

Матричные разложения

Авторы:

Гринберг Петр

Пантелеев Даниил

Тряпицын Александр

QR-разложение

QR-разложение

- QR-разложение

$$A = QR, \quad A, Q \in \mathbb{C}^{m \times m}, \quad R \in \mathbb{C}^{m \times n}, \quad Q^* Q = I, \quad R : \uparrow \triangle$$

QR-разложение

- QR-разложение

$$A = QR, \quad A, Q \in \mathbb{C}^{m \times m}, \quad R \in \mathbb{C}^{m \times n}, \quad Q^* Q = I, \quad R : \uparrow \triangle$$

- Thin QR:

$$A = \begin{pmatrix} Q_1 & Q_2 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} R_1 \\ 0 \end{pmatrix} = Q_1 R_1$$

QR-разложение

- QR-разложение

$$A = QR, \quad A, Q \in \mathbb{C}^{m \times m}, \quad R \in \mathbb{C}^{m \times n}, \quad Q^* Q = I, \quad R : \uparrow \Delta$$

- Thin QR:

$$A = \begin{pmatrix} Q_1 & Q_2 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} R_1 \\ 0 \end{pmatrix} = Q_1 R_1$$

```
import numpy as np
np.linalg.qr(A)
```

QR-разложение: как считать?

QR-разложение: как считать?

- Грамм-Шмидт (долго)

QR-разложение: как считать?

- Грамм-Шмидт (долго)
- Матрицы Хаусхолдера: $H(v) = 1 - vv^*$, $\|v\|_2 = 1$

$$\forall a, b \in \mathbb{C}^n, \|a\|_2 = \|b\|_2, \exists \gamma \in \mathbb{C} : |\gamma| = 1, v \in \mathbb{C}^n : \|v\|_2 = 1 \Rightarrow H(v)a = \gamma b$$

Зануляем элементы под главной диагональю:

$$H_1 H_2 \dots H_n A = R$$

QR-разложение: зачем надо?

QR-разложение: зачем надо?

- Ортопроекторы — не нужно считать обратные:

$$A(A^T A)^{-1} A^T = QR(R^T Q^T QR)^{-1} R^T Q^T = QRR^{-1} R^{-T} R^T Q^T = QQ^T$$

QR-разложение: зачем надо?

- Ортопроекторы — не нужно считать обратные:

$$A(A^T A)^{-1} A^T = QR(R^T Q^T QR)^{-1} R^T Q^T = QRR^{-1} R^{-T} R^T Q^T = QQ^T$$

- Используется в ALS, в алгоритмах для поиска SVD, NMF и др.

SVD-разложение

SVD-разложение

- SVD-разложение

$$A = USV^*, U^*U = I = V^*V, S = \text{diag}(\sigma_1, \dots, \sigma_n)$$

$$\sigma_1 \geq \dots \geq \sigma_r > 0, \sigma_{r+1} = \dots = \sigma_n = 0$$

SVD-разложение

- SVD-разложение

$$A = USV^*, U^*U = I = V^*V, S = \text{diag}(\sigma_1, \dots, \sigma_n)$$

$$\sigma_1 \geq \dots \geq \sigma_r > 0, \sigma_{r+1} = \dots = \sigma_n = 0$$

- Thin SVD: обрезаются до $k = \min(m, n)$

SVD-разложение

- SVD-разложение

$$A = USV^*, U^*U = I = V^*V, S = \text{diag}(\sigma_1, \dots, \sigma_n)$$

$$\sigma_1 \geq \dots \geq \sigma_r > 0, \sigma_{r+1} = \dots = \sigma_n = 0$$

- Thin SVD: обрезаются до $k = \min(m, n)$
- Compact SVD: обрезаются до $r = \text{rk}(A)$

SVD-разложение

- SVD-разложение

$$A = USV^*, U^*U = I = V^*V, S = \text{diag}(\sigma_1, \dots, \sigma_n)$$

$$\sigma_1 \geq \dots \geq \sigma_r > 0, \sigma_{r+1} = \dots = \sigma_n = 0$$

- Thin SVD: обрезаются до $k = \min(m, n)$
- Compact SVD: обрезаются до $r = \text{rk}(A)$
- Truncated SVD: обрезаются до заданного t

SVD-разложение

- SVD-разложение

$$A = USV^*, U^*U = I = V^*V, S = \text{diag}(\sigma_1, \dots, \sigma_n)$$

$$\sigma_1 \geq \dots \geq \sigma_r > 0, \sigma_{r+1} = \dots = \sigma_n = 0$$

- Thin SVD: обрезаются до $k = \min(m, n)$
- Compact SVD: обрезаются до $r = \text{rk}(A)$
- Truncated SVD: обрезаются до заданного t

```
np.linalg.svd(A, full_matrices=True) # False for thin SVD
```

SVD-разложение: важное свойство

SVD-разложение: важное свойство

Теорема (Эккарт-Янг):

Пусть $k < \text{rk}(A) = r$ и A_k - truncated SVD с $t = k$. Тогда:

$$\min_{B: \text{rk}(B) \leq k} \|A - B\| = \|A - A_k\|$$

Где $\|\cdot\|$ - любая инвариантная норма.

SVD-разложение: как считать?

SVD-разложение: как считать?

Столбцы V и числа σ_i^2 являются соб. векторами и соб. знач. $A^T A$

SVD-разложение: как считать?

Столбцы V и числа σ_i^2 являются соб. векторами и соб. знач. $A^T A$

1. Задача сводится к поиску с.в. и с.з. у $A^T A$, AA^T , $\begin{pmatrix} 0 & A^T \\ A & 0 \end{pmatrix}$

SVD-разложение: как считать?

Столбцы V и числа σ_i^2 являются соб. векторами и соб. знач. $A^T A$

1. Задача сводится к поиску с.в. и с.з. у $A^T A, A A^T, \begin{pmatrix} 0 & A^T \\ A & 0 \end{pmatrix}$

2. Приводим A к bidiagonalной (B)

$$PAQ = B, \text{ где } P = H_1, \dots, H_k, Q = H'_1, \dots, H'_{k'}$$

SVD-разложение: как считать?

