
Moller Documentation

リリース *1.0-beta*

ISSP, University of Tokyo

2023 年 12 月 24 日

目次

第 1 章	概要	1
1.1	moller とは?	1
1.2	ライセンス	1
1.3	開発貢献者	1
1.4	コピーライト	2
1.5	動作環境	2
第 2 章	インストールと基本的な使い方	3
第 3 章	チュートリアル	7
3.1	基本的な使い方	7
3.2	HPhi による <i>moller</i> 計算の例	12
3.3	DSQSS による <i>moller</i> 計算の例	14
第 4 章	コマンドリファレンス	16
4.1	moller	16
4.2	moller_status	16
第 5 章	ファイルフォーマット	19
5.1	構成定義ファイル	19
5.2	リストファイル	22

第 1 章

概要

1.1 moller とは?

近年、機械学習を活用した物性予測や物質設計 (マテリアルズインフォマティクス) が注目されています。機械学習の精度は、適切な教師データの準備に大きく依存しています。そのため、迅速に教師データを生成するためのツールや環境の整備は、マテリアルズインフォマティクスの研究進展に大きく貢献すると期待されます。

moller は、ハイスループット計算を支援するためのパッケージ HTP-Tools の一つとして提供しています。moller ではスーパーコンピュータやクラスタ向けにバッチジョブスクリプトを生成するツールであり、多重実行の機能を利用し、パラメータ並列など一連の計算条件について並列にプログラムを実行することができます。現状では、東京大学 物性研究所の提供するスーパーコンピュータ ohtaka (slurm ジョブスケジューラ) と kugui (PBS ジョブスケジューラ) がサポートされています。

1.2 ライセンス

本ソフトウェアのプログラムパッケージおよびソースコード一式は GNU General Public License version 3 (GPL v3) に準じて配布されています。

1.3 開発貢献者

本ソフトウェアは以下の開発貢献者により開発されています。

- ver.1.0-beta (2023/12/08 リリース)
 - 開発者
 - * 吉見 一慶 (東京大学 物性研究所)
 - * 青山 龍美 (東京大学 物性研究所)

- * 本山 裕一 (東京大学 物性研究所)
- * 福田 将大 (東京大学 物性研究所)
- * 福島 鉄也 (産業技術総合研究所)
- * 井戸 康太 (東京大学 物性研究所)
- * 笠松 秀輔 (山形大学 学術研究院 (理学部主担当))
- * 是常 隆 (東北大学大学院理学研究科)
- プロジェクトコーディネーター
 - * 尾崎 泰助 (東京大学 物性研究所)

1.4 コピーライト

© 2023- The University of Tokyo. All rights reserved.

本ソフトウェアは 2023 年度 東京大学物性研究所 ソフトウェア高度化プロジェクトの支援を受け開発されており、その著作権は東京大学が所持しています。

1.5 動作環境

以下の環境で動作することを確認しています。

- Ubuntu Linux + python3

第 2 章

インストールと基本的な使い方

必要なライブラリ・環境

HTP-tools に含まれる網羅計算ツール `moller` を利用するには、以下のプログラムとライブラリが必要です。

- Python 3.x
- `ruamel.yaml` モジュール
- `tabulate` モジュール
- GNU Parallel (ジョブスクリプトを実行するサーバ・計算ノード上にインストールされていること)

ソースコード配布サイト

- [GitHub リポジトリ](#)

ダウンロード方法

`git` を利用できる場合は、以下のコマンドで `moller` をダウンロードできます。

```
$ git clone https://github.com/issp-center-dev/Moller.git
```

インストール方法

`moller` をダウンロード後、以下のコマンドを実行してインストールします。`moller` が利用するライブラリも必要に応じてインストールされます。

```
$ cd ./Moller
$ python3 -m pip install .
```

実行プログラム `moller` および `moller_status` がインストールされます。

ディレクトリ構成

```
.
|-- LICENSE
|-- README.md
|-- pyproject.toml
|-- docs/
|   |-- ja/
|   |-- en/
|   |-- tutorial/
|-- src/
|   |-- moller/
|       |-- __init__.py
|       |-- main.py
|       |-- platform/
|           |-- __init__.py
|           |-- base.py
|           |-- base_slurm.py
|           |-- base_pbs.py
|           |-- base_default.py
|           |-- ohtaka.py
|           |-- kugui.py
|           |-- pbs.py
|           |-- default.py
|           |-- function.py
|           |-- utils.py
|       |-- moller_status.py
|-- sample/
```

