F1-Score de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión						
10	99.67	99.34	98.69		10	99.42	98.84	97.70		
9	99.67	99.50	99.00	F1-Score 	9	99.42	99.13	98.27	Precisión 97.5 95.0 92.5 90.0	
8	99.49	99.50	99.34		8	99.13	99.13	98.85		
olebom le	99.49	99.66	99.17		olebom le	99.13	99.42	98.56		
sados en	99.67	99.33	99.01		sados en	99.42	98.84	98.27		
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.34	99.33	98.84		Número de genes usados en el modelo 2 2	98.85	98.84	97.98		
lúmero de ₄	99.18	99.50	98.51		lúmero de	98.57	99.13	97.41		
3	99.50	99.50	98.49		3	99.14	99.13	97.40		
2	99.01	99.33	98.49		2	98.28	98.84	97.41		
1	98.51	98.35	93.44		1	97.41	97.12	88.74		
	MRMR Mé	RF todo de selección de caracteri	DA sticas			MRMR M	RF étodo de selección de caracte	DA erísticas		
	Sensibilidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor sensibilidad				Especificidad de RF según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor especificidad					
10	99.34	99.33	98.72		10	100.00	95.00	91.32	Especificidad 100 90 80 70 80 70 60	
9	99.34	99.33	99.04	Sensibilidad 99 98 97 97 96 95 94	9	100.00	97.50	94.18		
8	98.99	99.33	99.04		8	100.00	97.50	98.18		
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.34	99.33	99.03		olebom le	98.46	100.00	96.18		
edos en e	99.34	99.33	98.38		Número de genes usados en el modelo	100.00	95.50	98.18		
sn səuəb	99.00	99.33	99.01		sn səuəb	97.14	95.50	91.32		
úmero de	99.00	99.33	97.72		úmero de	94.29	97.50	96.18		
3	99.00	99.33	97.68		3	100.00	97.50	96.18		
2	98.67	99.33	97.37		2	94.29	95.50	98.18		
1	98.35	98.68	93.32		1	89.41	85.67	56.16		
MRMR RF DA MRMR RF DA Método de selección de características Método de selección de características										