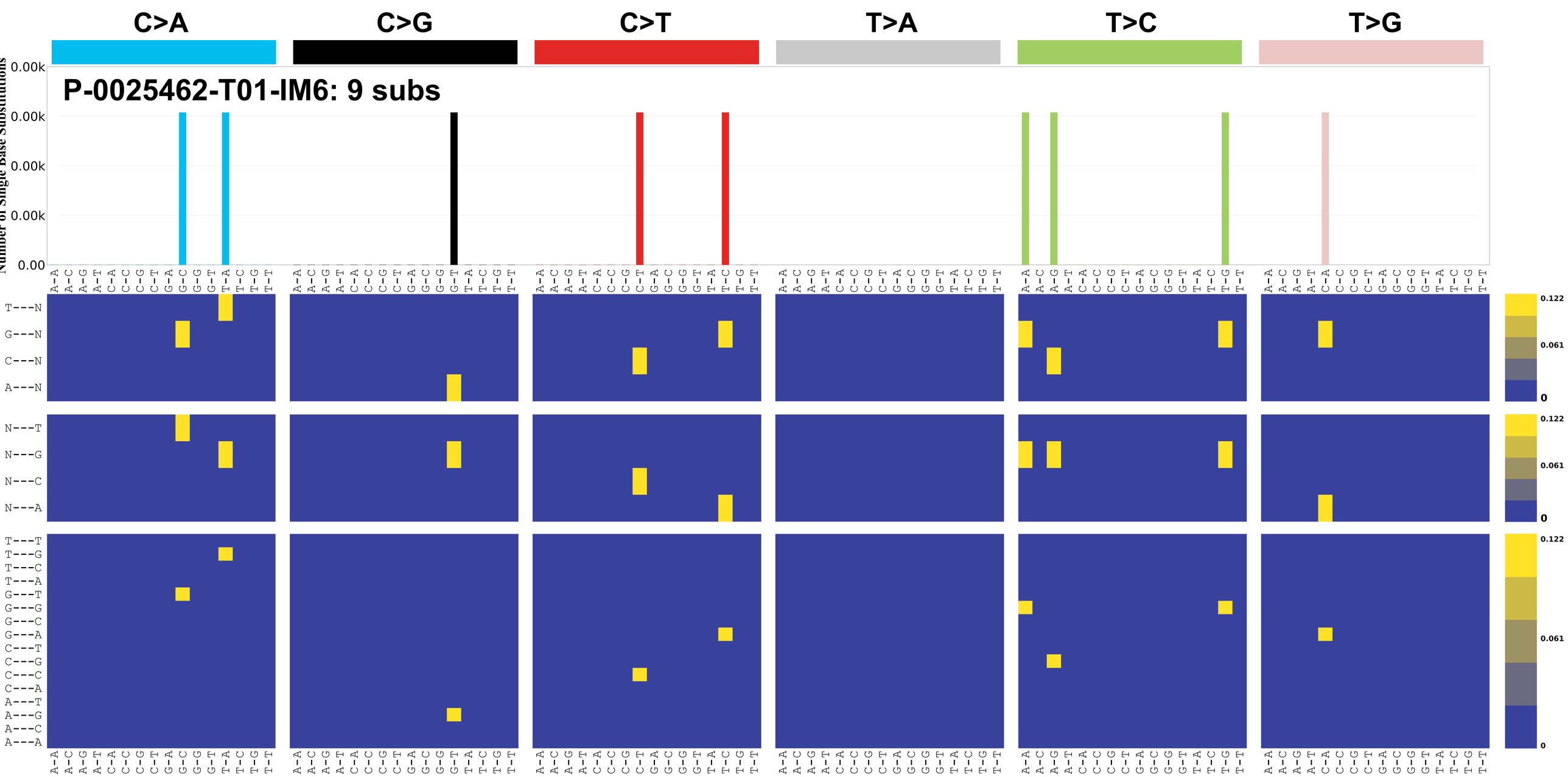

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0024293-T01-IM6: 43 subs
Number of Single Base Substitutions
0.01k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.076
0.038
0
0.051
0.025

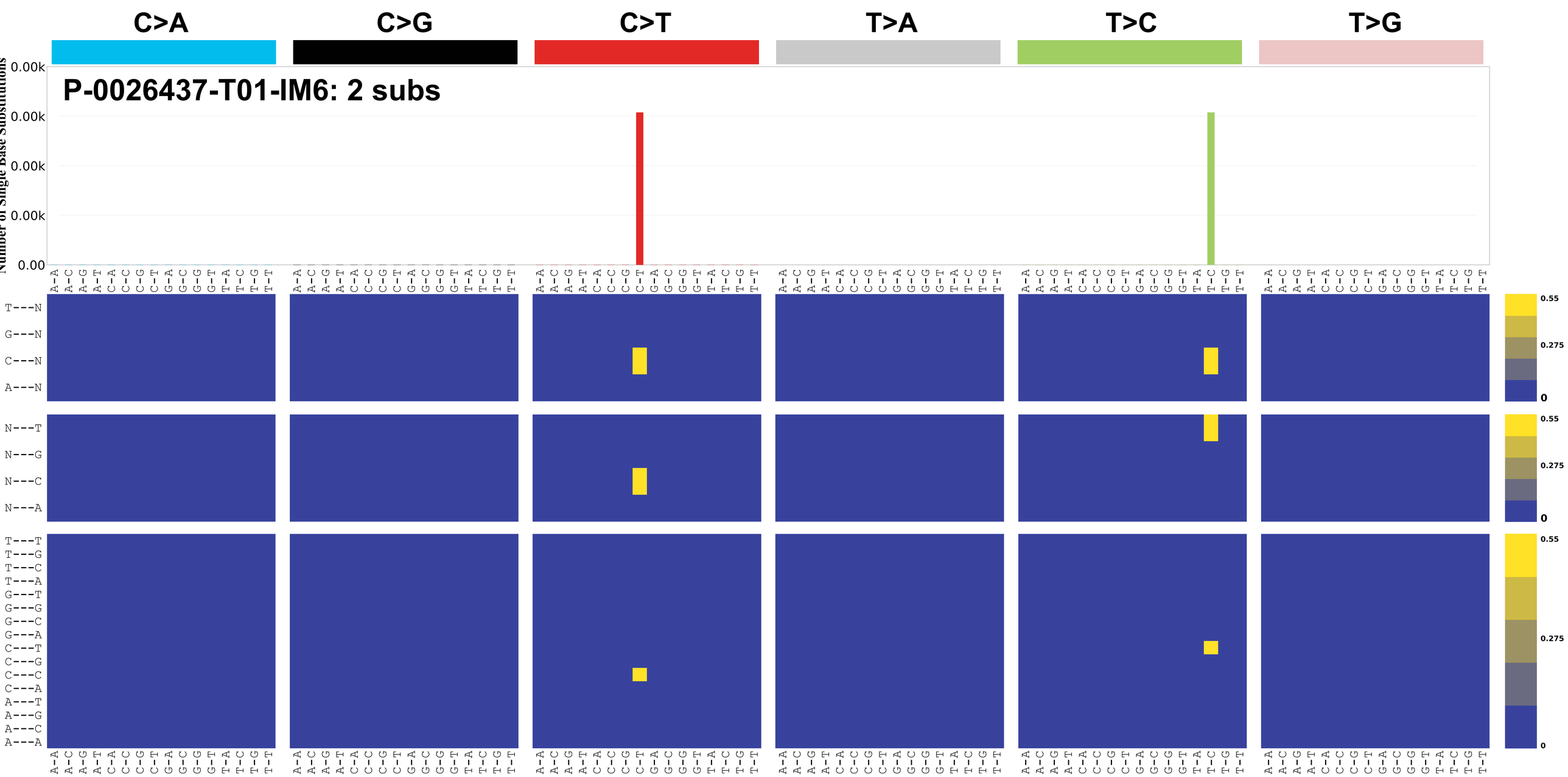

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0024343-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

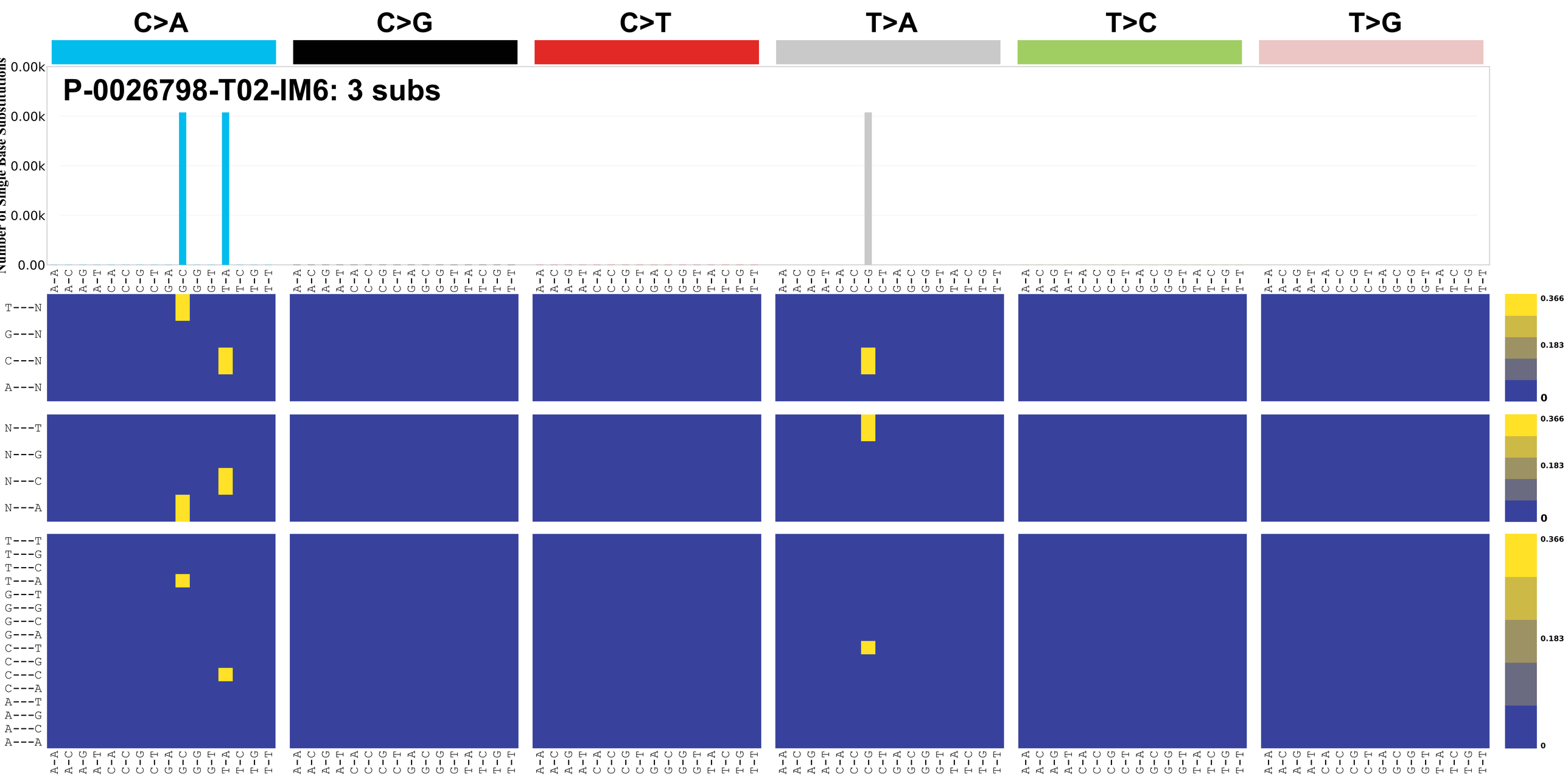

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0024611-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0

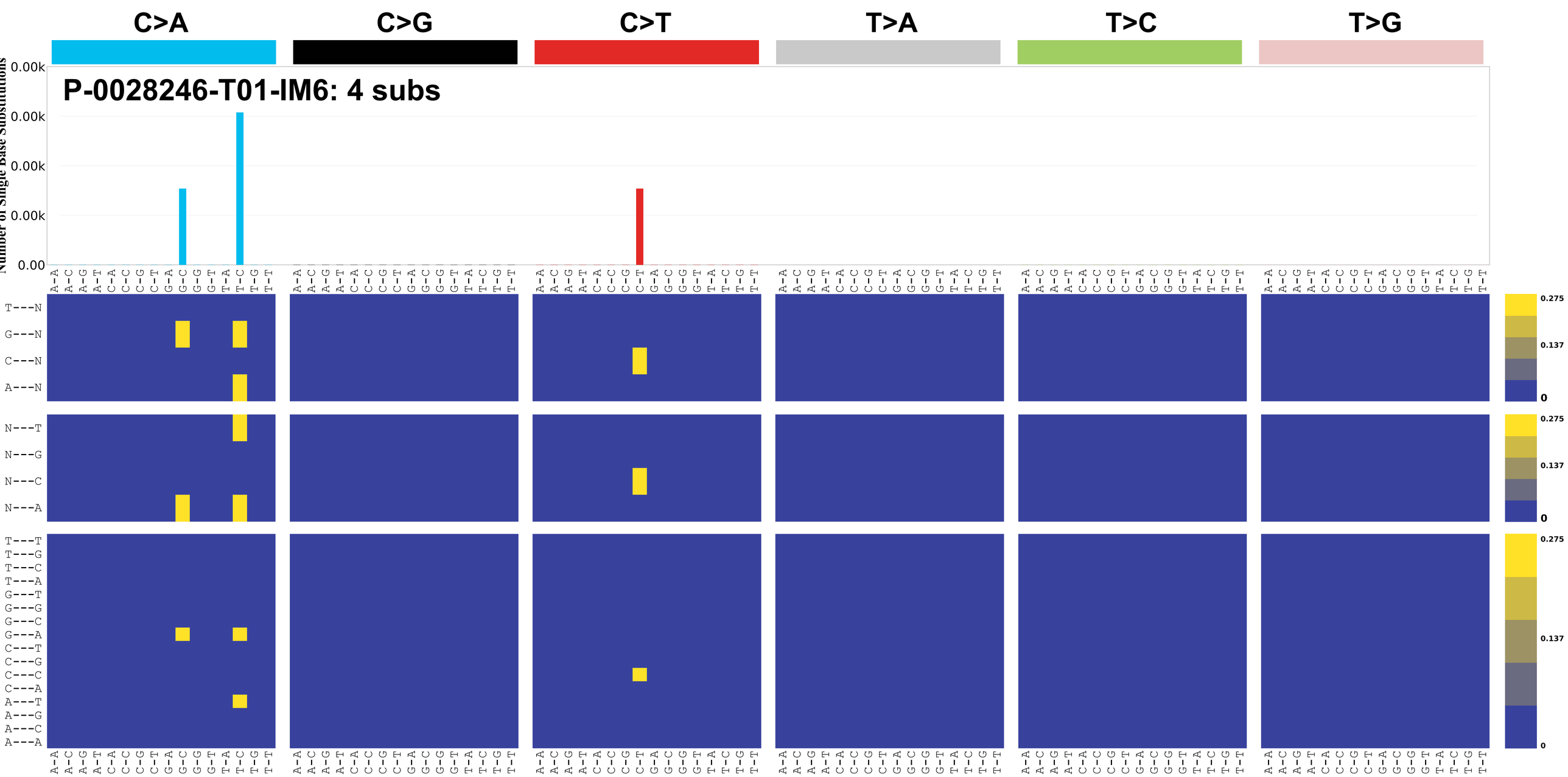

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0024663-T01-IM6: 10 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.110
0.055
0

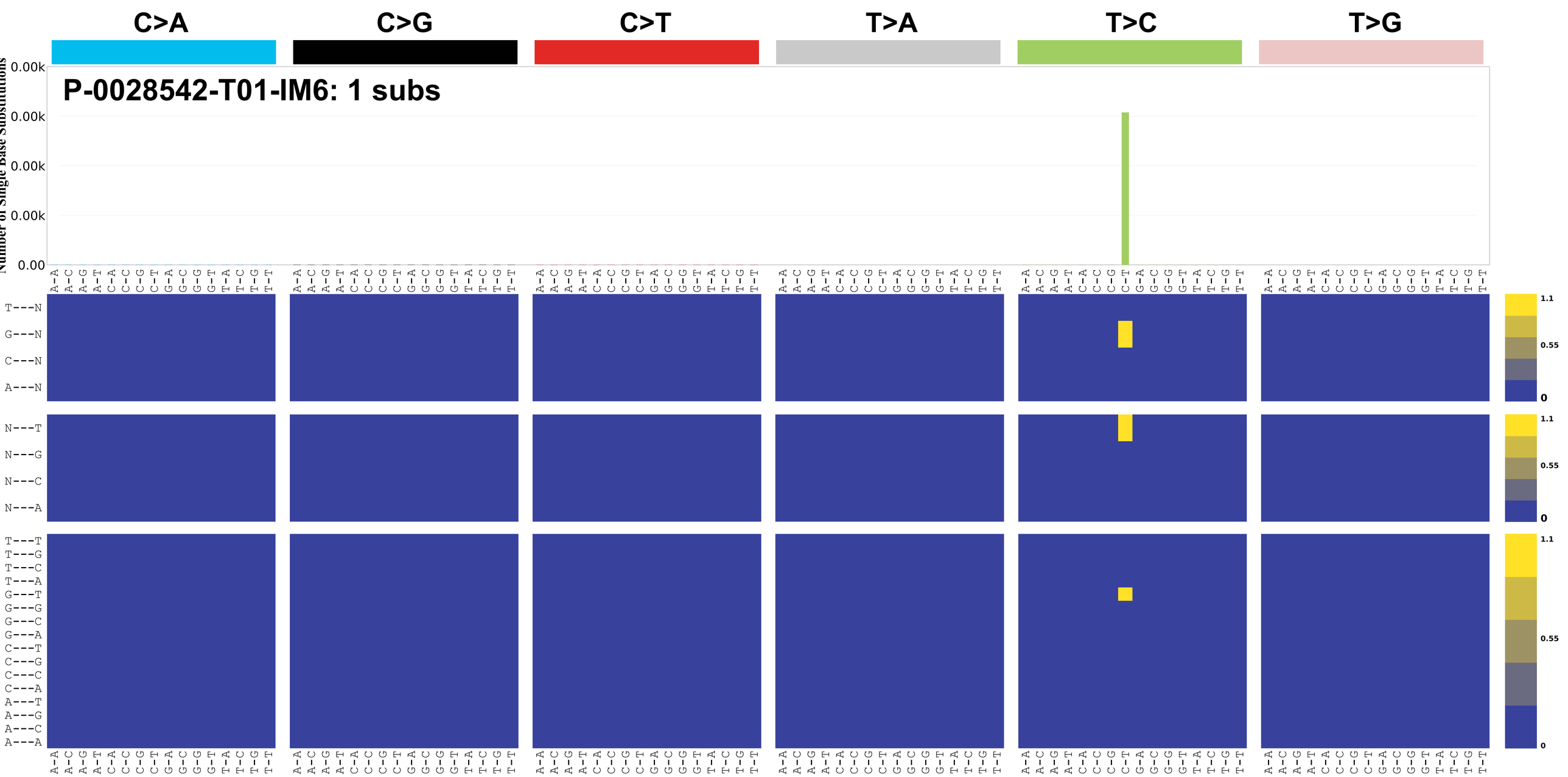

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0025379-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

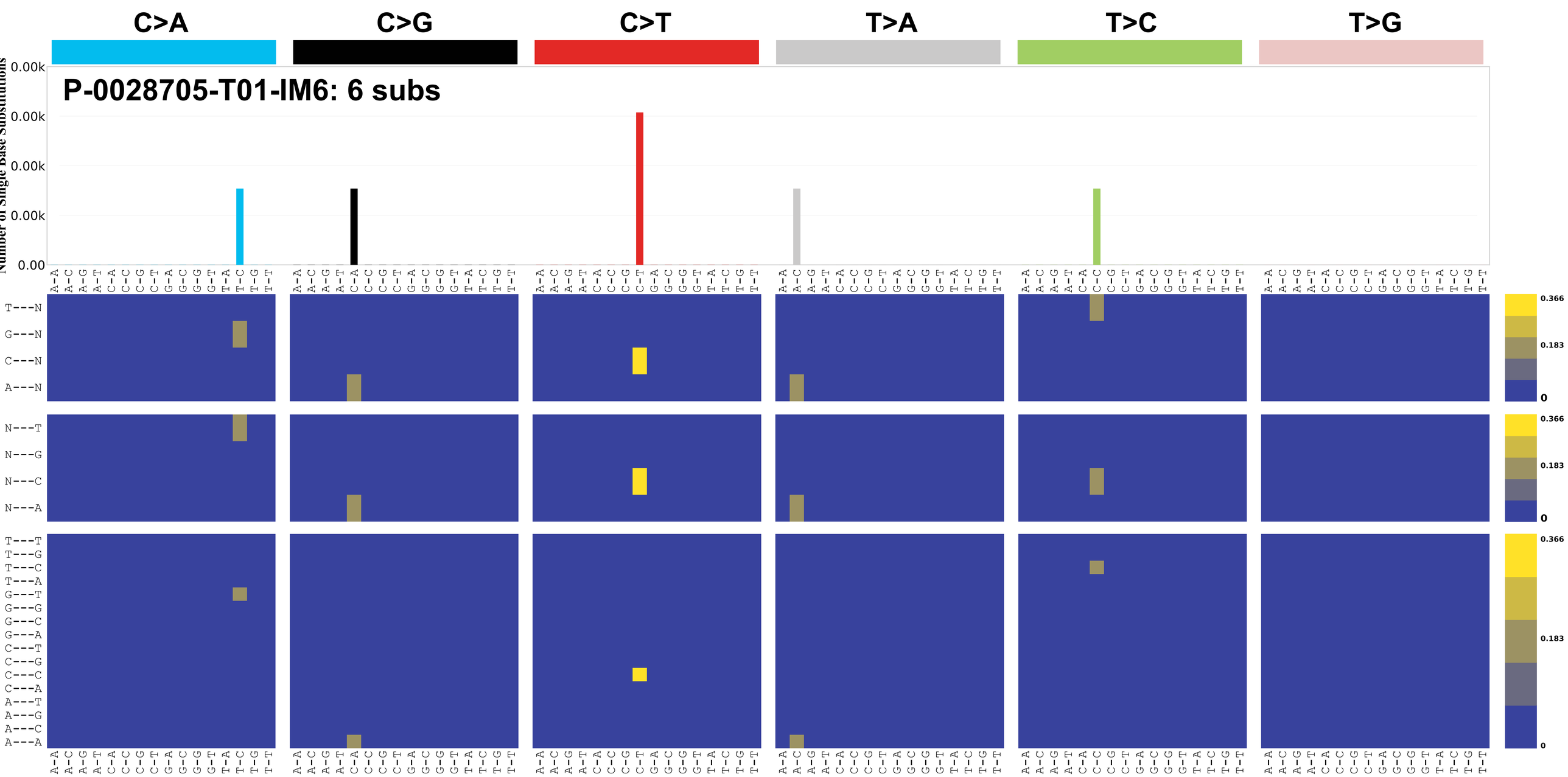

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0025462-T01-IM6: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.122
0.061
0

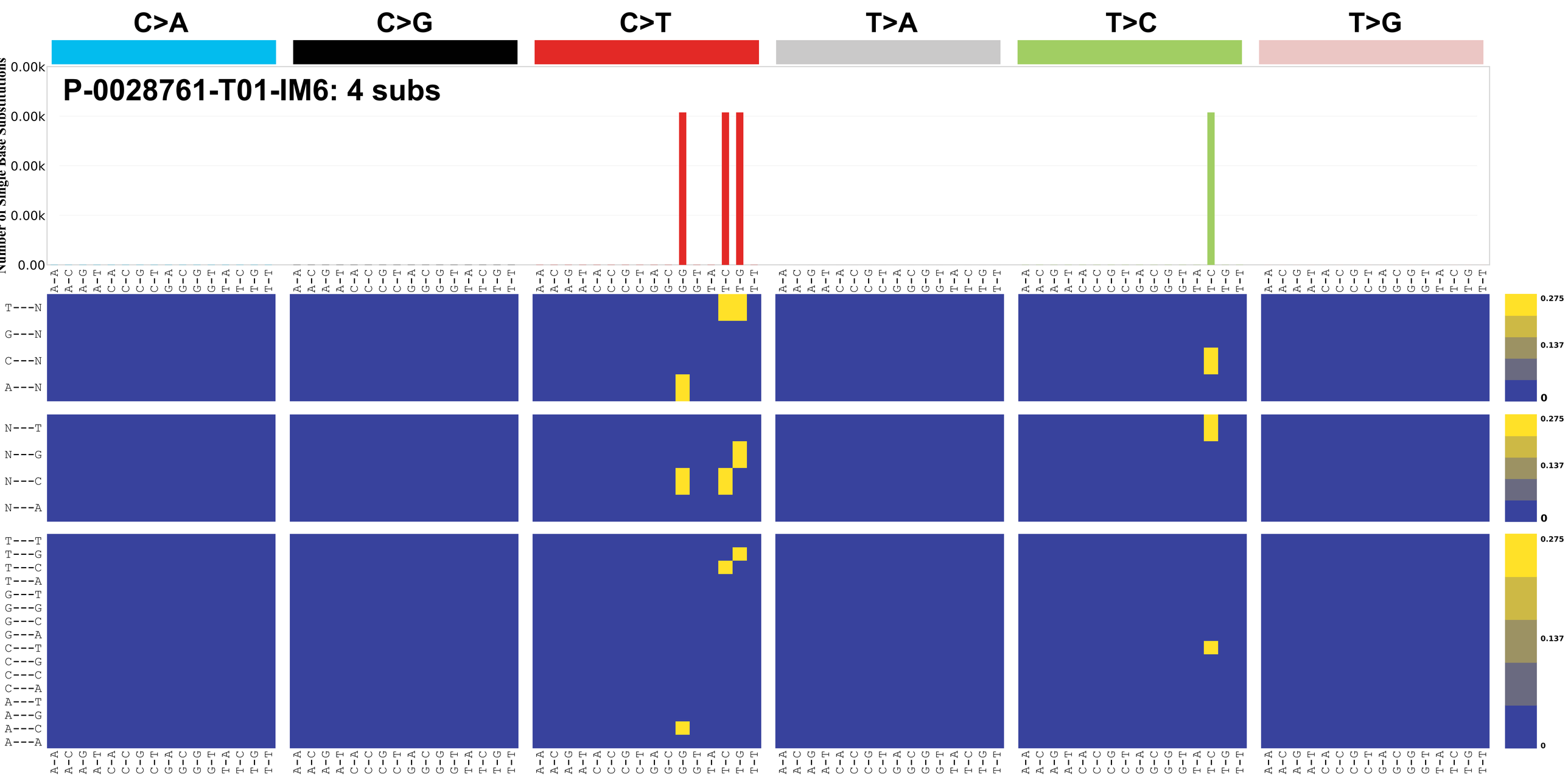

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0026437-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

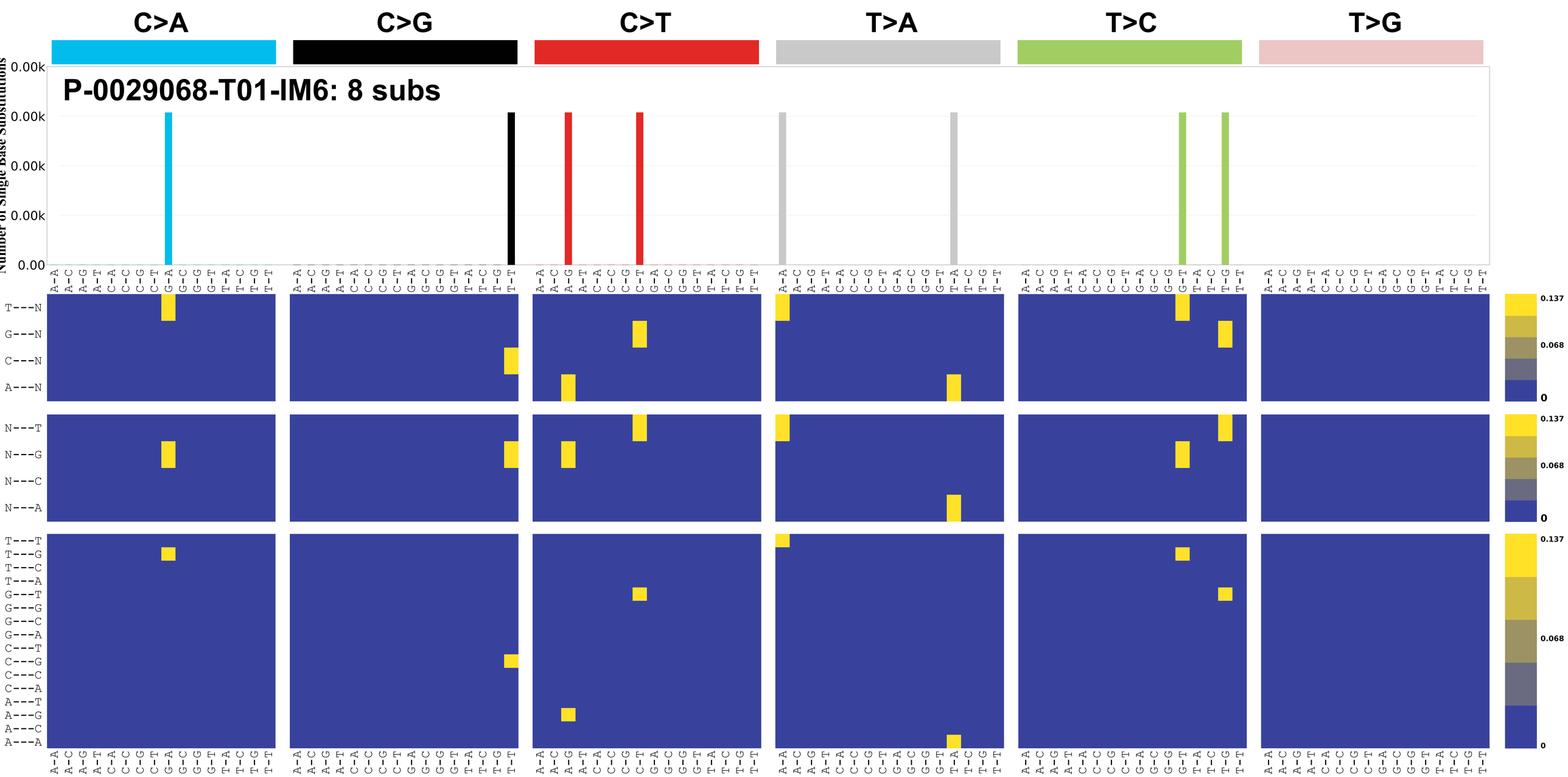

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0026798-T02-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

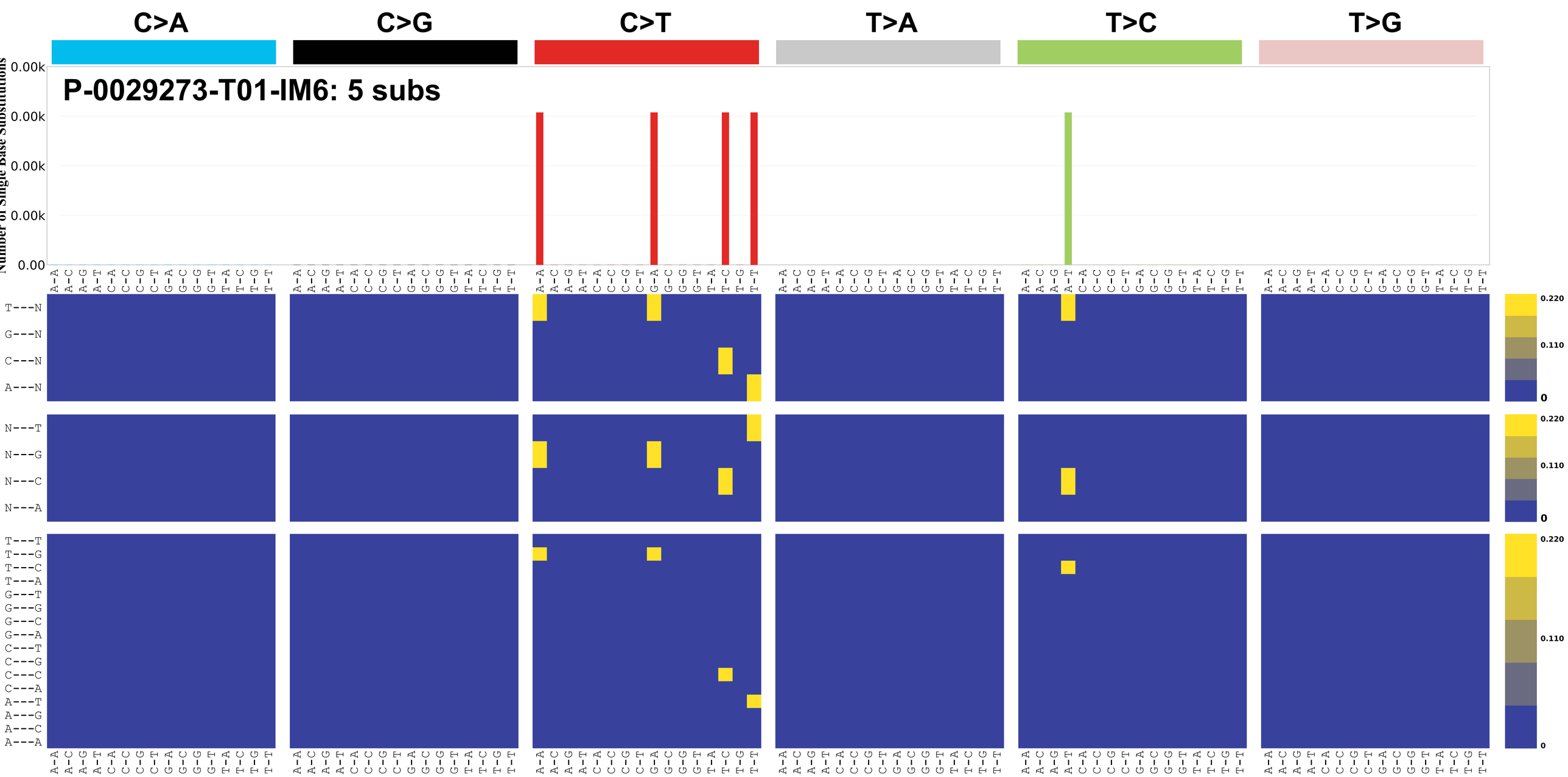

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0028246-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