基本的な使用方法

moller はスーパーコンピュータ向けにバッチジョブスクリプトを生成するツールです。多重実行の機能を利用して、パラメータ並列など一連の計算条件について並列にプログラムを実行します。

1. 構成定義ファイルの作成

moller を使用するには、まず、計算内容を記述した構成定義ファイルを YAML 形式で作成します。詳細についてはファイルフォーマットの章を参照してください。

2. コマンドの実行

作成した構成定義ファイルを入力として moller プログラムを実行します。バッチジョブスクリプトが生成されます。

```
$ moller -o job.sh input.yaml
```

3. バッチジョブの実行

生成されたバッチジョブスクリプトを対象となるスーパーコンピュータシステムに転送します。並列実行する各パラメータごとにディレクトリを用意し、`list.dat` にディレクトリ名を列挙します。`list.dat` には、ジョブを実行するディレクトリからの相対パスまたは絶対パスを記述します。

リストファイルが用意できたらバッチジョブを投入します。以下では、物性研システム B(ohtaka) およびシステム C(kugui) で実行するケースをそれぞれ示します。

- 物性研システム B(ohtaka) の場合

ohtaka では slurm ジョブスケジューラが使用されています。バッチジョブを投入するには、バッチジョブスクリプトを引数として `sbatch` コマンドを実行します。ジョブスクリプト名に続けてスクリプトのパラメータを渡すことができます。パラメータとしてリストファイルを指定します。

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

リストファイルの指定がない場合は `list.dat` がデフォルトとして使われます。

- 物性研システム C(kugui) の場合

kugui では PBS ジョブスケジューラが使用されています。バッチジョブを投入するには、バッチジョブスクリプトを引数として `qsub` コマンドを実行します。スクリプトのパラメータの指定はできないので、リストファイルは `list.dat` として用意する必要があります。

```
$ qsub job.sh
```

4. 結果の確認

バッチジョブ終了後に、

```
$ moller_status input.yaml list.dat
```

を実行すると、各パラメータセットについて計算が正常に終了したかどうかを集計したレポートが出力されます。

5. ジョブの再開・再実行

ジョブが途中で終わった場合、続けて実行するには、同じリストファイルを指定してもう一度バッチジョブを投入します。未実行 (未完了を含む) のタスクから実行が継続されます。

- 物性研システム B(ohtaka) の場合

以下のように、リストファイルを指定して `sbatch` コマンドを実行します。

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

エラーで終了したタスクを再実行するには、`--retry` オプションを付けてバッチジョブを投入します。

```
$ sbatch job.sh --retry list.dat
```

- 物性研システム C(kugui) の場合

job.sh を編集して `retry=0` の行を `retry=1` に書き換えた後、

```
$ qsub job.sh
```

を実行します。

参考文献

[1] O. Tange, GNU Parallel - The command-Line Power Tool, ;login: The USENIX Magazine, February 2011:42-47.

第 3 章

チュートリアル

3.1 基本的な使い方

網羅計算のためのバッチジョブスクリプト生成ツール `moller` を使うには、入力ファイルとして実行内容を記述する構成定義ファイルを用意した後、プログラム `moller` を実行します。生成されたバッチジョブスクリプトを対象とするスーパーコンピュータシステムに転送し、バッチジョブを投入して計算を行います。以下では、`docs/tutorial/moller` ディレクトリにあるサンプルを例にチュートリアルを実施します。

3.1.1 構成定義ファイルを作成する

構成定義ファイルにはバッチジョブで実行する処理の内容を記述します。ここで、バッチジョブとはスーパーコンピュータシステム等のジョブスケジューラに投入する実行内容を指します。それに対し、`moller` が対象とするプログラムの多重実行において、多重実行される一つのパラメータセットでの実行内容をジョブと呼ぶことにします。一つのジョブはいくつかの処理単位からなり、その処理単位をタスクと呼びます。`moller` ではタスクごとに多重実行し、タスクの前後で同期がとられます。

