

RESULT_AMPLICONSEQUENCING	结果目录
sample-metadata.txt	元文件
微科服扩增子分析报告样本 20180716.pdf	结题报告
1-QCStats	质控过程文件夹
demux.qzv	样本拆分统计的 qiime2 结果展示文件
stats-dada2.qzv	dada2 质控过程的 qiime2 结果展示文件
demux.qzv.exported	demux.qzv 的导出文件夹
demultiplex-summary.pdf	样本拆分统计图 pdf 格式
demultiplex-summary.png	样本拆分统计图 png 格式
index.html	样本拆分统计的结果结果汇总网页
per-sample-fastq-counts.csv	每个样本的 raw reads 数目表
quality-plot.html	序列质量分统计图
stats-dada2.qzv.exported	stats-dada2.qzv 的导出文件夹
index.html	dada2 质控过程的结果汇总网页
2-OTUAnalysis	OTU 分析结果文件夹
1-OTUSummary	OTU 的丰度及注释统计
1-OTUTable	OTU 丰度文件夹
Classified_stat_relative.png	每个样本各分类水平注释情况统计 png 图
Classified_stat_relative.svg	每个样本各分类水平注释情况统计 svg 图
feature-table.taxonomy.biom	OTU biom 格式的绝对丰度表
feature-table.taxonomy.even.txt	均一化的 OTU 丰度表
feature-table.taxonomy.txt	OTU txt 格式绝对丰度表
1-Absolute	绝对丰度表文件夹
feature-table.Class.absolute.txt	纲水平绝对丰度表
feature-table.Family.absolute.txt	科水平绝对丰度表
feature-table.Genus.absolute.txt	属水平绝对丰度表
feature-table.Order.absolute.txt	目水平绝对丰度表
feature-table.Phylum.absolute.txt	门水平绝对丰度表
feature-table.Species.absolute.txt	种水平绝对丰度表
2-Relative	相对丰度表文件夹
feature-table.Class.relative.txt	纲水平相对丰度表
feature-table.Family.relative.txt	科水平相对丰度表
feature-table.Genus.relative.txt	属水平相对丰度表
feature-table.Order.relative.txt	目水平相对丰度表
feature-table.Phylum.relative.txt	门水平相对丰度表
feature-table.Species.relative.txt	种水平相对丰度表
3-CollapsedStats	每个分类水平的绝对丰度统计
table-Class.qzv	纲水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Family.qzv	科水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Genus.qzv	属水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Order.qzv	目水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Phylum.qzv	门水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Species.qzv	种水平绝对丰度统计 qiime2 展示文件
table-Class.qzv.exported	table-Class.qzv 导出文件夹
feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
index.html	纲水平绝对丰度统计结果汇总网页
sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
table-Family.qzv.exported	table-Family.qzv 导出文件夹
feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
index.html	科水平绝对丰度统计结果汇总网页

				sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
			└─	table-Genus.qzv.exported	table-Genus.qzv 导出文件夹
				feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
				index.html	属水平绝对丰度统计结果汇总网页
				sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
			└─	table-Order.qzv.exported	table-Order.qzv 导出文件夹
				feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
				index.html	目水平绝对丰度统计结果汇总网页
				sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
			└─	table-Phylum.qzv.exported	table-Phylum.qzv 导出文件夹
				feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
				index.html	门水平绝对丰度统计结果汇总网页
				sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
			└─	table-Species.qzv.exported	table-Species.qzv 导出文件夹
				feature-frequencies.pdf	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequencies.png	每个物种的总丰度统计图
				feature-frequency-detail.csv	每个物种的总丰度统计表
				index.html	种水平绝对丰度统计结果汇总网页
				sample-frequencies.pdf	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequencies.png	每个样本的总丰度统计图
				sample-frequency-detail.csv	每个样本的总丰度统计表
		└─	2-RepresentiveSequence		OTU(feature)代表序列目录