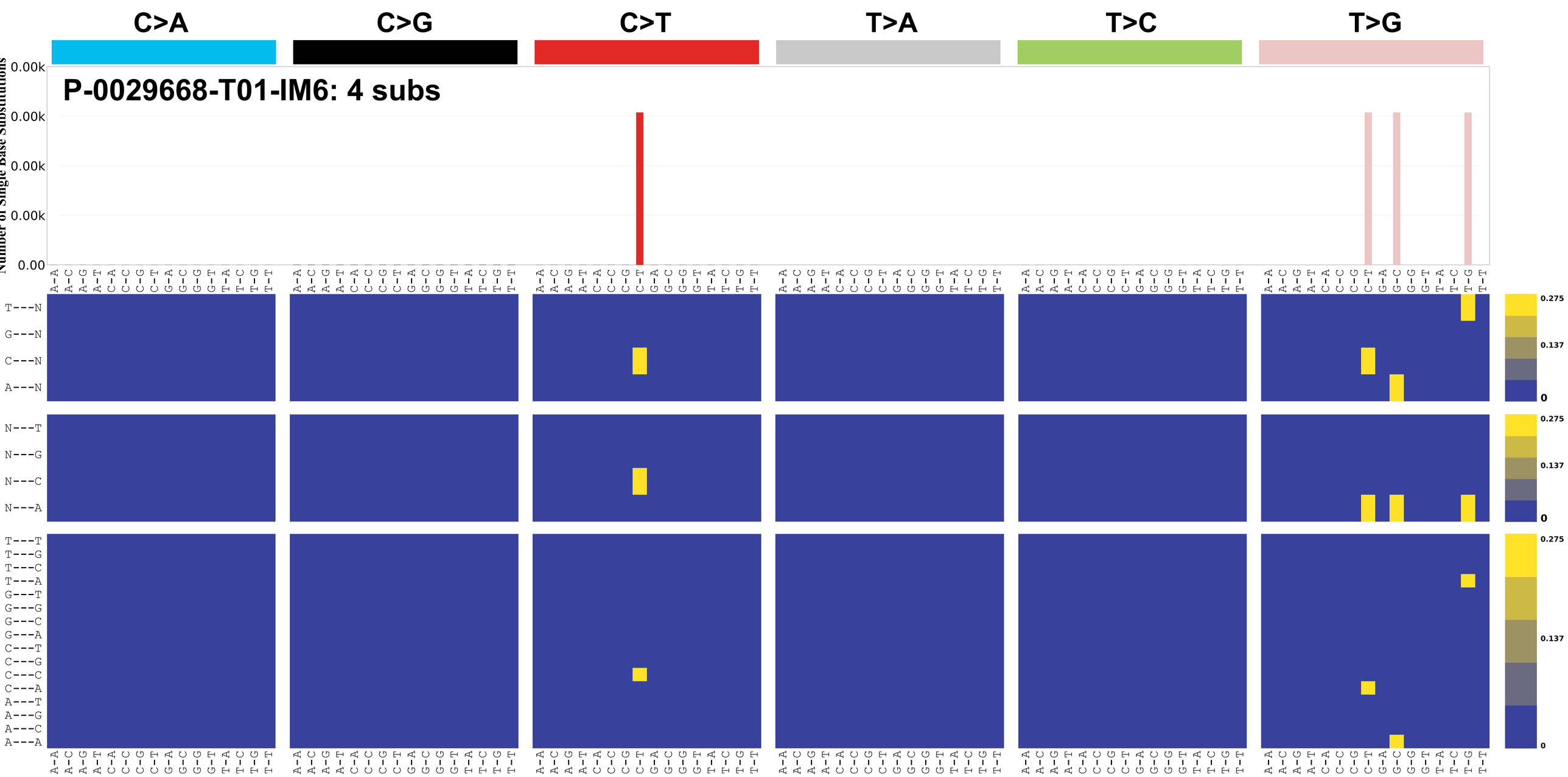

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0028542-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

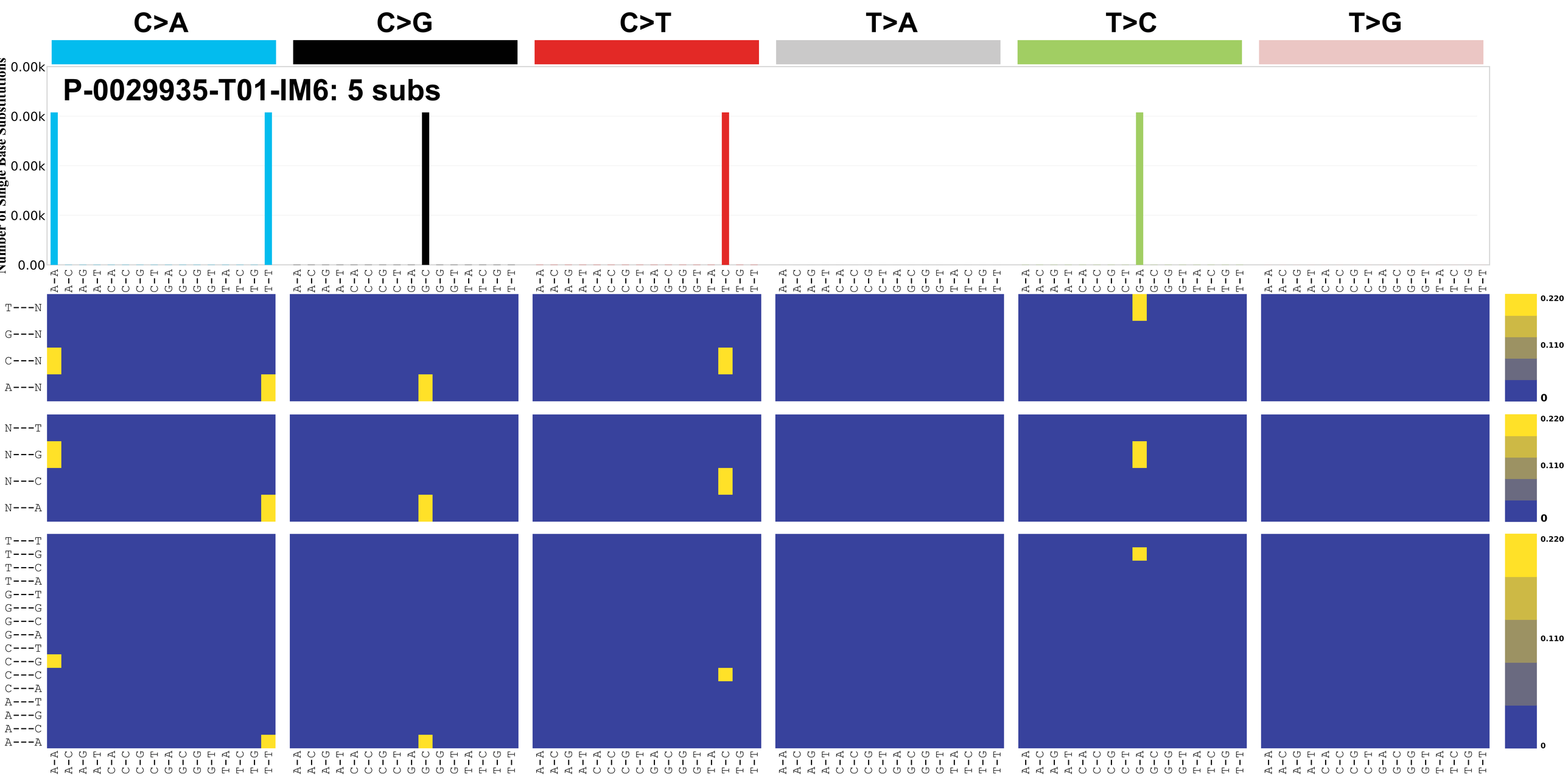

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0028705-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

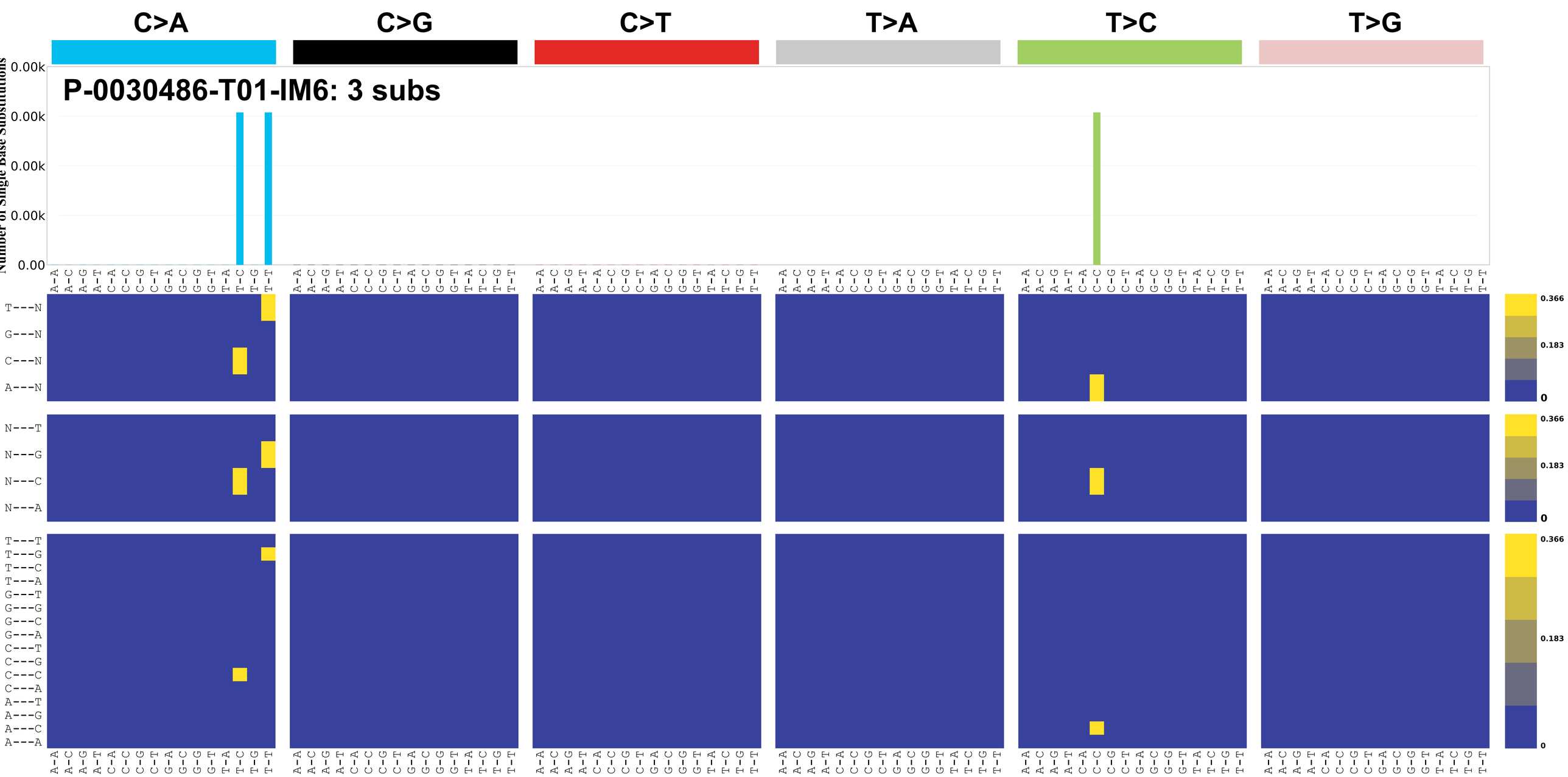

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0028761-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

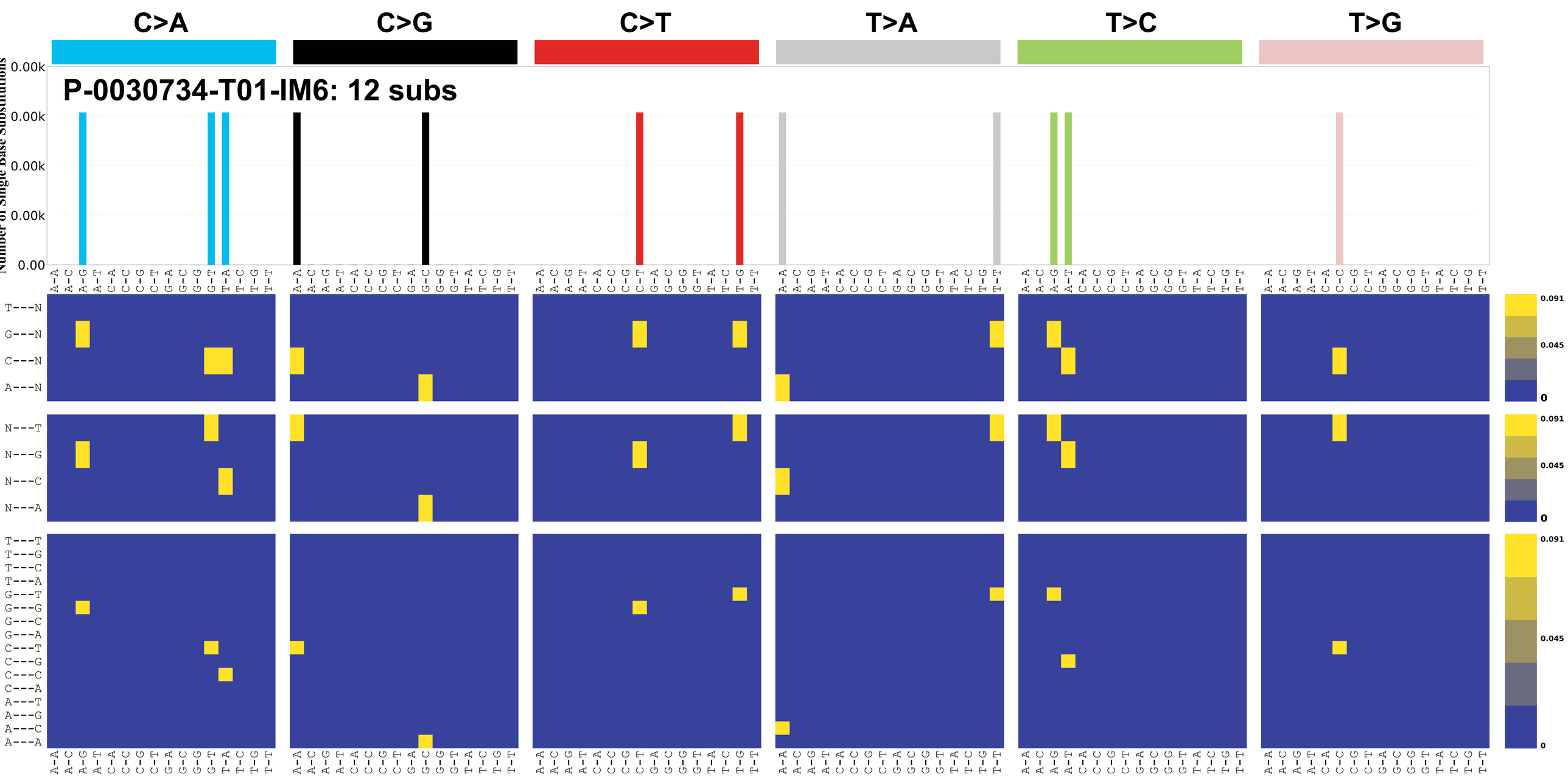

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0029068-T01-IM6: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

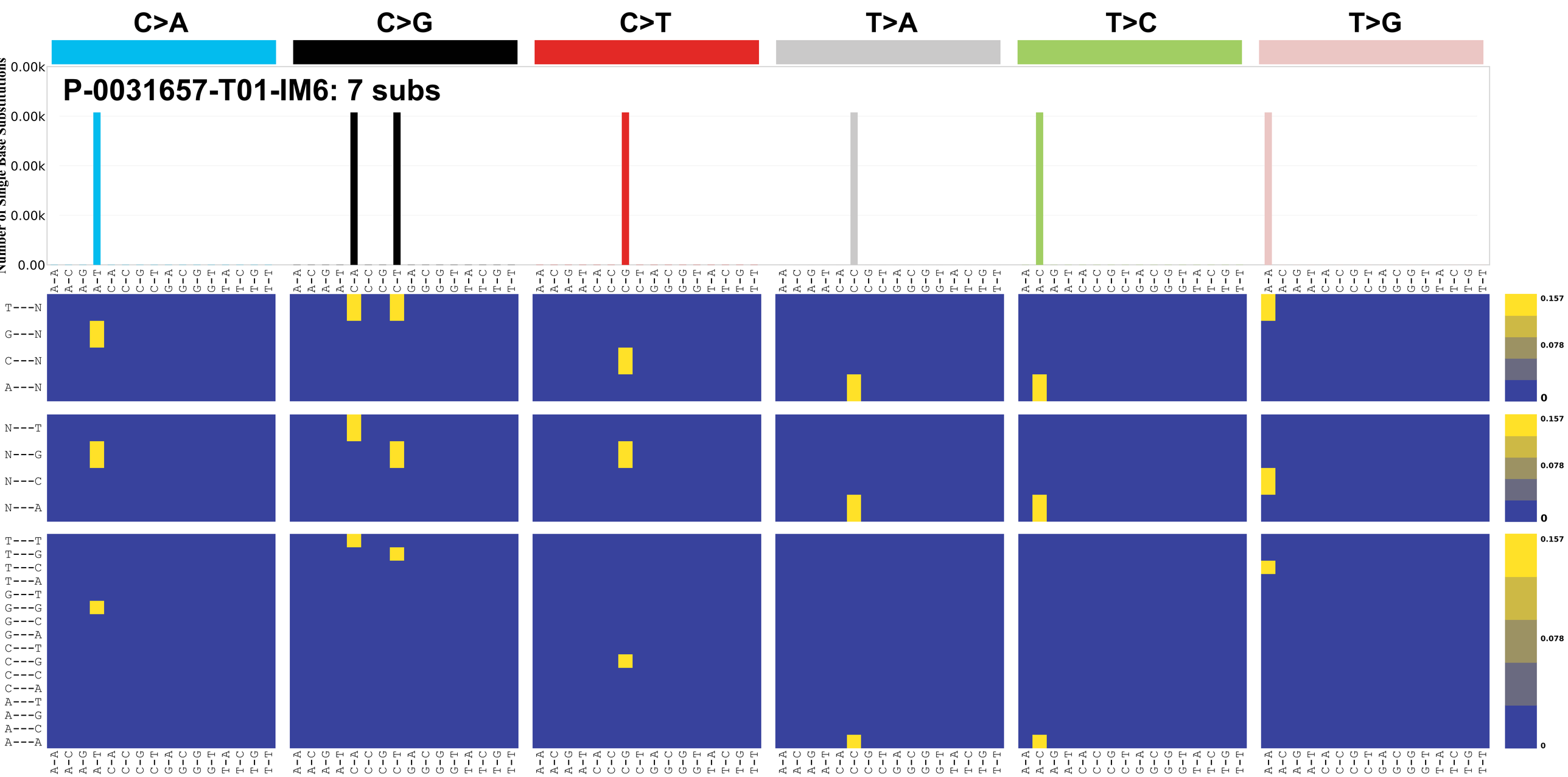

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0029273-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0

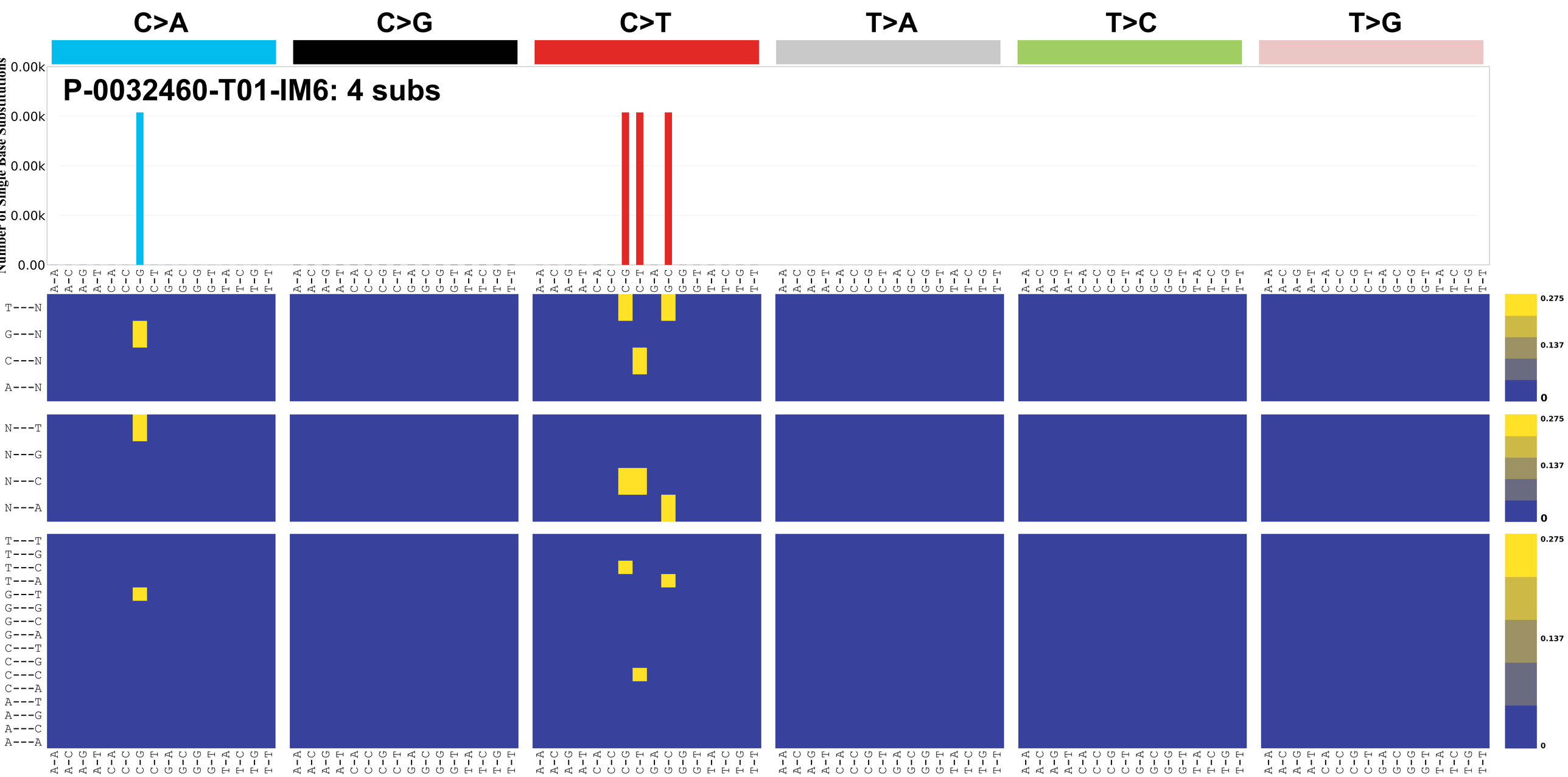

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0029668-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

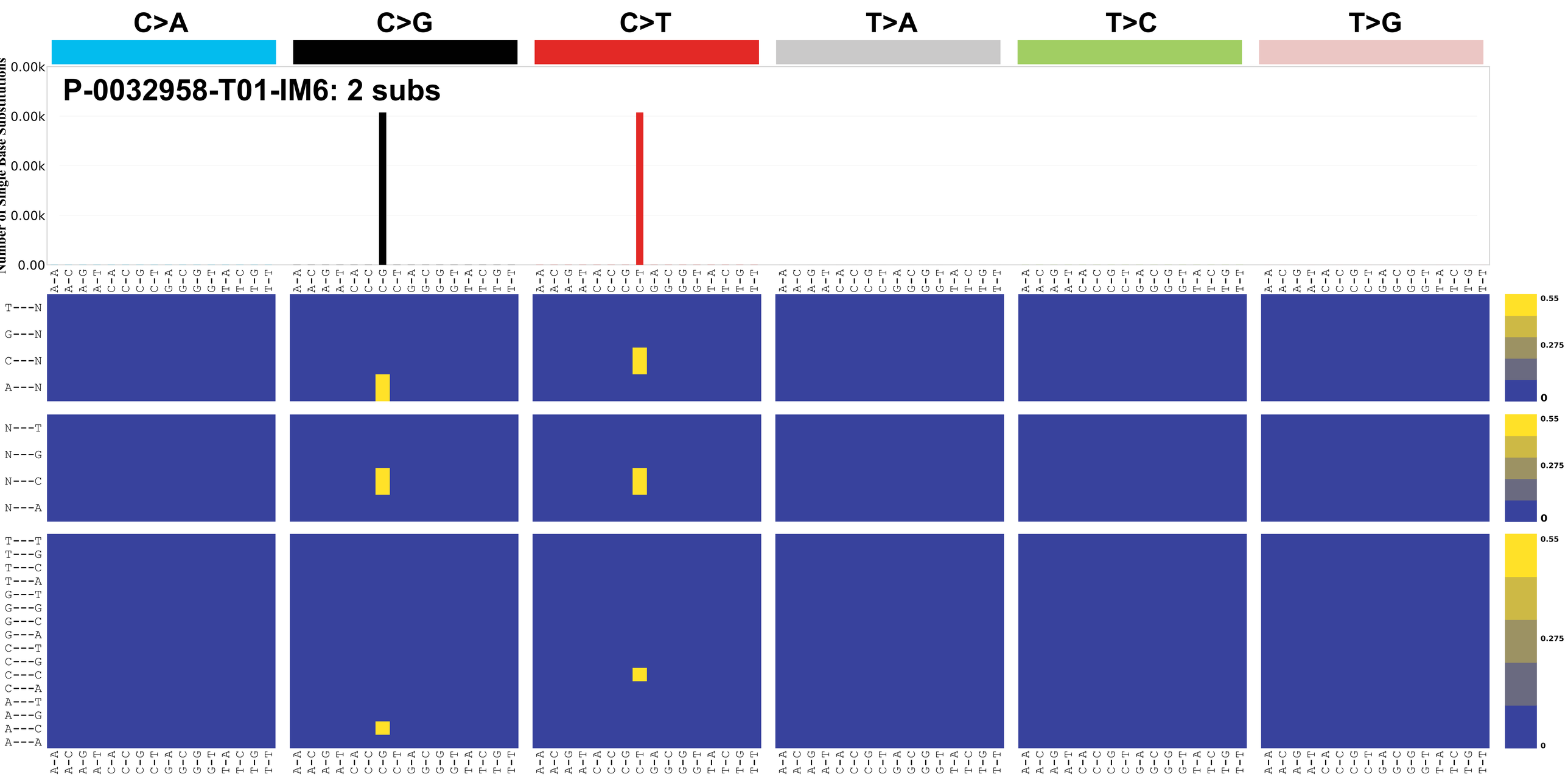

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0029935-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

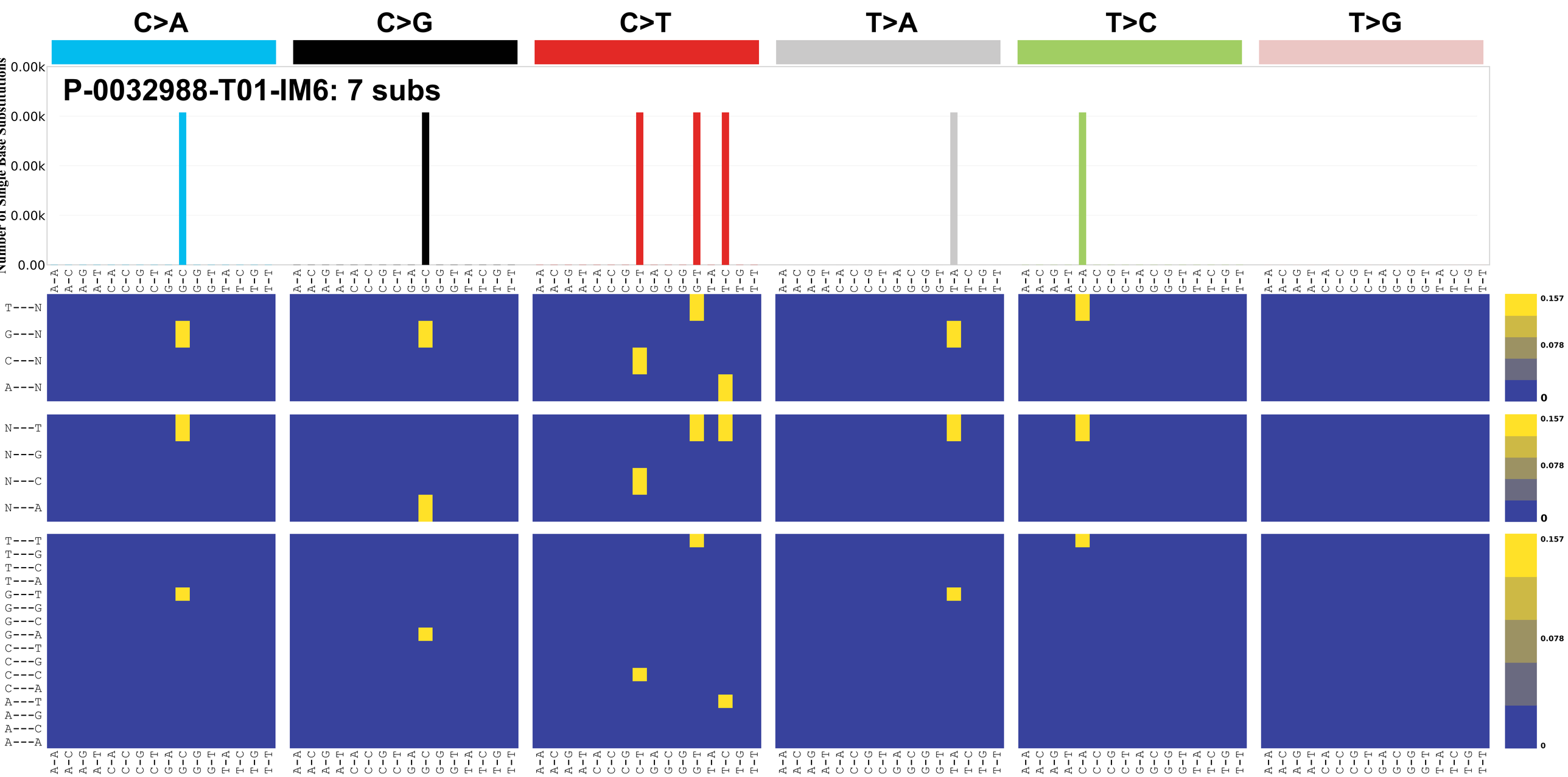

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0030486-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

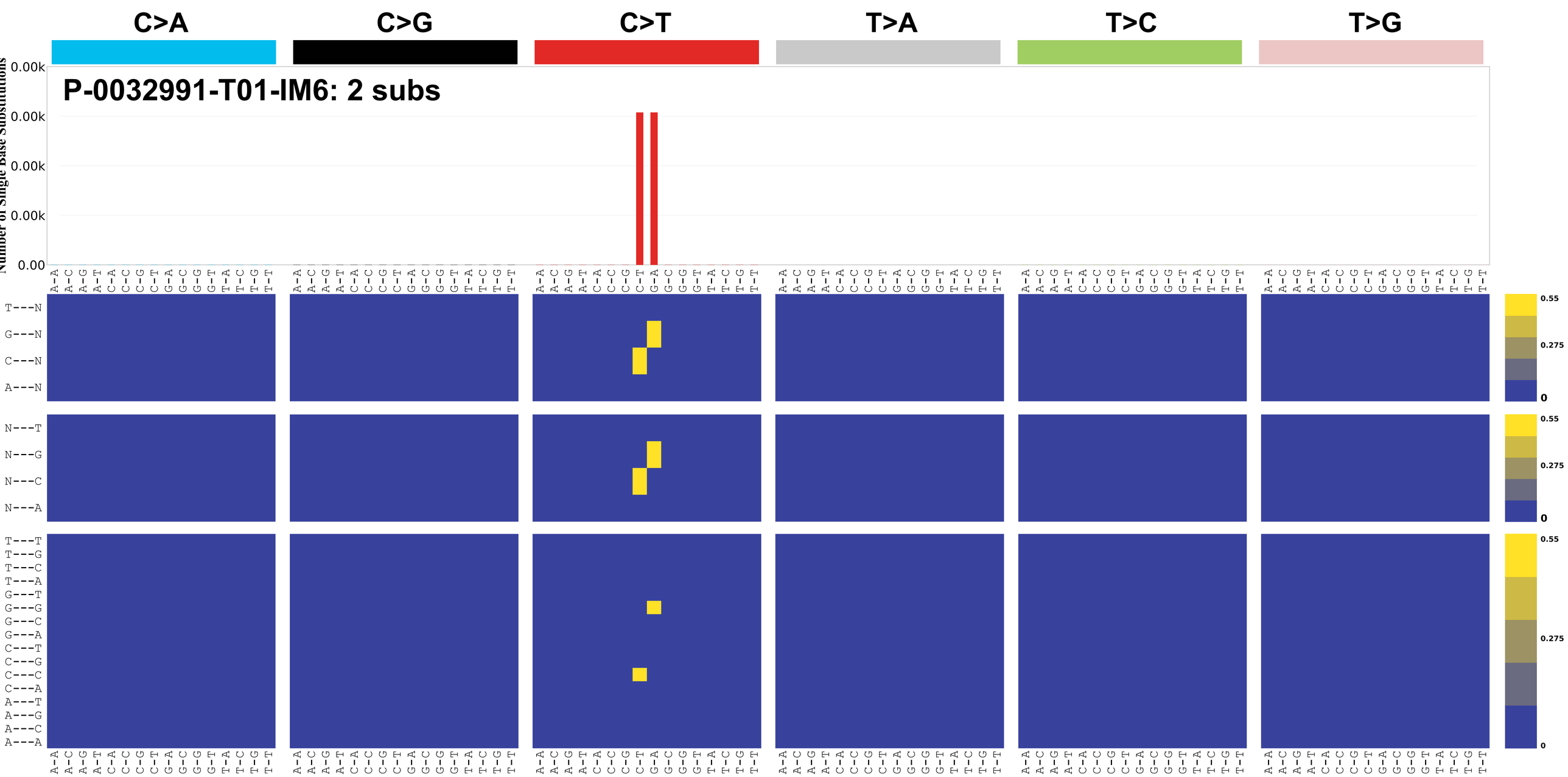

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0030734-T01-IM6: 12 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.091
0.045
0

