

Alpha_L_fucos	p=1.5E-01	n=1
ANAPC5	p=1.5E-01	n=1
APCDDC	p=1.5E-01	n=1
Arm_vescicular	p=1.5E-01	n=1
ARS2	p=1.5E-01	n=1
ASH	p=1.5E-01	n=1
Asp_protease	p=1.5E-01	n=1
ATP-grasp_2	p=1.5E-01	n=1
ATP-synt_ab_Xtn	p=1.5E-01	n=1
ATP-synt_F	p=1.5E-01	n=1
Auts2	p=1.5E-01	n=1
C1_1	p=1.5E-01	n=4
Carb_kinase	p=1.5E-01	n=1
CBF_beta	p=1.5E-01	n=1
CG-1	p=1.5E-01	n=1
Chorein_N	p=1.5E-01	n=3
CLU	p=1.5E-01	n=1
CLU_N	p=1.5E-01	n=1
CMAS	p=1.5E-01	n=1
DUF1899	p=1.5E-01	n=1
DUF1977	p=1.5E-01	n=1
DUF2370	p=1.5E-01	n=1
DUF4502	p=1.5E-01	n=1
DUF4503	p=1.5E-01	n=1
DUF4505	p=1.5E-01	n=1
EFhand_Ca_insen	p=1.5E-01	n=1
EGF_CA	p=1.5E-01	n=3
eIF-1a	p=1.5E-01	n=1
eIF3_p135	p=1.5E-01	n=1
ELM2	p=1.5E-01	n=2

fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.01	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.01	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.01	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00



$-\log_{10}(p)$
n=367/320 input genes with annotations



fraction