				rep-seqs.qza	代表序列 qiime2 qza 数据格式
				rep-seqs.qzv	代表序列 qiime2 qzv 展示文件
				rooted-tree.qza	OTU 有根进化树
				unrooted-tree.qza	OTU 无根进化树
			└─	rep-seqs.qzv.exported	rep-seqs.qzv 导出文件
				index.html	OTU 代表序列展示网页
		└─	3-Barplots		物种相对丰度堆积柱形图
				taxa-bar-plots.qzv	物种相对丰度堆积柱形图 qiime2 展示文件
			└─	taxa-bar-plots.qzv.exported	taxa-bar-plots.qzv 导出文件夹
				index.html	物种相对丰度堆积柱形图结果汇总网页
		└─	4-Heatmaps		物种绝对丰度（log10）热图+聚类图文件夹
				table-Class.1000.qzv	纲水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
				table-Family.1000.qzv	科水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
				table-Genus.1000.qzv	属水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
				table-Order.1000.qzv	目水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
				table-Phylum.1000.qzv	门水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
				table-Species.1000.qzv	种水平热图+聚类图 qiime2 展示文件
			└─	table-Class.1000.qzv.exported	table-Class.1000.qzv 导出文件夹
				feature-table-heatmap.png	纲水平热图+聚类图 png 格式
				feature-table-heatmap.svg	纲水平热图+聚类图 svg 格式
				index.html	纲水平热图+聚类图结果汇总网页

└─table-Family.1000.qzv.exported	·	table-Family.1000.qzv 导出文件夹
└─feature-table-heatmap.png	·	科水平热图+聚类图 png 格式
└─feature-table-heatmap.svg	·	科水平热图+聚类图 svg 格式
└─index.html	·	科水平热图+聚类图结果汇总网页
└─table-Genus.1000.qzv.exported	·	table-Genus.1000.qzv 导出文件夹
└─feature-table-heatmap.png	·	属水平热图+聚类图 png 格式
└─feature-table-heatmap.svg	·	属水平热图+聚类图 svg 格式
└─index.html	·	属水平热图+聚类图结果汇总网页
└─table-Order.1000.qzv.exported	·	table-Order.1000.qzv 导出文件夹
└─feature-table-heatmap.png	·	目水平热图+聚类图 png 格式
└─feature-table-heatmap.svg	·	目水平热图+聚类图 svg 格式
└─index.html	·	目水平热图+聚类图结果汇总网页
└─table-Phylum.1000.qzv.exported	·	table-Phylum.1000.qzv 导出文件夹
└─feature-table-heatmap.png	·	门水平热图+聚类图 png 格式
└─feature-table-heatmap.svg	·	门水平热图+聚类图 svg 格式
└─index.html	·	门水平热图+聚类图结果汇总网页
└─table-Species.1000.qzv.exported	·	Species.1000.qzv 的导出文件夹
└─feature-table-heatmap.png	·	种水平热图+聚类图 png 格式
└─feature-table-heatmap.svg	·	种水平热图+聚类图 svg 格式
└─index.html	·	种水平热图+聚类图结果汇总网页
└─2-OTUDifferentialAnalysis	·	OTU 丰度组间差异性比较结果文件夹
└─└─1-ANCOM	·	ANCOM 分析的结果文件夹
└─└─ANCOM.Class.qzv	·	纲水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─ANCOM.Family.qzv	·	科水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─ANCOM.Genus.qzv	·	属水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─ANCOM.Order.qzv	·	目水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─ANCOM.Phylum.qzv	·	门水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─ANCOM.Species.qzv	·	种水平 ANCOM 分析 qiime2 展示文件
└─└─└─ANCOM.Class.qzv.exported	·	ANCOM.Class.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	纲水平 ANCOM 分析结果表
└─└─└─index.html	·	纲水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─└─ANCOM.Family.qzv.exported	·	ANCOM.Family.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	科水平 ANCOM 分析结果表
└─└─└─index.html	·	科水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─└─ANCOM.Genus.qzv.exported	·	ANCOM.Genus.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	属水平 ANCOM 分析结果表
└─└─└─index.html	·	属水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─└─ANCOM.Order.qzv.exported	·	ANCOM.Order.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	目水平 ANCOM 分析结果表