以下に構成定義ファイルのサンプルを記載します。構成定義ファイルは YAML フォーマットのテキストファイルで、実行するプラットフォームやバッチジョブのパラメータと、タスクの処理内容、前処理・後処理を記述します。

```
name: testjob
description: Sample task file

platform:
  system: ohtaka
  queue: i8cpu
  node: 1
  elapsed: 00:10:00
```

(次のページに続く)

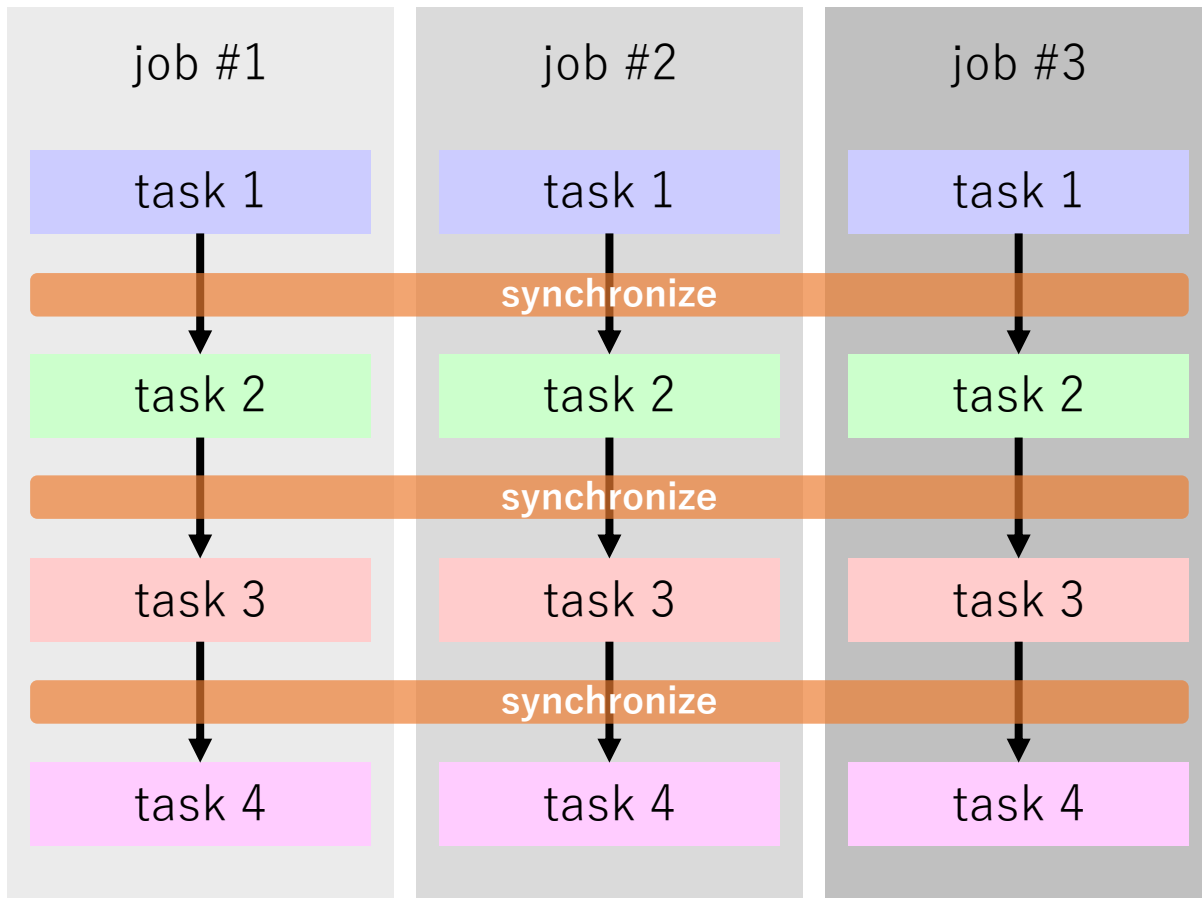


図 3.1 例: 一つのバッチジョブ内で job #1 ~ #3 の 3 つのジョブを実行する。ジョブはそれぞれ異なるパラメータセットなどに対応する。ジョブの実行内容は task 1 ~ 4 の一連のタスクからなる。タスクごとに job #1 ~ #3 の処理を並列に行う。