Столбцы V и числа σ_i^2 являются соб. векторами и соб. знач. $A^T A$

1. Задача сводится к поиску с.в. и с.з. у $A^T A, A A^T, \begin{pmatrix} 0 & A^T \\ A & 0 \end{pmatrix}$

2. Приводим A к bidiagonalной (B)

$$PAQ = B, \text{ где } P = H_1, \dots, H_k, Q = H'_1, \dots, H'_{k'}$$

3. QR-алгоритм для $T = C$, где C - одна из матриц в п.1 с B

NMF (Non-negative matrix factorization)

NMF (Non-negative matrix factorization)

Пусть $V \in \mathbb{R}^{m \times n}$ такова, что $v_{ij} \geq 0$. Тогда NMF это W, H :

$$W, H = \underset{W \in \mathbb{R}^{m \times r}, H \in \mathbb{R}^{r \times n}}{\operatorname{argmin}} \|V - WH\| \text{ где } w_{ij} \geq 0, h_{ij} \geq 0$$

Выбор нормы зависит от постановки задачи. r - желаемый ранг

NMF (Non-negative matrix factorization)

Пусть $V \in \mathbb{R}^{m \times n}$ такова, что $v_{ij} \geq 0$. Тогда NMF это W, H :

$$W, H = \underset{W \in \mathbb{R}^{m \times r}, H \in \mathbb{R}^{r \times n}}{\operatorname{argmin}} \|V - WH\| \text{ где } w_{ij} \geq 0, h_{ij} \geq 0$$

Выбор нормы зависит от постановки задачи. r - желаемый ранг

```
from sklearn.decomposition import NMF
model = NMF(n_components=r)
W = model.fit_transform(V)
H = model.components_
```

NMF: как считать?

NMF: как считать?

- Неитерационный алгоритм: NP-полная задача

NMF: как считать?

- Неитерационный алгоритм: NP-полная задача
- Итерационный алгоритм:

$$W_0, H_0 = \text{initWH}(), \quad W_{k+1} = f(W_k, H_k, V), \quad H_{k+1} = f(W_{k+1}, H_k, V)$$

Обычно используются различные варианты ALS алгоритма

NMF: как считать?

- Неитерационный алгоритм: NP-полная задача
- Итерационный алгоритм:

$$W_0, H_0 = \text{initWH}(), \quad W_{k+1} = f(W_k, H_k, V), \quad H_{k+1} = f(W_{k+1}, H_k, V)$$

Обычно используются различные варианты ALS алгоритма

Для инициализации:

1. Первые r столбцов V в W , H - случайная

NMF: как считать?

- Неитерационный алгоритм: NP-полная задача
- Итерационный алгоритм:

$$W_0, H_0 = \text{initWH}(), \quad W_{k+1} = f(W_k, H_k, V), \quad H_{k+1} = f(W_{k+1}, H_k, V)$$

Обычно используются различные варианты ALS алгоритма

Для инициализации:

1. Первые r столбцов V в W, H - случайная
2. $g(A), g(B)$ для A, B из $V \sim ASB^T$ - truncated SVD с $t = r$

LU-разложение

LU-разложение

- LU-разложение:

$$A = LU$$

Где L - унитарно-нижнетреугольная, U - верхнетреугольная

LU-разложение

- LU-разложение:

$$A = LU$$

Где L - унитарно-нижнетреугольная, U - верхнетреугольная

- LDL: $A = LDL^*$ для $A = A^*$

LU-разложение

- LU-разложение:

$$A = LU$$

Где L - унитарно-нижнетреугольная, U - верхнетреугольная

- LDL: $A = LDL^*$ для $A = A^*$
- Холецкого: $A = LL^*$, L - нижнетреугольная для $A = A^* > 0$

LU-разложение

- LU-разложение:

$$A = LU$$

Где L - унитарно-нижнетреугольная, U - верхнетреугольная

- LDL: $A = LDL^*$ для $A = A^*$
- Холецкого: $A = LL^*$, L - нижнетреугольная для $A = A^* > 0$

```
from scipy.linalg import lu
P, L, U = lu(A)
```

LU-разложение: как считать и зачем?

LU-разложение: как считать и зачем?

- *Как считать:*

По очереди Гаусс для каждого столбца

$$Z_n \dots Z_1 A = U$$

LU-разложение: как считать и зачем?

- *Как считать:*

По очереди Гаусс для каждого столбца

$$Z_n \dots Z_1 A = U$$

- *Зачем:*

Хотим решить $Ax = b \Leftrightarrow$ умножить b на A^{-1}

$$Ax = b \Leftrightarrow L U x = b$$

$$Ly = b, Ux = y$$

Применения в Машинном Обучении

PCA (Principal Component Analysis)

PCA (Principal Component Analysis)

Имеем:

набор данных большой размерности

PCA (Principal Component Analysis)

Имеем:

набор данных большой размерности

Хотим:

уменьшить число признаков, сохранив как можно больше информации

Зачем это нужно?

Зачем это нужно?

- Чтобы избежать переобучения

Зачем это нужно?

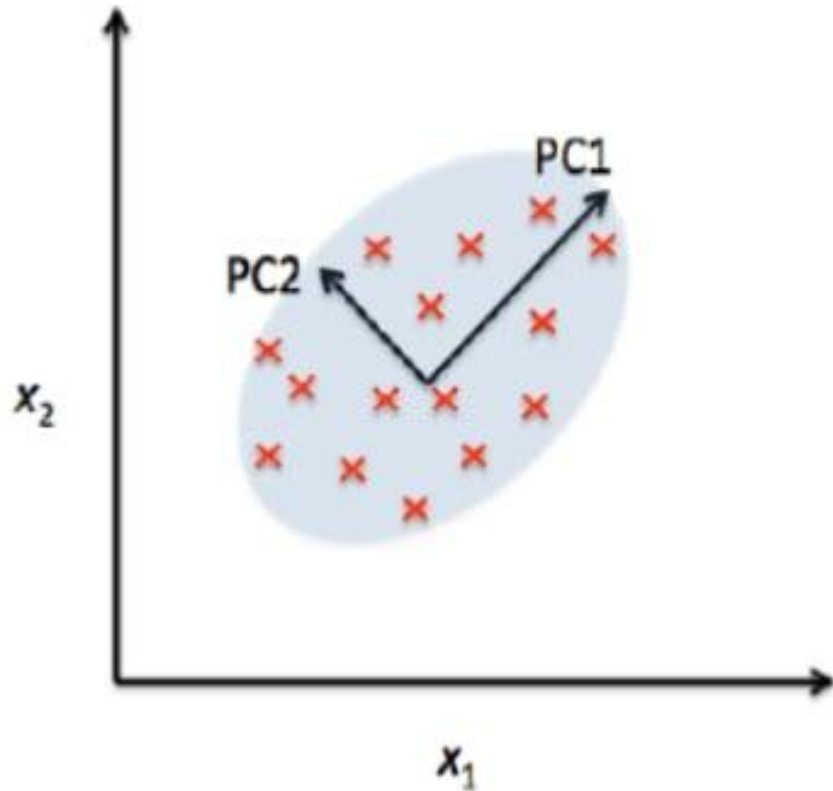
- Чтобы избежать переобучения
- Можно сильно уменьшить размер матрицы данных

Зачем это нужно?

