

**TAM DATABASE: PLATAFORMA PARA EL ALMACENAMIENTO DE DATOS
ASOCIADOS A MUESTRAS BIOLÓGICAS DE MALARIA AVIAR TROPICAL**

SPRINT 1

Diana Lorena Gil-Vargas, Erasmo Andrés Martínez, Ricardo Ortega

Tripulantes Grupo 6

C3-G51

Universidad Autónoma de Bucaramanga

MINTIC 2021

2021

TAM DATABASE: PLATAFORMA PARA EL ALMACENAMIENTO DE DATOS ASOCIADOS A MUESTRAS BIOLÓGICAS DE MALARIA AVIAR TROPICAL

1. MUNDO - DESCRIPCIÓN DEL PROYECTO

Actualmente, se ha observado un incremento exponencial en el reporte de nuevos datos relacionados a estudios de malaria en aves, dado el interés de los investigadores por la comprensión de patrones de diversidad de malaria en aves sobre todo en áreas Neotropicales. Esto ha generado la disponibilidad de datos biológicos masivos acerca de este tema, en donde algunos investigadores han trabajado en una propuesta WEB para el almacenamiento y disponibilidad de estos datos, pero para el manejo de esta plataforma se necesitan conocimientos en el manejo de base de datos (tipo relacional) y un buen almacenamiento en el equipo para la descarga de datos, haciendo que la plataforma no sea fácil de usar y confusa, con algunos errores y mucha información faltante.

Dado lo anterior, es importante continuar aunando esfuerzos por la realización, desarrollo y programación de una plataforma WEB disponible para toda la comunidad científica e investigadora interesada en datos biológicos relacionados con muestras de malaria en aves en donde sea fácil navegar, almacenar, consultar, filtrar y en lo posible que ofrezca al usuario un informe de los datos disponibles en la base de datos almacenada.

2. JUSTIFICACIÓN

A partir del año 2000 con el reporte del primer protocolo para la secuenciación del gen mitocondrial *Citocromo b* de parásitos maláricos en aves por Bensch y colaboradores (Bensch et al. 2000), ha aumentado el estudio y el interés de los investigadores por el análisis de los efectos de la malaria y su influencia a nivel de conservación poblacional en sus hospederos, generando con esto una gran cantidad de datos disponibles en la literatura científica y en una iniciativa (Bensch, Hellgren, y Pérez-Tris 2009), la cual resulta no ser muy amigable con el usuario dado que la información está contenida en diferentes tablas y en algunos casos se encuentran incongruencias entre los reportes en la base de datos WEB y la información contenida en las publicaciones.

En los últimos años los investigadores se han interesado en análisis no solo genéticos sino también biogeográficos de estos hemoparásitos sobre todo en el Neotrópico (Gil-Vargas y Sedano-Cruz 2019), ya que dado a su variabilidad topográfica y ecosistémica se observan algunos patrones de distribución y riqueza de estos parásitos relacionados con los patrones de distribución hospedera. Lo anterior continúa generando datos masivos genéticos, taxonómicos y geográficos para la comprensión de los patrones de transmisión y distribución de la malaria en aves, dado lo anterior es de suma importancia el desarrollo de una plataforma WEB que sea eficiente y amigable con los usuarios para la compilación, unificación y consulta de datos disponibles, esta plataforma también incorporará una interfaz para el sistema Administrador el cual podrá ver, administrar o eliminar usuarios y registros en la tabla de datos biológicos.

3. OBJETIVOS

3.1. Objetivo general

Desarrollar una plataforma WEB disponible al público científico e investigador para el manejo de datos biológicos asociados con malaria en aves. En el cual se podrán ingresar, almacenar y consultar los registros de datos biológicos de interés, facilitando la compilación y unificación de la información en una base de datos.

3.2. Objetivos específicos

- Analizar los requerimientos necesarios de las actividades administrativas y de los usuarios para la creación, disponibilidad y usabilidad de la plataforma con datos biológicos de muestras de malaria aviar.
- Realizar análisis de casos de uso y modelo entidad-relación (modelado unificado UML).
- Diseñar formularios HTML (WEB) para la obtención de datos de los usuarios, almacenamiento de la información y reporte de informes para consulta, para lo cual se definirán también los campos que se tendrán en consideración para los registros de la base de datos biológica.
- Realizar la programación de módulos para el registro, inicio de sesión, ingreso de datos, informes para los usuarios, así como la eliminación de usuarios y registros de la tabla del administrador por medio de herramientas de desarrollo para WEB.
- Crear un diseño que sea amigable con el usuario y teniendo en cuenta las reglas de usabilidad WEB.

