

# Min Li (李旻)

+86 18851387887 · mli.bio@outlook.com · WhyLIM · CV

## 教育经历

- 生物信息理学学士, 苏州大学, 中国江苏苏州 (2018 年 9 月 – 2022 年 6 月)

## 工作经历

- 科研助理  
医学研究部, 广东省人民医院 (广东省医学科学院), 南方医科大学, 中国广东广州 (2023 年 3 月 – 至今)

## 技能

- 熟悉操作系统: Windows, Linux (Zorin, Ubuntu, CentOS, Kali), Hackintosh
- 熟悉编程语言: Python, R, HTML, CSS, JavaScript, VUE3, MySQL

## 发表文章 (第一作者<sup>#</sup>)

- Li, M.<sup>#</sup>, Liu, S.<sup>#</sup>, Ma, S.<sup>#</sup>, Shang, X., Zhang, X., Jason, H., Huang, Y., Kiburg, K., Zhao, K., Hu, G., Zhang, L., Yu, H., He, M., & Zhang, X. (2024). Network-based hub biomarker discovery for glaucoma. *BMJ Open Ophthalmol*, 9(1). <https://doi.org/10.1136/bmjophth-2024-001915> IF 2.0
- Zhang, X.<sup>#</sup>, Li, M.<sup>#</sup>, Ye, S.<sup>#</sup>, Shen, K.<sup>#</sup>, Yuan, H., Bakhtyar, S., Peng, Q., Liu, Y., Wang, Y., & Li, M. (2023). CBD2: A functional biomarker database for colorectal cancer. *iMeta*, e155. <https://doi.org/10.1002/imt2.155> IF 23.7
- Zhang, X.<sup>#</sup>, Huang, Y.<sup>#</sup>, Liu, S., Ma, S., Li, M., Zhu, Z., Wang, W., Zhang, X., Liu, J., Tang, S., Hu, Y., Ge, Z., Yu, H., He, M., & Shang, X. (2024). Machine learning-based metabolomic and genetic profiles for predicting multiple brain phenotypes. *Journal of Translational Medicine*. (Accepted). IF 6.1
- Zhang, X.<sup>#</sup>, Li, D.<sup>#</sup>, Ye, S.<sup>#</sup>, Liu, S.<sup>#</sup>, Ma, S., Li, M., Peng, Q., Hu, L., Shang, X., He, M., & Zhang, L. (2024). Decoding the genetic comorbidity network of Alzheimer's disease. *BioData Min*, 17(1), 40. <https://doi.org/10.1186/s13040-024-00394-w> IF 4.5
- Ye, S.<sup>#</sup>, Ma, S.<sup>#</sup>, Liu, S.<sup>#</sup>, Huang, Y.<sup>#</sup>, Li, D.<sup>#</sup>, Li, M., Su, T., Luo, J., Zhang, C., Shi, D., Hu, L., Zhang, L., Yu, H., He, M., Shang, X., & Zhang, X. (2024). Shared whole environmental etiology between Alzheimer's disease and age-related macular degeneration. *NPJ Aging*, 10(1), 36. <https://doi.org/10.1038/s41514-024-00162-4> IF 4.1
- Wang, Z., Li, M., Tang, M., & Hu, G. (2023). From big data to complex network: a navigation through the maze of drug–target interaction. In *Big Data Analytics in Chemoinformatics and Bioinformatics* (pp. 407–436). Elsevier. Chapter

## CONFERENCE PROCEEDINGS

- 2024 年 10 月 9 日 – 10 月 12 日  
第十三届全国生物信息学与系统生物学学术大会, 中国海南海口 – 海报展示
- 2023 年 10 月 27 日 – 10 月 30 日  
第十二届全国生物信息学与系统生物学学术大会, 中国山东青岛 – 海报展示

## 学术贡献

### 学术团体和协会服务

- 委员, 四川省生物信息学会青年委员会 (2023 – 至今)

### 研究贡献

- 为论文 "Loss of ESRP2 Activates TAK1-MAPK Signaling through the Fetal RNA-Splicing Program to Promote Hepatocellular Carcinoma Progression" 提供了蛋白质结构建模以及分子对接方面的技术支持, 该论文发表于 *Advanced Science* IF 14.3 (doi: 10.1002/advs.202305653). 在致谢部分被特别致谢。 (2023)

### 研究基金

- 国家自然科学基金面上项目, 基金号 32470680, 整合位点对基因水平功能影响提升易感基因定位效能的方法研究 (2025 – 2028), 参与
- 广东省自然科学基金面上项目, 基于遗传-环境互作网络的阿兹海默症共病图谱构建 (2025 – 2027), 参与
- 广东省医学研究基金, 基金号 A2024494, 帕金森症共病遗传图谱的构建 (2024 – 2026), 参与

## 奖项

- CCF 开源创新大赛暨第二届 Bio-OS 开源开放大赛, 任务挑战赛二等奖 - ByteDance & Intel, 2024 年 11 月  
开发了一个 AI 应用程序和一个 R 包用于查询药物-靶标-适应症相互作用, 并优化了一种基于网络的距离算法来计算三者之间的相关性。
- 第一届 Bio-OS 开源开放大赛, 论文复现赛优胜奖 (第 11 名) - ByteDance, 2023 年 12 月  
领导团队合作复现一篇复杂的研究论文, 在 131 个参赛团队中排名第 11 位。
- 2023 年广东省生物医学大数据分析社区创新大赛, 二等奖 - 广东省生物信息学会, 2023 年 12 月  
获 2023 年广东省生物医学大数据分析社区创新大赛二等奖。
- 生物技术创新与实践 - Cold Spring Harbor Asia, 2020 年 11 月  
圆满完成冷泉港亚洲举办的 "生物技术创新与实践" 项目。
- 2020 华为 ICT 大赛, 二等奖 - HUAWEI, 2020 年 10 月  
获华为中国大学生 ICT 大赛 2020 江苏赛区选拔赛 (本科生云赛道) 二等奖。
- 苏州市优秀志愿者 - 苏州市志愿者协会, 2019 年 9 月  
在 2019 年苏州火车站暑期志愿服务活动中被评为苏州市优秀志愿者。