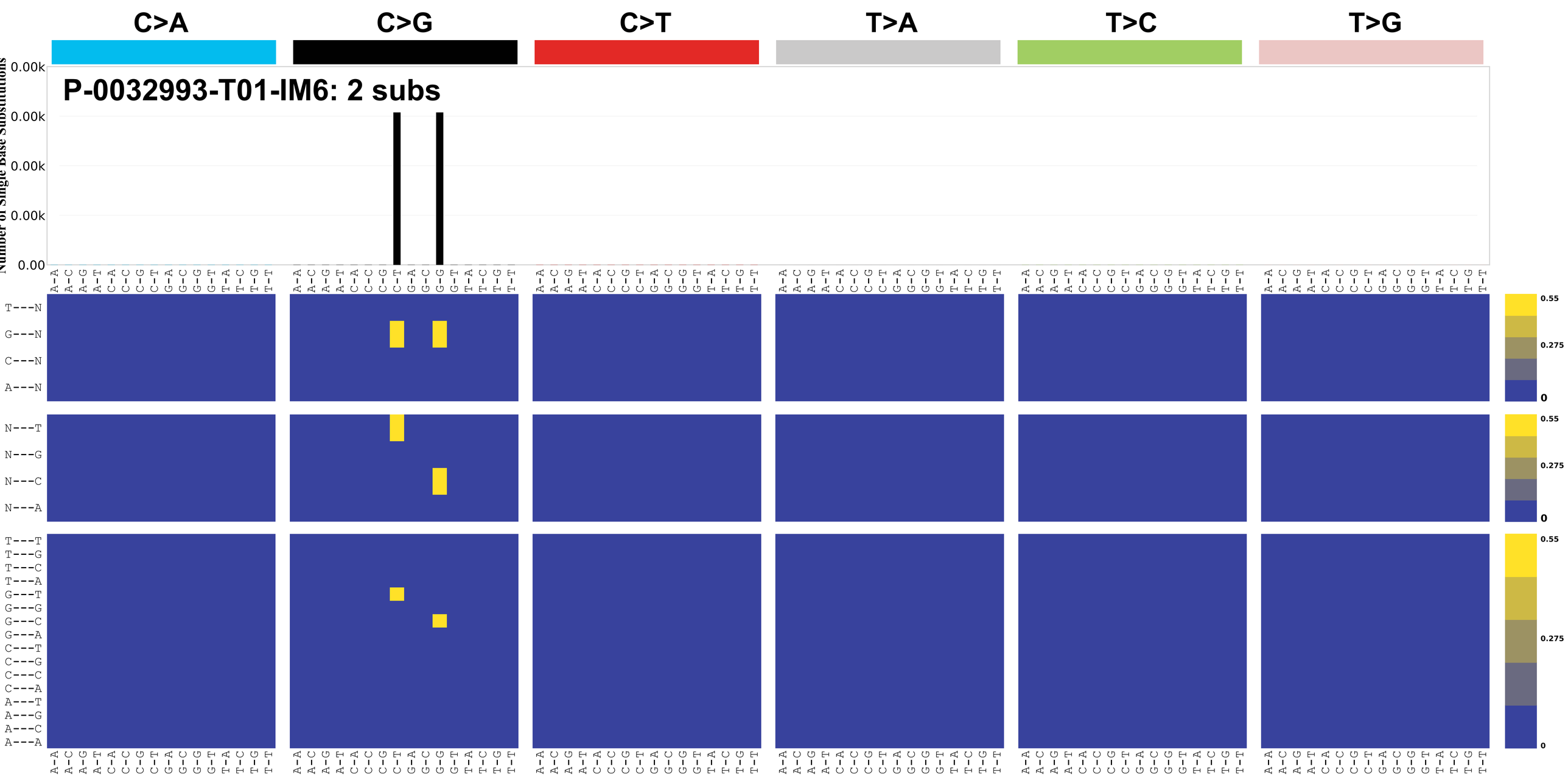

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0031657-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

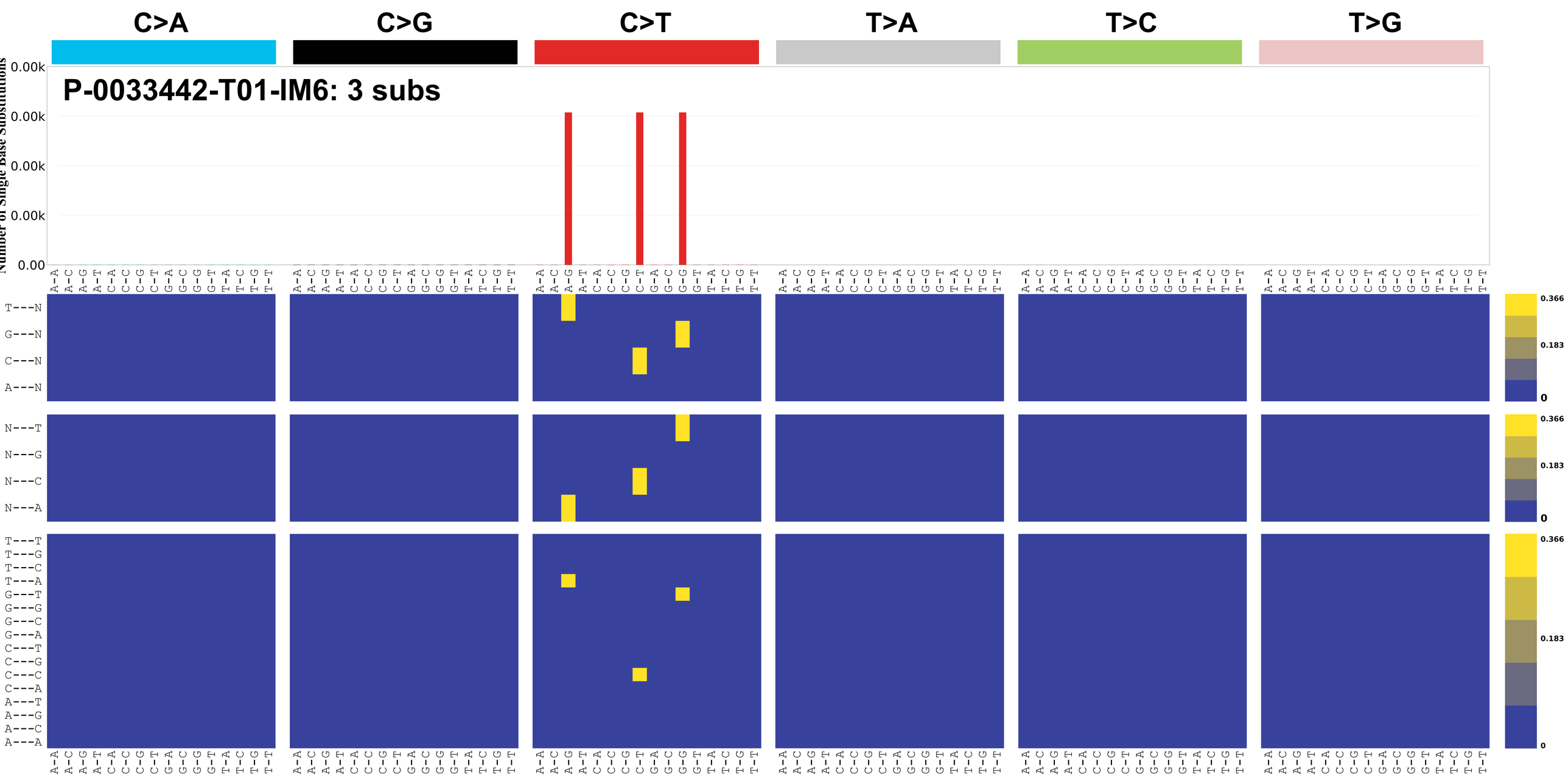

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0032460-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

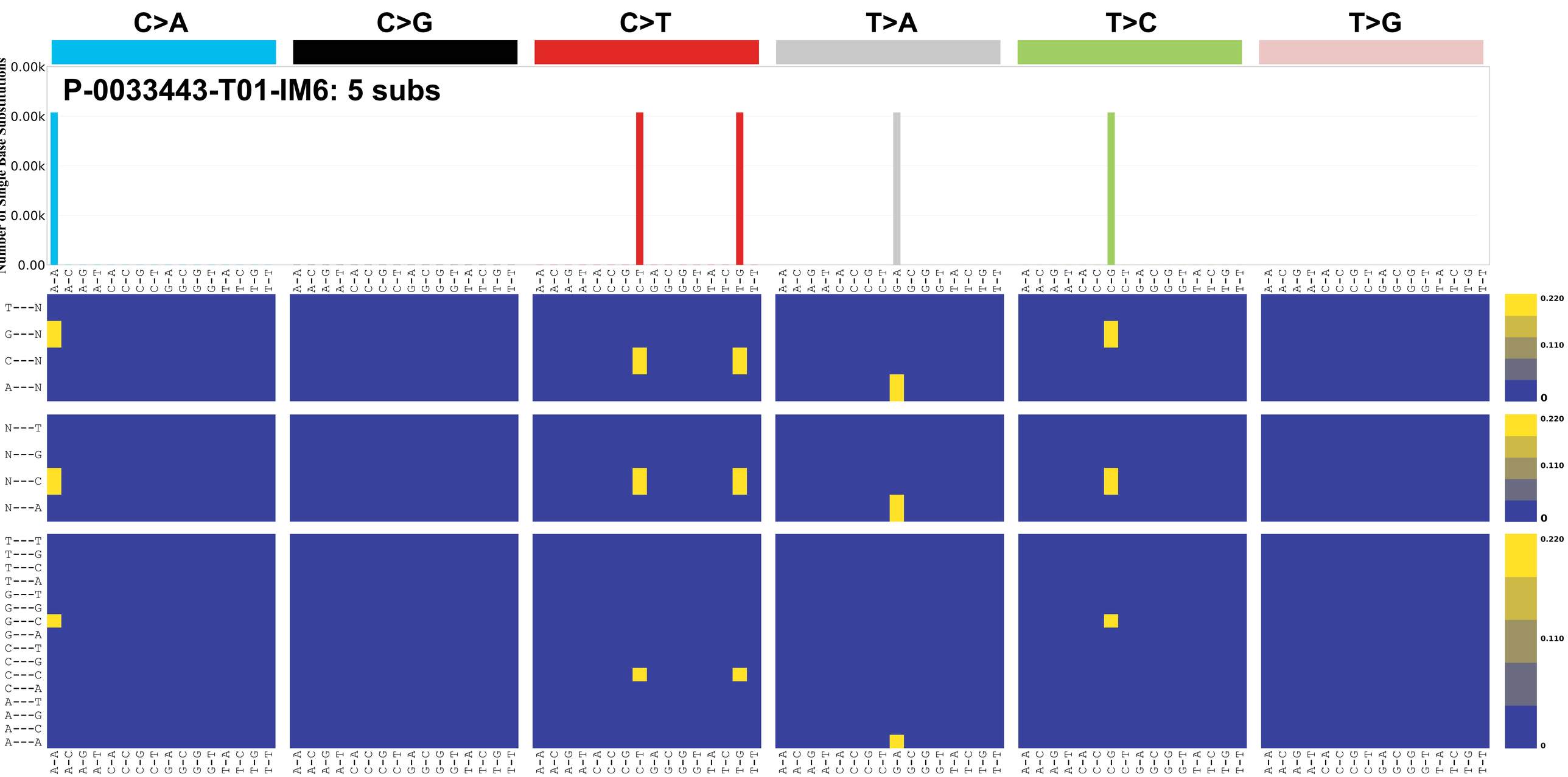

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0032958-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

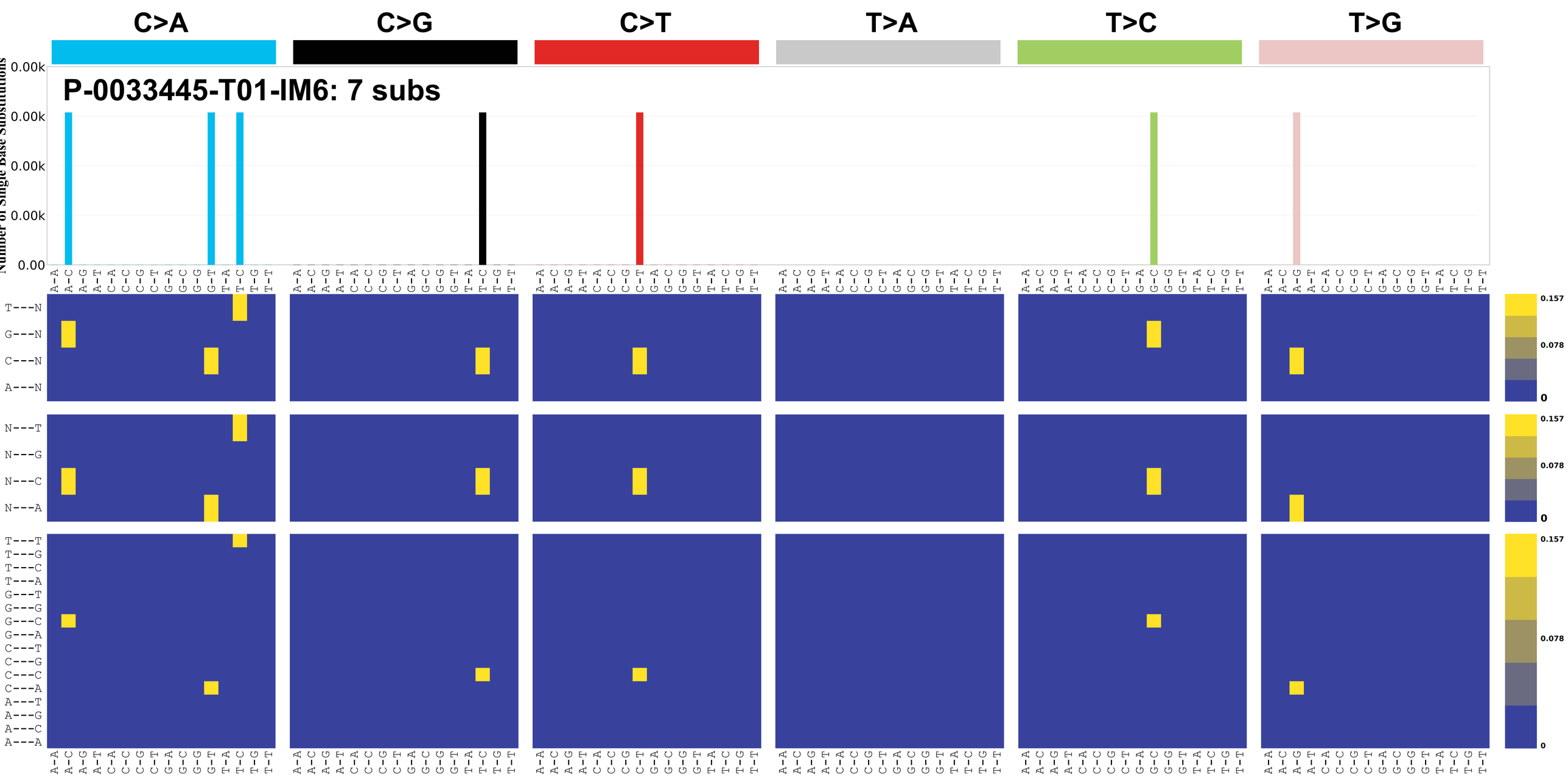

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0032988-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

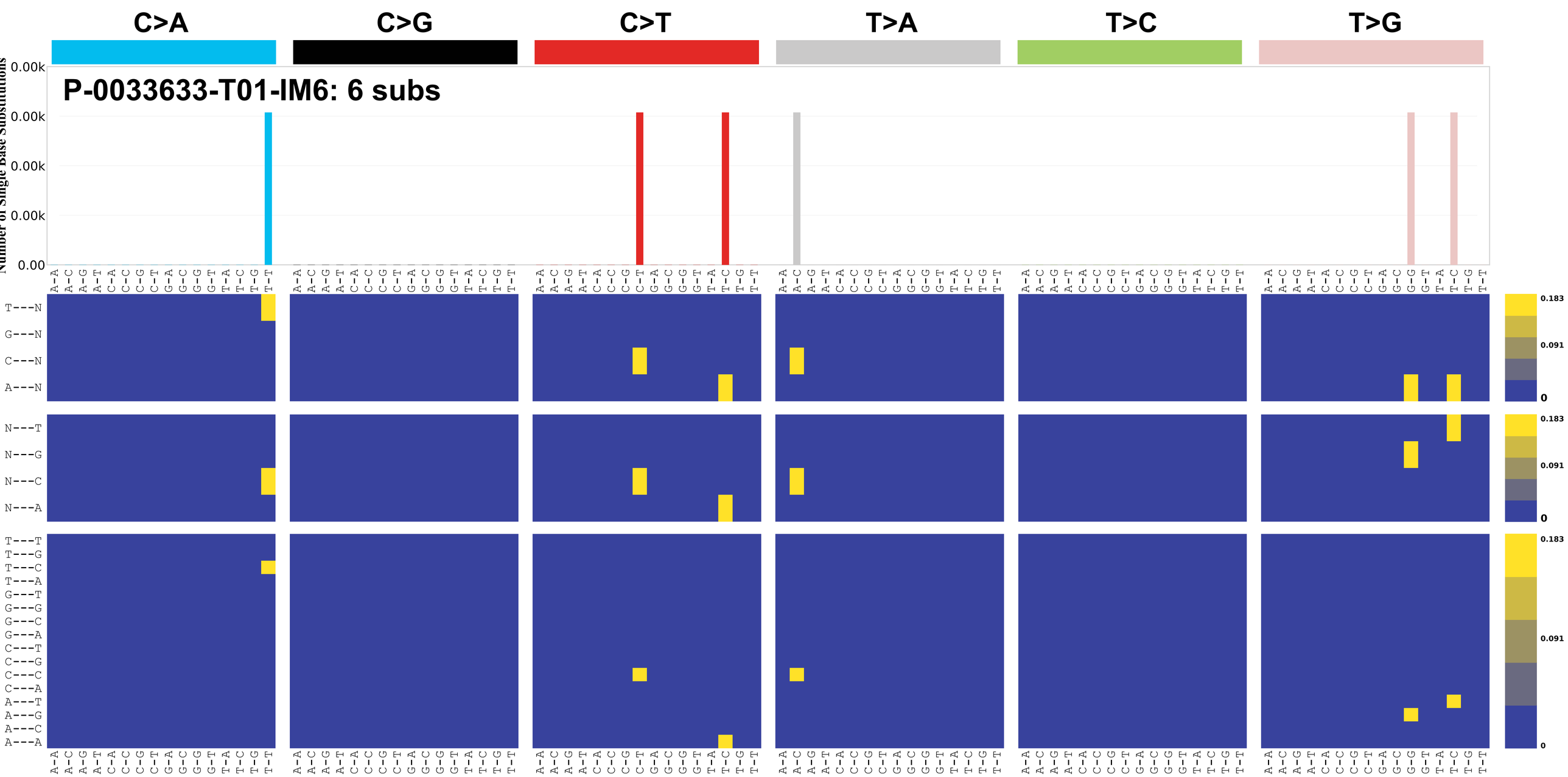

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0032991-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

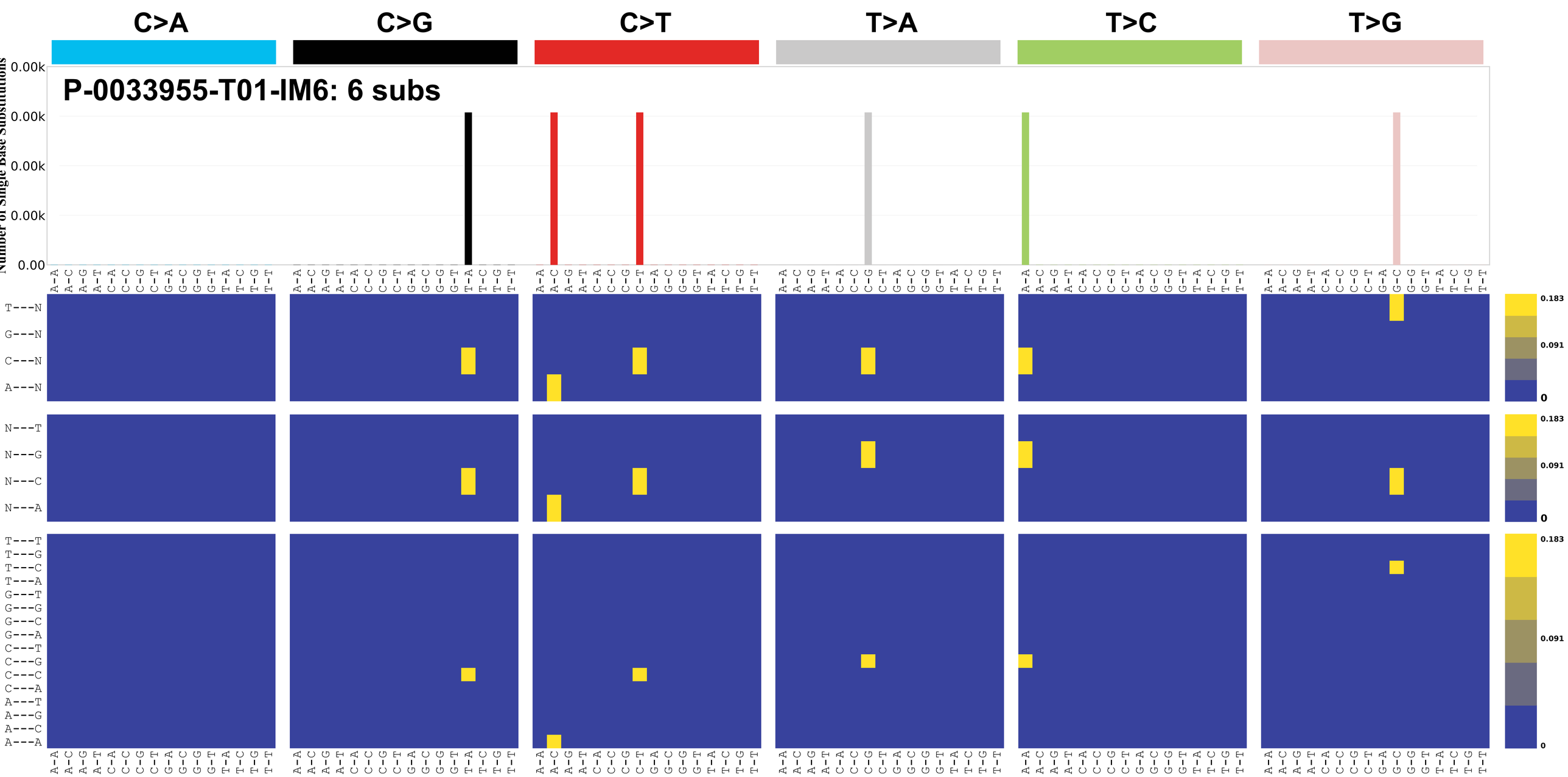

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0032993-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

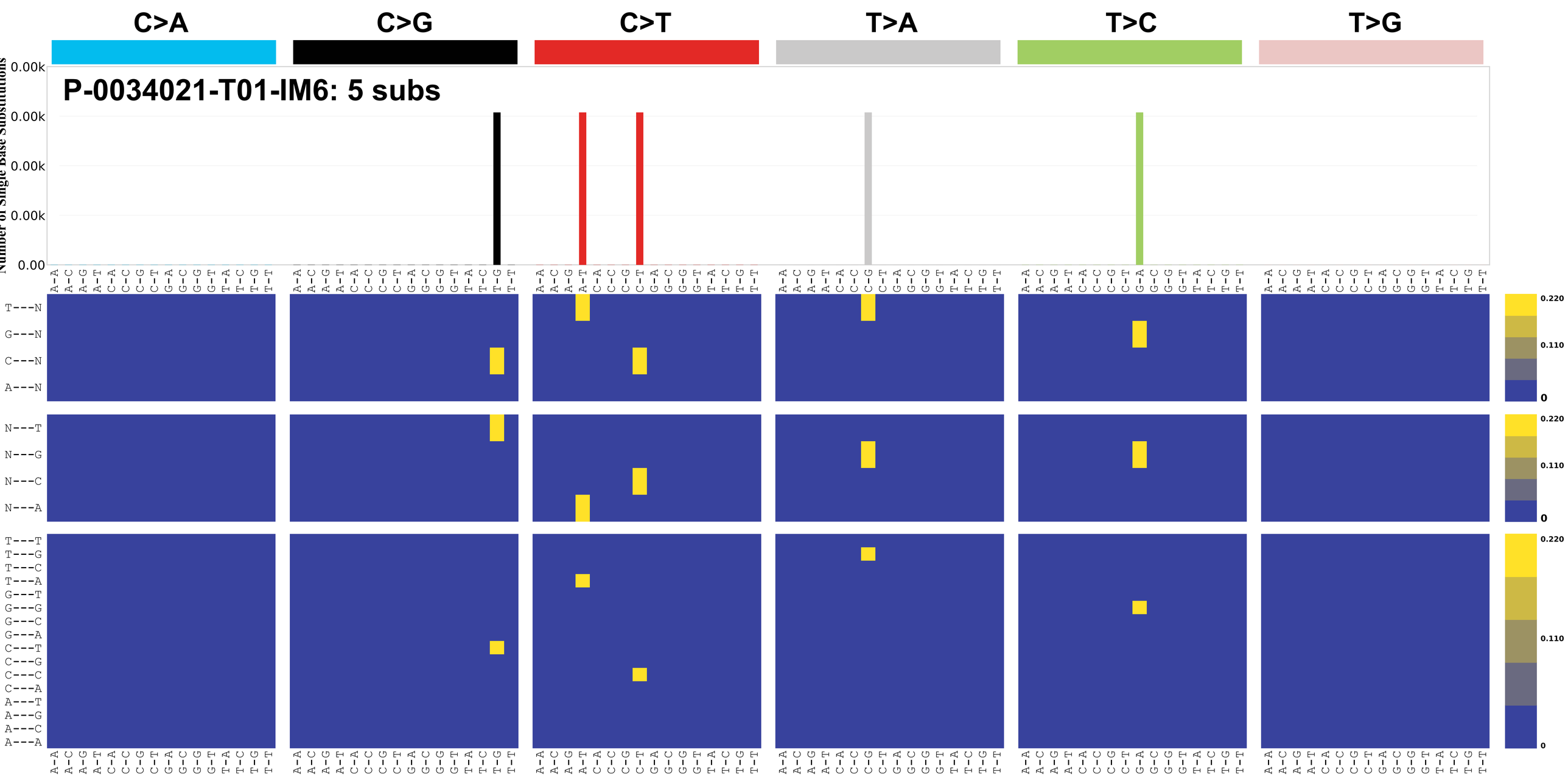

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0033442-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

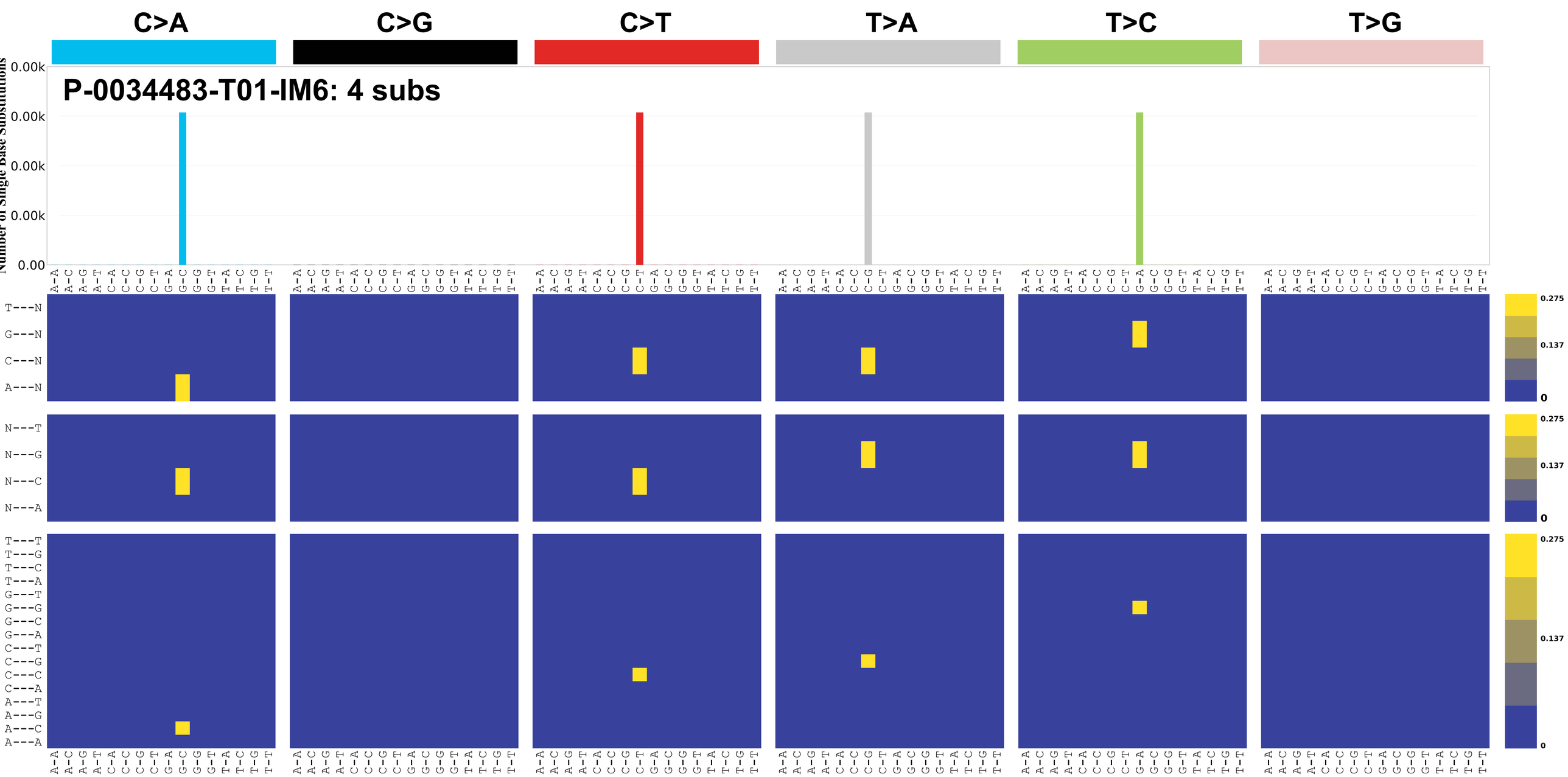

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0033443-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

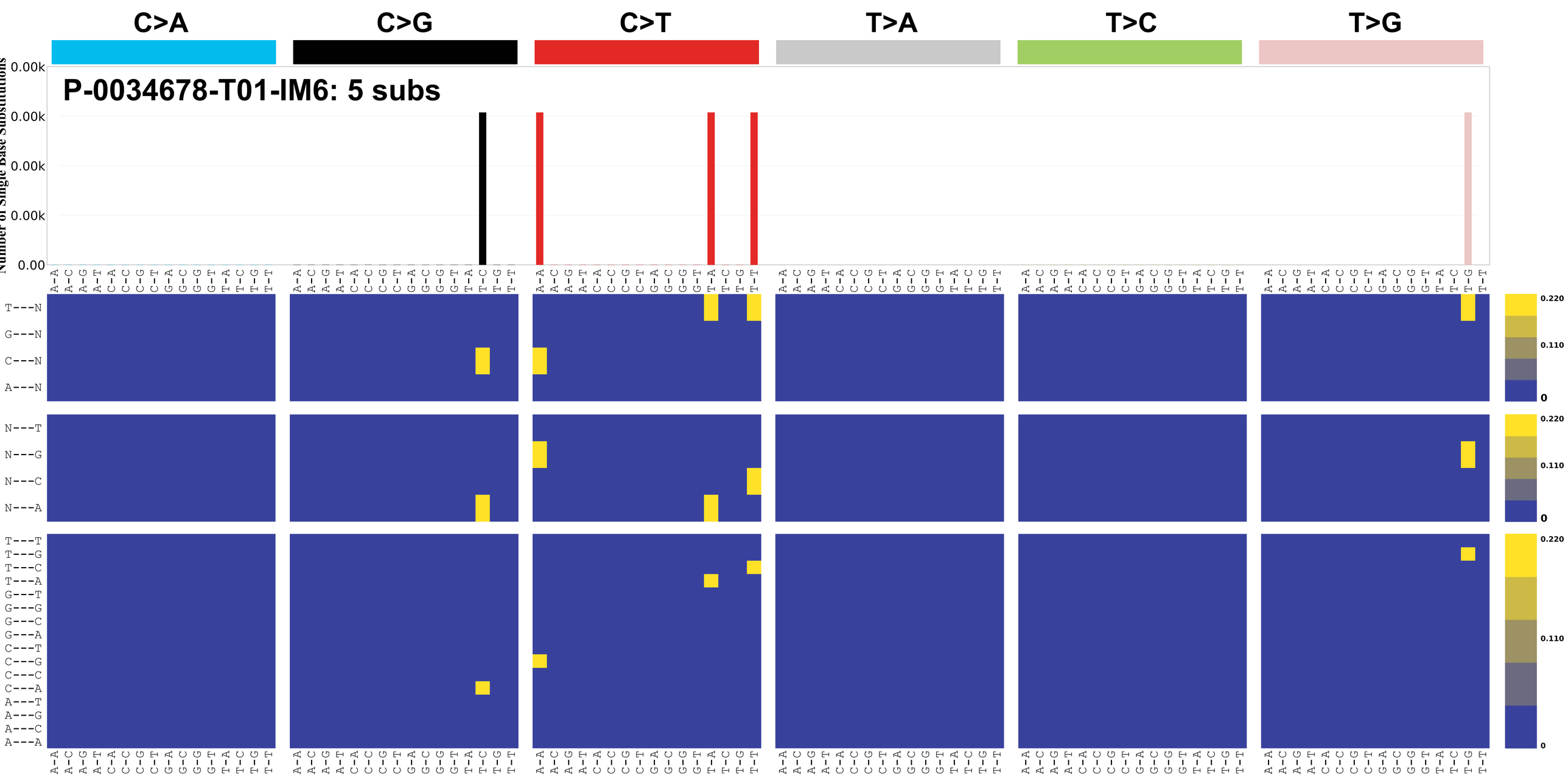

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0033445-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