└─└─└─index.html	·	目水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─└─ANCOM.Phylum.qzv.exported	·	ANCOM.Phylum.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	门水平 ANCOM 分析结果表
└─└─└─index.html	·	门水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─└─ANCOM.Species.qzv.exported	·	ANCOM.Species.qzv 导出文件夹
└─└─└─ancom.csv	·	种水平 ANCOM 分析结果表格
└─└─└─index.html	·	种水平 ANCOM 分析结果汇总网页
└─└─2-ANOVA	·	ANOVA 分析结果文件夹
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Class.txt	·	纲水平 ANOVA 分析结果
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Family.txt	·	科水平 ANOVA 分析结果
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Genus.txt	·	属水平 ANOVA 分析结果
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Order.txt	·	目水平 ANOVA 分析结果
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Phylum.txt	·	门水平 ANOVA 分析结果
└─└─ANOVA_Group1_diffOTU_Species.txt	·	种水平 ANOVA 分析结果

└─3-KruskalWallis·····	Kruskal-Wallis 分析的结果文件夹
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Class.txt·····	纲水平 Kruskal-Wallis 分析结果
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Family.txt·····	科水平 Kruskal-Wallis 分析结果
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Genus.txt·····	属水平 Kruskal-Wallis 分析结果
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Order.txt·····	目水平 Kruskal-Wallis 分析结果
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Phylum.txt·····	门水平 Kruskal-Wallis 分析结果
kruskal_wallis_Group1_diffOTU_Species.txt·····	种水平 Kruskal-Wallis 分析结果
└─4-LEfSe·····	LEfSe 分析结果文件夹
feature-table.taxonomy_lefse.cladogram.png·····	LEfSe 分析 cladogram 图
feature-table.taxonomy_lefse.in·····	LEfSe 分析中间文件
feature-table.taxonomy_lefse.png·····	LEfSe 分析柱形图
feature-table.taxonomy_lefse.res·····	LEfSe 分析中间文件
feature-table.taxonomy_lefse.txt·····	LEfSe 分析数据文件
└─3-AlphaDiversity·····	α 多样性分析结果文件夹
└─1-AlphaDiversitySummary·····	α 多样性指数汇总文件夹
alpha-summary.tsv·····	α 多样性指数汇总表格
alpha_diversity_faith_pd.boxplot.pdf·····	faith_pd 组间比较箱线图
alpha_diversity_observed_otus.boxplot.pdf·····	observed_otus 组间比较箱线图
alpha_diversity_shannon.boxplot.pdf·····	shannon 指数组间比较箱线图
└─2-AlphaRarefaction·····	稀释性曲线结果文件夹
alpha-rarefaction.qzv·····	稀释性曲线 qiime2 展示文件
└─alpha-rarefaction.qzv.exported·····	alpha-rarefaction.qzv 导出文件夹
index.html·····	稀释性曲线结果汇总网页
└─3-ObservedOTUs·····	观测 OTUs 分析结果文件夹
observed_otus-group-significance.qzv·····	观测 OTUs 组间比较结果 qiime2 展示文件
observed_otus_vector.qza·····	观测 OTUs qiime2 数据文件
└─observed_otus-group-significance.qzv.exported·····	观测 OTUs 组间比较结果导出文件夹
index.html·····	观测 OTUs 组间比较结果汇总网页
kruskal-wallis-pairwise-Group1.csv·····	观测 OTUs 多重比较结果表格
kruskal-wallis-pairwise-Group2.csv·····	观测 OTUs 多重比较结果表格
└─4-Shannon·····	香农指数分析结果文件夹
shannon-group-significance.qzv·····	香农指数组间比较 qiime2 展示文件
shannon_vector.qza·····	香农指数 qiime2 数据文件
└─shannon-group-significance.qzv.exported·····	香农指数组间比较结果导出文件夹
index.html·····	香农指数组间比较结果汇总网页
kruskal-wallis-pairwise-Group1.csv·····	香农指数多重比较结果表格
kruskal-wallis-pairwise-Group2.csv·····	香农指数多重比较结果表格
└─5-FaithPD·····	Faith-PD 分析结果文件夹
faith-pd-group-significance.qzv·····	Faith-PD 组间比较 qiime 展示文件
faith_pd_vector.qza·····	Faith-PD qiime2 数据文件
└─faith-pd-group-significance.qzv.exported·····	Faith-PD 组间比较结果导出文件夹
