

خوشه بندی سرطان

خوشه بندی انواع سرطان

در این سوال می‌خواهیم به خوشه بندی انواع تومور براساس داده‌هایی از ژنوم بپردازیم.

دادگان

دانلود دیتاست: [لینک](#)

نحوه اجرا

شما باید بر روی داده‌های gene expression داده شده، عملیات خوشه بندی را با روش دلخواه و عملیات‌های preprocess دلخواه انجام داده، و سپس لیبل‌های بدست آمده کلاسترهای هر عضو دیتاست را آپلود کنید.

خروجی بدست آمده خود را که کلاسترهای بدست آمده برای هر ردیف هست (یکی از اعداد ۰ تا ۴ زیرا دیتاست از ۵ کلاس تشکیل شده است) به صورت یک Pandas DataFrame در ستونی به نام `clusters` قرار داده و آپلود کنید.

- نام فایل آپلود شده شما باید حتما `output.csv` باشد.
- ترتیب شماره کلاس اختصاص داده شده به هر کلاستر مهم نیست.

نمونه:

```
,clusters
0,1
1,4
2,0
3,3
4,4
.
.
.
```