

Elav_Nvec_vc1.1_XM_032372264.2

fraction genes in fg and bg

AF-4	p=1.5E-01	n=1
AF-4_C	p=1.5E-01	n=1
APCDDC	p=1.5E-01	n=1
APP_amyloid	p=1.5E-01	n=1
APP_Cu_bd	p=1.5E-01	n=1
APP_E2	p=1.5E-01	n=1
APP_N	p=1.5E-01	n=1
Arm_vesicular	p=1.5E-01	n=1
ASXH	p=1.5E-01	n=1
ATP_Ca_trans_C	p=1.5E-01	n=1
ATP_synt_H	p=1.5E-01	n=1
Band_7	p=1.5E-01	n=3
BCCT	p=1.5E-01	n=1
CaM_bdg_C0	p=1.5E-01	n=1
Cation_ATPase	p=1.5E-01	n=3
CCDC158	p=1.5E-01	n=1
CDC50	p=1.5E-01	n=1
CEBP_ZZ	p=1.5E-01	n=1
CLU	p=1.5E-01	n=1
CLU_N	p=1.5E-01	n=1
Cpn60_TCP1	p=1.5E-01	n=2
Cys_Met_Meta_PP	p=1.5E-01	n=1
Dopey_N	p=1.5E-01	n=1
DOT1	p=1.5E-01	n=1
DUF2370	p=1.5E-01	n=1
DUF3454	p=1.5E-01	n=1
DUF3583	p=1.5E-01	n=1
DUF4611	p=1.5E-01	n=1
EAF	p=1.5E-01	n=1
EF-hand_7	p=1.5E-01	n=8

fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.01	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.01	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.00	bg=0.00
fg=0.02	bg=0.01



$-\log_{10}(p)$
n=307/292 input genes with annotations



fraction