index.html·····	Faith-PD 组间比较结果汇总网页
kruskal-wallis-pairwise-Group1.csv·····	Faith-PD 多重比较结果表格
kruskal-wallis-pairwise-Group2.csv·····	Faith-PD 多重比较结果表格
└─4-BetaDiversity·····	β 多样性分析结果文件夹
└─1-BetaDiversitySummary·····	β 多样性指数汇总文件夹
BetaDiversity_heatmap.png·····	β 多样性指数热图 png 格式
BetaDiversity_heatmap.svg·····	β 多样性指数热图 svg 格式
bray_matrix.txt·····	Bray-curtis 距离矩阵
jaccard_matrix.txt·····	jaccard 距离矩阵
unifrac_matrix.txt·····	非加权 unifrac 距离矩阵
wunifrac_matrix.txt·····	加权 unifrac 距离矩阵

└─2-BrayCurtis·····	Bray-curtis 距离分析结果文件夹
bray_betadiversity_heatmap.pdf·····	Bray-curtis 距离热图+聚类图
bray_matrix.txt·····	Bray-curtis 距离矩阵
└─1-PCoA·····	基于 Bray-curtis 的 PCoA 分析结果文件夹
bray_curtis_emperor.qzv·····	PCoA 分析 qiime2 展示文件
└─bray_curtis_emperor.qzv.exported·····	bray_curtis_emperor.qzv 导出文件夹
index.html·····	PCoA 分析结果汇总网页
└─2-NMDS·····	基于 Bray-curtis 的 NMDS 分析结果文件夹
bray_NMDS.pdf·····	NMDS 分析的结果图
└─3-GroupSignificance·····	基于 Bray-curtis 的微生物组间差异比较结果
bray_curtis-anosim-Group1-significance.qzv·····	Group1 anosim 分析结果 qiime2 展示文件
bray_curtis-anosim-Group2-significance.qzv·····	Group2 anosim 分析结果 qiime2 展示文件
bray_curtis-permanova-Group1-significance.qzv·····	Group1 permanova 分析结果 qiime2 展示文件
bray_curtis-permanova-Group2-significance.qzv·····	Group2 permanova 分析结果 qiime2 展示文件
└─bray_curtis-anosim-Group1-significance.qzv.exported·····	Group1 基于 Bray-curtis 的 anosim 导出文件夹
anosim-pairwise.csv·····	anosim 多重比较表格
index.html·····	Group1 基于 Bray-curtis 的 anosim 结果汇总网页
└─bray_curtis-anosim-Group2-significance.qzv.exported·····	Group2 基于 Bray-curtis 的 anosim 导出文件夹
anosim-pairwise.csv·····	anosim 多重比较表格
index.html·····	Group2 基于 Bray-curtis 的 anosim 结果汇总网页
└─bray_curtis-permanova-Group1-significance.qzv.exported·····	Group1 基于 bray_curtis 的 permanova 结果导出文件夹
index.html·····	Group1 基于 bray_curtis 的 permanova 结果汇总网页
permanova-pairwise.csv·····	permanova 多重比较表格
└─bray_curtis-permanova-Group2-significance.qzv.exported·····	Group2 基于 bray_curtis 的 permanova 结果导出文件夹
index.html·····	Group2 基于 bray_curtis 的 permanova 结果汇总网页
permanova-pairwise.csv·····	permanova 多重比较表格
└─3-UnweightedUnifrac·····	非加权 Unifrac 距离分析结果文件夹
unifrac_betadiversity_heatmap.pdf·····	非加权 Unifrac 距离热图+聚类图
unifrac_matrix.txt·····	非加权 Unifrac 距离矩阵
└─1-PCoA·····	基于非加权 Unifrac 的 PCoA 结构文件夹
unweighted_unifrac_emperor.qzv·····	基于非加权 Unifrac 的 PCoA qiime2 展示文件
└─unweighted_unifrac_emperor.qzv.exported·····	unweighted_unifrac_emperor.qzv 导出文件夹
index.html·····	基于非加权 Unifrac 的 PCoA 结果汇总网页
└─2-NMDS·····	基于非加权 Unifrac 的 NMDS 结果文件夹
unifrac_NMDS.pdf·····	基于非加权 Unifrac 的 NMDS 图
└─3-GroupSignificance·····	基于非加权 Unifrac 的微生物组间差异比较结果
unweighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 anosim qiime2 展示文件
unweighted-unifrac-anosim-Group2-significance.qzv·····	Group2 基于非加权 Unifrac 的 anosim qiime2 展示文件
unweighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 permanova qiime2 展示文件
unweighted-unifrac-permanova-Group2-significance.qzv·····	Group2 基于非加权 Unifrac 的 permanova qiime2 展示文件
└─unweighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv.exported·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 anosim 导出文件夹
anosim-pairwise.csv·····	anosim 多重比较表格