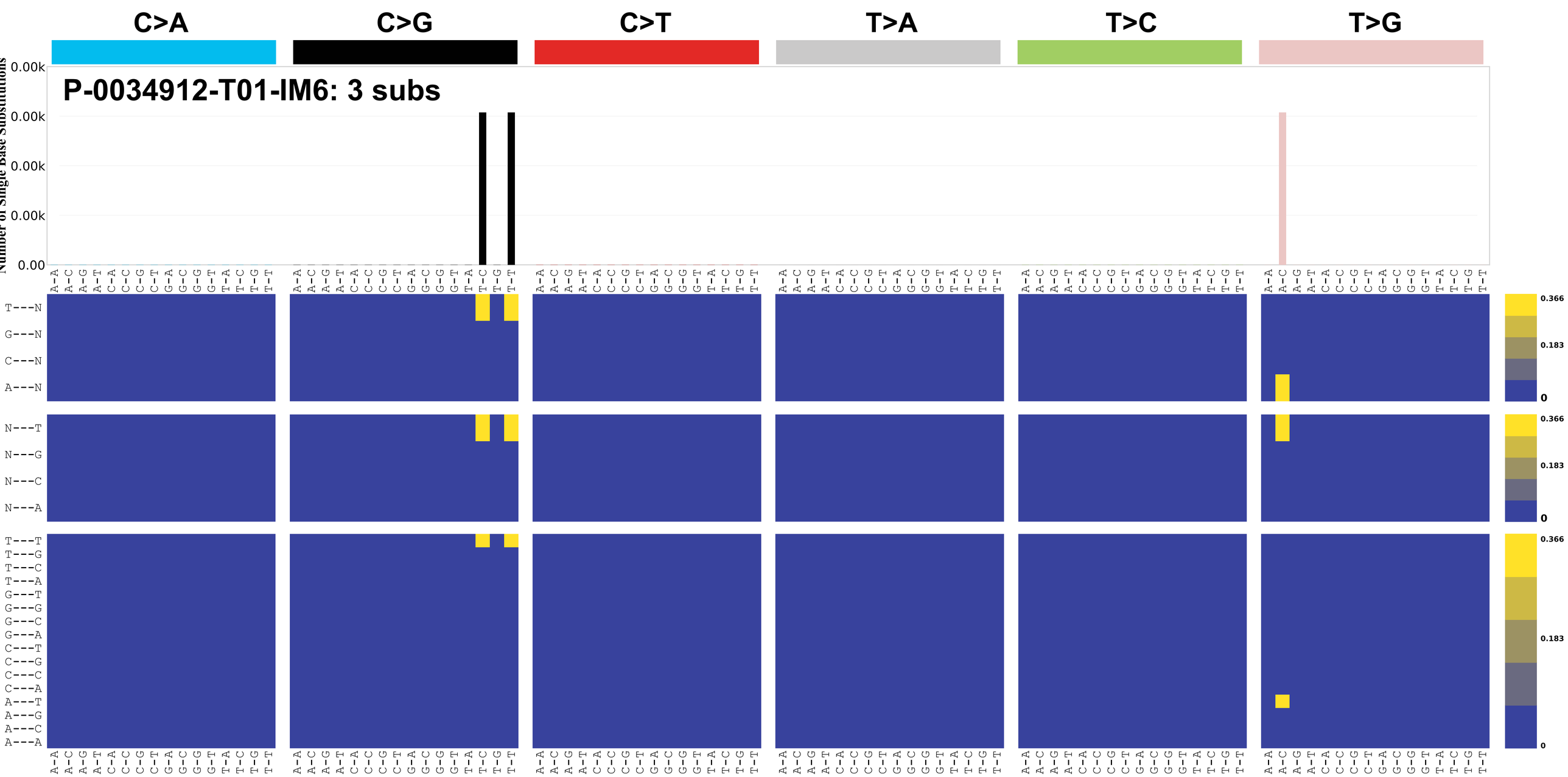

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0033633-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

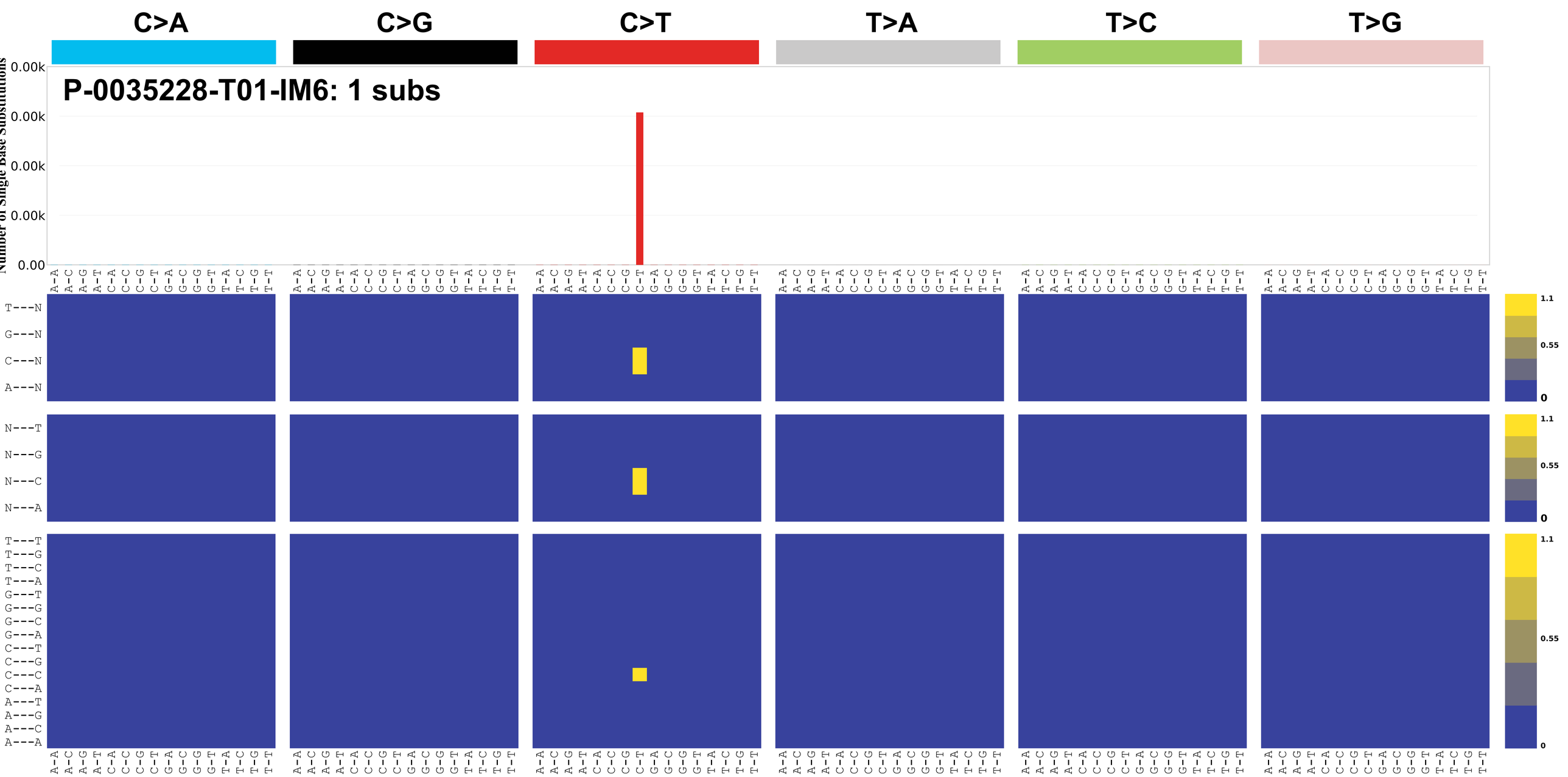

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0033955-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

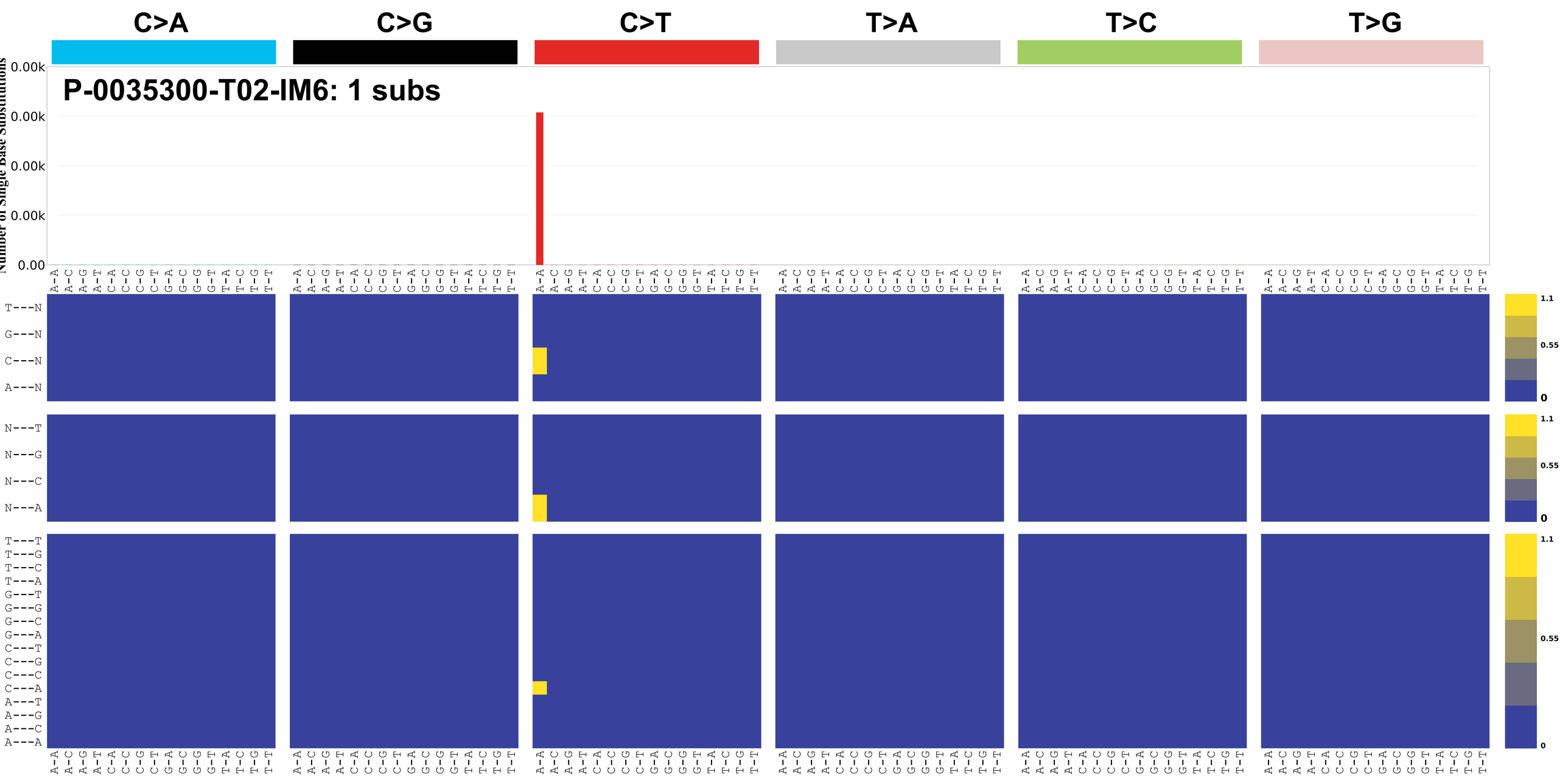

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0034021-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

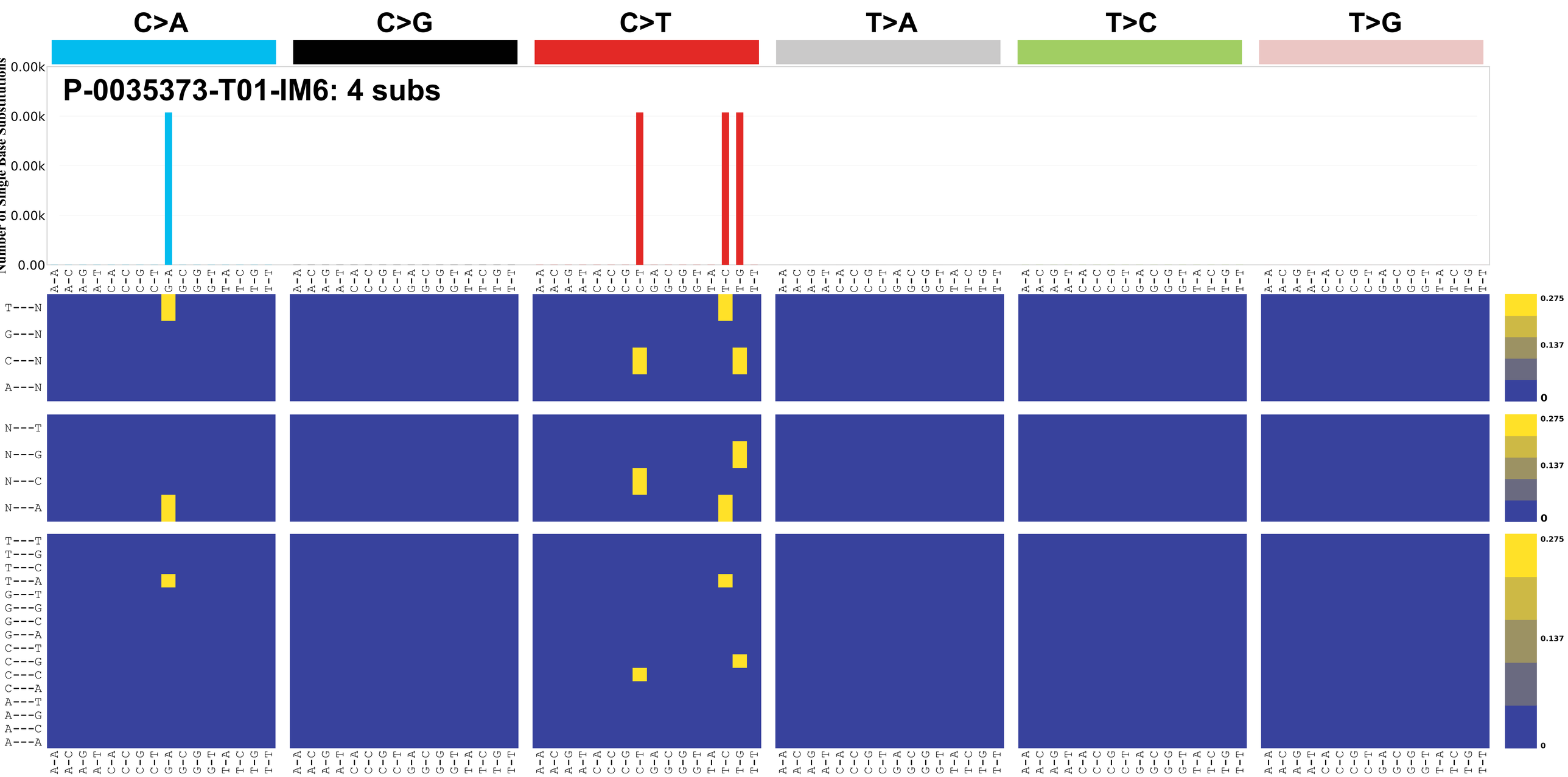

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0034483-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

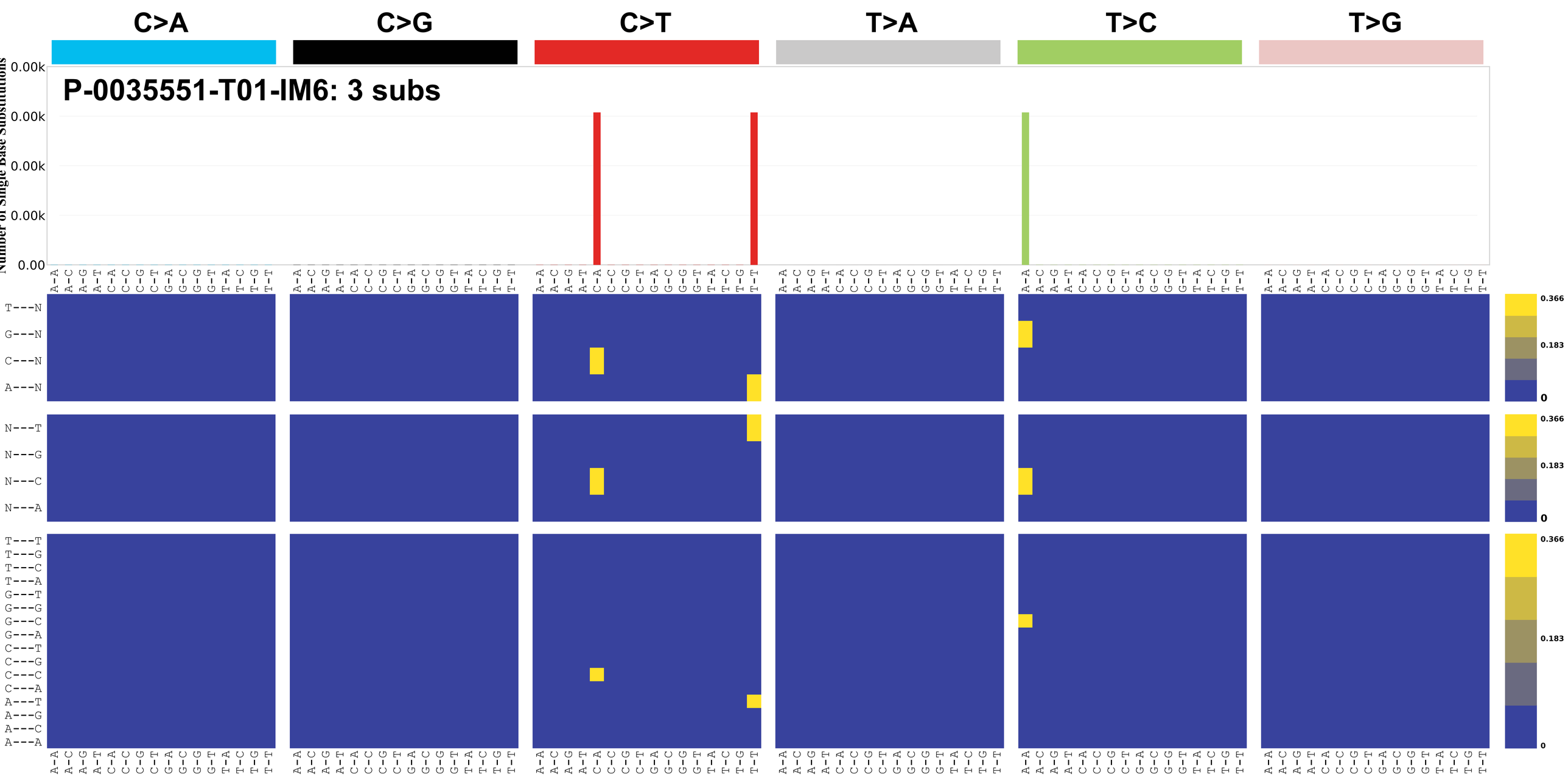

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0034678-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

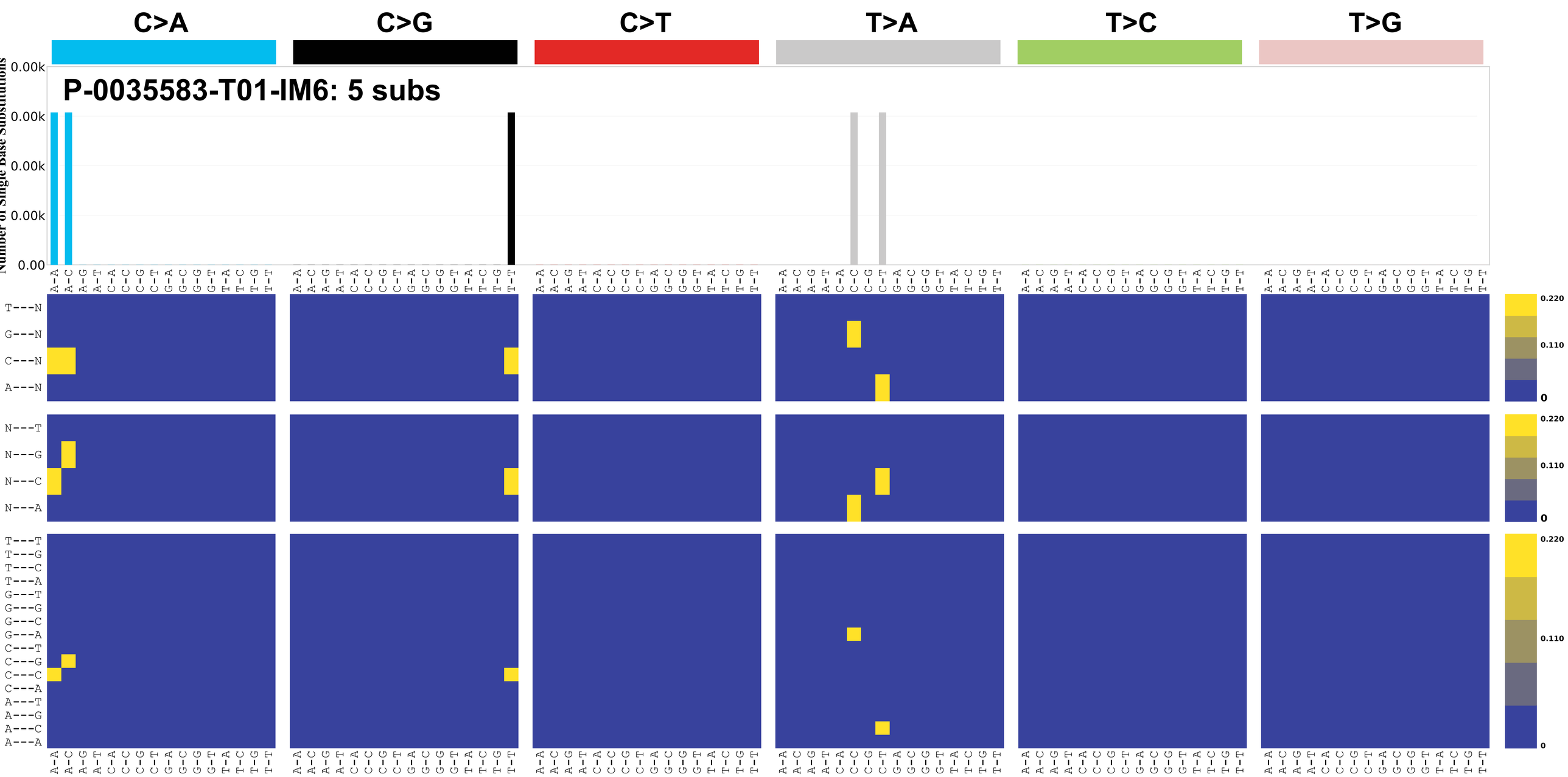

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0034912-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

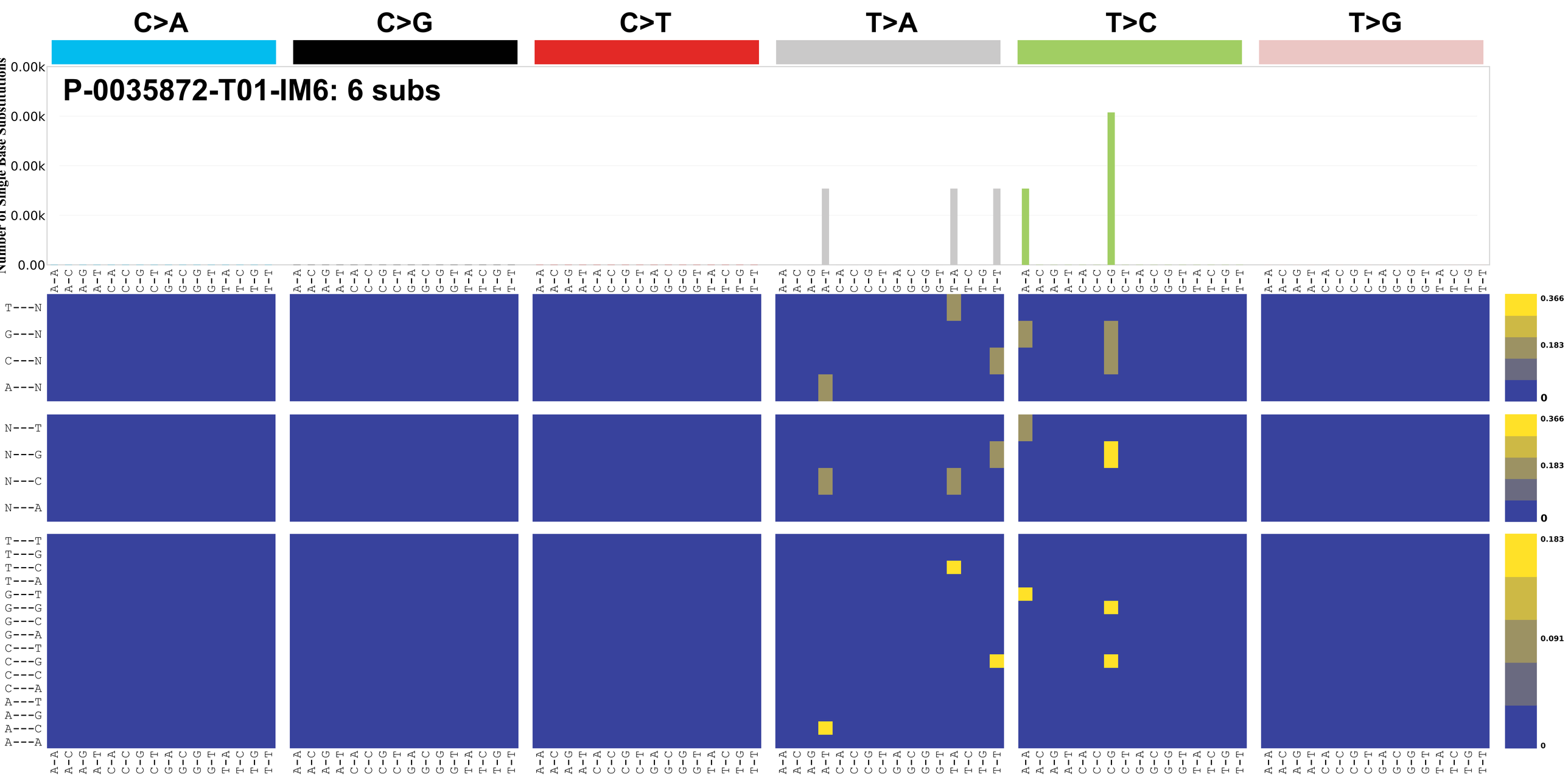

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035228-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

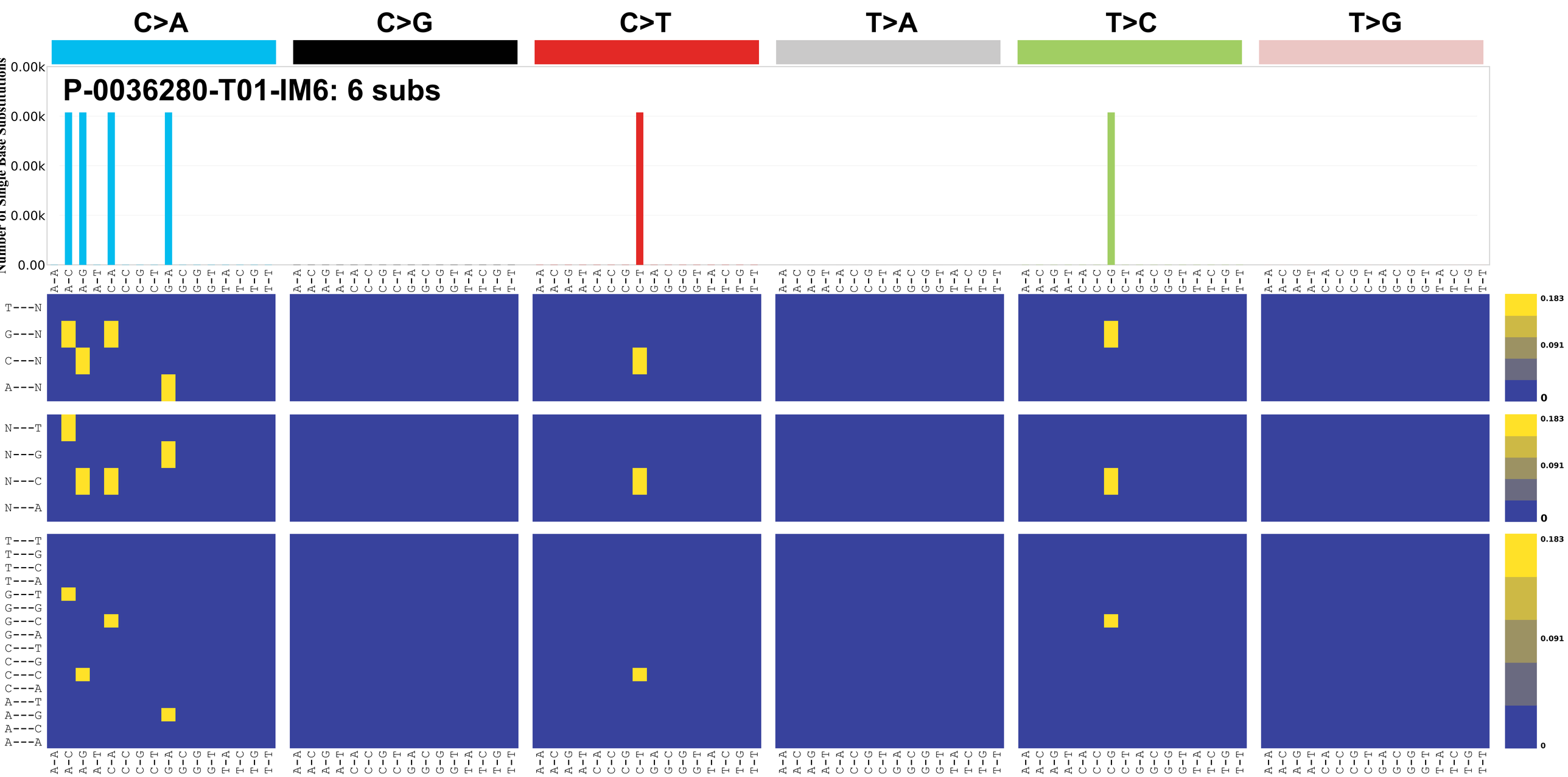

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035300-T02-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

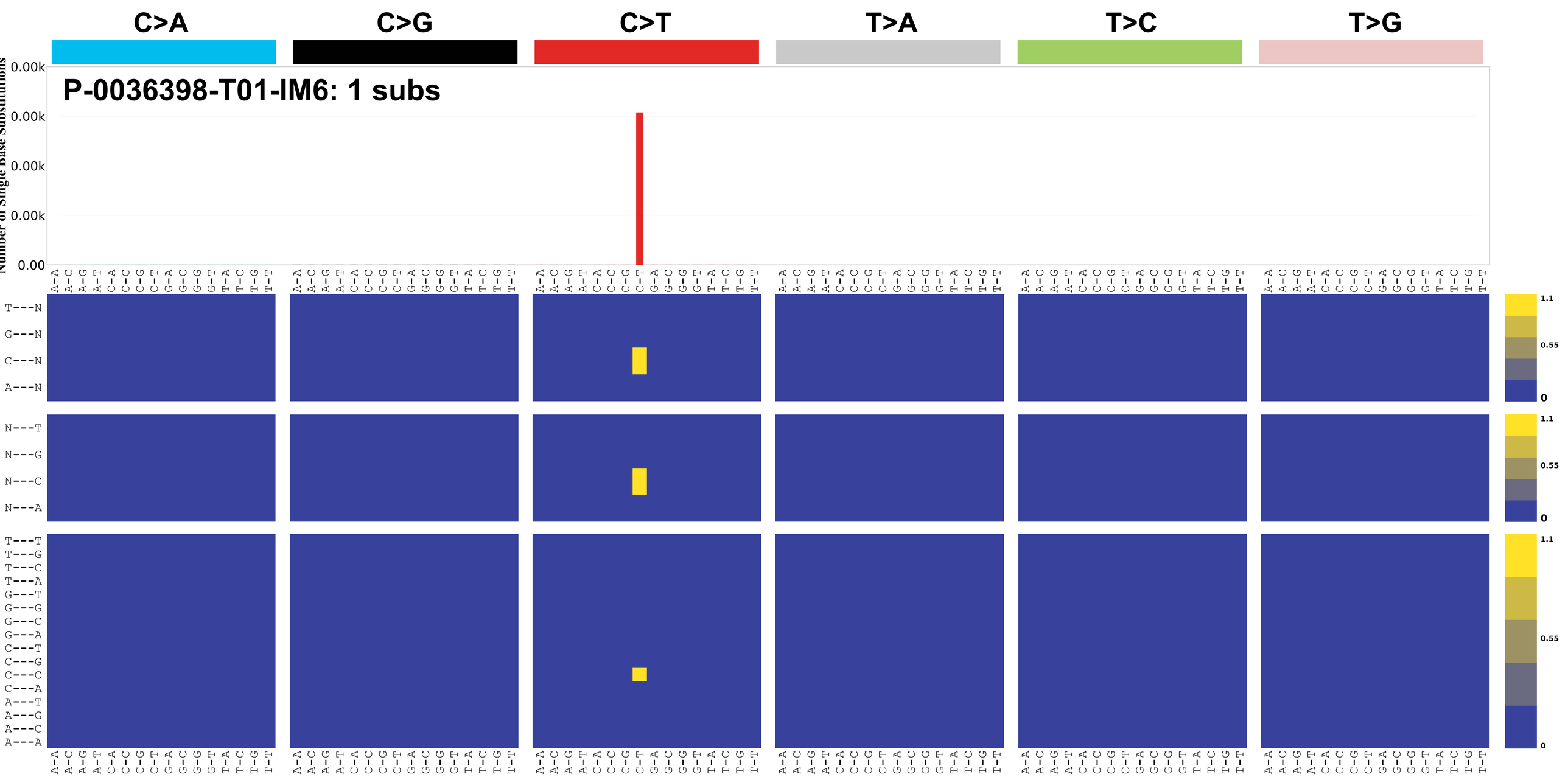

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035373-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

