F1-Score de SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo F1-Score medio en los 5 fold (desviación típica)						y núm	e SVM según método de selección de características y número de genes usados en el modelo Precisión media en los 5 fold (desviación típica)		
10	94.21 (5.2)	81.02 (6.4)	85.78 (4.1)		10	97.37 (2.1)	92.70 (3.2)	92.69 (2.3)	
9	93.41 (4.3)	79.27 (6.6)	85.03 (2.7)		9	97.08 (1.8)	92.69 (2.5)	92.11 (2.4)	
8	93.59 (6.4)	79.70 (4.7)	83.16 (4.3)		8	97.08 (2.7)	93.27 (1.7)	91.53 (1.2)	Precisión 94 - 90 - 86
ol modelo	94.99 (4.5)	79.24 (4.7)	84.17 (3.0)		Número de genes usados en el modelo P 2 9 4	97.66 (2.2)	92.98 (1.9)	91.82 (1.6)	
sados en	94.19 (2.8)	79.88 (4.9)	83.13 (1.8)	F1-Score	ados en	97.37 (1.2)	92.99 (1.9)	91.82 (1.6)	
sn seues ns	92.08 (7.2)	46.70 (42.6)	81.30 (3.1)	50 25	sn səuəb	96.79 (2.4)	91.81 (2.9)	90.35 (2.8)	
Número de genes usados en el modelo	91.20 (7.3)	29.61 (40.6)	27.31 (37.4)	0	lúmero de	96.79 (2.4)	91.23 (2.3)	83.63 (7.6)	
3	89.82 (6.1)	0.00 (0.0)	0.00 (0.0)		3	95.62 (2.7)	90.94 (2.4)	83.64 (6.6)	
2	90.09 (6.8)	0.00 (0.0)	0.00 (0.0)		2	95.63 (2.3)	91.81 (2.5)	83.04 (7.6)	
1	14.88 (33.3)	0.00 (0.0)	0.00 (0.0)		1	91.22 (1.5)	90.35 (2.0)	83.64 (6.6)	
	y númer	según método de selecc o de genes usados en el id media en los 5 fold (desviad	modelo			y núme	1 según método de selec ro de genes usados en e lad media en los 5 fold (desvi	el modelo	_
10	95.84 (4.0)	78.85 (6.6)	86.27 (8.2)		10	97.91 (1.7)	90.99 (3.8)	93.16 (3.9)	
9	94.50 (3.3)	76.88 (6.8)	85.11 (4.3)	Sensibilidad 90 80 70 60	9	97.46 (1.3)	90.24 (3.9)	92.32 (1.6)	Especificidad - 95 - 90 - 85 - 80
8	95.72 (4.2)	77.28 (6.9)	84.20 (4.0)		de genes usados en el modelo	97.80 (1.9)	90.99 (3.7)	91.71 (2.1)	
ro de genes usados en el modelo	97.50 (2.3)	77.16 (7.5)	84.31 (4.1)			98.52 (1.1)	90.91 (3.9)	91.81 (2.1)	
e en	96.17 (2.4)	77.43 (6.2)	83.36 (3.4)		sados en	98.07 (0.6)	90.75 (3.1)	91.62 (1.1)	
n saues n	92.84 (6.6)	70.60 (6.1)	81.65 (5.5)		n seueß e	96.86 (2.6)	88.50 (4.5)	90.26 (2.3)	
Número de <sub>†</sub>	90.73 (5.8)	67.83 (6.0)	58.79 (11.1)		Número de <sub>P</sub>	96.37 (2.3)	88.02 (3.7)	76.99 (6.4)	
3	88.97 (6.9)	64.62 (2.0)	58.96 (6.3)		3	94.94 (3.0)	86.67 (3.6)	76.31 (4.7)	
2	91.85 (7.9)	66.30 (0.5)	55.40 (11.5)		2	96.44 (3.0)	88.06 (2.5)	75.06 (5.8)	
1	67.62 (3.5)	63.80 (2.1)	57.74 (5.4)		1	88.03 (2.0)	86.08 (3.2)	75.91 (4.6)	
	MRMR Méto	RF do de selección de caracterís	DA ticas			MRMR Méto	RF odo de selección de caracterí	DA	