(前のページからの続き)

```

prologue:
  code: |
    module purge
    module load oneapi_compiler/2023.0.0 openmpi/4.1.5-oneapi-2023.0.0-classic

    ulimit -s unlimited

    source /home/issp/materiapps/intel/parallel/parallelvars-20210622-1.sh

jobs:
  start:
    parallel: false
    run: |

```

(次のページに続く)

(前のページからの続き)

```
    echo "start..."

hello:
  description: hello world
  node: [1,1]
  run: |
    echo "hello world." > result.txt
    sleep 2

hello_again:
  description: hello world again
  node: [1,1]
  run: |
    echo "hello world again." >> result.txt
    sleep 2

epilogue:
  code: |
    echo "done."
  date
```

platform セクションでは、実行するプラットフォームの種類を指定します。この場合は、物性研システム B(ohtaka) での設定をしています。

prologue セクションでは、バッチジョブの前処理を記述します。タスクを実行する前に実行する共通のコマンドラインを記述します。

jobs セクションでは、タスクの処理内容を記述します。ジョブで実行する一連のタスクを、タスク名をキー、処理内容を値として記述するテーブルの形式で記述します。

この例では、最初に"start..."を出力するタスクを start というタスク名で定義しています。ここでは parallel = false に設定しています。この場合、ジョブ単位での並列は行われず、run に記述した内容が逐次的に実行されます。

次に、"hello world."を出力するタスクを hello world というタスク名で定義しています。ここでは parallel が設定されていないので、parallel = true として扱われます。この場合、ジョブ単位での並列が行われます。同様に、次に "hello world again." を出力するタスクを hello_again というタスク名で定義しています。

最後に、epilogue セクションでは、バッチジョブの後処理を記述します。タスクを実行した後に実行する共通のコマンドラインを記述します。

仕様の詳細については [ファイルフォーマット](#) の章を参照してください。

3.1.2 バッチジョブスクリプトを生成する

構成定義ファイル (input.yaml) を入力として moller を実行します。

```
$ moller -o job.sh input.yaml
```

バッチジョブスクリプトが生成され出力されます。出力先は構成定義ファイル内のパラメータ、または、コマンドラインの -o または --output オプションで指定するファイルです。両方指定されている場合はコマンドラインパラメータが優先されます。いずれも指定がない場合は標準出力に書き出されます。

必要に応じて moller で生成したバッチジョブスクリプトを対象のシステムに転送します。なお、スクリプトの種類は bash スクリプトです。ジョブ実行時に使用するシェルを bash に設定しておく必要があります。(ログインシェルを csh 系などに行っている場合は注意)

3.1.3 リストファイルを作成する

実行するジョブのリストを作成します。moller では、ジョブごとに個別のディレクトリを用意し、そのディレクトリ内で各ジョブを実行する仕様になっています。対象となるディレクトリのリストを格納したファイルを、たとえば以下のコマンドで、リストファイルとして作成します。

```
$ /usr/bin/ls -ld > list.dat
```

チュートリアルには、データセットとリストファイルを作成するユーティリティプログラムが付属しています。

```
$ bash ./make_inputs.sh
```

を実行すると、output ディレクトリの下にデータセットに相当する dataset-0001 ~ dataset-0020 のディレクトリと、リストファイル list.dat が作成されます。

3.1.4 網羅計算を実行する

moller で生成したバッチジョブスクリプトをジョブスケジューラに投入します。この例ではジョブスクリプトと入力ファイルを output ディレクトリにコピーし、output に移動してジョブを投入しています。

```
$ cp job.sh input.yaml output/  
$ cd output  
$ sbatch job.sh list.dat
```

ジョブが実行されると、リストに記載されたディレクトリにそれぞれ "result.txt" というファイルが生成されます。"result.txt" には、ジョブ実行結果の "hello world.", "hello world again." という文字列が出力されていることが確認できます。