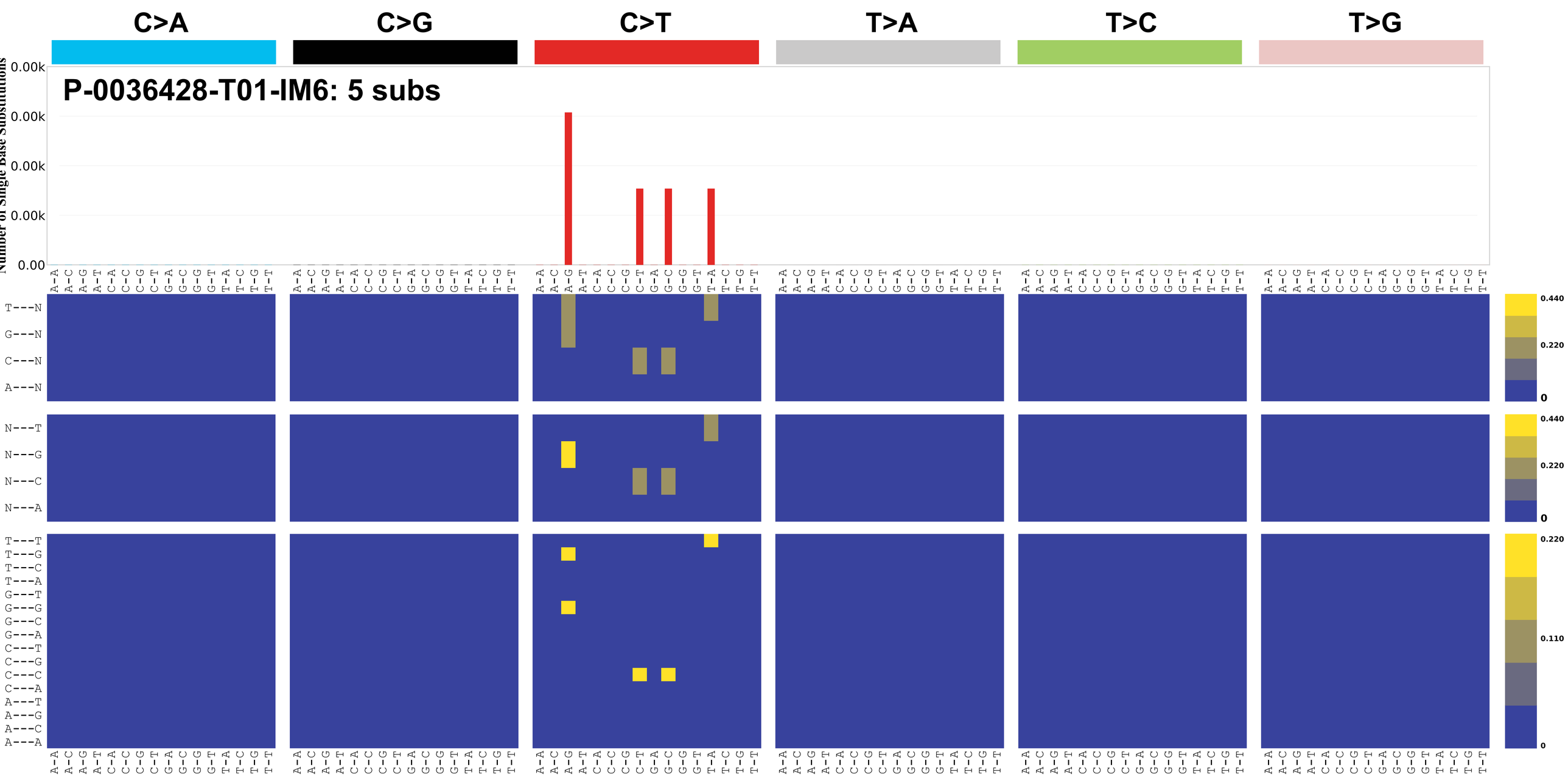

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035551-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

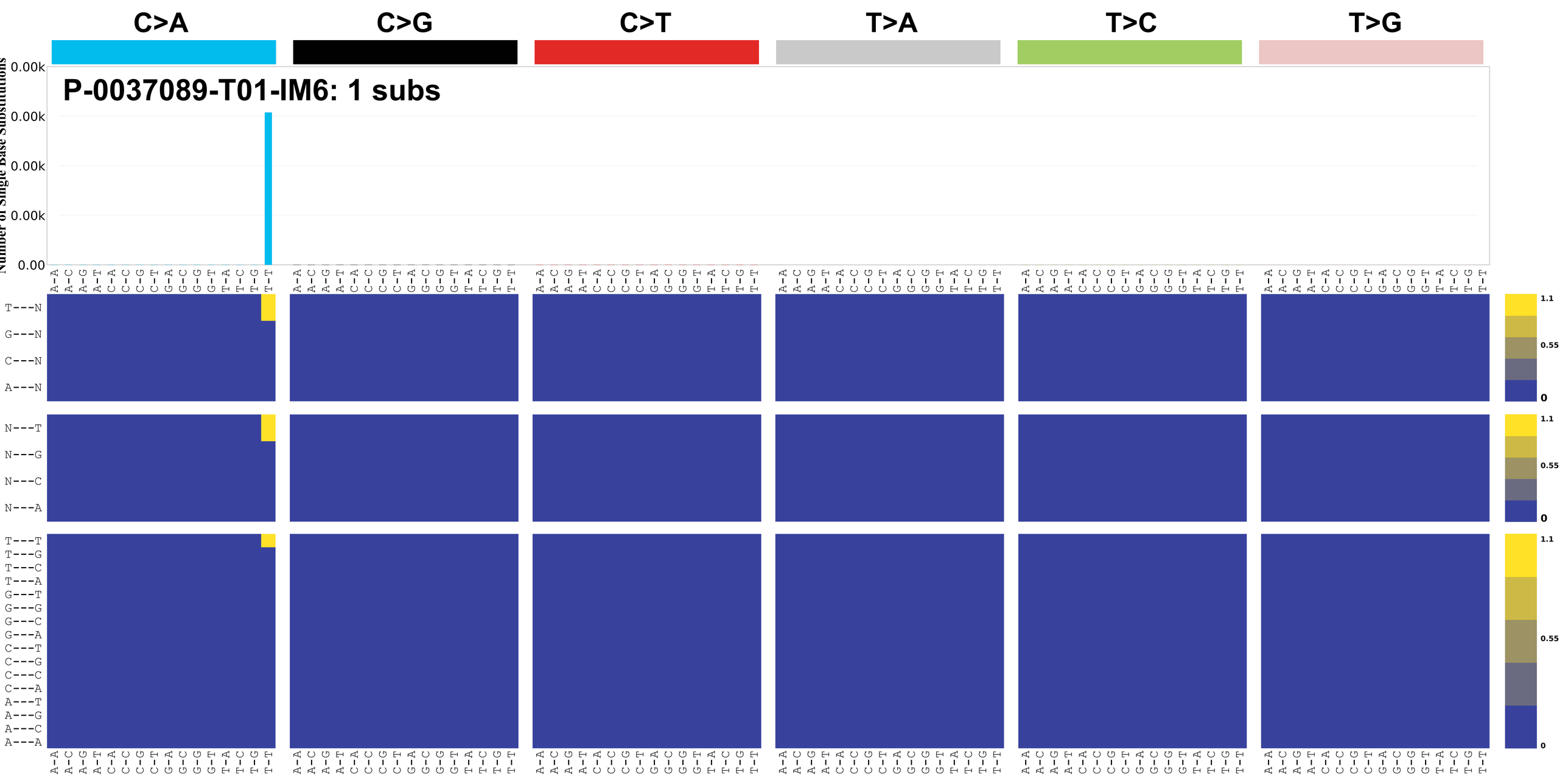

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035583-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
A-A A-C A-G A-T C-A C-C C-G C-T G-A G-C G-G G-T T-A T-C T-G T-T

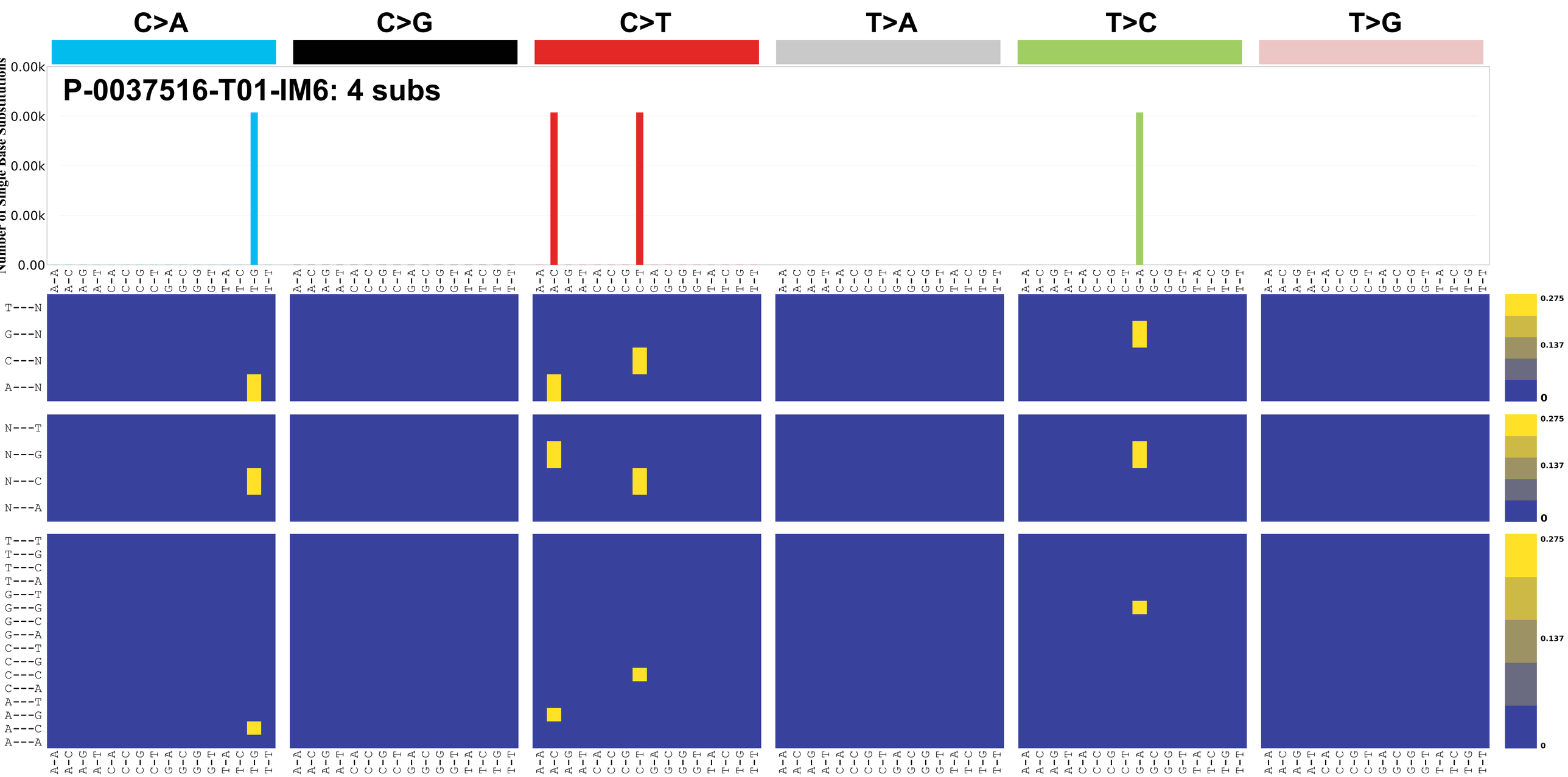

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0035872-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0
0.366
0.183
0
0.183
0.091
0

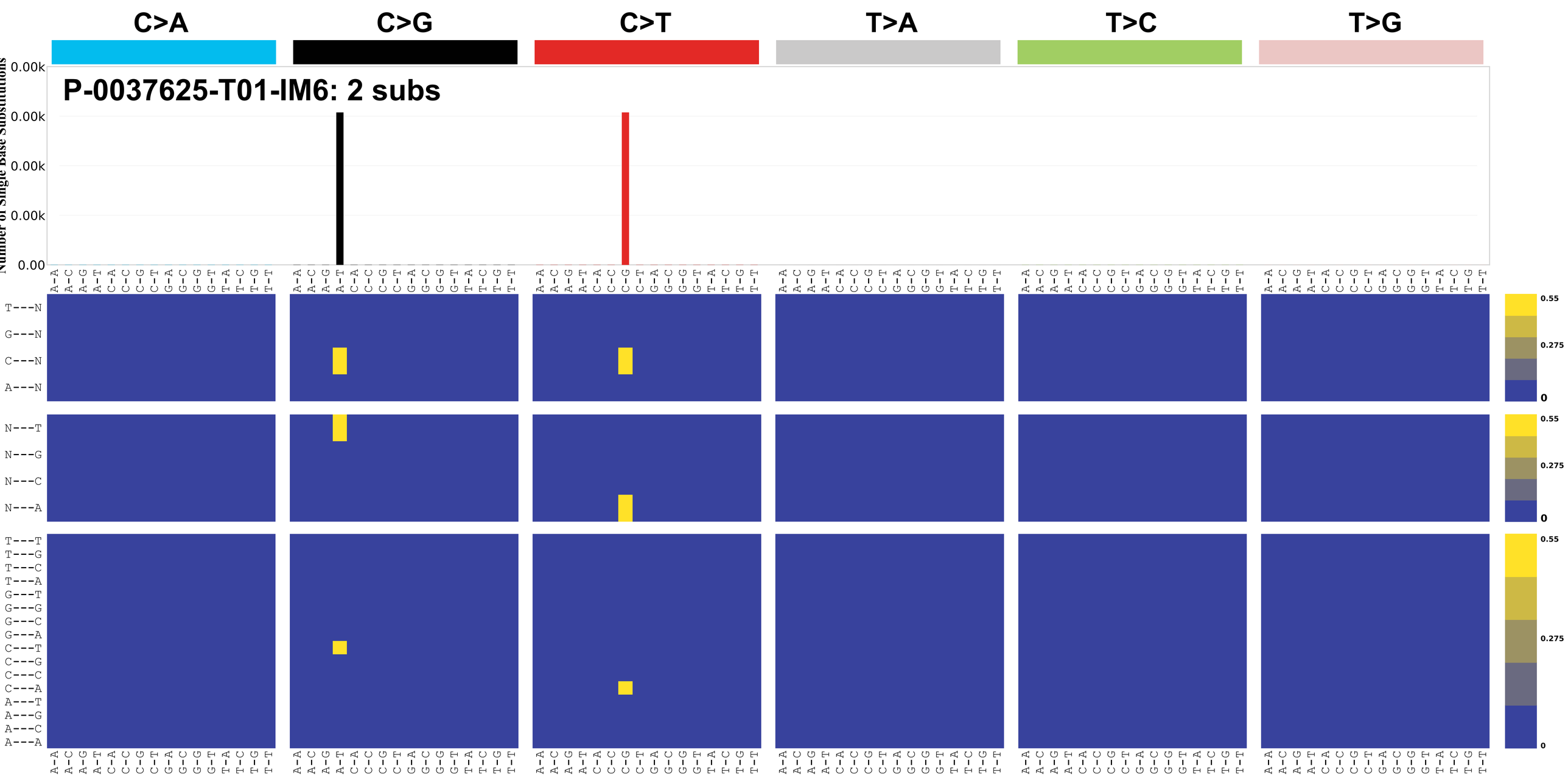

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0036280-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

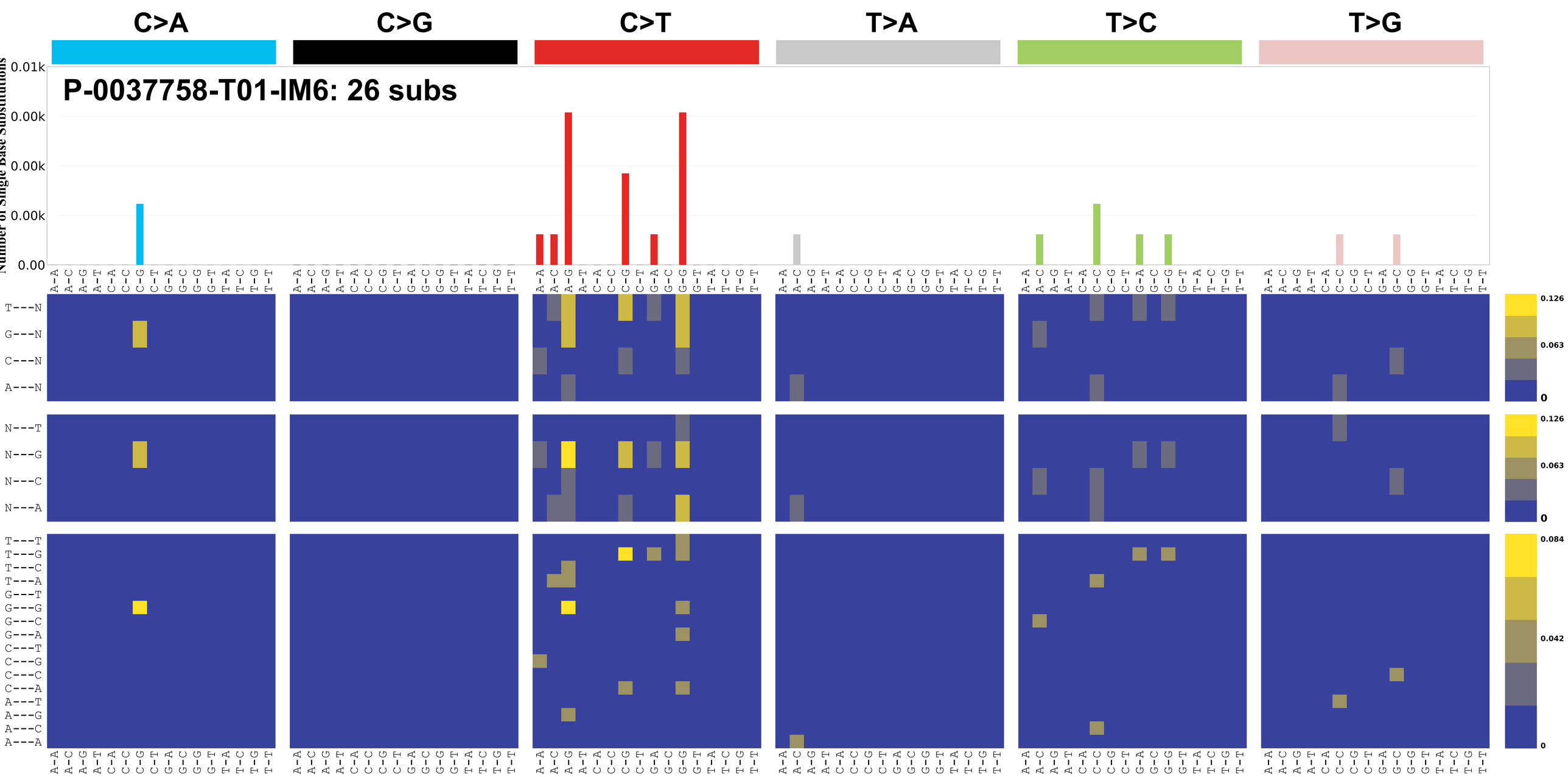

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0036398-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

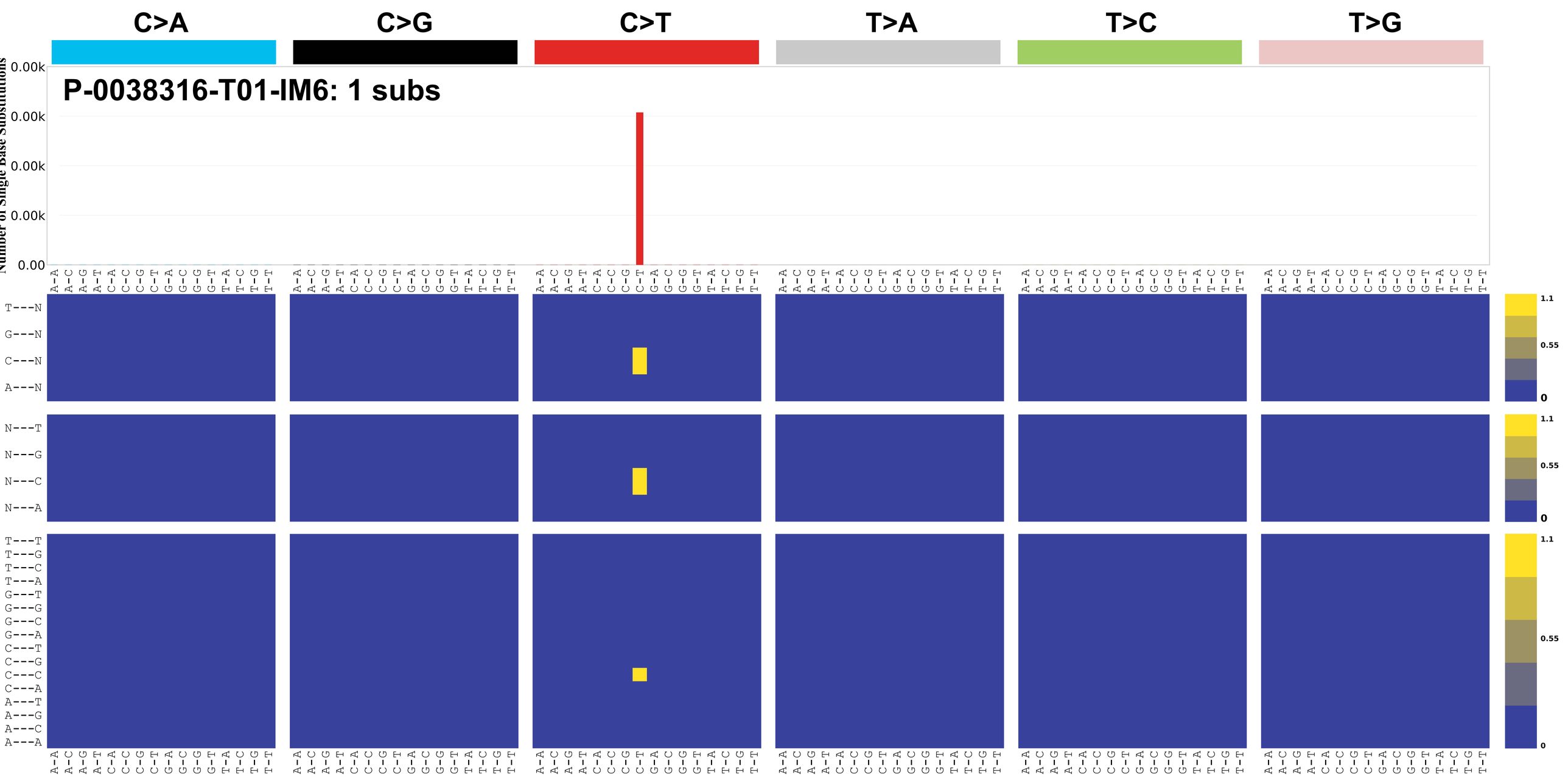

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0036428-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.440
0.220
0
0.440
0.220
0
0.220
0.110
0

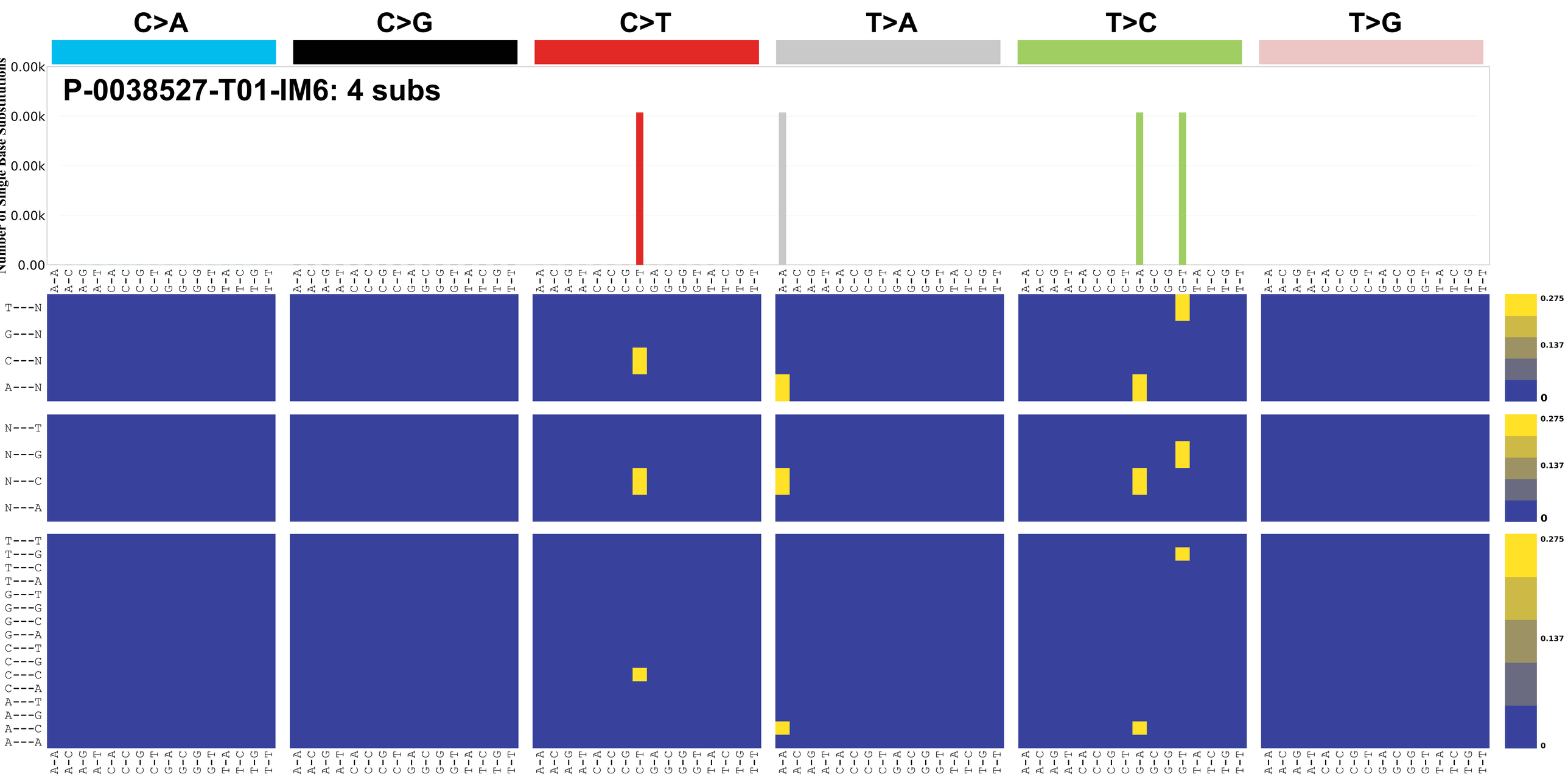

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0037089-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

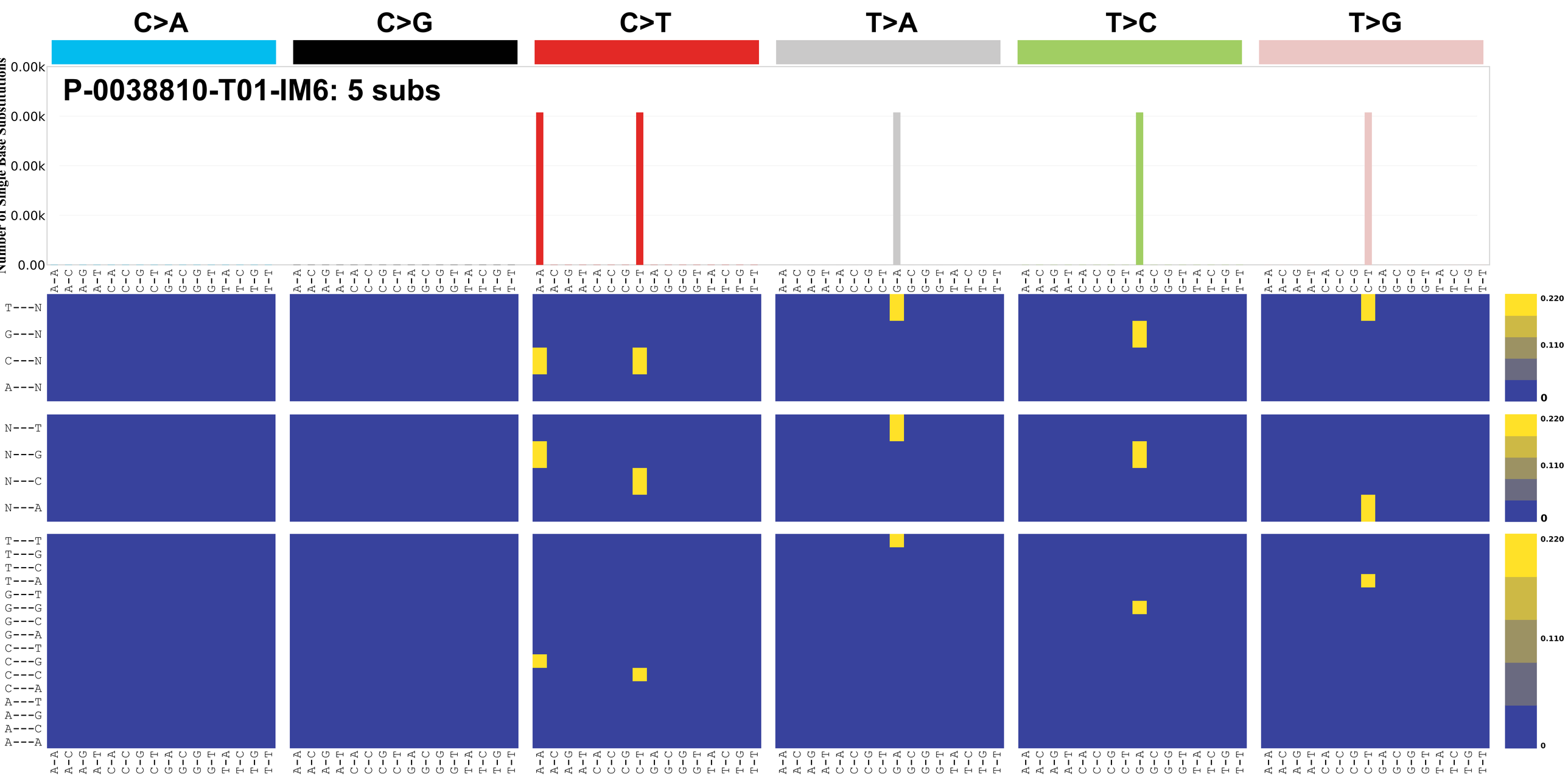

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0037516-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

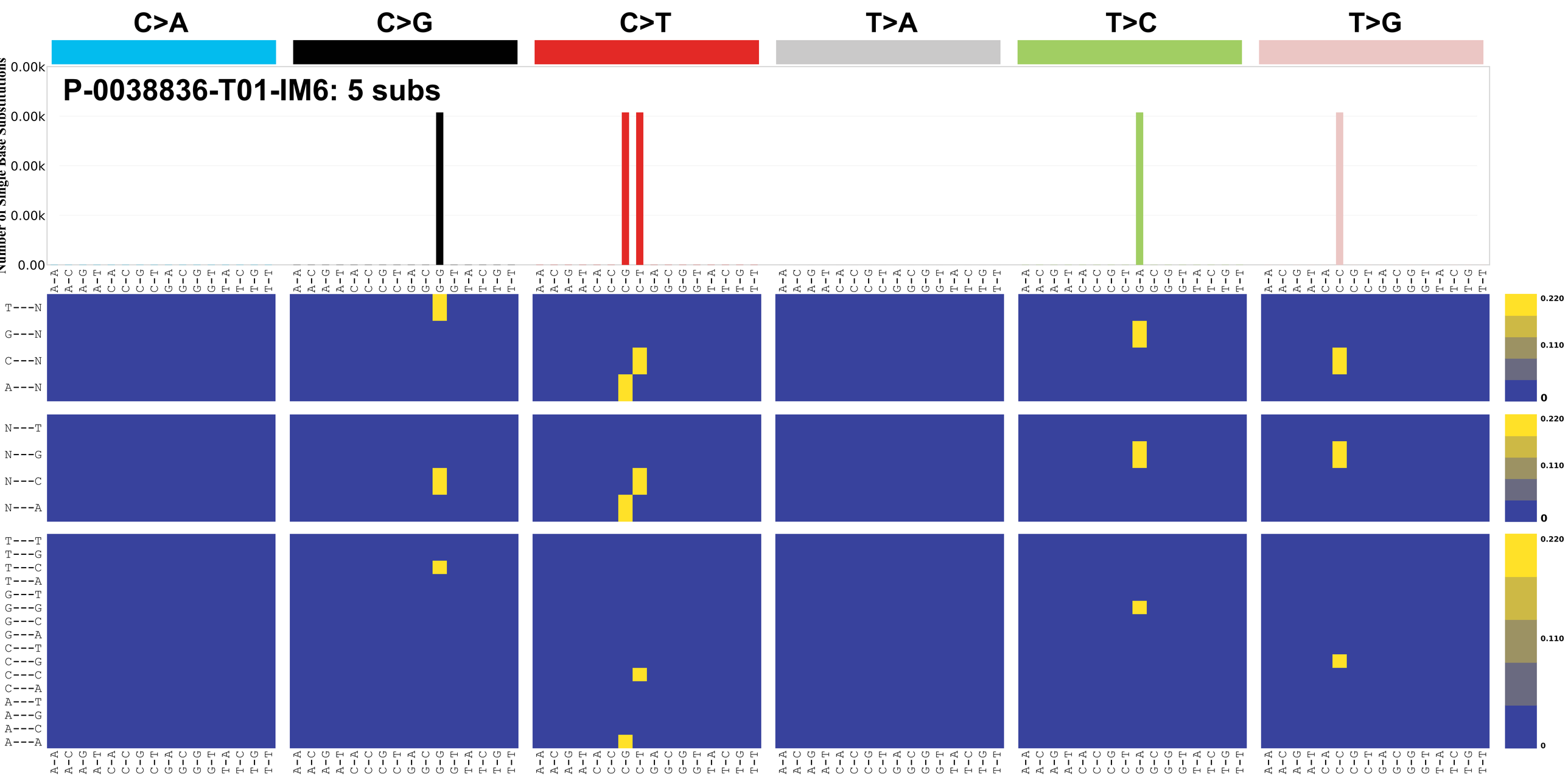

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0037625-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0
0.55
0.275
0
0.55
0.275
0