- Чтобы избежать переобучения
- Можно сильно уменьшить размер матрицы данных
- В некоторых задачах помогает избавиться от шумов

Основная идея:

Перенаправим оси признаков так, чтобы их разброс был виднее



Шаг 1: Стандартизация

1. Вычитаем из каждого признака среднее по нему

2. Делим каждый признак на RMSD

$$\text{RMSD} = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2}{n}} = \sqrt{MSE(x)}$$

Шаг 2: Матрица ковариаций

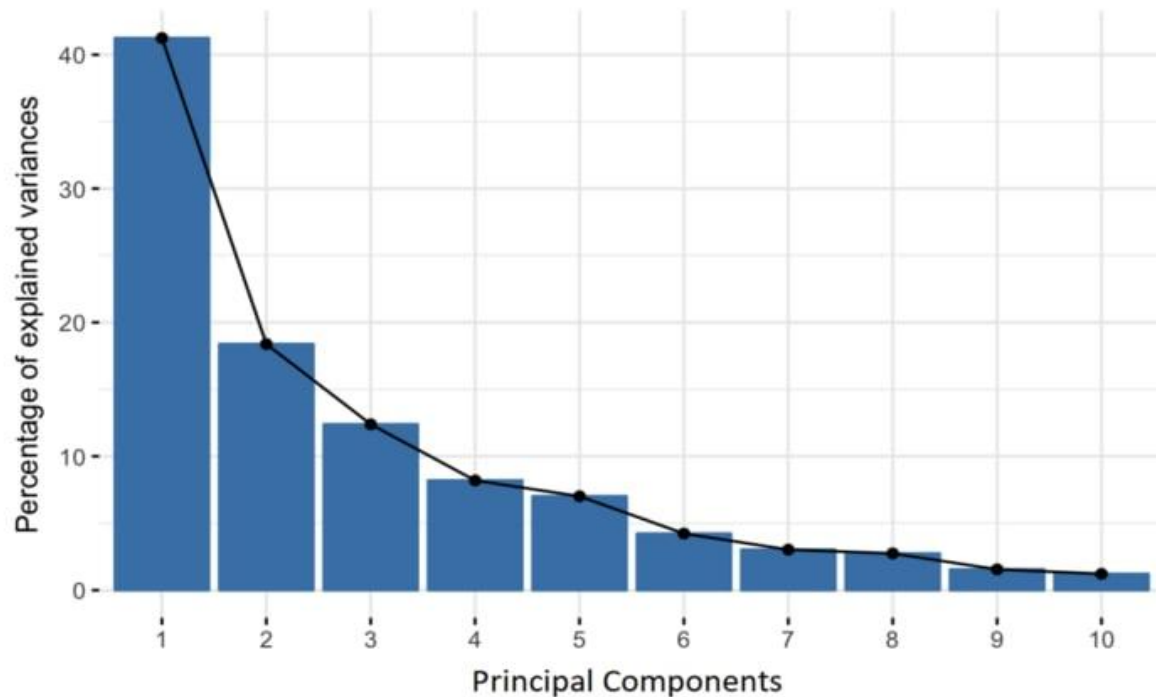
$$var(x) = \frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2}{n}$$

$$cov(x, y) = \frac{\sum (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{n}$$

	X	Y	Z
X	cov(x, x)	cov(x, y)	cov(x, z)
Y	cov(y, x)	cov(y, y)	cov(y, z)
Z	cov(z, x)	cov(z, y)	cov(z, z)

Шаг 3: Собственные векторы

1. Считаем собственные векторы матрицы ковариаций
2. Сортируем их по убыванию собственных значений



Шаг 4: Матрица признаков

1. Выбираем t главных компонент, которые дают нужное приближение
2. Записываем их по столбцам, получаем матрицу признаков

Шаг 5: Результат

A - Стандартизированная исходная матрица данных

F - Матрица признаков

A' - Новая матрица данных

$$\underbrace{A'}_{m \times t} = \underbrace{A}_{m \times n} \times \underbrace{F}_{n \times t}$$

**При чем тут матричные
разложения?**

При чем тут матричные разложения?

Ответ: при поиске главных компонент ищется SVD от матрицы данных

C - матрица ковариации

$$A = U \times S \times V^T$$

В матрице S^2 собственные значения C

В матрице V^T собственные векторы C

PCA (Principal Component Analysis)

Не стоит использовать, если:

1. В данных почти нет корреляции
2. Есть классы, зависящие от каких-то признаков
3. Нормализация данных невозможна
4. Важна интерпретируемость

В остальных случаях:

```
from sklearn.decomposition import PCA
```

LSA (Latent Semantic Analysis)

LSA (Latent Semantic Analysis)

Имеем:

матрица term-document

term-document

- Обычно слова на тексты
- Внутри ячеек частоты использования в тексте
- Часто в ячейках tf-idf

tf-idf

The diagram illustrates the tf-idf formula with the following components and annotations:

- tf-idf score**: An annotation in red text with an arrow pointing to the $w_{i,j}$ term on the left side of the equation.
- # occurrences of term in document**: An annotation in green text with an arrow pointing to the $tf_{i,j}$ term in the middle of the equation.
- # total documents**: An annotation in blue text with an arrow pointing to the N term in the numerator of the logarithm.
- # documents containing word**: An annotation in purple text with an arrow pointing to the df_j term in the denominator of the logarithm.

$$w_{i,j} = tf_{i,j} \times \log \frac{N}{df_j}$$

Большие веса имеют термы, часто встречающиеся в одном тексте, но редко среди всех текстов

LSA (Latent Semantic Analysis)

Имеем:

матрица term-document

Хотим:

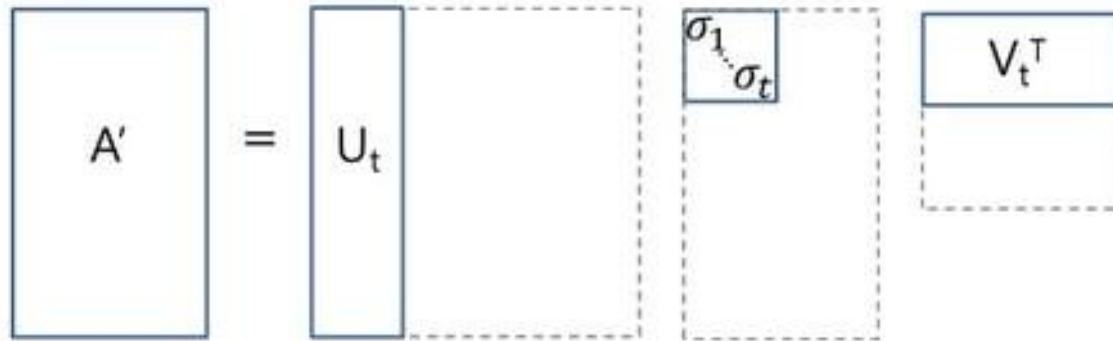
избавиться от шумов, разреженности

Зачем это нужно?

- Считать зависимости для пар term-term
- Считать зависимости для пар term-document
- Считать зависимости для пар document-document

Основная идея:

Найдем SVD и обрежем часть сингулярных чисел в матрице S , чтобы убрать часть зависимостей



$$A \approx U_t \times S_t \times V_t^T$$

Какое взять t ?

- Подбирается эмпирически
- Для маленьких A обычно 5-10%
- Для больших A до 1-2%, иногда меньше

LSA (Latent Semantic Analysis)

По сути весь алгоритм заключается в нахождении Truncated SVD

```
from sklearn.decomposition import TruncatedSVD
```

На практике обычно используются 2 дополнения этого алгоритма:

- pLSA (Probabilistic LSA) - вероятностный подход к LSA
- LDA (Latent Dirichlet Allocation) - тот же вероятностный подход, но на основе распределения Дирихле

NMF in Topic Modelling

Имеем:

матрица term-document

Хотим:

Уменьшить веса менее значимых слов в наборе данных

Основная идея:

Посчитать NMF-разложение

The diagram illustrates the NMF decomposition equation $W \times H \approx V$ using grid matrices. Matrix W is a 4x2 grid, matrix H is a 2x6 grid, and matrix V is a 4x6 grid. The multiplication is represented by a cross symbol (\times) between W and H , followed by an approximation symbol (\approx) and matrix V .

В матрице H эмбединги, в матрице W семантические связи термов с текстами

W : распределение текстов (вертикаль) по темам (горизонталь)

H : распределение тем (вертикаль) по словам (горизонталь)

NMF in Topic Modelling

Весь алгоритм по сути это нахождение NMF-разложения

```
from sklearn.decomposition import NMF
```

Есть 2 вида встроенных алгоритмов оптимизации:

- Coordinate Decent Solver ('cd')
- Multiplicative Update Solver ('mu')

ВОПРОСЫ?

Матричные разложения



Рекомендательные системы

Источник части картиночек:

<https://www.youtube.com/watch?v=ZspR5PZemcs>



Постановка задачи

Дано:

- Множество пользователей
- Множество фильмов
- R_{mu} – Ratings – оценка фильма m пользователем u . В этой матрицы могут быть пропуски.

Хочется:

Для каждого пользователя выдавать k наиболее интересных ему фильмов. По смыслу – заполнять пропуски в R .



Movie 1



Movie 2



Movie 3



Movie 4



Movie 5

	M 1	M 2	M 3	M 4	M 5
	3	1	1	3	1
	1	2	4	1	3
	3	1	1	3	1
	4	3	5	4	4

Подходы к задаче

- Контентная фильтрация – рекомендуем пользователю, основываясь на контенте фильмов

	M1	M2	M3	M4	M5
	3			3	
	1			1	
	3			3	
	4			4	

↑ ↑

$$M1 = M4$$



Mall Cop





Observe and Report

- Коллаборативная фильтрация – рекомендуем пользователю, основываясь на статистике

	M1	M2	M3	M4	M5
	3	1	1	3	1
					
	3	1	1	3	1
					

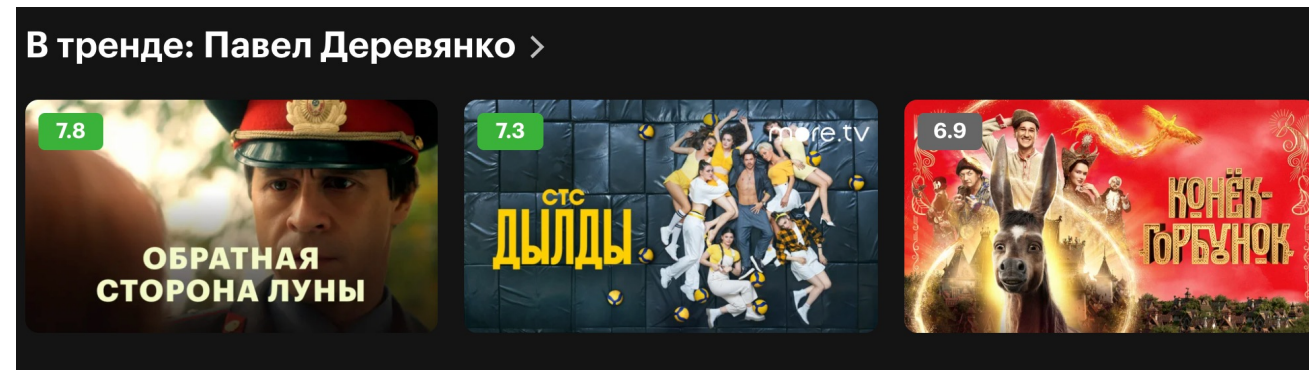
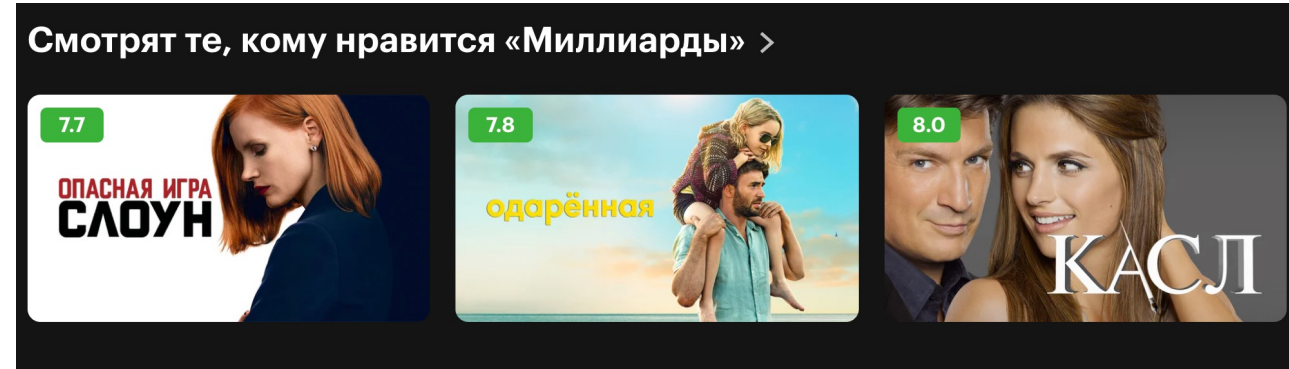
← ←

