F1-Score de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión					
10	99.33	99.17	98.84		10	98.85	98.56	97.98	
9	99.33	99.17	98.51		9	98.85	98.56	97.40	
8	99.33	99.34	98.84		8	98.85	98.85	97.98	
ole modelc	99.50	99.34	98.67	E1 Soore	9900 7 F1-Score □	99.14	98.85	97.69	Provinión
sados en	99.50	99.34	98.67	99 98	sados en	99.14	98.85	97.69	Precisión - 98 - 96 - 94
n səuəb ə	99.33	99.50	98.67	97 96	n səuəb ə	98.85	99.14	97.69	
Número de genes usados en el modelo	99.50	99.67	98.84		Número de genes usados en el modelo 2 9 2	99.14	99.42	97.98	
3	99.33	99.50	98.81		3	98.85	99.14	97.98	
2	98.48	99.51	98.48		2	97.42	99.14	97.40	
1	99.16	98.84	95.08		1	98.56	97.99	91.35	
	Sensibilidad de SVM y núme	según método de selección según método de selecci ro de genes usados en el ltada en negrita la mejor sensit	ón de características modelo			Especificidad de SVN y núme	étodo de selección de caracte A según método de selec ro de genes usados en e tada en negrita la mejor espec	ción de características I modelo	
10	98.68	99.01	98.68		10	100.00	96.36	91.78	
9	98.68	99.03	98.35		9	100.00	96.36	89.56	
8	98.68	99.03	98.35		8	100.00	98.18	94.00	
Número de genes usados en el modelo	99.01	99.03	98.01	Sensibilidad	usados en el modelo	100.00	98.18	94.00	Especificidad
e en	99.01	99.03	98.01	99.0 98.5	e sados en	100.00	98.18	94.00	100
5 seues e	98.68	99.34	98.01	98.0 97.5 97.0 96.5	o genes u	100.00	98.18	94.00	80 70
Número d ₄	99.01	99.34	98.34		Número de genes ₅	100.00	100.00	94.00	_
3	98.68	99.34	97.99		3	100.00	98.18	98.00	
2	98.33	99.34	97.67		2	92.14	97.78	95.83	
1	98.34	98.68	96.38		1	100.00	93.74	61.61	
	MRMR Mét	RF odo de selección de caracterís	DA icas			MRMR Mét	RF odo de selección de caracterí	DA sticas	

F1-Score de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión							
10	99.67	99.34	98.69		10	99.42	98.84	97.70			
9	99.67	99.50	99.00		9	99.42	99.13	98.27			
8	99.49	99.50	99.34		8	99.13	99.13	98.85			
olebom le	99.49	99.66	99.17	:	olebom le	99.13	99.42	98.56	Precisión		
sados en	99.67	99.33	99.01	F1-Score	sados en	99.42	98.84	98.27	97.5		
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.34	99.33	98.84	96 94	Número de genes usados en el modelo 2 2	98.85	98.84	97.98	95.0 92.5 90.0		
lúmero de	99.18	99.50	98.51	34	lúmero de	98.57	99.13	97.41	•		
3	99.50	99.50	98.49		3	99.14	99.13	97.40			
2	99.01	99.33	98.49		2	98.28	98.84	97.41			
1	98.51	98.35	93.44		1	97.41	97.12	88.74			
	MRMR Mé	RF todo de selección de caracteri	DA sticas			MRMR M	RF étodo de selección de caracte	DA erísticas			
	Sensibilidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor sensibilidad					Especificidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor especificidad					
10	99.34	99.33	98.72		10	100.00	95.00	91.32			
9	99.34	99.33	99.04		9	100.00	97.50	94.18			
8	98.99	99.33	99.04		8	100.00	97.50	98.18			
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.34	99.33	99.03		Número de genes usados en el modelo	98.46	100.00	96.18			
edos en e	99.34	99.33	98.38	Sensibilidad 99 98 97 99 97 96 94	99 - 98 - 97 - 96 - 95	ados en e	100.00	95.50	98.18	Especificidad 100 90	
sn səuəb	99.00	99.33	99.01			sn səuəb	97.14	95.50	91.32	80 70 60	
úmero de	99.00	99.33	97.72			úmero de	94.29	97.50	96.18	60	
3	99.00	99.33	97.68		3	100.00	97.50	96.18			
2	98.67	99.33	97.37				2	94.29	95.50	98.18	
1	98.35	98.68	93.32		1	89.41	85.67	56.16			
MRMR RF DA MRMR RF DA Método de selección de características Método de selección de características											

F1-Score de kNN según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de kNN según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión						
10	99.48	98.79	98.49		10	99.13	97.98	97.41		
9	99.32	98.98	98.82		9	98.85	98.27	97.98		
8	99.15	98.98	98.82		8	98.56	98.27	97.98		
olabom la	99.32	98.95	98.46	54.0	olebom le ne	98.85	98.27	97.40	Precisión	
sados en	99.48	99.13	98.46	F1-Score	sados en	99.13	98.55	97.40	Precision 98	
n seues e	99.15	99.11	98.45	98 97 96	in səuəb ə	98.56	98.55	97.40	96 94	
Número de genes usados en el modelo	99.32	99.16	98.12		Número de genes usados 6 9	98.85	98.55	96.83	_	
3	99.15	99.62	97.95		3	98.56	99.42	96.54		
2	98.98	99.62	98.31		2	98.27	99.42	97.11		
1	98.96	98.94	95.54		1	98.26	98.27 92.21	92.21		
	MRMR Me	RF étodo de selección de caracter	DA ísticas			MRMR M	RF étodo de selección de caracte	DA rísticas		
	Sensibilidad de kNN según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor sensibilidad					ción de características I modelo ificidad				
10	98.97	97.63	97.03		10	100.00	100.00	100.00		
9	98.66	97.98	97.66		9	100.00	100.00	100.00		
8	98.32	97.98	97.66		8	100.00	100.00	100.00		
Número de genes usados en el modelo 7 2 2	98.66	98.30	96.98		Número de genes usados en el modelo	100.00	98.67	100.00		
sados en	98.97	98.65	96.98	Sensibilidad 99 98 97 97 96	eodos en	100.00	98.67	100.00	Especificidad 100 90	
sn seues a	98.32	98.60	97.30		sn səuəb a	100.00	98.67	98.57	80 70	
lúmero de	98.66	98.35	96.66		lúmero de	100.00	100.00	98.57	70	
3	98.32	99.26	96.34		3	100.00	100.00	98.57		
2	99.30	99.26	97.33				2	92.13	100.00	95.71
1	98.61	98.27	95.75		1	95.56	98.67	66.98		
	MRMR Mét	RF odo de selección de caracterís	DA ticas			MRMR Méte	RF odo de selección de caracterís	DA sticas		