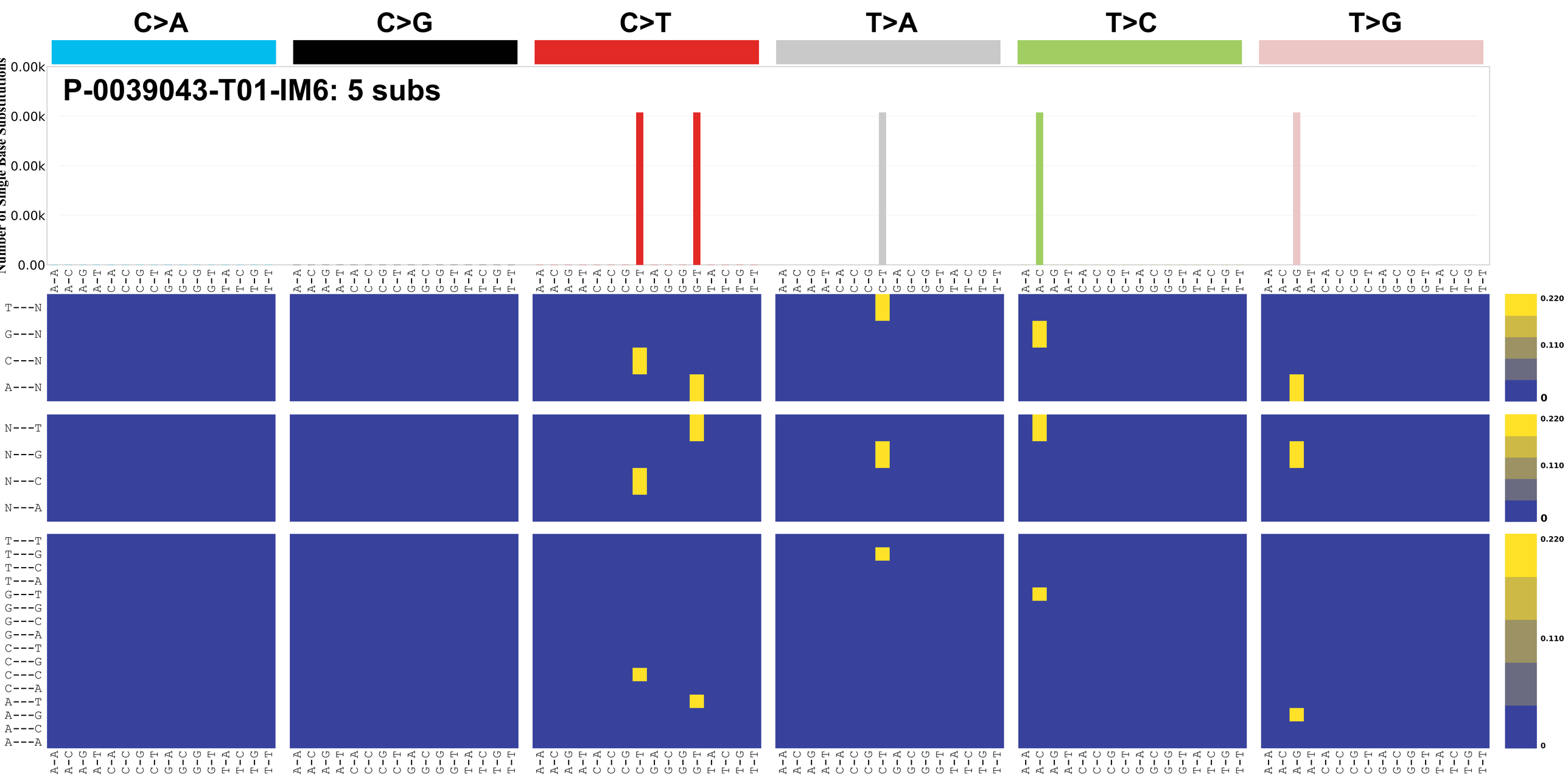

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0037758-T01-IM6: 26 subs
Number of Single Base Substitutions
0.01k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.126
0.063
0
0.126
0.063
0
0.084
0.042
0

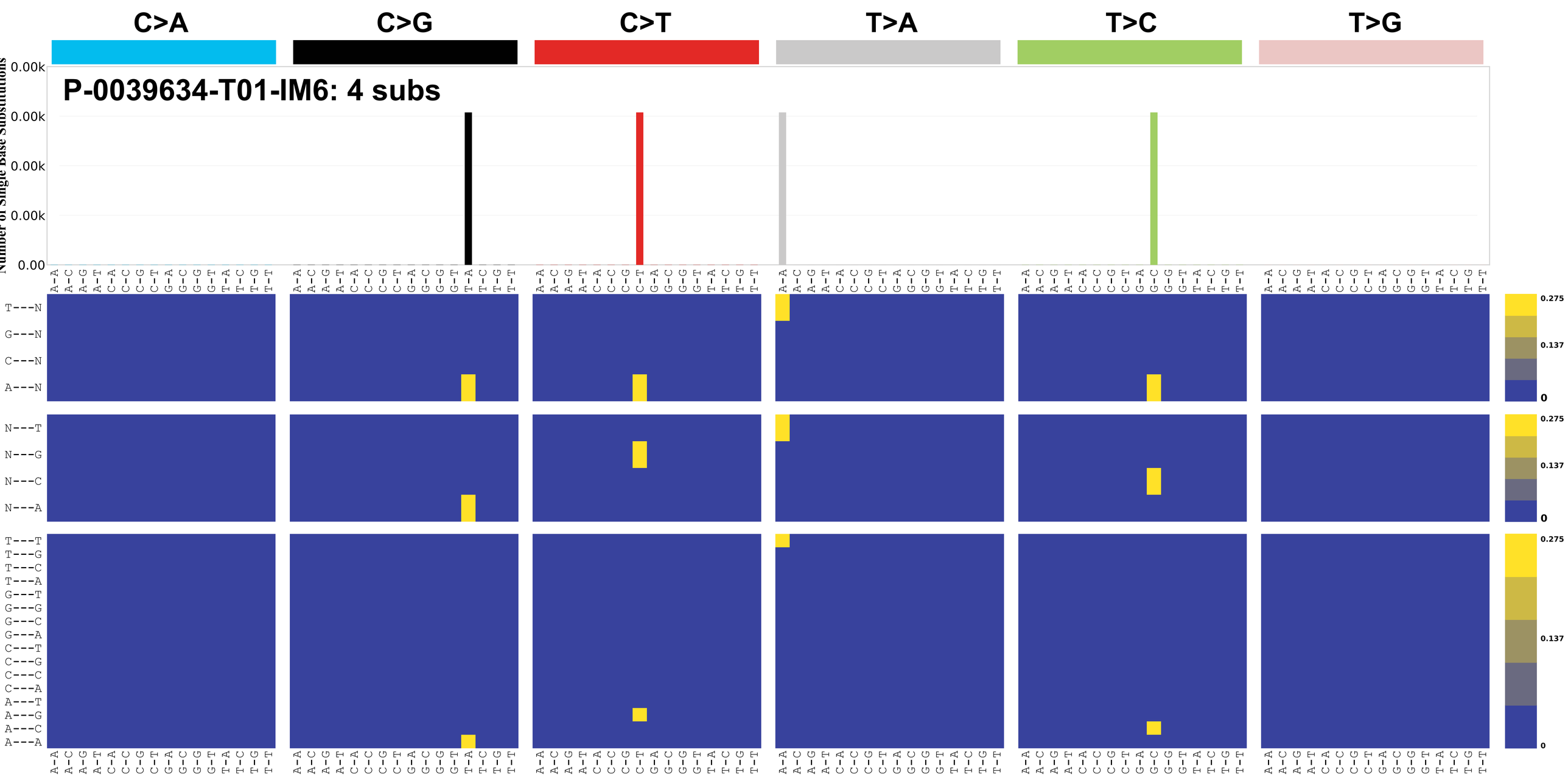

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0038316-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

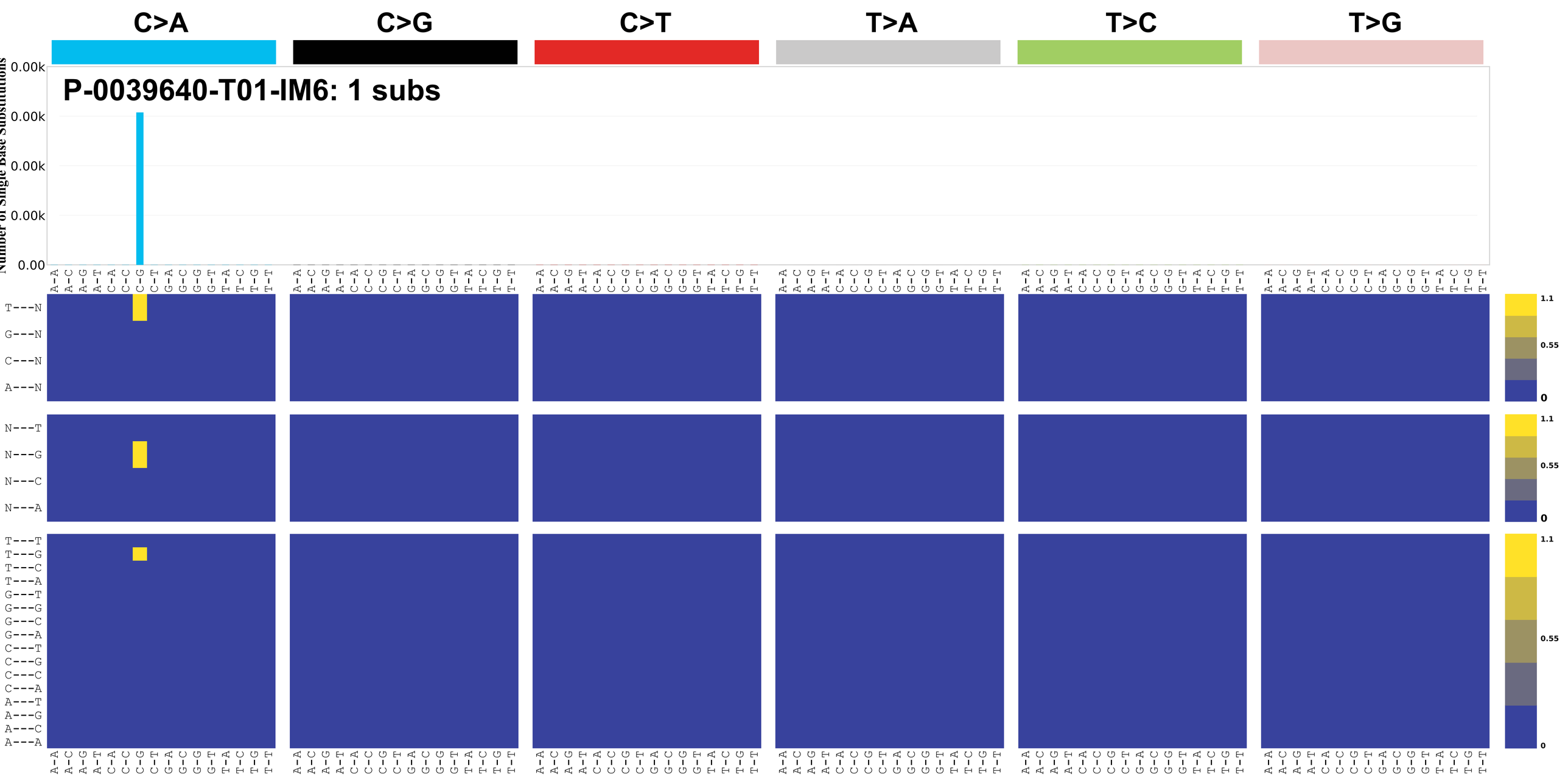

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0038527-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

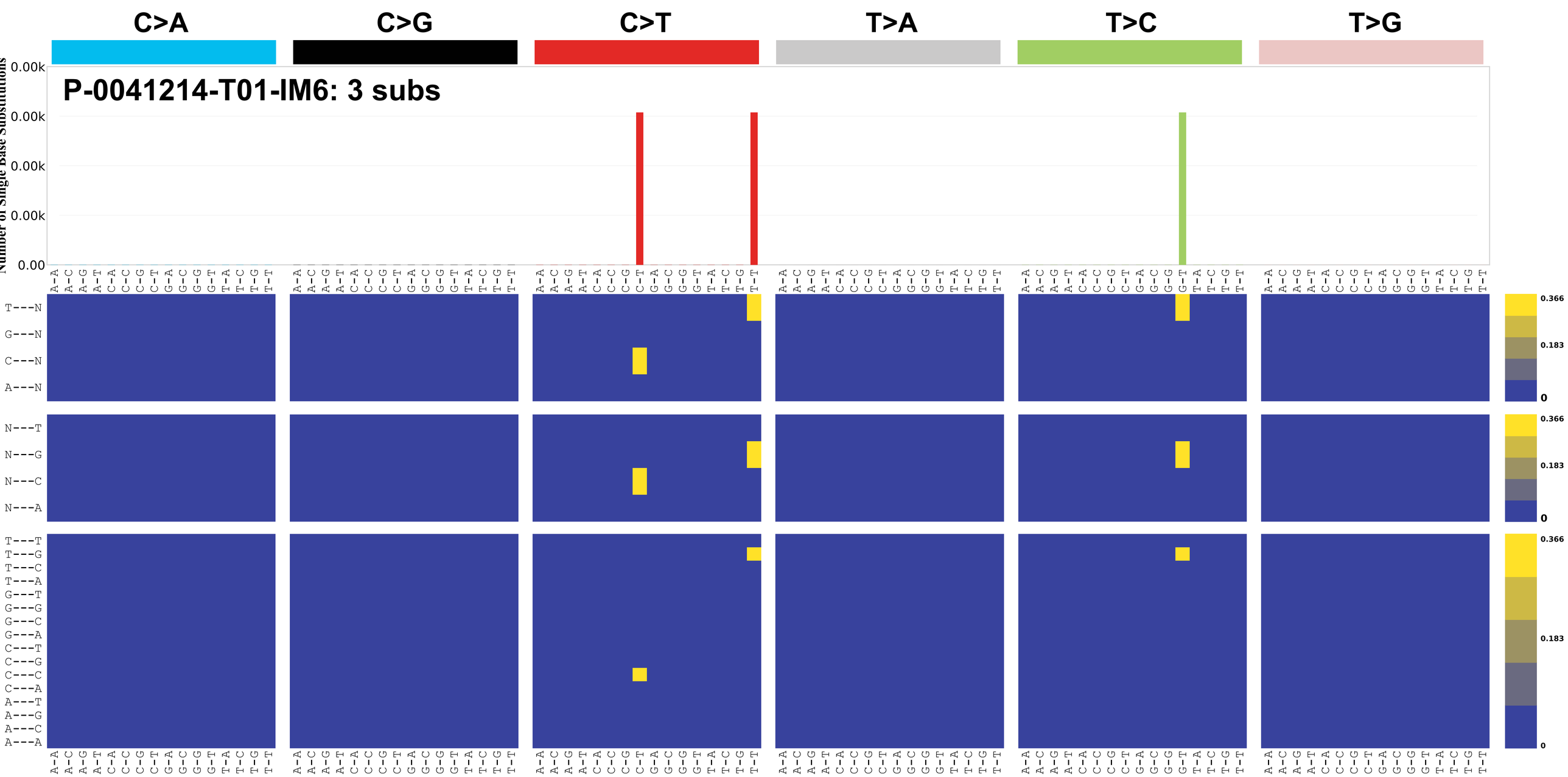

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0038810-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

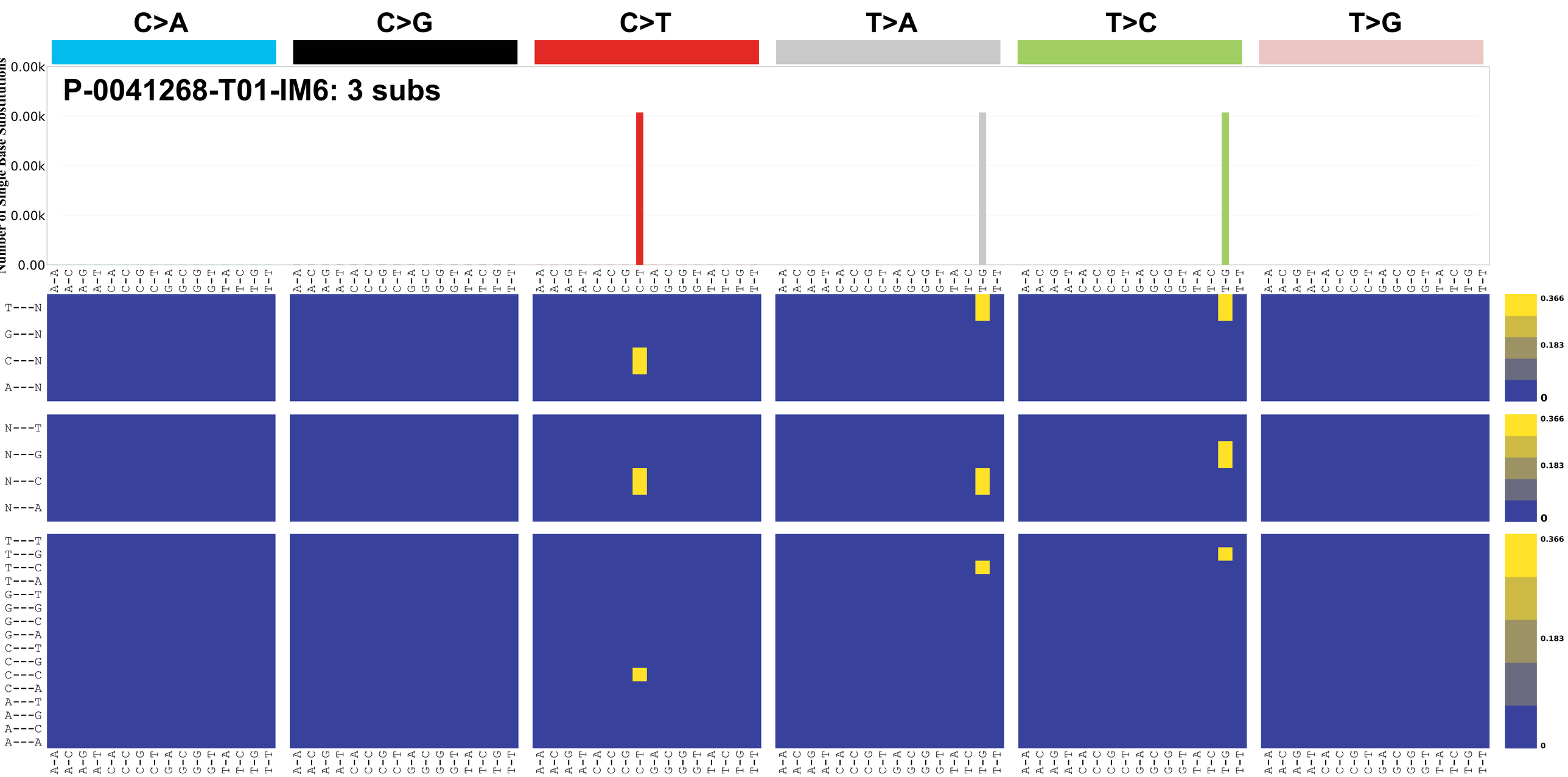

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0038836-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0

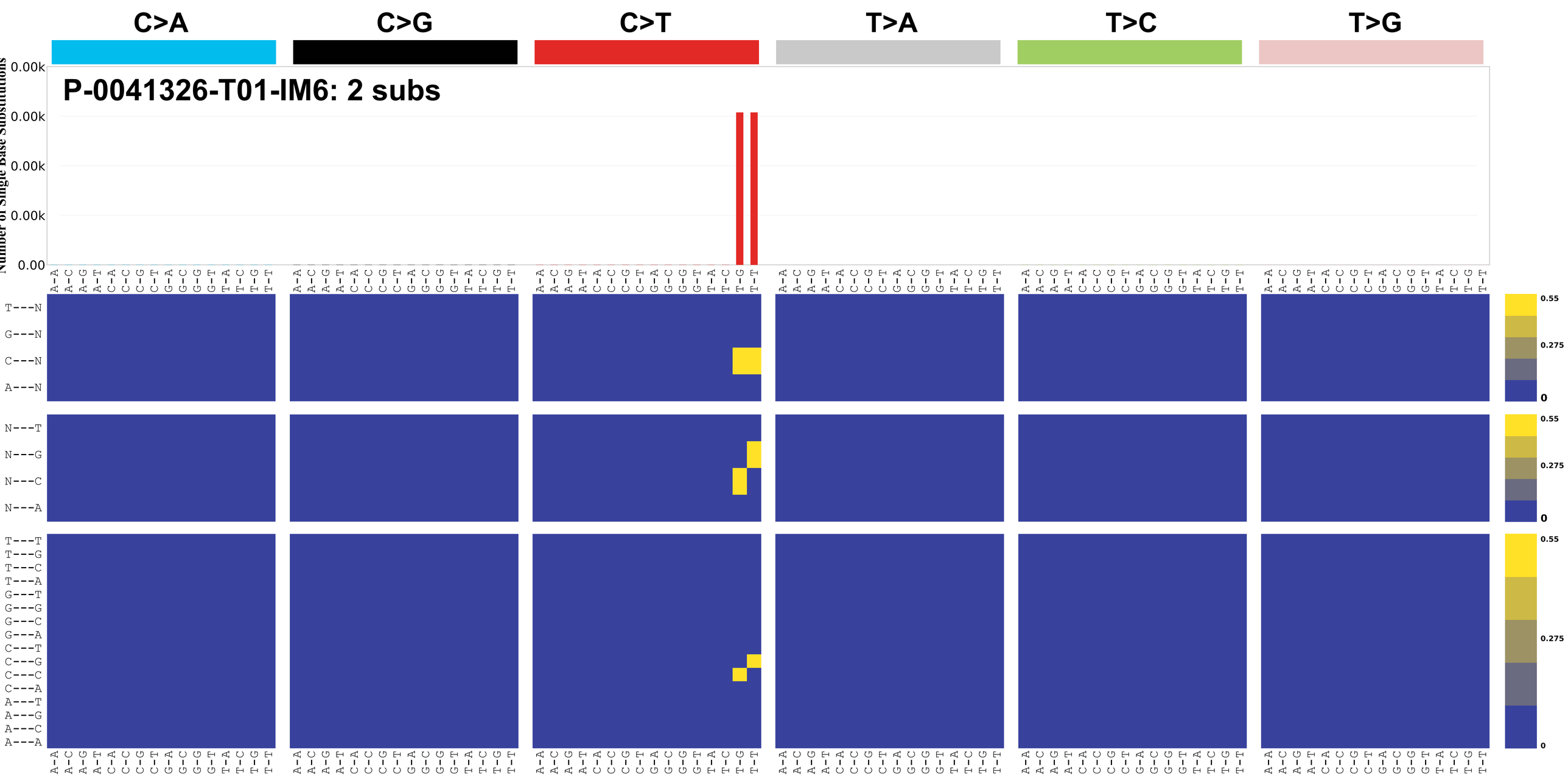

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0039043-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

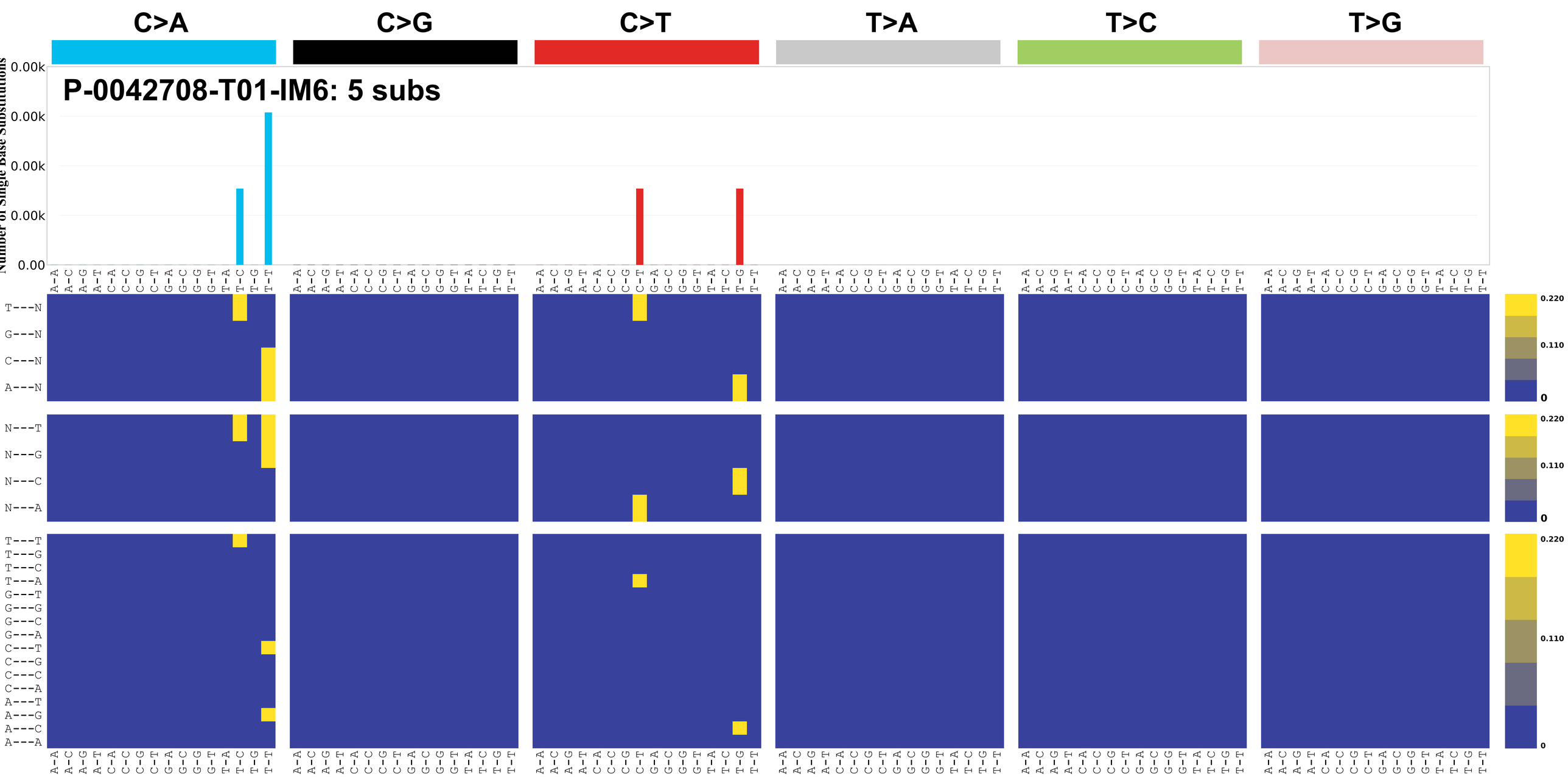

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0039634-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

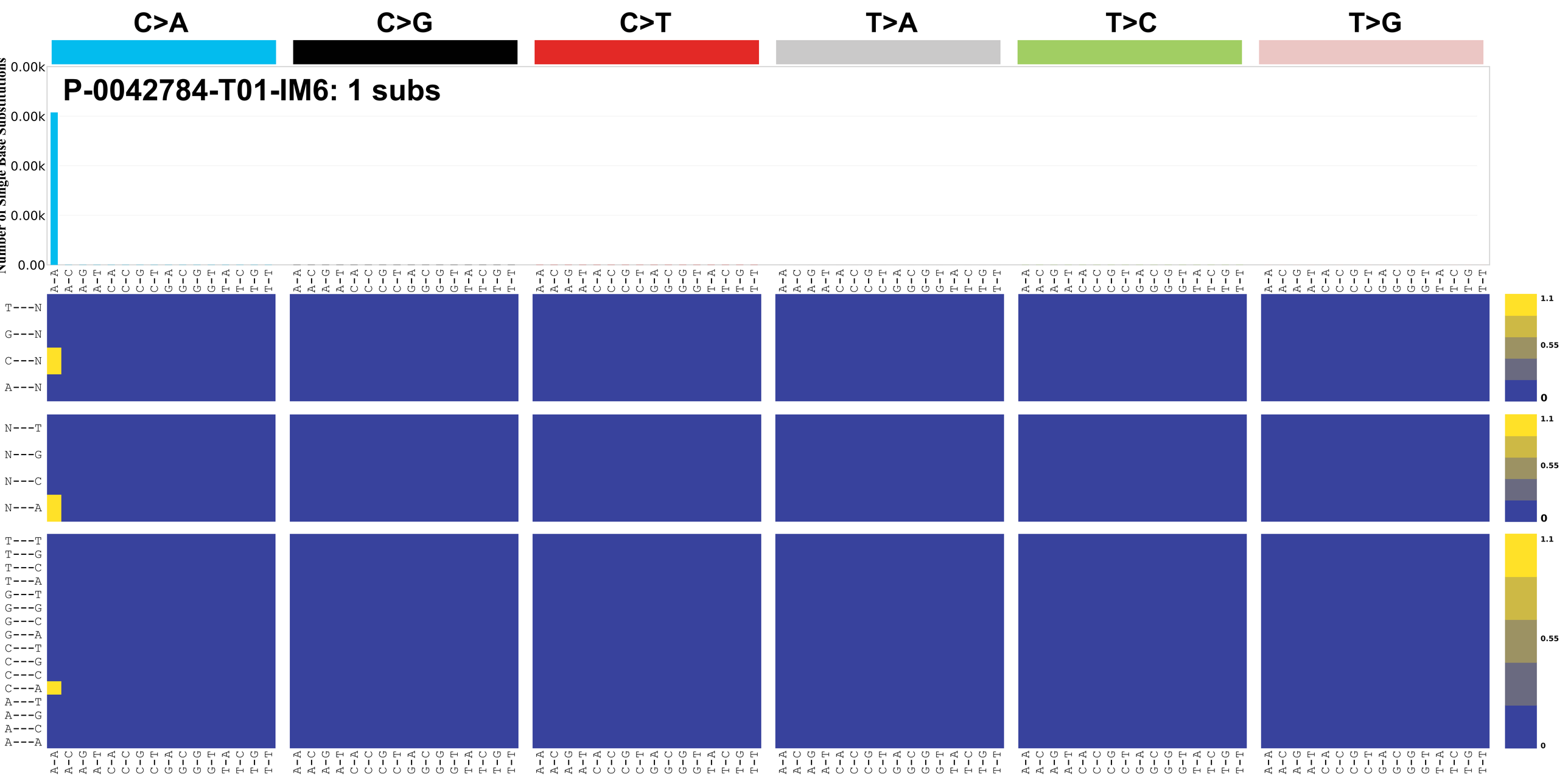

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0039640-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

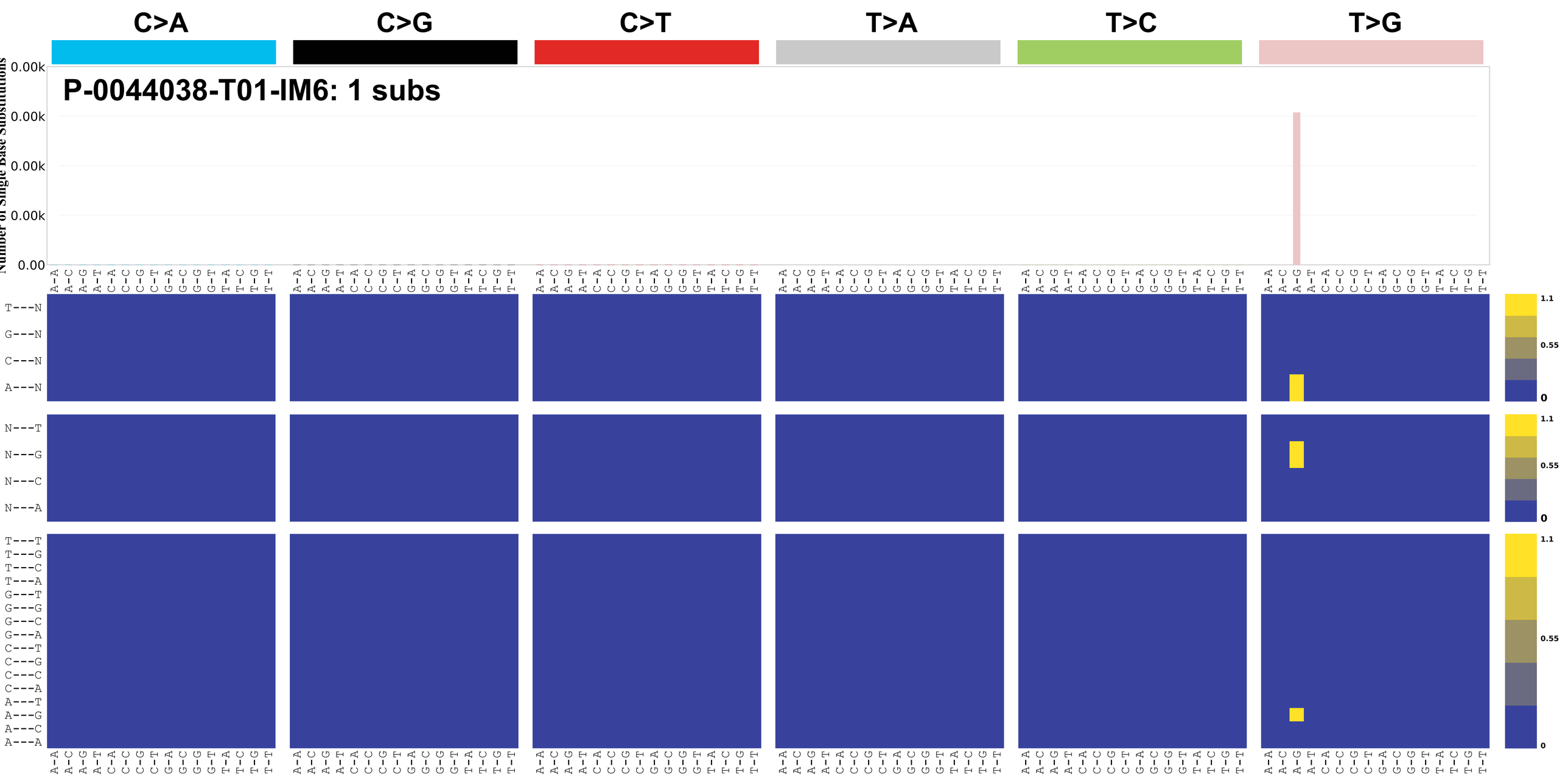

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0041214-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

