F1-Score de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión					
10	99.33	99.17	98.84		10	98.85	98.56	97.98	
9	99.33	99.17	98.51	F1-Score 99 98	9	98.85	98.56	97.40	Precisión 98 96 94 92
8	99.33	99.34	98.84		8	98.85	98.85	97.98	
olabom la	99.50	99.34	98.67		olabom la	99.14	98.85 97.69	97.69	
ados en e	99.50	99.34	98.67		Número de genes usados en el modelo 8 2 2	99.14	98.85	97.69	
Número de genes usados en el modelo 7 2 9 4	99.33	99.50	98.67	97 96	sn seues a	98.85	99.14 97.69	97.69	
úmero de	99.50	99.67	98.84	-	úmero de	99.14	99.42	97.98	
3	99.33	99.50	98.81		3	98.85	99.14	97.98	
2	98.48	99.51	98.48		2	97.42	99.14	97.40	
1	99.16	98.84	95.08		1	98.56	97.99	91.35	
	MRMR Mét	RF todo de selección de caracterí	DA sticas			MRMR Mé	RF todo de selección de caracter	DA ísticas	
	Sensibilidad de SVM y númer Resalt		Especificidad de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor especificidad						
10	98.68	99.01	98.68		Número de genes usados en el modelo 8 6 7 9 4 4	100.00	96.36	91.78	Especificidad 100 90 80 70
9	98.68	99.03	98.35	Sensibilidad		100.00	96.36	89.56	
8	98.68	99.03	98.35			100.00	98.18	94.00	
Número de genes usados en el modelo 7 9 2	99.01	99.03	98.01			100.00	98.18	94.00	
isados en	99.01	99.03	98.01	99.0 98.5		100.00	98.18	94.00	
n seues e	98.68	99.34	98.01	98.0 - 97.5 - 97.0 - 96.5		100.00	98.18	94.00	
Número d	99.01	99.34	98.34			100.00	100.00	94.00	
3	98.68	99.34	97.99		ž 3	100.00	98.18	98.00	
2	98.33	99.34	97.67		2	92.14	97.78	95.83	
1	98.34	98.68	96.38		1	100.00	93.74	61.61	
MRMR RF DA MRMR RF DA Método de selección de características Método de selección de características									