 = 
A C

Наивная интуиция

1. Для каждого фильма находим к ближайших (наиболее похожих) фильмов
2. Для пользователя берем последний понравившийся ему фильм – X (тут может быть много разных эвристик)
3. Берем к ближайший к фильму X и называем рубрику «потому что вы смотрели X»

Можно делать и по актерам, если придумать как агрегировать оценку для актера по оценкам фильмов



Наивная реализация

- Для каждого фильма находим k ближайших фильмов по евклидовым расстояниям между соответствующими столбцами оценок:

$$\sqrt{\sum_{i=1}^n (x_i - y_i)^2}$$



- По косинусным расстояниям:

$$\frac{\sum_{i=1}^n x_i y_i}{\sqrt{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}}$$



- По коэффициенту корреляции Пирсона:

$$\frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{\sqrt{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2 (y_i - \bar{y})^2}}$$



- Curse of dimensionality – при большом количестве пользователей (размерности пространства векторов оценок) – евклидовы расстояния распределены плотно
- Не учитываются различия в пользователях – есть оптимисты, есть пессимисты
- Не посчитаешь в рантайме – большое число пользователей. $O(|M| |U|)$
- Для предсчета требуется огромные вычислительные ресурсы. $O(|M|^2 |U|)$

Наивная реализация

Все еще остаются проблемы:

1. Вычислительная сложность:
 - рантайм - $O(|M| |U|)$
 - предподсчет - $O(|M|^2 |U|)$
2. Новые фильмы не будут иметь оценок, пока их не посмотрят много пользователей – рекомендации по этому фильму будут плохими, а сам фильм почти не будем рекомендовать
3. Популярные фильмы будем рекомендовать чаще (по сути противоположность предыдущему пункту)
4. Нет рекомендаций для новых пользователей
5. Выглядит хиленько, никаких связей фильмов друг с другом и пользователей друг с другой не учитываем

Наивная реализация еще

Есть еще ряд наивных реализаций со схожим списком проблем

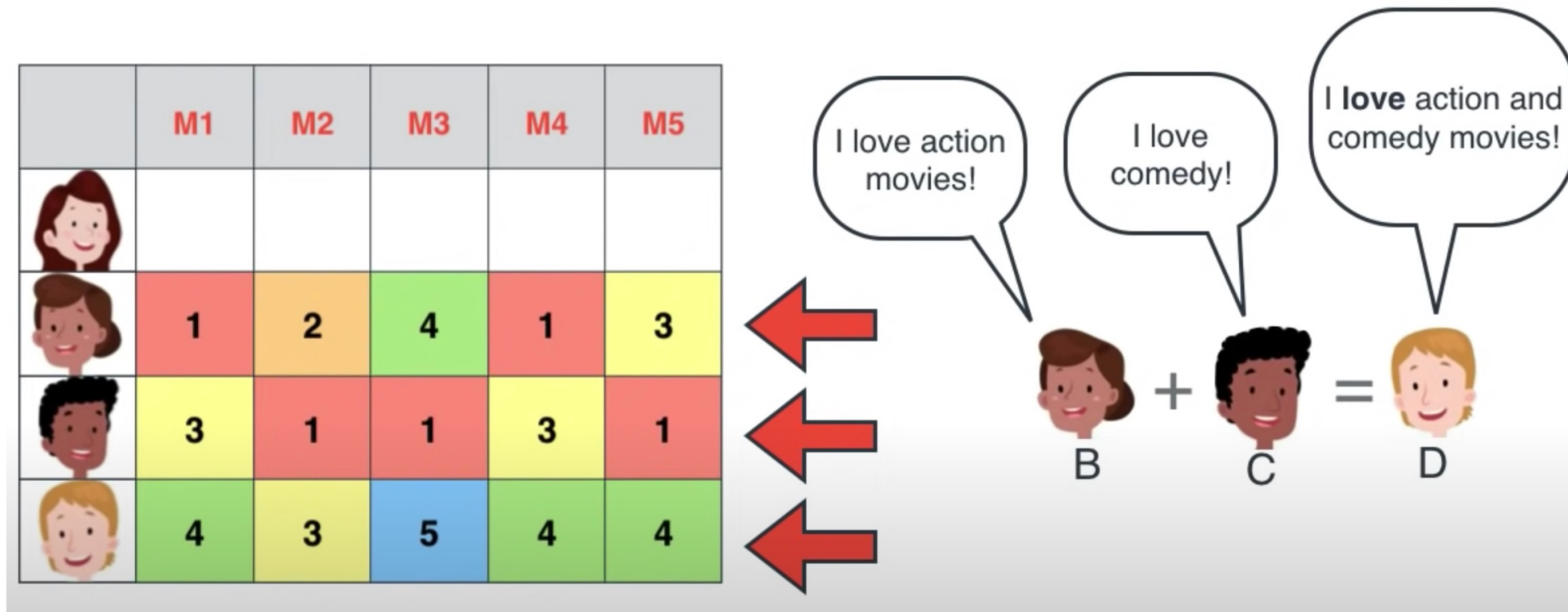
- Выбрать сначала сколько-то наиболее похожих пользователей, а потом взять топ по оценкам из их фильмов
- Выбрать несколько самых оцененных пользователем фильмов, а потом взять топ по оценкам из похожих на них фильмов
- Выбрать несколько самых оцененных пользователем фильмов, а потом взять топ по произведению оценок и похожести из похожих на них фильмов
- ...