index.html·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 anosim 结果汇总网页
└─unweighted-unifrac-anosim-Group2-significance.qzv.exported·····	Group2 基于非加权 Unifrac 的 anosim 导出文件夹
anosim-pairwise.csv·····	anosim 多重比较表格
index.html·····	Group2 基于非加权 Unifrac 的 anosim 结果汇总网页
└─unweighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv.exported·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 permanova 导出文件夹
index.html·····	Group1 基于非加权 Unifrac 的 permanova 结果汇总网页
permanova-pairwise.csv·····	permanova 多重比较表格
└─unweighted-unifrac-permanova-Group2-significance.qzv.exported·····	Group2 基于非加权 Unifrac 的 permanova 导出文件夹

	index.html	Group2 基于非加权 Unifrac 的 permanova 结果汇总网页
	permanova-pairwise.csv	permanova 多重比较表格
4-WeightedUnifrac		加权 Unifrac 距离分析结果文件夹
	wunifrac_betadiversity_heatmap.pdf	加权 Unifrac 距离热图
	wunifrac_matrix.txt	加权 Unifrac 距离矩阵
1-PCoA		基于加权 Unifrac 的 PCoA 结果文件夹
	weighted_unifrac_emperor.qzv	基于加权 Unifrac 的 PCoA qiime2 展示文件
	weighted_unifrac_emperor.qzv.exported	weighted_unifrac_emperor.qzv 导出文件夹
	index.html	基于加权 Unifrac 的 PCoA 结果汇总网页
2-NMDS		基于加权 Unifrac 的 NMDS 结果文件夹
	wunifrac_NMDS.pdf	基于加权 Unifrac 的 NMDS 图
3-GroupSignificance		基于加权 Unifrac 的微生物组间差异比较结果
	weighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv	Group1 基于加权 Unifrac 的 anosim qiime2 展示文件
	weighted-unifrac-anosim-Group2-significance.qzv	Group2 基于加权 Unifrac 的 anosim qiime2 展示文件
	weighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv	Group1 基于加权 Unifrac 的 permanova qiime2 展示文件
	weighted-unifrac-permanova-Group2-significance.qzv	Group2 基于加权 Unifrac 的 permanova qiime2 展示文件
	weighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv.exported	Group1 基于加权 Unifrac 的 anosim 结果导出文件夹
	anosim-pairwise.csv	anosim 多重比较表格
	index.html	Group1 基于加权 Unifrac 的 anosim 结果汇总网页
	weighted-unifrac-anosim-Group2-significance.qzv.exported	Group1 基于加权 Unifrac 的 anosim 结果导出文件夹
	anosim-pairwise.csv	anosim 多重比较表格
	index.html	Group1 基于加权 Unifrac 的 anosim 结果汇总网页
	weighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv.exported	Group1 基于加权 Unifrac 的 permanova 结果导出文件夹
	index.html	Group1 基于加权 Unifrac 的 permanova 结果汇总网页
	permanova-pairwise.csv	permanova 多重比较表格
	weighted-unifrac-permanova-Group2-significance.qzv.exported	Group2 基于加权 Unifrac 的 permanova 结果文件夹
	index.html	Group2 基于加权 Unifrac 的 permanova 结果汇总网页
	permanova-pairwise.csv	permanova 多重比较表格
5-PLS-DA		PLS-DA 分析结果网页
	PCA_plot.pdf	PCA 图
	PLSDA_AUC_plot.pdf	PLSDA 分析的 AUC 曲线
	PLSDA_comp_plot.pdf	PLSDA 第一、二成分图
	PLSDA_Variable_importance_in_projection.txt	PLSDA 各 OTU 的重要性 (VIP)
5-OTUPhylogenetics		OTU 进化树
1-MajorPhylums		主要门的进化树文件夹
	Bacteria.phylogeny.pdf	细菌界进化树
2-MajorOTUs		主要 OTU 的进化树
	iTol.png	圆形进化树+绝对丰度堆积图
	tol_labels.txt	中间文件
	tol_multibar.txt	中间文件
	tol_ranges.txt	中间文件
	tree.rooted.nwk	进化树 nwk 格式
6-AssociationAnalysis		关联分析
1-RDA		RDA 分析结果文件夹
	Class	纲水平 RDA 分析结果
	RDA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	RDA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	RDA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
	Family	科水平 RDA 分析结果

	CCA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	CCA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	CCA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
