	y núme	según método de selecció ero de genes usados en e re medio en los 5 fold (desviac	el modelo	Precisión de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Precisión media en los 5 fold (desviación típica)					
10	99.68 (0.7)	99.50 (0.5)	98.62 (1.2)		10	99.43 (1.3)	99.14 (0.8)	97.69 (1.9)	
9	99.68 (0.7)	99.66 (0.5)	98.62 (1.2)		9	99.43 (1.3)	99.42 (0.8)	97.69 (1.9)	Precisión  97.5  98.0  92.5  90.0  4)
8	99.50 (0.7)	99.66 (0.5)	98.96 (1.1)		8	99.14 (1.3)	99.42 (0.8)	98.26 (1.9)	
lepom 7	99.68 (0.7)	99.50 (0.5)	98.80 (1.3)	F1-Score	7	99.43 (1.3)	99.14 (0.8)	97.98 (2.2)	
Número de genes usados en el modelo 2 2	99.17 (1.0)	99.33 (0.7)	98.80 (1.3)	98	s ones	98.57 (1.7)	98.57 (1.7) 98.85 (1.2)	97.98 (2.2)	
o genes u	99.35 (1.0)	99.33 (0.7)	98.62 (1.3)	96	5	98.85 (1.9)	98.85 (1.2)	97.69 (2.2)	
lúmero de	99.52 (1.1)	99.66 (0.5)	98.78 (1.5)	96 96 96 96 96 96 96 96 96 96 96 96 96 9	4	99.14 (1.9)	99.42 (0.8)	97.98 (2.4)	
3	99.52 (0.7)	99.66 (0.5)	98.46 (1.0)		3	99.14 (1.3)	.3) 99.42 (0.8) 97	97.40 (1.6)	
2	99.16 (1.2)	99.49 (0.8)	98.13 (1.2)		2	98.57 (2.0)	99.14 (1.3)	96.83 (1.9)	
1	99.02 (1.0)	98.48 (1.7)	93.70 (1.7)		1	98.28 (1.9)	97.42 (2.9)	89.06 (2.8)	
	MRMR RF DA  Método de selección de características  Sensibilidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo  Sensibilidad media en los 5 fold (desviación típica)				MRMR RF DA Método de selección de características Especificidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Especificidad media en los 5 fold (desviación típica)				
10	99.38 (1.4)	99.33 (0.9)	98.60 (2.3)		10	100.00 (0.0)	98.18 (4.1)	91.67 (7.8)	
9	99.38 (1.4)	99.33 (0.9)	98.60 (2.3)		9	100.00 (0.0)	100.00 (0.0)	91.67 (7.8)	Especificidad 100 90 80 70 60
8	99.02 (1.4)	99.33 (0.9)	98.95 (1.6)	c	8	100.00 (0.0)	100.00 (0.0)	94.17 (8.1)	
nero de genes usados en el modelo	99.38 (1.4)	99.33 (0.9)	98.62 (1.5)	Sensibilidad	genes usados en el modelo	100.00 (0.0)	98.18 (4.1)	94.17 (8.1)	
sados en	98.71 (2.0)	99.33 (0.9)	98.95 (1.6)	99 98 97	19 800pg 6	97.78 (5.0)	96.36 (8.1)	91.67 (7.8)	
o genes u	99.06 (2.1)	99.33 (0.9)	98.60 (1.9)	96 96 95	n sallañ s	97.78 (5.0)	96.36 (8.1)	91.67 (7.8)	
Número de	99.06 (2.1)	99.33 (0.9)	98.27 (1.8)	94 95 8 8 9	D 4	100.00 (0.0)	100.00 (0.0)	96.67 (7.5)	
3	99.38 (1.4)	99.33 (0.9)	97.62 (1.5)		3	97.50 (5.6)	100.00 (0.0)	95.83 (5.9)	
2	98.71 (2.0)	98.99 (1.5)	97.30 (1.9)		2	98.57 (3.2)	100.00 (0.0)	91.67 (11.8)	
1	98.71 (2.0)	98.65 (1.4)	93.74 (2.6)		1	95.00 (11.2)	91.21 (12.6)	54.17 (13.8)	
	MRMR	RF odo de selección de característ	DA			MRMR	RF do de selección de caracterís	DA	