3.1.5 実行状況を確認する

タスクの実行状況はログファイルに出力されます。ログを収集してジョブごとに実行状況を一覧するツール `moller_status` が用意されています。ジョブを実行するディレクトリで以下を実行します。

```
$ moller_status input.yaml list.dat
```

引数には構成定義ファイル `input.yaml` とリストファイル `list.dat` を指定します。リストファイルは省略可能で、その場合はログファイルからジョブの情報を収集します。

出力サンプルを以下に示します。

job	hello	hello_again
dataset-0001	o	o
dataset-0002	o	o
dataset-0003	o	o
dataset-0004	o	o
dataset-0005	o	o
dataset-0006	o	o
dataset-0007	o	o
dataset-0008	o	o
dataset-0009	o	o
dataset-0010	o	o
dataset-0011	o	o
dataset-0012	o	o
dataset-0013	o	o
dataset-0014	o	o
dataset-0015	o	o
dataset-0016	o	o
dataset-0017	o	o
dataset-0018	o	o
dataset-0019	o	o
dataset-0020	o	o

「o」は正常終了したタスク、「x」はエラーになったタスク、「-」は前のタスクがエラーになったためスキップされたタスク、「.'」は未実行のタスクを示します。今回は全て正常終了していることがわかります。

3.2 HPhi による *moller* 計算の例

3.2.1 このチュートリアルについて

これは、量子多体問題の正確な対角化方法を実行するためのオープンソースソフトウェアパッケージである HPhi を用いた *moller* の例です。この例では、周期境界条件下の $S = 1/2$ (2S_1 ディレクトリ) と $S = 1$ (2S_2) 反強磁性ハイゼンベルク鎖の励起ギャップ Δ のシステムサイズ依存性を計算します。*moller* を使用することで、異なるシステムサイズの計算を並列に実行します。これは HPhi 公式チュートリアルの [セクション 1.4](#) に対応しています。

3.2.2 準備

moller (HTP-tools) パッケージと HPhi がインストールされていることを確認してください。このチュートリアルでは、ISSP のスーパーコンピュータシステム ohtaka を使用して計算を実行します。

3.2.3 実行方法

1. データセットを準備する

2S_1, 2S_2 に含まれるスクリプト `make_inputs.sh` を実行します。

```
$ bash ./make_inputs.sh
```

L_8, L_10, ..., L_24 (2S_2 の場合は L_18 まで) の作業ディレクトリが生成されます。ディレクトリのリストは `list.dat` ファイルに書き込まれます。さらに、作業ディレクトリからエネルギーギャップを集めるためのシェルスクリプト、`extract_gap.sh` が生成されます。

2. *moller* を使用してジョブスクリプトを生成する

`input.yaml` からジョブスクリプトを生成し、`job.sh` というファイル名で保存します。

```
$ moller -o job.sh input.yaml
```

3. バッチジョブを実行する

ジョブリストを引数としてバッチジョブを送信します。

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

4. 状態を確認する

タスク実行の状態は `moller_status` プログラムによって確認できます。

```
$ moller_status input.yaml list.dat
```

5. 結果を集める

計算が終了した後、ジョブからエネルギーギャップを以下のようにして集めます。

```
$ bash extract_gap.sh
```

このスクリプトは、長さ L とギャップ Δ のペアをテキストファイル `gap.dat` に書き込みます。

結果を視覚化するために、Gnuplot ファイル `gap.plt` が利用可能です。このファイルでは、得られたギャップデータが予想される曲線によってフィットされます。

