	Default Ensemble		E COL	Oct.	Tedock default 3016			
			CH CONTRACTOR		RY CONTRACT	CH CONTRACTOR		
	D <sub>efally</sub>	4	(4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4) (4)	Cotyle Cotyle	, <sup>Q</sup> Z <sub>Z</sub> Z	70, VIX.	P	
	Lina Lina	Al. Ringenble	Ensemb.	ens,	Petsettble .	ens ,	CAS CAB ,	
AA2AR -		- 0		0	, 0	, 0	~ 0	<b>-</b> 100
ABL1 -	18	21	21	19	20	20	16	
ACE -	9	43 13	45 14	39 12	43 15	34 17	45 10	
ADA - ADA17 -	22 33	41 41	39 39	35 34	34 38	36 43	34 34	
ADRB1 -	42	65 59	64 61	55 59	56	55 56	54	
ADRB2 - AKT1 -	56 36	46	46	44	47 45	41	59 43	
AKT2 - AMPC -	16 5	40 16	37 14	35 8	37 11	33 18	32 10	
ANDR - AOFB -	46	46 100	48 100	47 100	35 100	43 100	38	
BACE1 -	16	19	19	17	17	18	13	
BRAF - CAH2 -	28 20	38 41	38 41	36 36	37 38	38 51	34 38	
CASP3 - CDK2 -	1 10	2 35	2 34	$0 \\ 32$	2 26	$\frac{2}{32}$	0 31	
CP2C9 -	0	8	0	8	8	0	8	- 80
CSF1R - DEF -	14 40	24 50	24 52	26 54	23 46	26 42	23 44	
DPP4 - DYR -	14 7	23 23	24 23	21 17	24 30	21 22	21 15	
EGFR -	12	19	18	21	17	17	15	
ESR1 - ESR2 -	42 50	47 52	49 50	36 36	37 31	39 46	36 43	
FA10 - FA7 -	49 20	68 32	68 35	61 29	70 36	67 30	61 29	
FABP4 -	11 17	30 40	26 40	20	34 40	21	21 36	
FAK1 - FKB1A -	36	47	49	49	32	42	41	
FNTA - FPPS -	4 7	14 37	13 33	8 21	17 41	$\frac{9}{41}$	7 19	
GCR -	43 47	34 57	40 57	28 54	28 50	47 38	17 54	
GLCM - GRIA2 -	28	54	52	48	51	49	40	
GRIK1 - HDAC2 -	30 60	36 65	37 60	30 60	41 55	36 65	28 55	- 60
HDAC8 -	8 5	10 15	12 18	10 12	5 10	2 12	5 18	
HIVINT - HIVPR -	13	27	23	19	27	28	15	
HIVRT - HMDH -	28 80	36 78	31 75	27 61	30 79	22 69	26 68	
HS90A - HXK4 -	26 17	32 34	30 32	27 30	37 25	31 27	17 29	
IGF1R -	7	14	15	14	15	13	12	
ITAL - JAK2 -	10 19	14 31	14 33	17 34	13 26	12 29	12 26	
KIF11 - KIT -	55 17	62 21	60 17	60 21	52 21	54 17	52 17	
KITH -	50	50	50	50	50	50	50	
LCK - LKHA4 -	21 18	33 32	34 32	34 27	34 21	31 33	32 23	
MAPK2 - MCR -	35 73	44 58	44 66	42 60	36 46	46 64	31 46	
MET -	34	34	34	30 22	33 25	32	33	- 40
MK01 - MK10 -	14 15	28 25	27 26	24	24	25 25	23 20	
MK14 - MMP13 -	19 19	$\frac{25}{25}$	26 29	22 22	25 21	22 21	22 20	
MP2K1 -	17	28 61	29 55	23 43	23	29	14 40	
NRAM - PA2GA -	17 57	56	58	44	68 53	66 57	40	
PARP1 - PDE5A -	40 5	58 20	57 17	49 19	54 23	52 16	52 16	
PGH1 <b>-</b> PGH2 <b>-</b>	25 17	48 21	46 24	34 23	32 15	43 17	34 20	
PLK1 -	36	54	55	52	53	55	39	
PNPH - PPARA -	14 19	29 29	37 27	34 20	34 29	40 25	29 23	
PPARD - PPARG -	20	22 5	20 6	18 2	22 7	20 11	20 5	
PRGR -	59 28	62 28	63	57 29	51 30	52	51 27	
PTN1 - PUR2 -	17	34	38	34	28	36	34	- 20
PYGM - PYRD -	0 20	9 41	11 41	38	9 24	5 36	6 35	
RENI -	37 16	44 36	44 34	38 28	43 33	40 35	33 29	
ROCK1 - RXRA -	60	51	50	38	41	58	40	
SAHH - SRC -	0 12	50 28	50 29	50 26	50 30	50 28	50 19	
TGFR1 -	21 78	46 82	45	36 80	44 72	47 81	32 77	
THB - THRB -	46	62	61	53	62	58	51	
TRY1 - TRYB1 -	30 13	33 15	33 16	35 13	33 18	32 23	30 14	
TYSY -	11	25	23	22	25	19	20	
UROK - VGFR2 -	20 44	37 62	33 62	24 53	33 55	28 58	31 45	
WEE1 - XIAP -	57 32	69 38	71 40	71 40	61 44	71 39	65 38	- 0