Матричные разложения - интуиция

- Матрица R наверняка разреженная – каждый пользователь посмотрел не слишком много фильмов
- Хорошо бы разложить $R \approx U @ M$ [Rating = User @ Movie], где ограничить ширину U (высоту M). Что делать с пропусками?
- U - по строкам пользователи, по столбцами - “свойство фильма” (комедия, драма, ...), значение - насколько свойство нравится пользователю
- M - по строкам “свойства фильмов” , по столбцам - насколько свойство описывает фильм


Полученные значение - латентные признаки - позволяют выстраивать персонализированные результаты, учитывать специфику фильмов и искать зависимости в данных, а также позволяют модели рассматривать непопулярные фильмы

Матричные разложения - интуиция



Полученные значения - латентные признаки - позволяют выстраивать персонализированные результаты, учитывать специфику фильмов и искать зависимости в данных, а также позволяют модели рассматривать непопулярные фильмы

Матричные разложения - интуиция

	M1	M2	M3	M4	M5
		1	1		1
		2	4		3
		1	1		1
		3	5		4













$$M5 = \text{Average}(M2, M3)$$







Полученные значение - латентные признаки - позволяют выстраивать персонализированные результаты, учитывать специфику фильмов и искать зависимости в данных, а также позволяют модели рассматривать непопулярные фильмы

Матричные разложения - интуиция

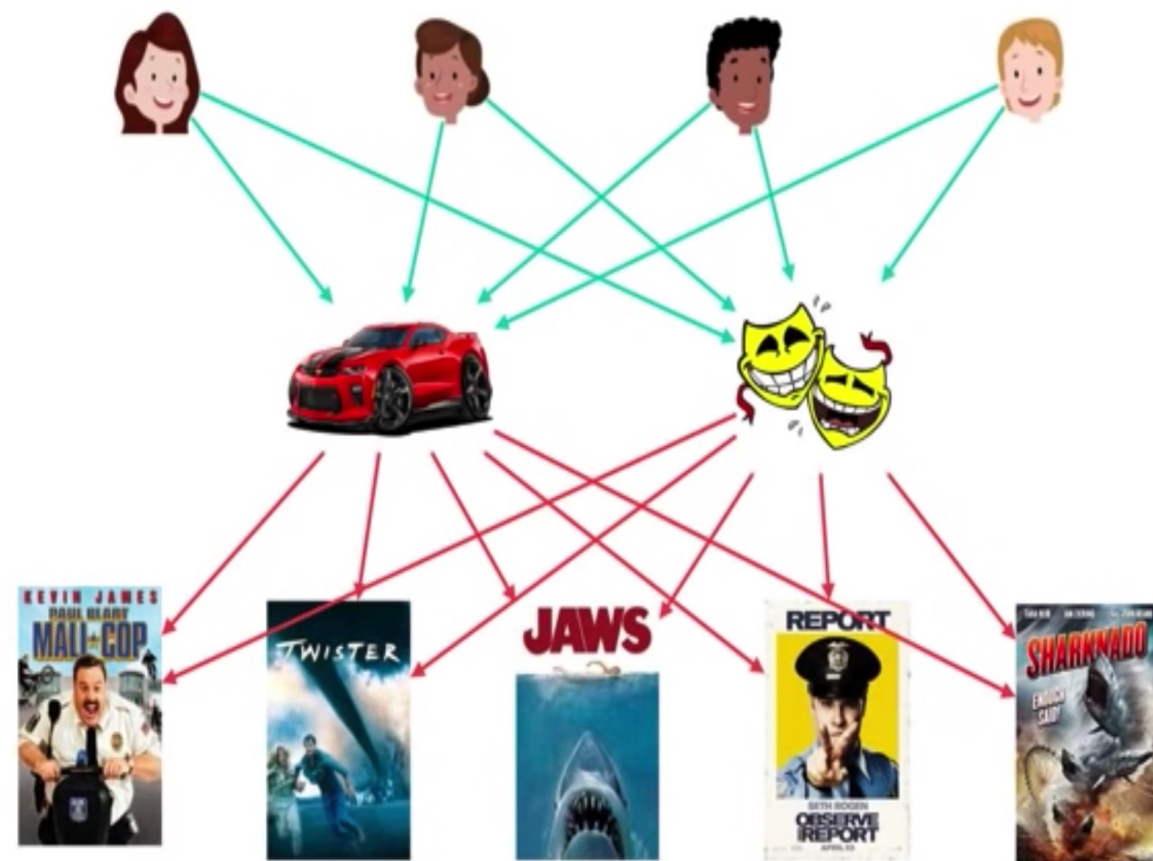
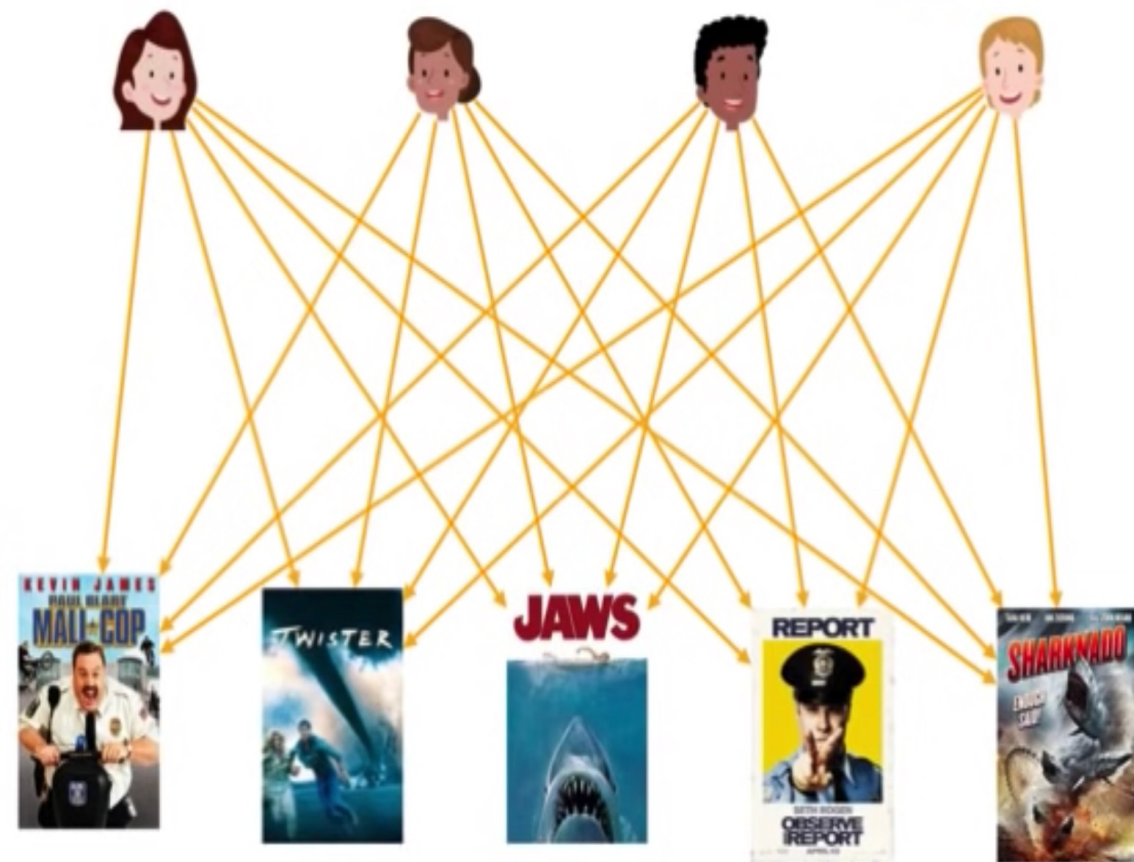
	M1	M2	M3	M4	M5
 Comedy	3	1	1	3	1
 Action	1	2	4	1	3