$$\Delta(L; S = 1/2) = \Delta_{\infty} + A/L \quad (3.1)$$

および

$$\Delta(L; S = 1) = \Delta_{\infty} + B \exp(-CL). \quad (3.2)$$

グラフは次のコマンドで描画できます。

```
$ gnuplot --persist gap.plt
```

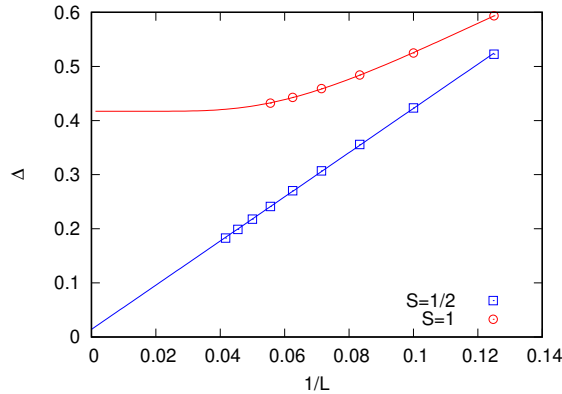


図 3.2 スピンギャップの有限サイズ効果

$S = 1/2$ の場合、対数補正によりスピンギャップは有限のままです。一方で、 $S = 1$ の場合、外挿値 $\Delta_{\infty} = 0.417(1)$ は以前の結果（例えば、QMC による $\Delta_{\infty} = 0.41048(6)$ (Todo and Kato, PRL **87**, 047203 (2001))) とよくあっています。

3.3 DSQSS による *moller* 計算の例

3.3.1 このチュートリアルについて

これは、量子多体問題の経路積分モンテカルロ法を実行するためのオープンソースソフトウェアパッケージである DSQSS を用いた *moller* の例です。この例では、周期境界条件下の $S = 1/2$ (DSQSS の用語では $M = 1$) および $S = 1$ ($M = 2$) 反強磁性ハイゼンベルク鎖の磁気感受率 χ の温度依存性を計算します。 *moller* を使用することで、異なるパラメーター (M, L, T) の計算を並列に実行します。

この例は [公式チュートリアル](#)の一つに対応しています。

3.3.2 準備

moller (HTP-tools) パッケージと DSQSS がインストールされていることを確認してください。このチュートリアルでは、ISSP のスーパーコンピュータシステム ohtaka を使用して計算を実行します。

3.3.3 実行方法

1. データセットを準備する

このパッケージに含まれるスクリプト `make_inputs.sh` を実行します。

```
$ bash ./make_inputs.sh
```

これにより、`output` ディレクトリが作成されます (すでに存在する場合は、まず削除し、再度作成します)。 `output` の下には、各パラメーター用の作業ディレクトリ (例: `L_8__M_1__T_1.0`) が生成されます。ディレクトリのリストは `list.dat` ファイルに書き込まれます。

2. *moller* を使用してジョブスクリプトを生成する

ジョブ記述ファイルを使用してジョブスクリプトを生成し、`job.sh` というファイル名で保存します。

```
$ moller -o job.sh input.yaml
```

次に、`job.sh` を `output` ディレクトリにコピーし、`output` ディレクトリに移動します。

3. バッチジョブを実行する

ジョブリストを引数としてバッチジョブを送信します。

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

4. 状態を確認する

タスク実行の状態は `moller_status` プログラムによってまとめられます。

```
$ moller_status input.yaml list.dat
```

5. 結果を集める

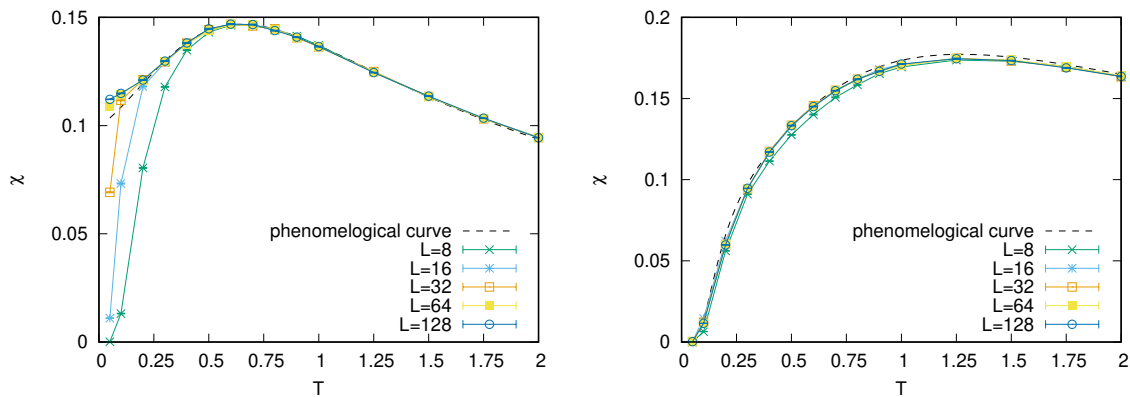
計算が終了した後、結果を以下のようにして集めます。

```
$ python3 ../extract_result.py list.dat
```

