# Национальный исследовательский университет ИТМО

Факультет Программной Инженерии и Компьютерной техники

Лабораторная работа №3 Вариант №171304

> Выполнила: Брель Мария Владимировна Группа Р3107 Преподаватели: Байрамова Хумай Николаев Владимир Вячеславович

## Оглавление

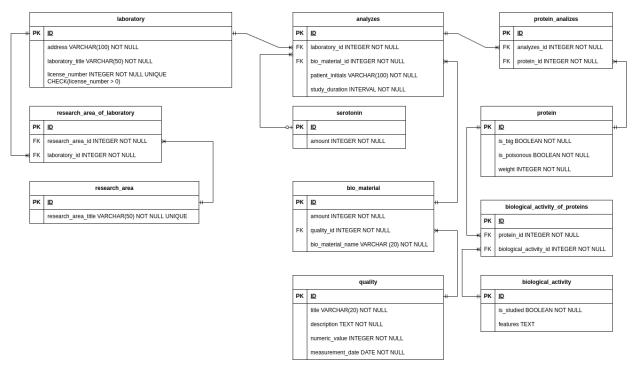
Задание:	3
Функциональные зависимости:	4
Нормальные формы:	5
Денормализация:	5
Функция на языке PL/pgSQL:	6
Вывод:	7

## Задание:

Для отношений, полученных при построении предметной области из лабораторной работы №1, выполните следующие действия:

- •Опишите функциональные зависимости для отношений полученной схемы (минимальное множество);
- •Приведите отношения в 3NF (как минимум). Постройте схему на основеNF (как минимум).
- •Опишите изменения в функциональных зависимостях, произошедшие после преобразования в 3NF (как минимум). Постройте схему на основеNF;
- •Преобразуйте отношения в BCNF. Докажите, что полученные отношения представлены в BCNF. Если ваша схема находится уже в BCNF, докажите это;
- •Какие денормализации будут полезны для вашей схемы? Приведите подробное описание.

Придумайте триггер и связанную с ним функцию, относящиеся к вашей предметной области, согласуйте их с преподавателем и реализуйте на языке PL/pgSQL.



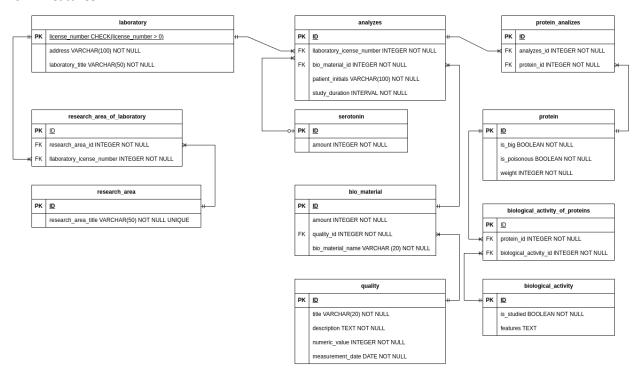
```
Функциональные зависимости:
research_area: id → research_area_title
research_area_of_laboratory: id → research_area_id
id → laboratory_license_number
laboratory: license_number → address,
license_number → laboratory_title,
license number \rightarrow id,
id → laboratory_title,
id \rightarrow address,
id → license_number
Данные связи нарушают ЗНФ, так как присутствуют транзитивные функциональные
связи. Для нормализации можно сделать license_number PRIMARY KEY.
analyzes: id → laboratory_license_number
id → bio_material_id
id → patient_initials
id → study_duration
serotonin: id → amount
bio_material: id → amount
id → quality_id
id → bio_material_name
quality: id \rightarrow title
id → description
id → numeric_value
id → measurment_date
protein_analyzes: id → analyzes_id
id → protein_id
protein: id → is_big
id → is_poisonous
id → weight
```

*biological\_activity\_of\_proteins*: id → protein\_id

## id → biological\_activity\_id

### *biological\_activity*: id → is\_studied

#### id → features



## Нормальные формы:

**1NF:** Отношение находится в 1NF, так как на пересечении каждой строки и столбца — одно значение.

**2NF**: Отношение находится во 2NF, так как все неключевые атрибуты в полной функциональной зависимости от первичного ключа отношения.

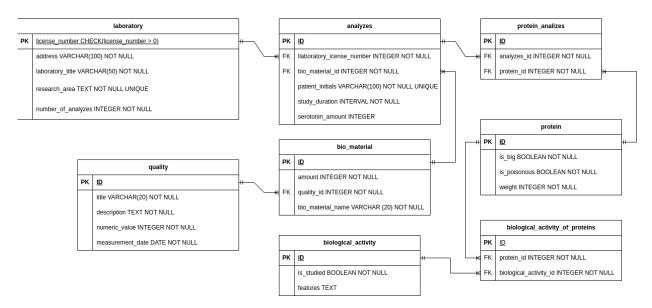
**3NF:** Отношение находится в 3NF, так как все неключевые атрибуты не находятся в транзитивной функциональной зависимости от первичного ключа.

**BCNF**: Отношение находится в BCNF, так как для всех функциональных зависимостей выполняется условие: детерминант — потенциальный ключ.

## Денормализация:

Объединение связанных таблиц: объединение таблиц laboratory и research\_area, а так же analyzes и serotonin может быть полезно в том случае, когда данные из этих таблиц часто запрашиваются вместе, так как в таком случае без использования JOIN исполнение операций будет быстрее. Нарушает 3 нормальную форму, тк появляются атрибуты, зависящие от вторичных атрибутов.

Добавление атрибутов: добавление атрибута number\_of\_analyzes в таблицу laboratory в том случае, если данные о лаборатории и количестве анализов в ней часто запрашиваются вместе. Это так же экономит время выполнения операции. Однако этот атрибут требуется часто обновлять. Нарушает 3 НФ тк он не зависит от РК.



## Функция на языке PL/pgSQL:

Данный триггер необходим для изменения данных при соблюдении определенного условия, в данном случае для того, чтобы обнулить массу протеинов в анализе если качество био материала в нем менее 50.

Триггер вызывается после операции UPDATE и обновляет данные в случае, если условие соблюдается.

```
create function quality checker() returns trigger
  language plpgsql
as
$$
BEGIN
  UPDATE protein SET weight = 0 WHERE protein.id IN (
         SELECT protein.id FROM protein
         JOIN protein analyzes ON protein.id = protein analyzes.protein id
         JOIN analyzes ON protein analyzes.analyzes id = analyzes.id
         JOIN bio material ON analyzes.bio material id = bio material.id
         JOIN quality ON bio material quality id = quality.id
         WHERE quality.numeric value < 50 AND quality.id = NEW.quality_id );
  RETURN NEW;
END
$$;
CREATE CONSTRAINT TRIGGER quality_trigger AFTER UPDATE OF quality_id ON
bio material
FOR EACH ROW
  EXECUTE PROCEDURE quality checker();
```

## Вывод:

При выполнении данной лабораторной работы я познакомилась с нормализованными и денормализованными формами, научилась определять функциональные зависимости и проверять их на соответствие нормальным формам. Так же научилась писать функции на языке PL/pgSQL и реализовывать триггеры.