Cro	Sedock Defaulted	Cro	General Default 20.	Redock Default 2018 Redock Default 2018 Redock Default 2018				
0,	Defaulte	Ciossidock Della	* Defaulte	Default 20				
TU/	Engenble -	La Carrent	Se Ensen	Rager Co	Ensen .	U Ensenble	È.	
AAAAD	*18 <sub>16</sub>	10/6 0	76/6 - 0	116/ <sub>6</sub>	46/6 - 0	**************************************	Vina 0	100
AA2AR - ABL1 -	- 21	19	20 43	20	16	21 45	18 29	
ACE -	- 12	11	14	16	9	13	8 22	
ADA -	41	35 34	34 38	36 43	34 34	39 39	33	
ADRB1 -	59	55 59	56 47	55 56	54 59	64 61	42 56	
AKT1 - AKT2 -	40	44 35	45 37	41 33	43 32	46 37	36 16	
ALDR -	- 16	17 8	17 11	17 18	17 10	17 14	17 5	
ANDR - AOFB -		47 33	35 33	43 33	38 33	48 33	46	
BACE1 - BRAF -		17 35	17 36	18 37	13 33	19 37	16 27	
CAH2 - CASP3 -		37 1	37	50	38	41 3	21 1	
CDK2 - CP2C9 -		32 4	26 4	32	31 4	34	10	- 80
CP3A4 - CSF1R -		0 26	0 23	0 26	0 23	0 24	0 14	
DEF - DPP4 -	50	54 21	46 24	42 21	44 21	52 24	40 14	
DYR - EGFR -	- 20	15 21	26 17	19 17	13 15	20 18	6 12	
ESR1 - ESR2 -	47	36 36	37 31	39 46	36 43	49 50	42 50	
FA10 - FA7 -	- 68	62 29	70 36	65 30	62 29	68 35	50 20	
FABP4 - FAK1 -	30	20 37	34 38	21 37	21 34	26 38	11 16	
FKB1A - FNTA -	47	49	32 17	42	41 7	49	36	
FPPS - GCR -	37	21 28	41 28	41 47	19 17	33 40	7 43	
GLCM -	57	54 47	50 49	38	54	57 50	47 27	
GRIA2 - GRIK1 -	36	30	41	48 36	39 28	37	30	- 60
HDAC2 -	10	60 10	55 5	65	55 5	60 12	8	
HIVINT - HIVPR -	- 26	12 18	10 26	12 27	18 14	18 22	5 13	
HIVRT - HMDH -	78	26 61	30 79	23 69	25 68	31 75	27 80	
HS90A - HXK4 -	34	27 30	37 25	31 27	17 29	30 32	26 17	
IGF1R - ITAL -	- 14	14 17	15 13	13 12	12 12	15 14	7 10	
JAK2 - KIF11 -	62	34 60	26 52	29 54	26 52	33 60	19 55	
KIT - KITH -	50	21 50	21 50	17 50	17 50	17 50	17 50	
LCK - LKHA4 -	32	34 27	34 21	31 33	32 23	34 32	21 18	
MAPK2 - MCR -		42 60	36 46	46 64	31 46	44 66	35 73	- 40
MET - MK01 -		30 22	33 25	32 25	33 23	34 27	34 14	
MK10 - MK14 -		24 22	24 25	25 22	20 22	26 26	15 19	
MMP13 - MP2K1 -		22 23	21 23	21 29	20 14	29 29	19 17	
NRAM - PA2GA -		43 44	68 53	66 57	40 40	55 58	17 57	
PARP1 - PDE5A -		49 19	54 23	52 16	52 16	57 17	40 5	
PGH1 - PGH2 -	48	34 23	32 15	43 17	34 20	46 24	25 17	
PLK1 - PNPH -	54	52 34	53 34	55 40	39 29	55 37	36 14	
PPARA -	- 29	20 18	29 22	25 20	23 20	27 20	19 20	
PPARG - PRGR -	- 5	2 57	7 51	11 52	5 51	6 63	3 59	
PTN1 - PUR2 -	- 28	29 32	30 27	32 33	27 32	31 35	28 17	- 20
PYGM -	- 8	4 38	8 24	4 36	6 35	10 41	0 20	
PYRD - RENI -	- 44	38	43	40	33	44	37	
ROCK1 - RXRA -	40	28 30	33 32	35 45	29 31	34 39	16	
SAHH - SRC -	- 28	26	30	0 28	19	0 29	0 12	
TGFR1 -	82	36 80	72	81 81	32 77	45 83	78 78	
THRB -	33	53 35	62 33	58 32	51 30	61 33	46 30	
TRYB1 - TYSY -	- 25	13 22	18 25	23 19	14 20	16 23	13 11	
UROK - VGFR2 -	62	16 53	23 55	19 58	22 45	23 62	14 44	
WEE1 - XIAP -		71 40	61 44	71 39	65 38	71 40	57 32	- 0
								U