	 Comedy	 Action
 A		
 B		
 C		
 D		

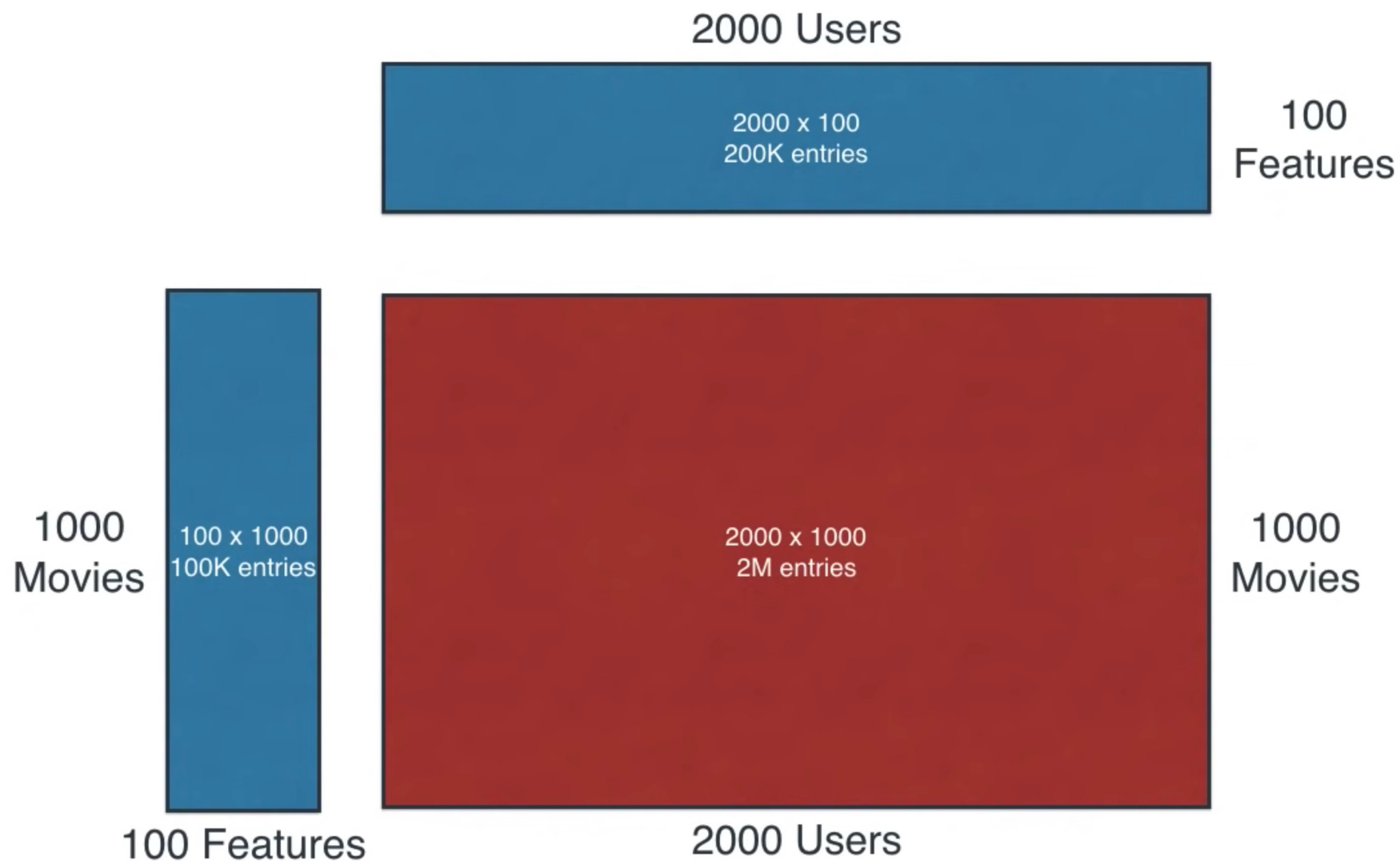
	M1	M2	M3	M4	M5
	3	1	1	3	1
	1	2	4	1	3
	3	1	1	3	1
	4	3	5	4	4

Полученные значения - латентные признаки - позволяют выстраивать персонализированные результаты, учитывать специфику фильмов и искать зависимости в данных, а также позволяют модели рассматривать непопулярные фильмы

Латентные признаки - интуиция



Матричные разложения - интуиция



Матричные разложения - как получать

- SVD - не масштабируется, не слишком гибкое, переобучится, пропуски
- rSVD - не масштабируется, параметризованное, переобучится, пропуски
- rSVD с регуляризацией - не масштабируется, параметризованное, может не переобучится, пропуски
- ALS с регуляризацией – масштабируется, параметризованное, может не переобучится, пропуски
- SGD с регуляризацией – масштабируется, параметризованное, может не переобучится, может игнорировать пропуски

А как обучаться то?