このスクリプトは、 M , L , T , χ の平均、および χ の標準誤差を含む 5 列のテキストファイル `result.dat` に結果を書き込みます。

結果を視覚化するために、GNU PLOT ファイル `plot_M1.plt` および `plot_M2.plt` が利用可能です。

```
$ gnuplot --persist plot_M1.plt
$ gnuplot --persist plot_M2.plt
```



$S = 1/2$ と $S = 1$ AFH 鎖の主な違いは、励起ギャップが消失するか ($S = 1/2$)、残るか ($S = 1$) のどちらかです。これを反映して、非常に低温領域での磁気感受率は、有限になる ($S = 1/2$) か、消失する ($S = 1$) かのどちらかです。 $S = 1/2$ の場合には、有限サイズ効果によりスピンギャップが開き、そのため小さいチェーンの磁気感受率が低下します。

第 4 章

コマンドリファレンス

4.1 moller

網羅計算のためのバッチジョブスクリプトを生成する

書式:

```
moller [-o job_script] input_yaml
```

説明:

input_yaml に指定した構成定義ファイルを読み込み、バッチジョブスクリプトを生成します。以下のオプションを受け付けます。

- -o, --output job_script

出力先のファイル名を指定します。構成定義ファイル内の output_file パラメータより優先されます。ファイル名の指定がない場合は標準出力に書き出されます。

- -h

ヘルプを表示します。

4.2 moller_status

網羅計算ジョブの実行状況をレポートする

書式:

```
moller_status [-h] [--text|--csv|--html] [--ok|--failed|--skipped|--collapsed|--  
→yet] [-o output_file] input_yaml [list_file]
```

説明:

moller で生成したジョブスクリプトを実行した際に、ジョブごとの各タスクが完了したかどうかを集計してレポートを作成します。input_yaml に指定した構成定義ファイルからタスクの内容を読み込みます。ジョブのリストは list_file に指定したファイルから取得します。list_file が指定されていないときは、実行時ログファイルから収集します。出力形式をオプションで指定できます。デフォルトはテキスト形式です。出力先を -o または --output オプションで指定します。指定がない場合は標準出力に書き出されます。

• 出力モード

出力形式を指定します。以下のいずれかを指定できます。複数同時に指定した場合はエラーになります。デフォルトはテキスト形式です。

- --text テキスト形式で出力します。
- --csv CSV (カンマ区切りテキスト) 形式で出力します。
- --html HTML 形式で出力します。

• input_yaml

moller の構成定義ファイルを指定します。

• list_file

ジョブのリストを格納したファイルを指定します。指定がない場合は、バッチジョブから出力されるログファイル log_{task}.dat から収集します。

• -o, --output output_file

出力先のファイル名を指定します。指定がない場合は標準出力に書き出されます。

• フィルタ

出力内容を指定します。以下のいずれかを指定できます。指定がない場合は全てのジョブの情報が出力されます。

- --ok 全てのタスクが完了したジョブのみを表示します。
- --failed エラー、スキップまたは未実行のタスクがあるジョブを表示します。
- --skipped 実行をスキップしたタスクがあるジョブを表示します。
- --yet 未実行のタスクがあるジョブを表示します。
- --collapsed エラー終了したタスクがあるジョブを表示します。
- --all 全てのジョブを表示します。(デフォルト)

• -h

ヘルプを表示します。

ファイル:

moller で生成したジョブスクリプトを用いてプログラムを並列実行すると、実行状況がログファイル `log_{task}.dat` に出力されます。moller_status はこのファイルを集計し、読みやすい形式に整形します。

