F1-Score de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltado en negrita el mejor F1-Score				Precisión de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor precisión						
10	99.33	99.17	98.84		10	98.85	98.56	97.98		
9	99.33	99.17	98.51	F1-Score 99 - 98 97 - 96	9	98.85	98.56	97.40	Precisión - 98 - 96 - 94 - 92	
8	99.33	99.34	98.84		8	98.85	98.85	97.98		
olebom le	99.50	99.34	98.67		olebom le	99.14	98.85	97.69		
sados en	99.50	99.34	98.67		sados en	99.14	98.85	97.69		
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.33	99.50	98.67		Número de genes usados en el modelo 2 2	98.85	99.14	97.69		
lúmero de	99.50	99.67	98.84		lúmero de	99.14	99.42	97.98		
3	99.33	99.50	98.81		3	98.85	99.14	97.98		
2	98.48	99.51	98.48		2	97.42	99.14	97.40		
1	99.16	98.84	95.08		1	98.56	97.99	91.35		
	MRMR Méi	RF todo de selección de caracterí	DA sticas			MRMR N	RF létodo de selección de caracte	DA erísticas		
	Sensibilidad de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor sensibilidad				Especificidad de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Resaltada en negrita la mejor especificidad					
10	98.68	99.01	98.68		10	100.00	96.36	91.78	Especificidad 100 90 80 70	
9	98.68	99.03	98.35		9	100.00	96.36	89.56		
8	98.68	99.03	98.35	Sensibilidad 99.0 98.5 98.0 97.5 97.0 96.5	8	100.00	98.18	94.00		
Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	99.01	99.03	98.01		9.0 SOP 6	100.00	98.18	94.00		
sados en	99.01	99.03	98.01			100.00	98.18	94.00		
n səuəs n	98.68	99.34	98.01		n seues a	100.00	98.18	94.00		
úmero de	99.01	99.34	98.34		úmero de	100.00	100.00	94.00		
3	98.68	99.34	97.99		3	100.00	98.18	98.00		
2	98.33	99.34	97.67		2	92.14	97.78	95.83		
1	98.34	98.68	96.38		1	100.00	93.74	61.61		
MRMR RF DA MRMR RF DA Método de selección de características Método de selección de características										