└─	Genus	属水平 RDA 分析结果
	CCA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	CCA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	CCA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
└─	Order	目水平 RDA 分析结果
	RDA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	RDA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	RDA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
└─	Phylum	门水平 RDA 分析结果
	RDA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	RDA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	RDA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
└─	Species	种水平 RDA 分析结果
	RDA.bacteria.txt	各物种的 RDA 坐标
	RDA.envfit.txt	各环境因子的 RDA 坐标、解释方差及 p 值
	RDA.sample.txt	各样本的 RDA 坐标
	RDA_CCA_plot.pdf	RDA 图
└─	2-CorrelationHeatmap	相关性热图文件夹
	CorrelationHeatmap.png	属水平物种和环境因子间的相关性热图
└─	3-NetworkAnalysis	相关网络
	co-occurrence_network.pdf	基于 R 语言的相关网络
	NetworkAnalysis.png	基于 cytoscape 的相关网络
└─	4-SourceTracker	SourceTracker 分析结果文件夹
	SourceTracker.png	SourceTracker 分析图
└─	5-Ayasdi	拓扑数据分析结果文件夹
	AyasdiPlot.png	拓扑数据分析图
└─	7-FunctionAnalysis	功能分析结果文件夹
└─	1-KEGG_Pathway	代谢通路丰度文件夹
	feature-table.metagenome.KEGG_Pathways.STAMP.spf	代谢通路丰度组间差异 STAMP 展示文件
	feature-table.metagenome.L1.txt	L1 水平代谢通路丰度表
	feature-table.metagenome.L2.txt	L2 水平代谢通路丰度表
	feature-table.metagenome.L3.txt	L3 水平代谢通路丰度表
	percent.feature-table.metagenome.L1.svg	L1 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 svg 格式
	percent.feature-table.metagenome.L1.svg.png	L1 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 png 格式
	percent.feature-table.metagenome.L2.svg	L2 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 svg 格式
	percent.feature-table.metagenome.L2.svg.png	L2 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 png 格式
	percent.feature-table.metagenome.L3.svg	L3 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 svg 格式
	percent.feature-table.metagenome.L3.svg.png	L3 水平代谢通路相对丰度堆积柱形图 png 格式
└─	2-PCAPlots	代谢通路的 PCA 分析
	feature-table.metagenome.L1.PCA.pdf	L1 水平代谢通路的 PCA 图
	feature-table.metagenome.L2.PCA.pdf	L2 水平代谢通路的 PCA 图
	feature-table.metagenome.L3.PCA.pdf	L3 水平代谢通路的 PCA 图
└─	3-TreeBasedPlots	代谢通路聚类树+相对丰度堆积图文件夹
	tree.feature-table.metagenome.L1.svg	L1 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 svg 格式
	tree.feature-table.metagenome.L1.svg.png	L1 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 png 格式
	tree.feature-table.metagenome.L2.svg	L2 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 svg 格式
	tree.feature-table.metagenome.L2.svg.png	L2 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 png 格式
	tree.feature-table.metagenome.L3.svg	L3 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 svg 格式

	tree.feature-table.metagenome.L3.svg.png	L3 代谢通路聚类树+相对丰度堆积图 png 格式
	8-FiguresTablesForReport	结题报告中的图和表汇总文件夹
	Figure3-1.png/	
	Figure3-10.pdf/	
	Figure3-11.qzv/	
	Figure3-12.pdf/	
	Figure3-14.pdf/	
	Figure3-15.pdf/	
	Figure3-19.png/	
	Figure3-2.qzv/	
	Figure3-20.pdf/	
	Figure3-21.png/	
	Figure3-3.qzv/	
	Figure3-4.qzv/	
	Figure3-6.qzv/	
	Figure3-7.qzv/	
	Figure3-8.png/	
	Figure3-9.qzv/	
	Table3-1.qzv/	
	Table3-2.qzv/	
	Table3-3.tsv/	
	Table3-4.qzv/	
	Table3-5.qzv/	