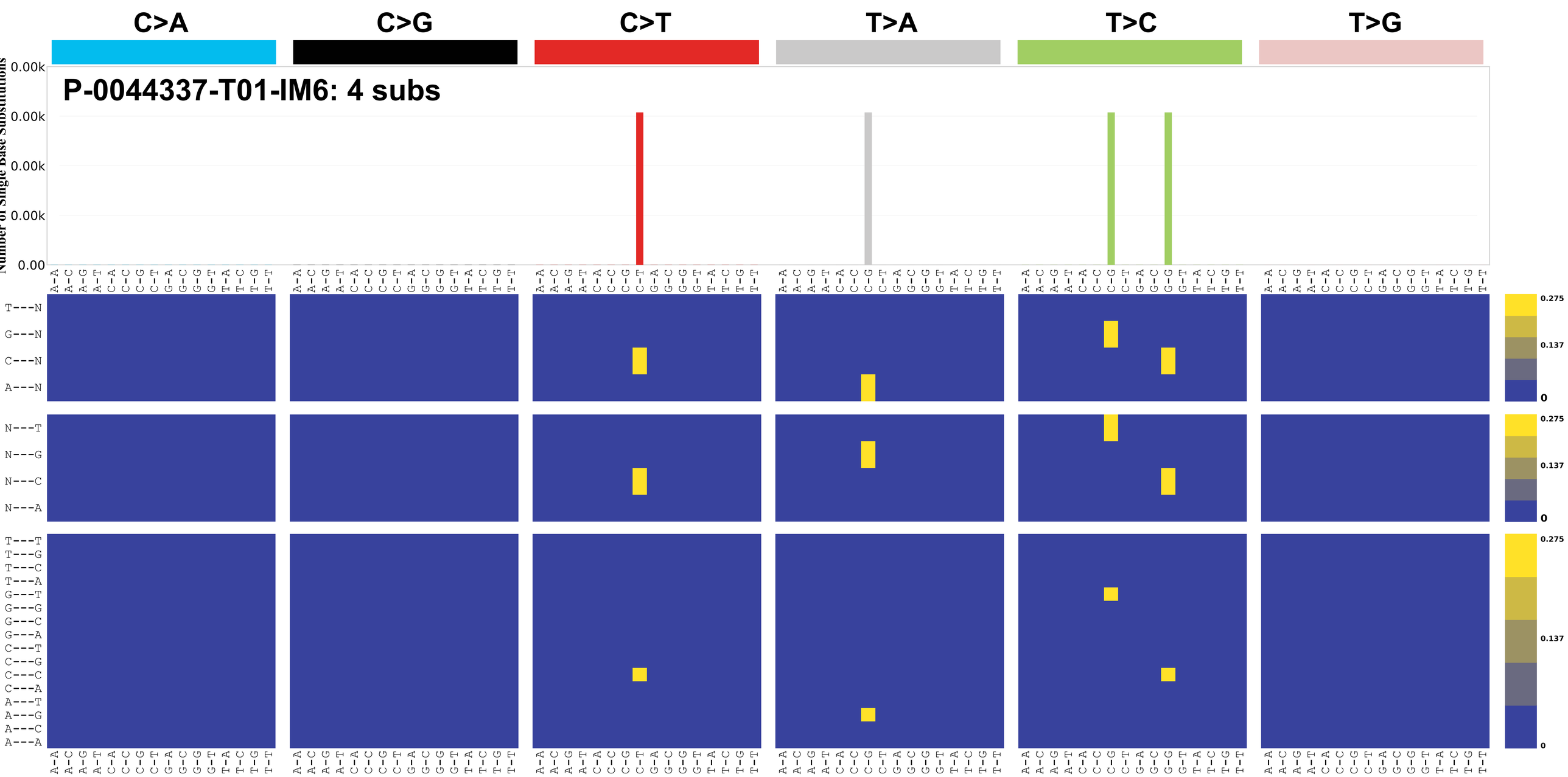

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0041268-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

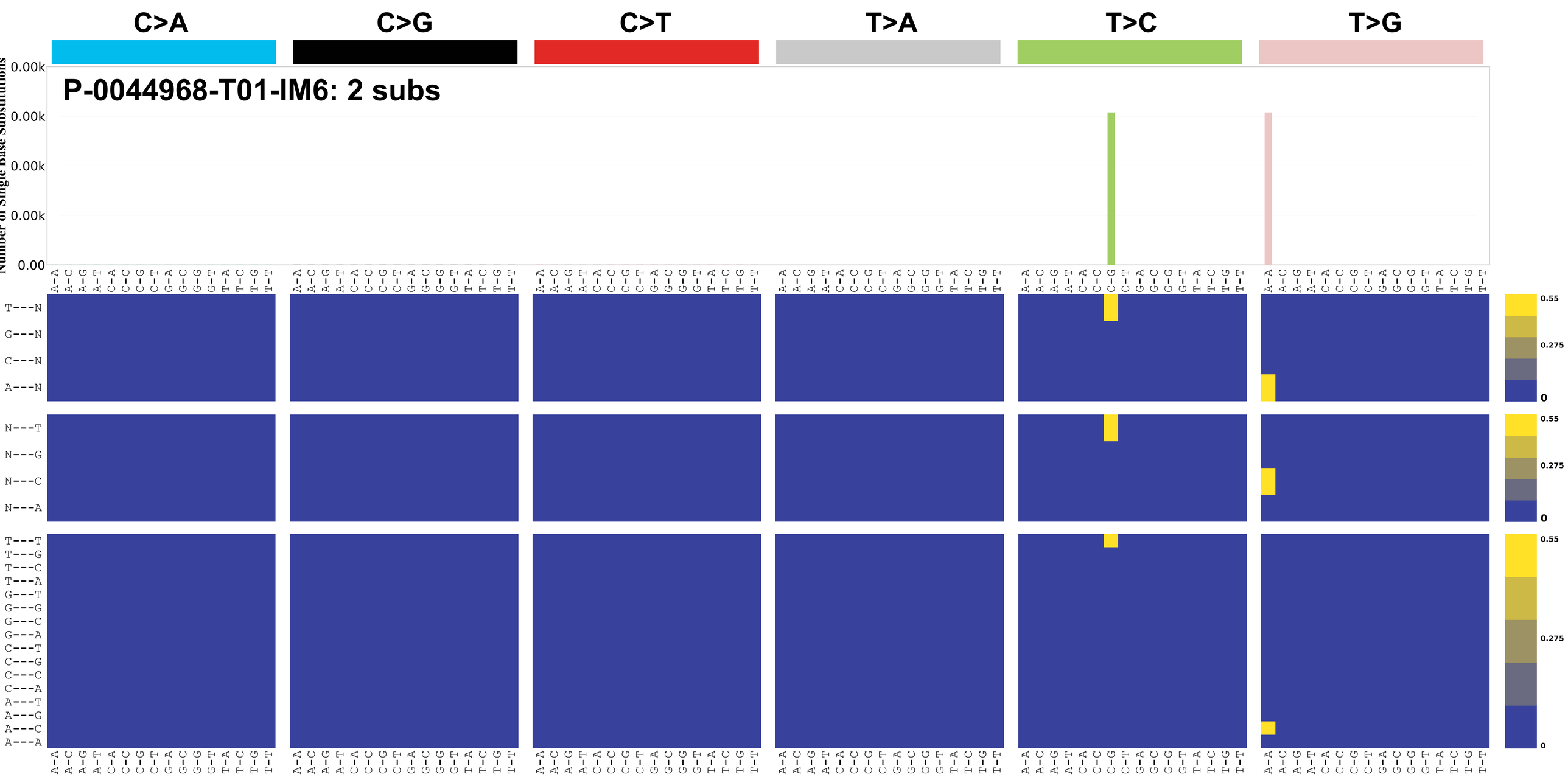

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0041326-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

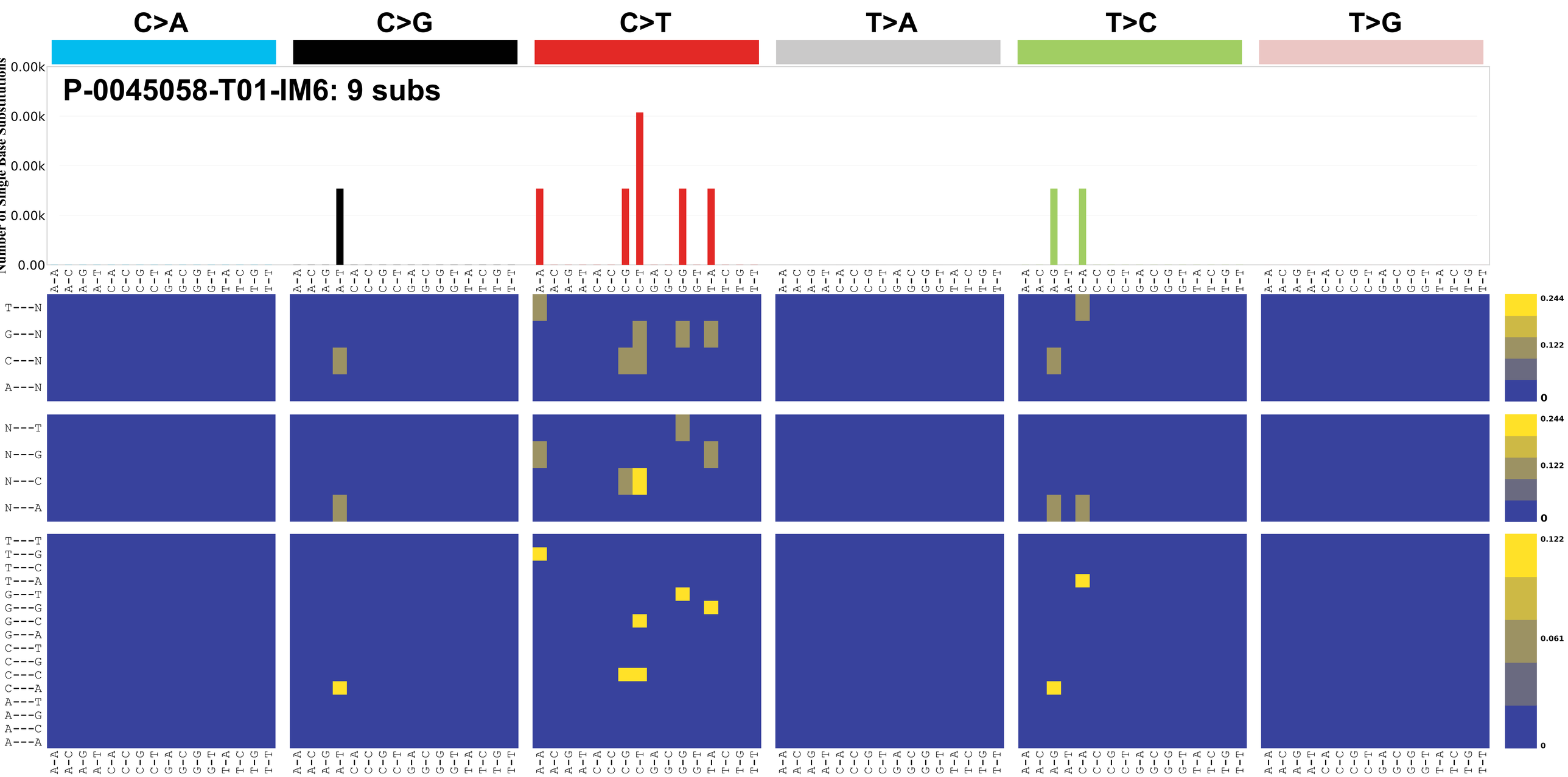

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0042708-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

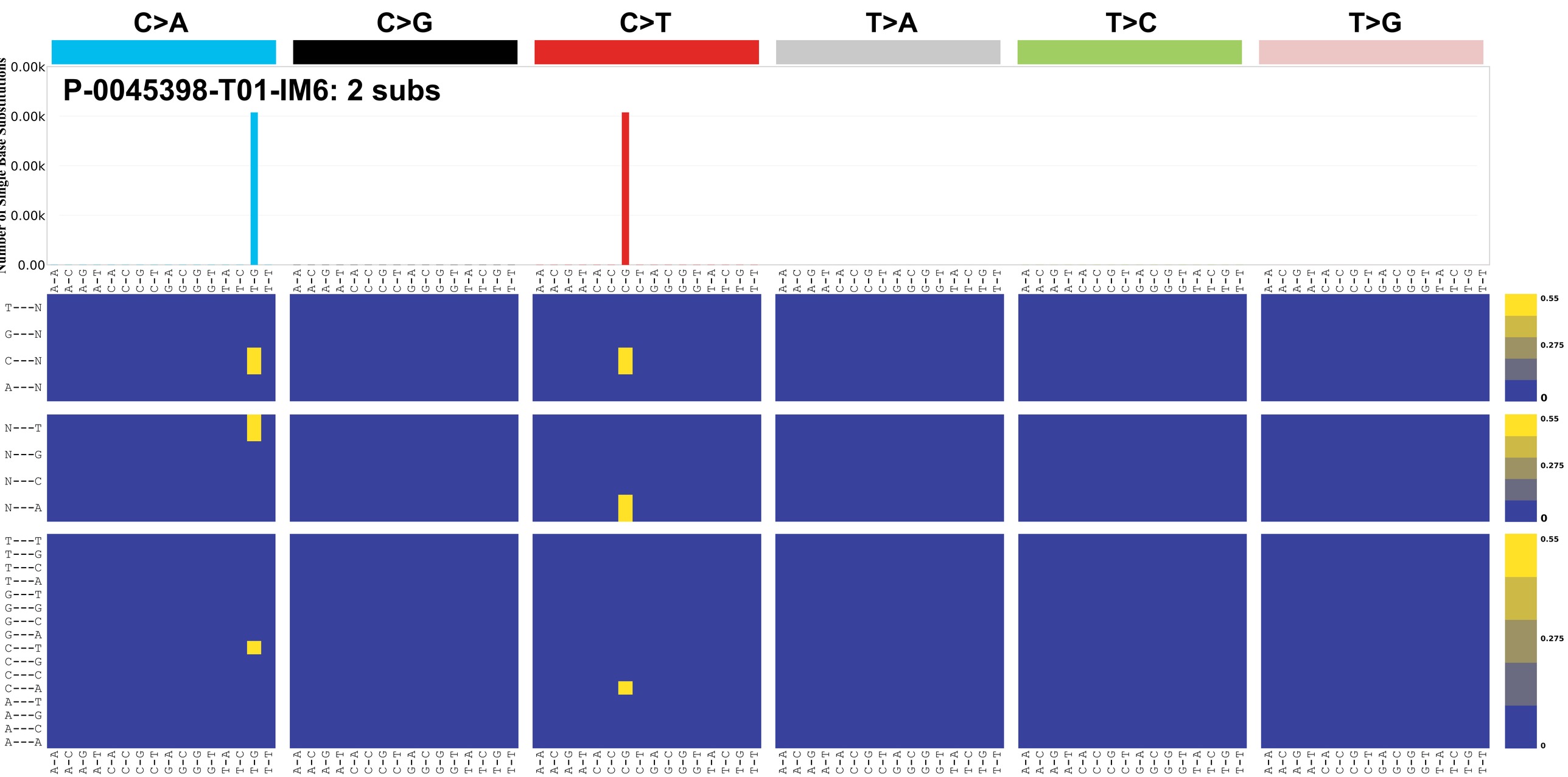

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0042784-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

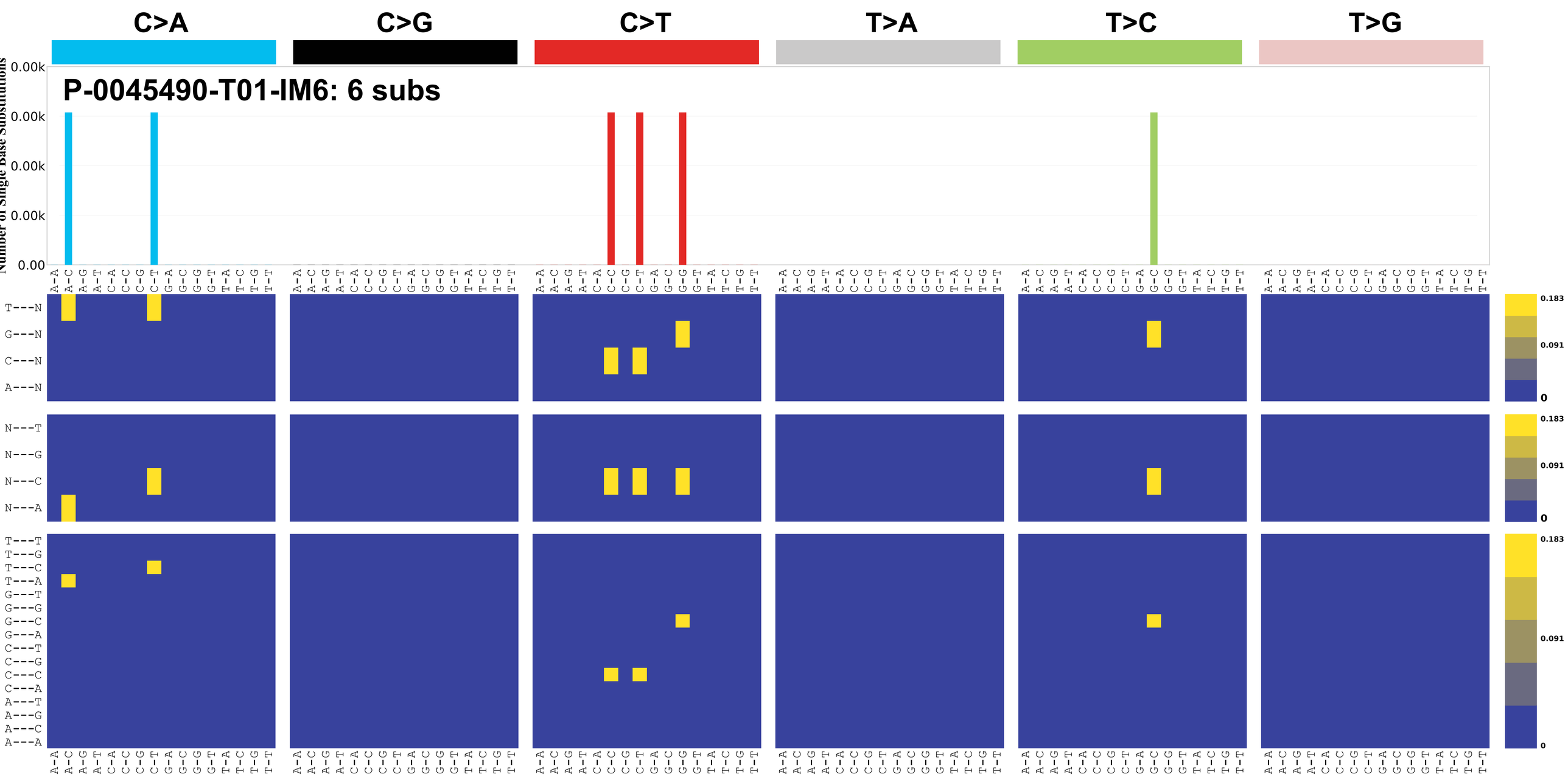

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0044038-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

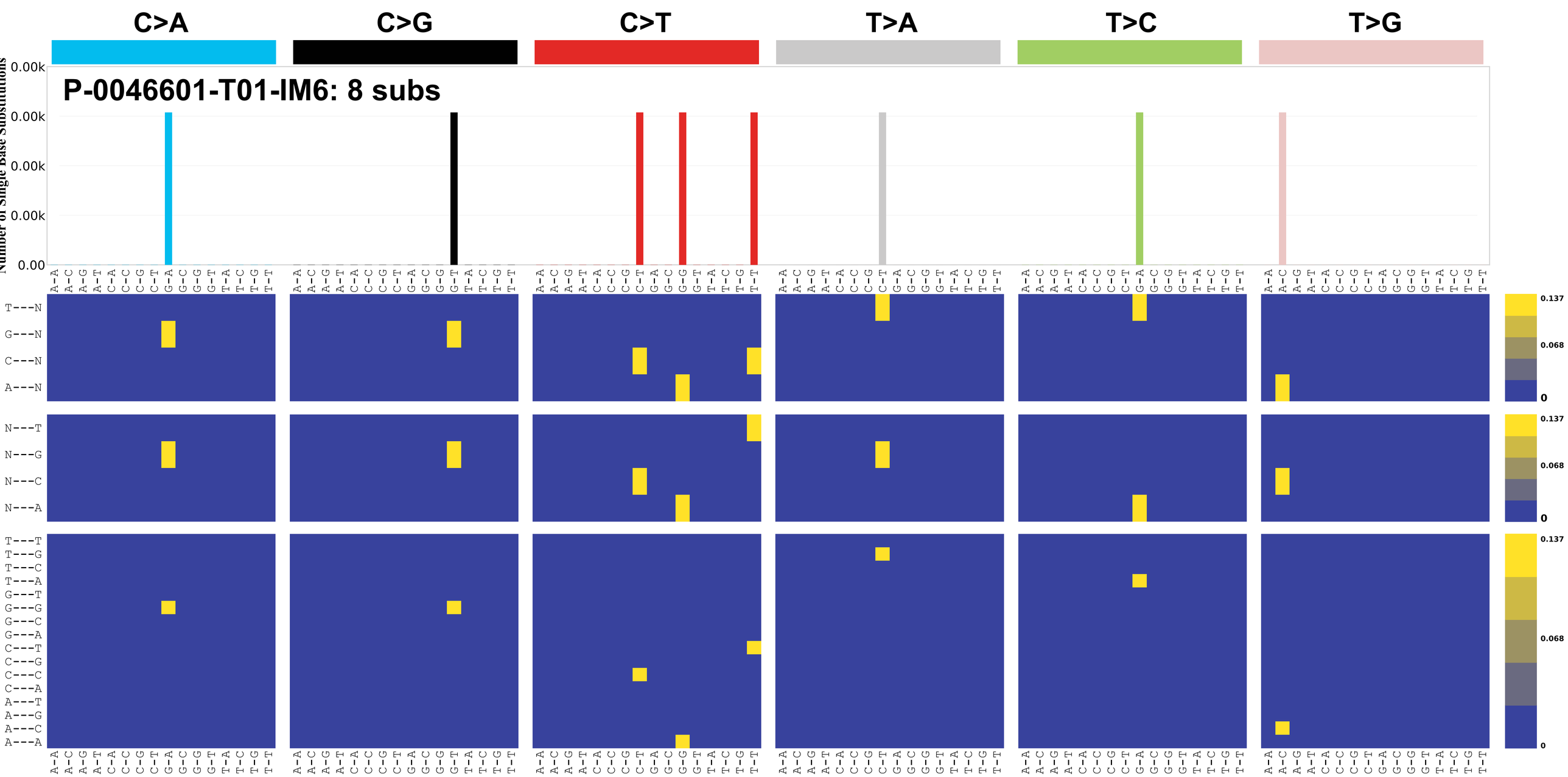

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0044337-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

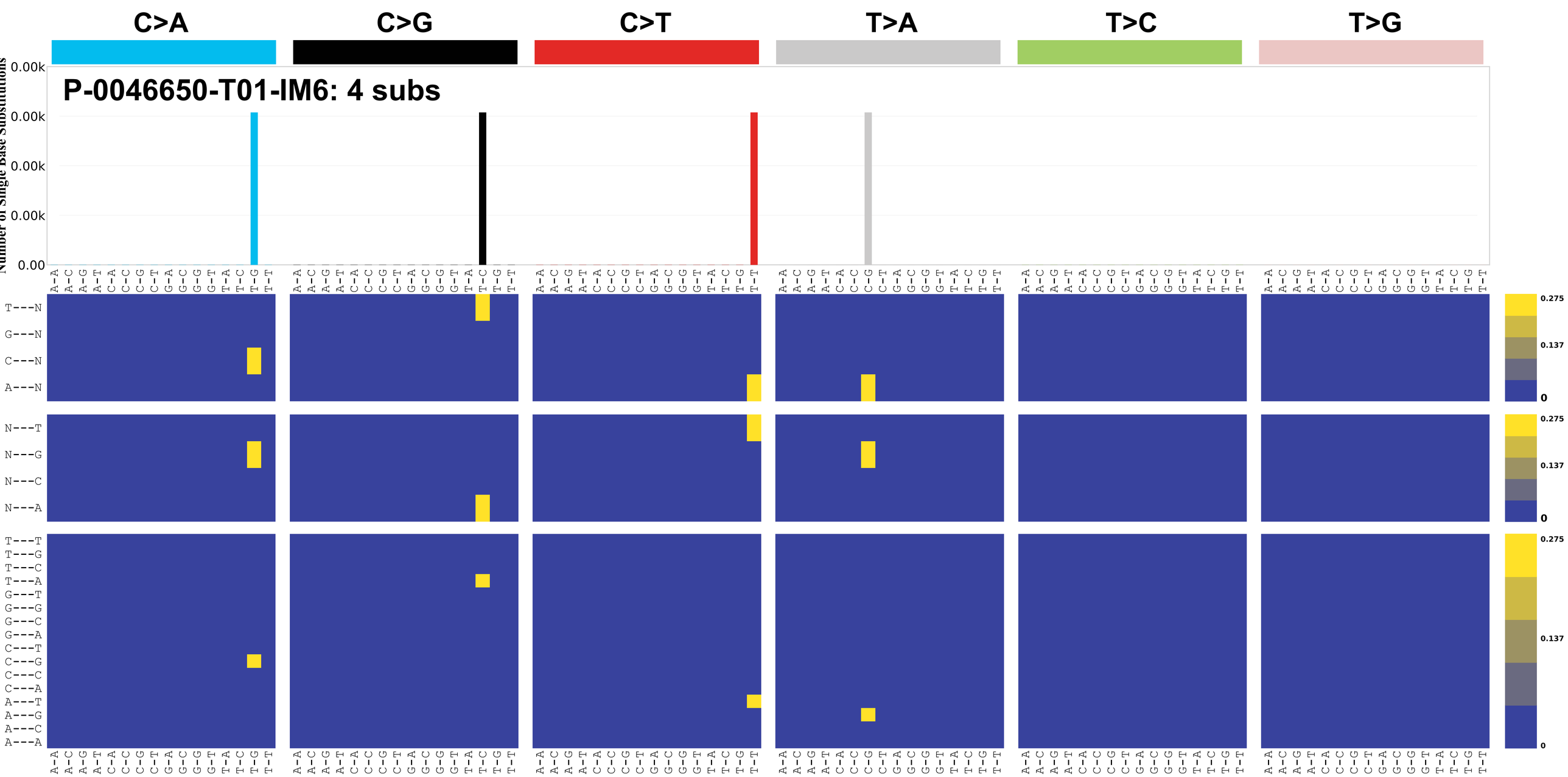

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0044968-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0

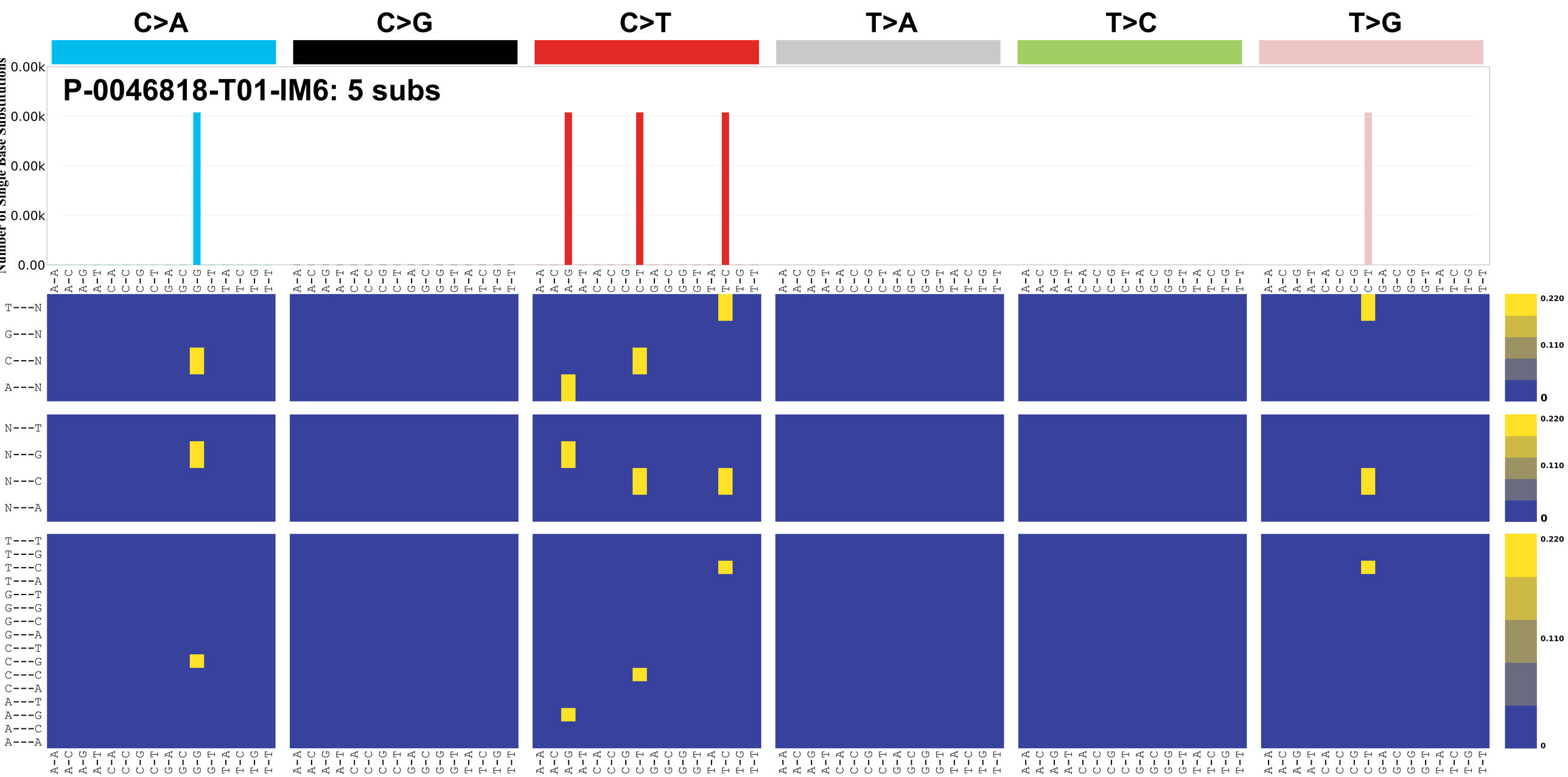

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0045058-T01-IM6: 9 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.244
0.122
0
0.244
0.122
0
0.122
0.061
0

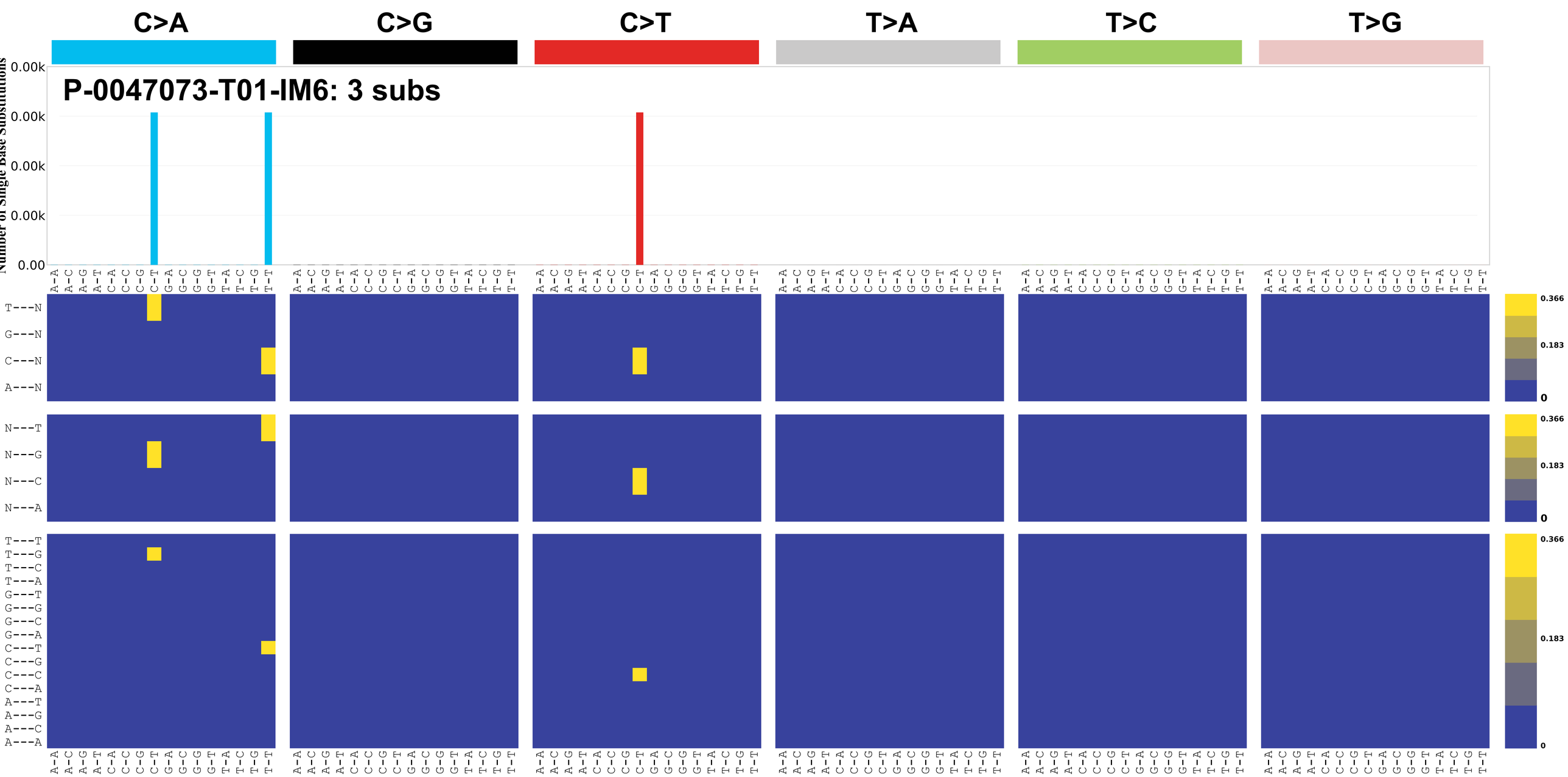

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0045398-T01-IM6: 2 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.55
0.275
0
0.55
0.275
0
0.55
0.275
0