1. Делить пользователей на train/test – нехорошо, теряем пользователей
2. Делить фильмы на train/test – нехорошо, теряем фильмы
3. Выбрасывать одну часть точек в train, другую в test, обучаться восстанавливать самодельные пропуски

	M1	M2	M3	M4	M5
F1	3	1	1	3	1
F2	1	2	4	1	3

	F1	F2
A	1	0
B	0	1
C	1	0
D	1	1

	M1	M2	M3	M4	M5
A	3	1	1	3	1
B	1	2	4	1	3
C	3	1	1	3	1
D	4	3	5	4	4

А как предсказывать то?

1. $R \approx U @ M$ [Rating = User @ Movie] = R_{rec} , где R_{rec} – реконструированная (ожидаемая) матрица рейтингов, ограниченная рангом r .
2. Как вариант – брать для данного пользователя из соответствующей строки топ k еще не просмотренных фильмов

А почему это работает?

1. Давайте пробовать искать векторные представления u_i^T для пользователей и m_j для фильмов, такие что отмасштабированная оценка фильма j пользователем i это $\langle u_i^T, m_j \rangle$. То есть $R_{ij} = \langle u_i^T, m_j \rangle$
2. Тогда функционал потерь для нахождения имеет вид $L(P, Q) = ||R - UM||^2 + \text{регуляризация}$
3. При этом хорошо бы вычесть из R средние по столбцам и строкам, чтобы смотреть на «очищенные» данные
4. Теперь это просто задача приближения с регуляризацией и мы надеемся, что заполненные приближением P значения будут предсказаниями

А что с проблемами?

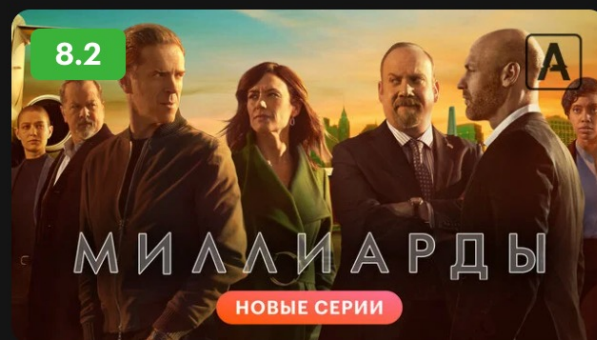
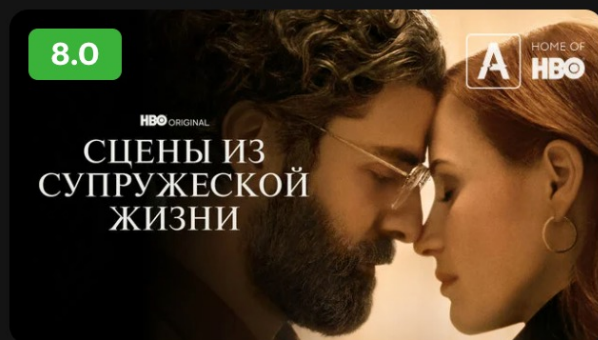
1. Вычислительная сложность:
 - рантайм - $O(|M|r) \ll O(|M||U|)$
 - предподсчет - $O(|M||U|r) \ll O(|M|^2|U|)$
2. Новые фильмы не будут иметь оценок, пока их не посмотрят много пользователей – ~~рекомендации по этому фильму будут плохими, а сам фильм почти не будем рекомендовать~~ Уже по малому числу оценок сможем выделять свойства фильма и рекомендовать его нужным пользователям
3. Популярные фильмы будем рекомендовать чаще ~~(по сути противоположность предыдущему пункту)~~ качественнее
4. Нет рекомендаций для новых пользователей
5. Выглядит ~~хиленько, никаких связей фильмов друг с другом и пользователей друг с другой не учитываем~~ уже гораздо интереснее

Какие интересные вопросы остались?

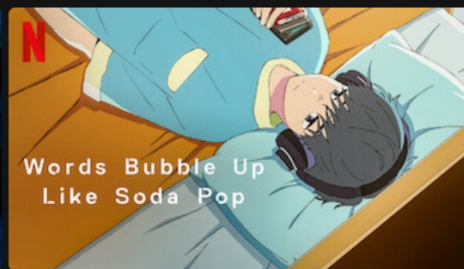
1. Есть ли разница какие точки выкидывать для обучения? Более старые для пользователя? Более новые?
2. Как мерить офлайн качество? Т.е. как с какой-то уверенностью, прежде чем катить модель в эксперимент, проверить (убедить менеджера), что она действительно хорошо работает? Что такое хорошо?
3. Как мерить дефект рейт в офлайне? Т.е. как с какой-то уверенностью, прежде чем катить модель в эксперимент, проверить (убедить менеджера), что у модели не слишком много стьюпидов? Как определить стьюпидность? Стьюпид в общем смысле не просто нерелевантный фильм, а фильм, при рекомендации которого в голове возникает «что за чушь мне рекомендуют». Это скорее про репутационные риски сервиса, чем про качество модели.
4. 2 и 3 вопросы относительно наивной реализации решается толокой? Но все еще вопрос - что такое хорошо, а что такое стьюпид?

~~Приглашаю работать в Кинопоиск~~

Рекомендуем сериалы >



Top Picks for Тряпицын



СПИСОК ИСТОЧНИКОВ

- Материалы курса "Основы матричных вычислений",
<http://wiki.cs.hse.ru/>
[Основы матричных вычислений 2020/2021](#)
- Golub, G. ; Kahan, W.: Calculating the Singular Values and Pseudo-Inverse of a Matrix (1965), https://www3.math.tu-berlin.de/Vorlesungen/SS14/MatricesGraphsPDEs/paper_for_students/GolubKahanSVD.pdf
- Nicolas Gillis : The Why and How of Nonnegative Matrix Factorization, <https://arxiv.org/pdf/1401.5226.pdf>

СПИСОК ИСТОЧНИКОВ

- <https://builtin.com/data-science/step-step-explanation-principal-component-analysis>
- <https://medium.com/analytics-vidhya/topic-modeling-with-non-negative-matrix-factorization-nmf-3caf3a6bb6da>
- <https://pub.towardsai.net/machine-learning-dimensionality-reduction-via-principal-component-analysis-1bdc77462831>
- <https://medium.com/nanonets/topic-modeling-with-lsa-psla-lda-and-lda2vec-555ff65b0b05>

СПИСОК ИСТОЧНИКОВ

- <https://www.youtube.com/watch?v=ZspR5PZemcs>