4. ALCANCE

El proyecto terminaría con la entrega de la plataforma WEB con los siguientes módulos:

Módulo Administrador:

- Podrá ver, administrar o eliminar usuarios
- Podrá eliminar contenido o registros en la tabla de datos biológicos.

Módulo usuario:

- Permitirá a los investigadores registrarse e iniciar sesión en la plataforma para ingresar datos biológicos.

Módulo Consulta:

- Permitirá la consulta y filtrado de datos e informes sobre los registros de malaria en aves.

Módulo de informes:

- Permitirá la creación de informes de acuerdo a la base de datos consultada por el usuario.
- Permitirá la descarga de información de interés por el usuario.

5. DEFINICIÓN DE REQUERIMIENTOS FUNCIONALES Y NO FUNCIONALES

5.1. Requerimientos Funcionales:

Código del Requerimiento	RF01
Nombre	Registro usuario
Propósito	Crear nuevo usuario para registro de datos biológicos.
Descripción	En la página inicial (index), el usuario debe ingresar a la creación de la cuenta para diligenciar el formulario y tener sus datos al momento de registrar los datos biológicos.
Entrada	Formulario de registro diligenciado con datos del usuario
Salida	Redirección a al Formulario de Autenticación de Usuarios
Prioridad	Alta.

Código del Requerimiento	RF02
Nombre	Autenticación de Usuarios
Propósito	Inicio de sesión usuarios registrados en la plataforma.
Descripción	Para el ingreso de datos biológicos el sistema solo permitirá que usuarios registrados almacenen sus datos.

Código del Requerimiento		RF02
Entrada	Formulario de Inicio de Sesión con correo y contraseña.	
Salida	Redirección al Formulario de Ingreso de datos biológicos.	
Prioridad	Alta	

Código del Requerimiento		RF03
Nombre	Gestión de Datos Biológicos	
Propósito	Ingresar datos biológicos en la plataforma.	
Descripción	Permitir el ingreso de datos según los campos asignados en la plataforma.	
Entrada	<ul style="list-style-type: none"> • Formulario para ingreso de datos biológicos. • Seleccionar finalizar ingreso de datos. 	
Salida	Confirmación de ingreso de datos exitoso.	
Prioridad	Alta.	

Código del Requerimiento		RF04
Nombre		Gestión de contenido
Propósito		Administrar la información de los usuarios y la base de datos biológica.
Descripción		Permitir la gestión de los usuarios y datos al administrador.
Entrada		<ul style="list-style-type: none"> • El administrador podrá ver, administrar o eliminar usuarios. • El administrador podrá eliminar datos en la tabla de datos biológicos.
Salida		Confirmación de usuario o datos gestionados.
Prioridad		Alta.

Código del Requerimiento		RF05
Nombre		Consulta de informes
Propósito		Permitir al usuario informarse acerca de la información disponible en la base de datos.
Descripción		El usuario (no necesariamente debe estar registrado) podrá visualizar un informe acerca de la información de interés consultada en la base de datos biológica.

Código del Requerimiento	RF05
Entrada	Formulario Informe base de datos biológico.
Salida	Visualización de informe.
Prioridad	Alta.

5.2. Requerimientos No Funcionales:

Código del Requerimiento	RNF01
Nombre	Apariencia WEB
Descripción	La plataforma debe tener un logo, un color armonioso y la interfaz debe ser de fácil uso para el usuario.
Prioridad	Alta

Código del Requerimiento	RNF02
Nombre	Confidencialidad
Descripción	La información sobre datos personales de los usuarios solo se usará con fines administrativos de la plataforma.
Prioridad	Alta

6. BIBLIOGRAFÍA

- Bensch, Staffan et al. 2000. "Host specificity in avian blood parasites : a study of Plasmodium and Haemoproteus mitochondrial DNA amplified from birds". *Proceedings of the Royal Society* 267(February): 1583-1589.
- Bensch, Staffan, Olof Hellgren, y Javier Pérez-Tris. 2009. "MalAvi: A public database of malaria parasites and related haemosporidians in avian hosts based on mitochondrial cytochrome b lineages". *Molecular Ecology Resources* 9(5): 1353–58.
- Gil-Vargas, Diana, y Raul Sedano-Cruz. 2019. "Genetic variation of avian malaria in the tropical Andes: a relationship with the spatial distribution of hosts". *Malaria Journal* 18(1): 1–9. <https://doi.org/10.1186/s12936-019-2699-9>.