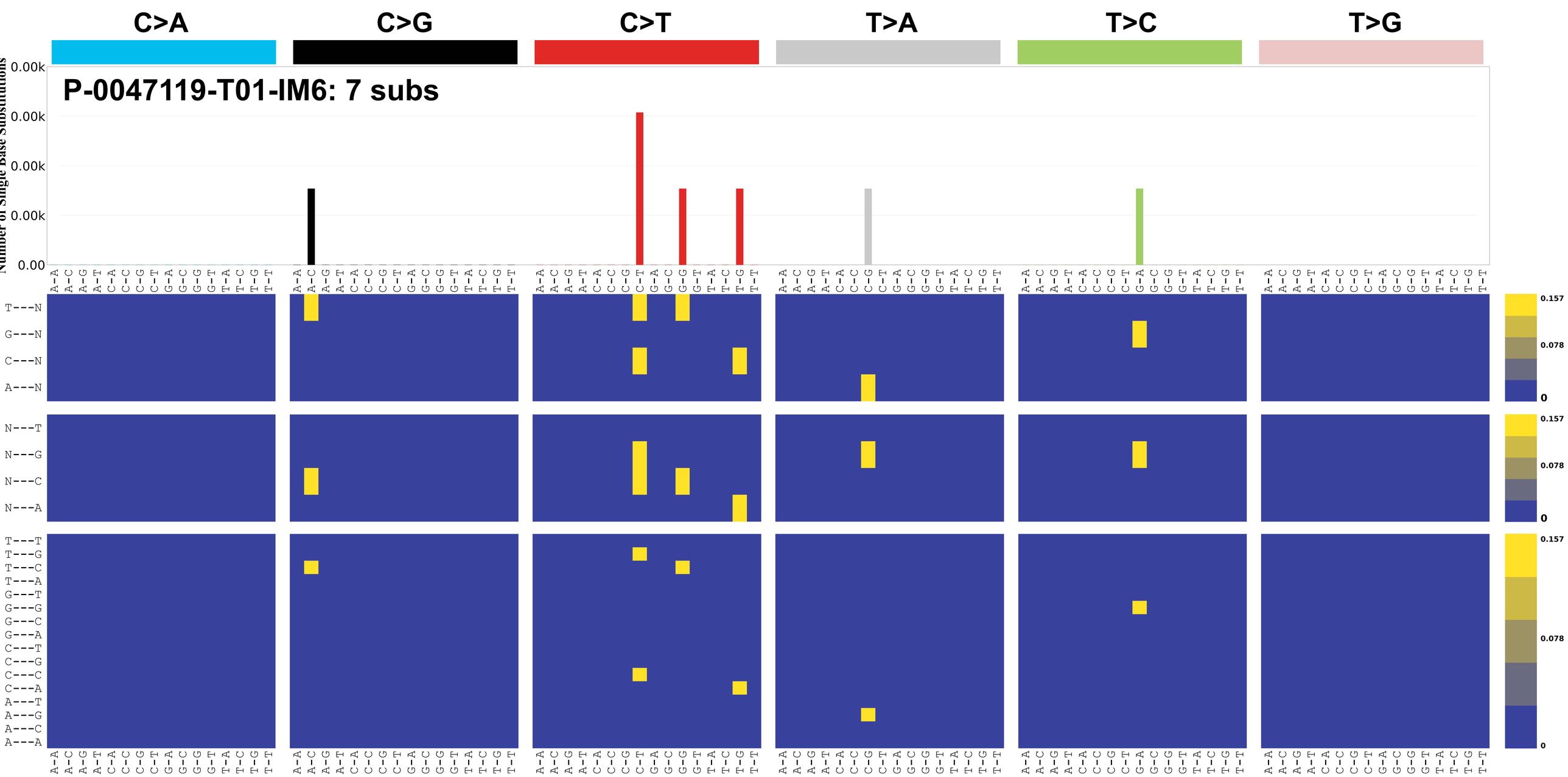

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0045490-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0

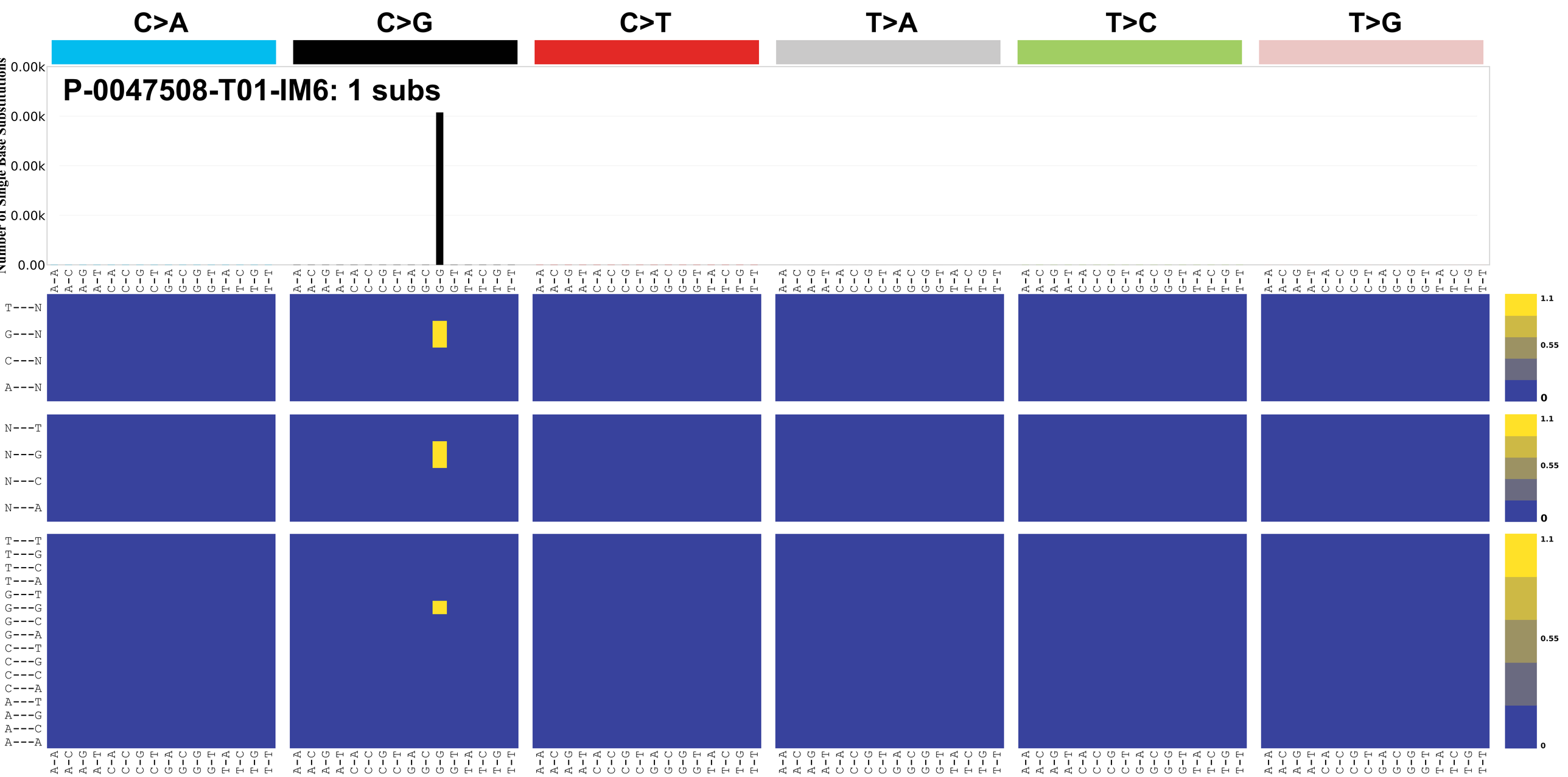

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0046601-T01-IM6: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0

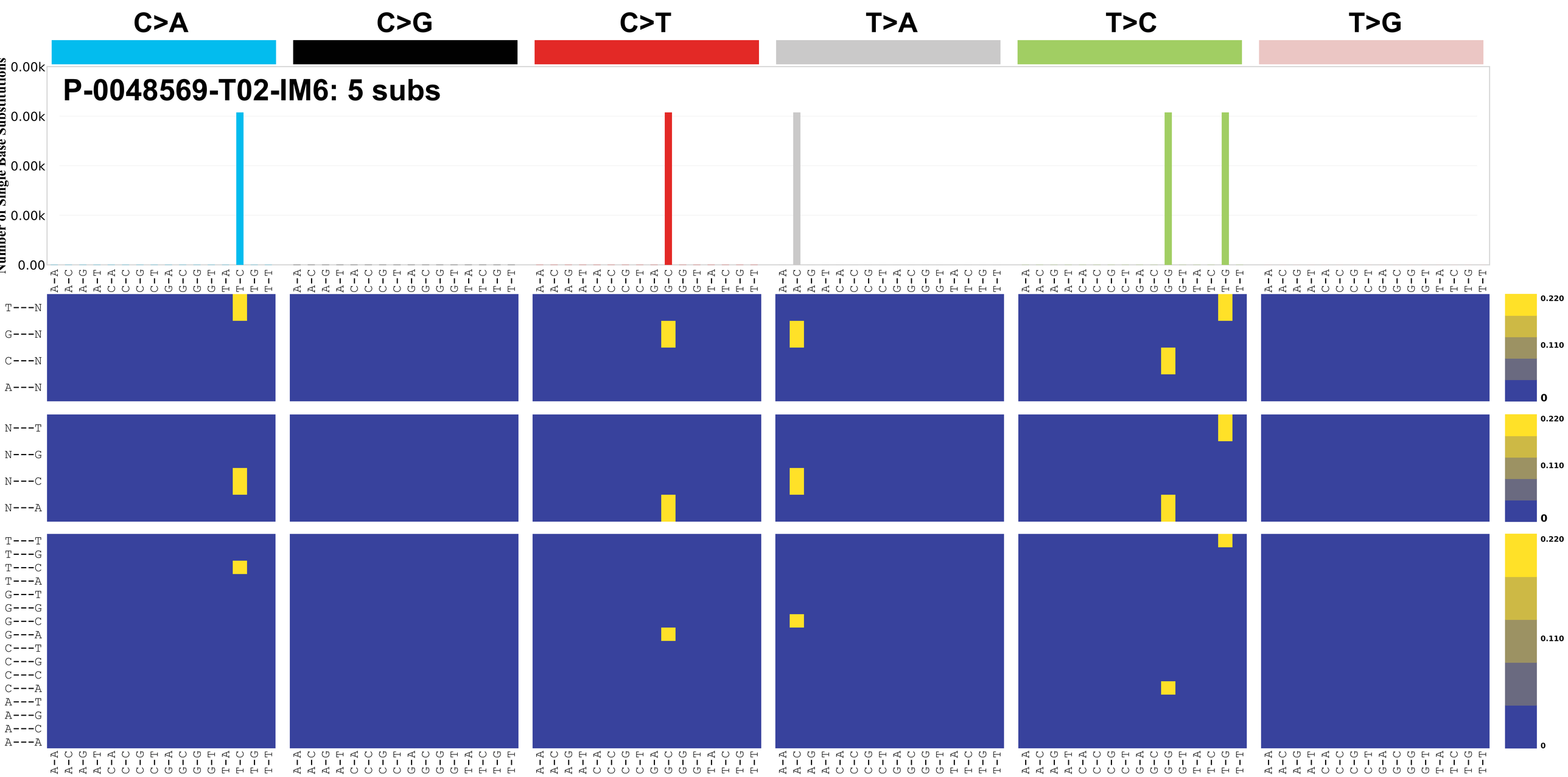

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0046650-T01-IM6: 4 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.275
0.137
0

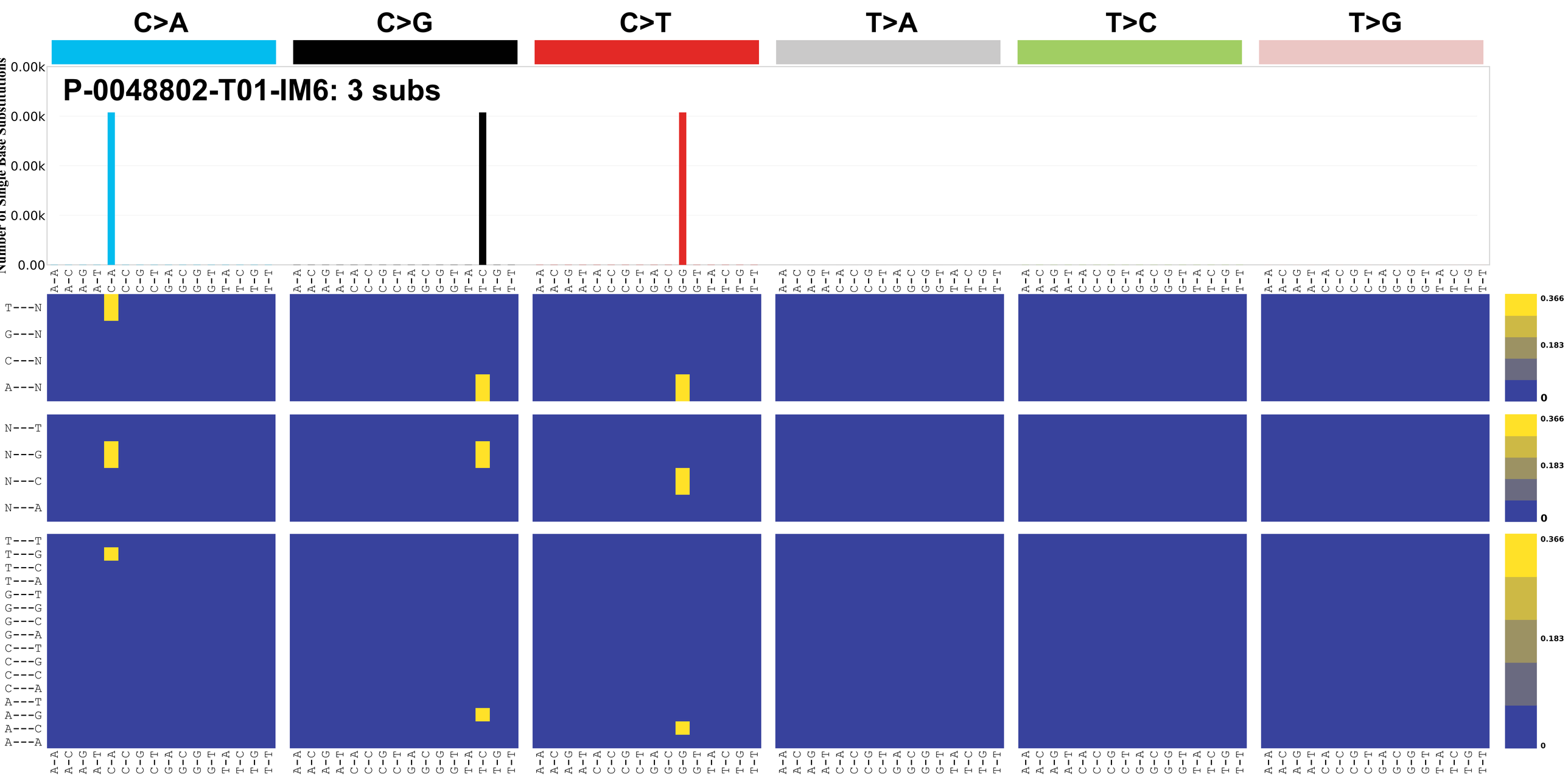

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0046818-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0

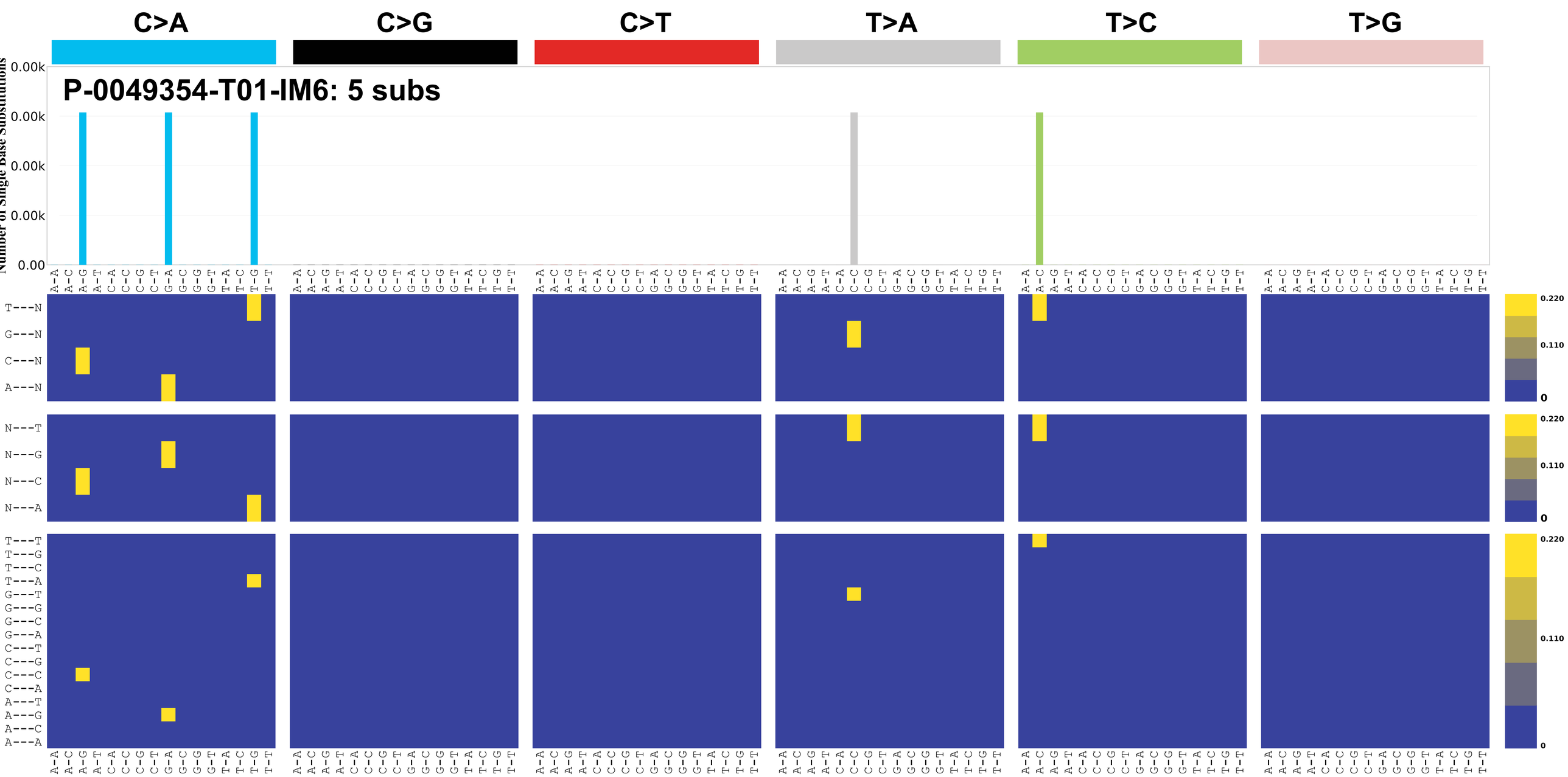

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0047073-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0

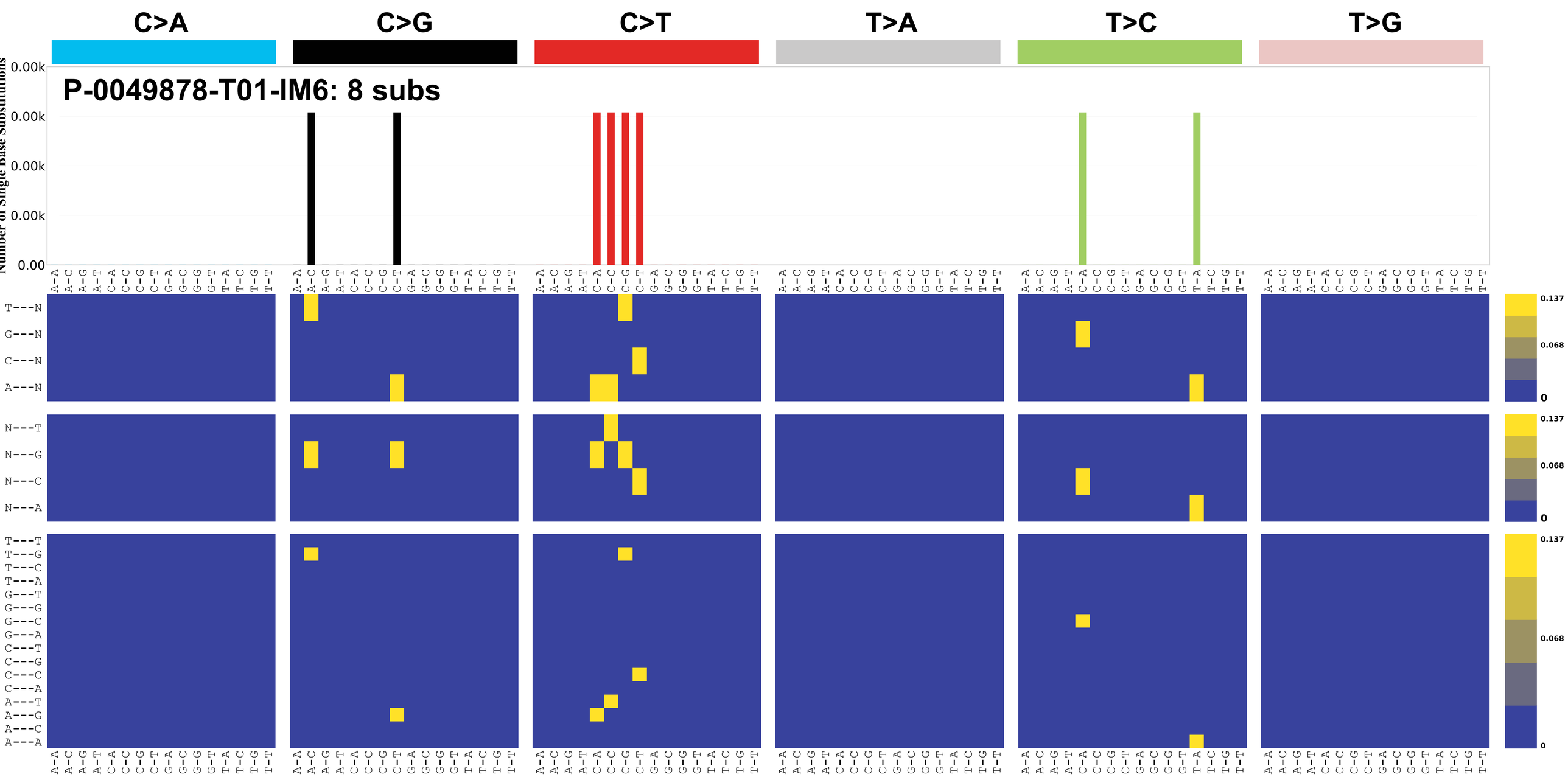

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0047119-T01-IM6: 7 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.157
0.078
0

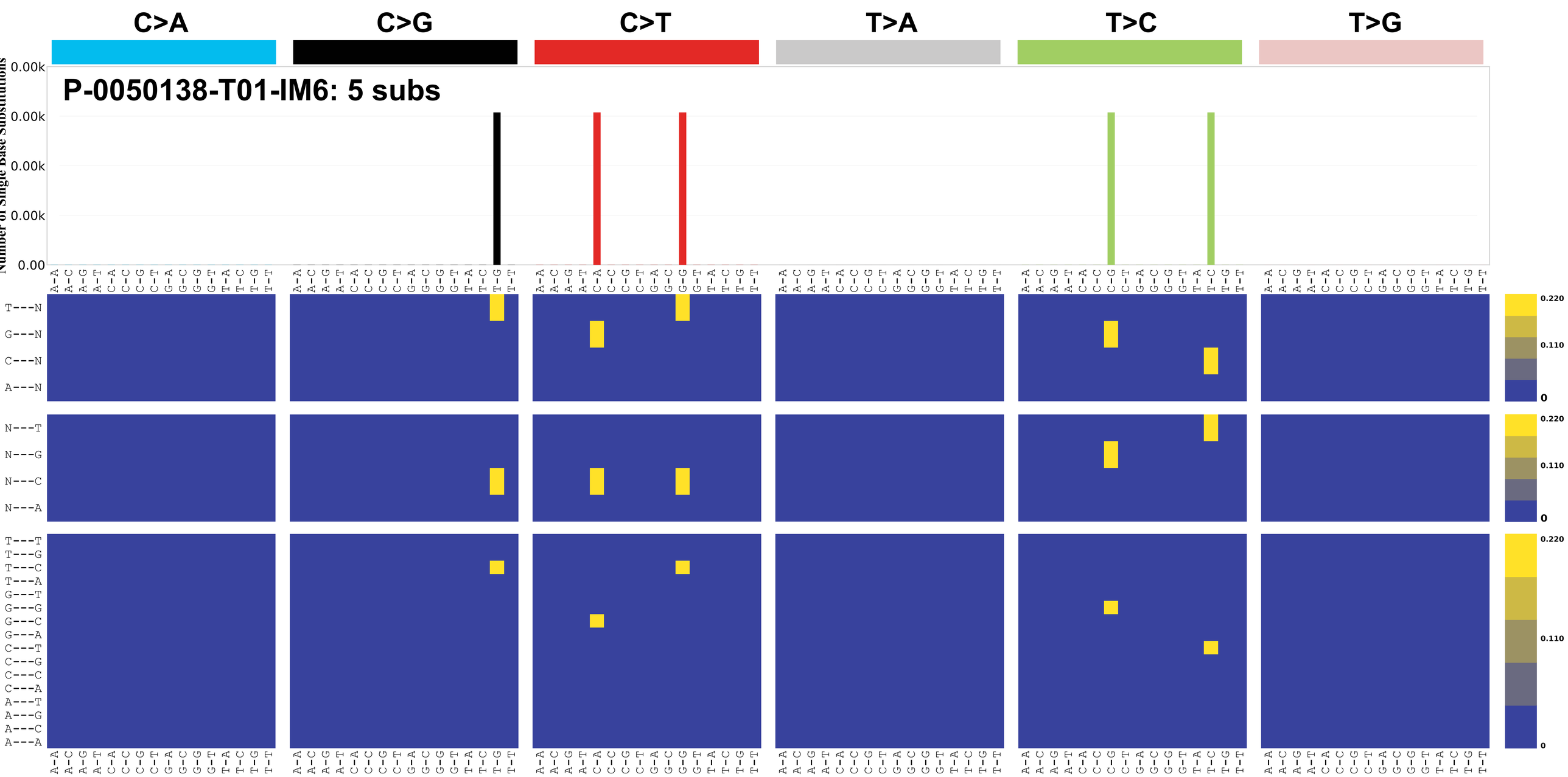

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0047508-T01-IM6: 1 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
1.1
0.55
0

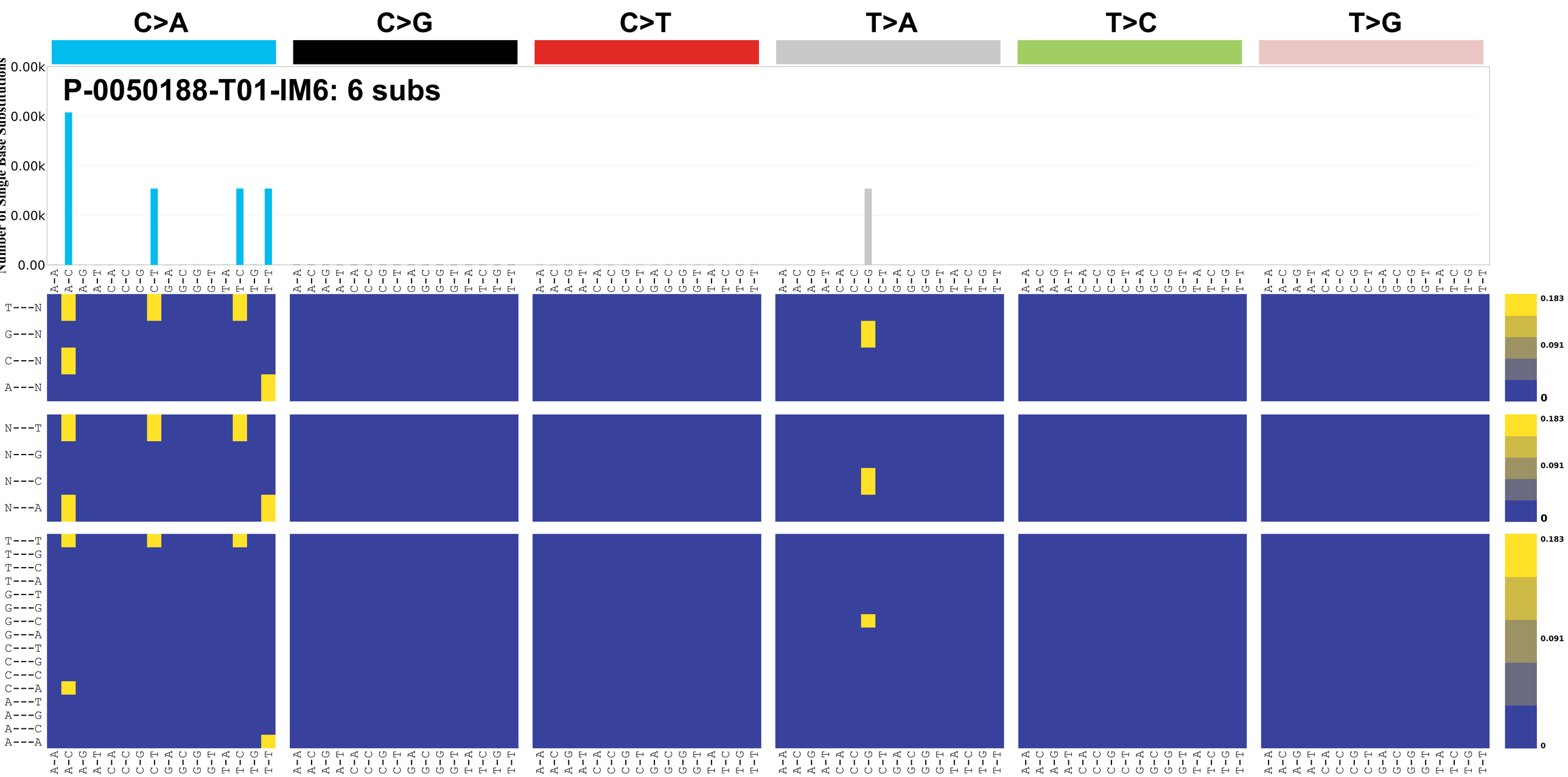

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0048569-T02-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0
0.220
0.110
0

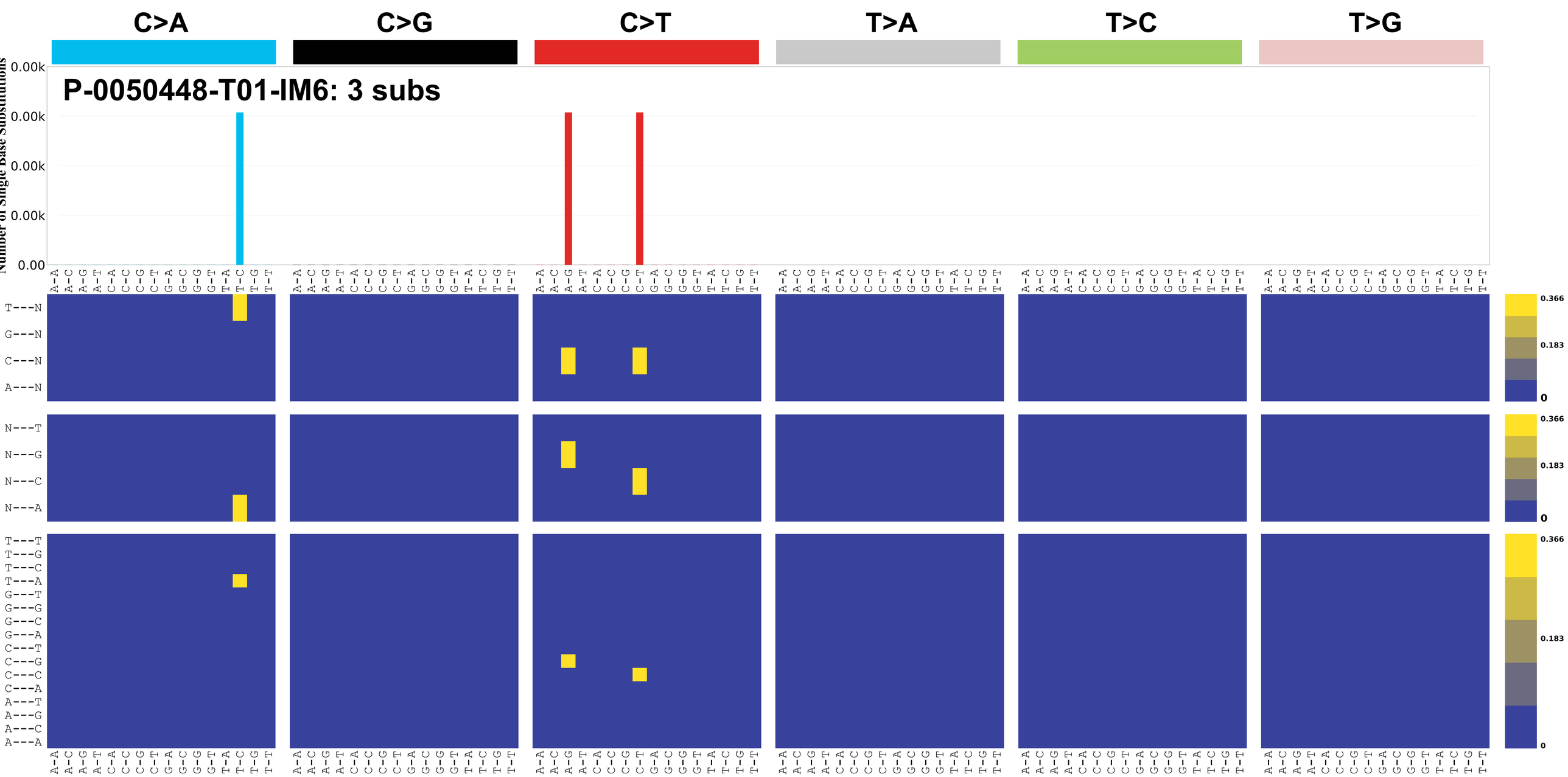

C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0048802-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0


C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0049354-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0


C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0049878-T01-IM6: 8 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.137
0.068
0


C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0050138-T01-IM6: 5 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.220
0.110
0


C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0050188-T01-IM6: 6 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.183
0.091
0


C>A
C>G
C>T
T>A
T>C
T>G
P-0050448-T01-IM6: 3 subs
Number of Single Base Substitutions
0.00k
0.00k
0.00k
0.00k
0.00
T---N
G---N
C---N
A---N
N---T
N---G
N---C
N---A
T---T
T---G
T---C
T---A
G---T
G---G
G---C
G---A
C---T
C---G
C---C
C---A
A---T
A---G
A---C
A---A
0.366
0.183
0