第 5 章

ファイルフォーマット

5.1 構成定義ファイル

構成定義ファイルでは、moller でバッチジョブスクリプトを生成するための設定情報を YAML 形式で記述します。本ファイルは以下の部分から構成されます。

1. 全般的な記述: ジョブ名や出力ファイル名などを設定します。
2. platform セクション: バッチジョブを実行するシステムやバッチジョブに関する設定を記述します。
3. prologue, epilogue セクション: バッチジョブ内で行う環境設定や終了処理などを記述します。
4. jobs セクション: タスクを記述します。

5.1.1 全体

name

バッチジョブのジョブ名を指定します。指定がない場合は空欄となります。(通常はジョブスクリプトのファイル名がジョブ名になります)

description

バッチジョブの説明を記述します。コメントとして扱われます

output_file

moller の出力先ファイル名を指定します。コマンドライン引数の指定がある場合はコマンドライン引数の指定を優先します。いずれも指定がない場合は標準出力に出力されます。

5.1.2 platform

system

対象となるシステムを指定します。現状では ohtaka と kugui が指定できます。

queue

使用するバッチキューの名称を指定します。キューの名称はシステムに依存します。

node

使用するノード数を指定します。指定方法は ノード数 (整数値) または [ノード数, ノードあたりのコア数] (整数値のリスト) です。数値の範囲はシステムとキューの指定に依存します。(ノードあたりのコア数の指定は kugui,default のみ有効。ohtaka の場合は使われません。)

core

1 ノードあたり使用するコア数を指定します。数値の範囲はシステムとキューの指定に依存します。node パラメータと同時にノードあたりのコア数が指定されている場合、core の指定が優先します。(kugui,default のみ)

elapsed

バッチジョブの実行時間を指定します。書式は HH:MM:SS です。

options

その他のバッチジョブオプションを指定します。書式は、ジョブスクリプトのオプション行の内容をリスト形式または複数行からなる文字列で記述したものです。各行の冒頭の指示語 (#PBS や #SBATCH など) は含めません。以下に例を示します。

- SLURM の場合 (文字列で指定する例)

```
options: |
  --mail-type=BEGIN,END,FAIL
  --mail-user=user@sample.com
  --requeue
```

- PBS の場合 (リストで指定する例)

```
options:
  - -m bea
  - -M user@sample.com
  - -r y
```

5.1.3 prologue, epilogue

prologue セクションはタスク開始前に実行する内容を記述します。ライブラリやパスなど環境変数の設定等を行うのに利用できます。epilogue セクションは全タスク終了後に実行する内容を記述します。

code

処理内容をシェルスクリプトの記法で記述します。記述内容はバッチジョブスクリプト中に埋め込まれてバッチジョブ内で実行されます。

5.1.4 jobs

ジョブで実行する一連のタスクを、タスク名をキー、処理内容を値として記述するテーブルの形式で記述します。

キー

タスク名

値

以下の項目からなるテーブル:

description

タスクの説明を記述します。コメントとして扱われます。

node

並列度を指定します。指定方法は以下のいずれかです。

- [プロセス数, プロセスあたりのスレッド数]
- [ノード数, プロセス数, プロセスあたりのスレッド数]
- ノード数

ノード数を指定した場合、その数のノードが排他的にジョブに割り当てられます。ノード数を指定しない 1 番目の形式の場合、使用コア数が 1 ノードに満たないときは複数のジョブがノードに詰めて割当られます。1 ノード以上を使う場合は必要ノード数を占有して実行されます。

parallel

ジョブ間で多重実行する場合は true, 逐次実行する場合は false を指定します。デフォルトは true です。

run

タスクの処理内容をシェルスクリプトの記法で記述します。MPI プログラムまたは MPI/OpenMP ハイブリッドプログラムを実行する箇所は

```
srun prog [arg1, ...]
```

と記述します。srun の他に mpirun, mpiexec のキーワードが有効です。このキーワードは、実際のバッチジョブスクリプト中では、並列実行のためのコマンド (srun や mpirun) と node パラメータで指定した並列度の設定に置き換えて記述されます。

5.2 リストファイル

ジョブのリストを指定します。ファイルはテキスト形式で、一行に一つのジョブ名を記述します (ディレクトリ名がジョブ名となります)。

moller では、ジョブごとにディレクトリを用意し、ジョブ内の各タスクはディレクトリに移動して実行されます。ディレクトリはバッチジョブを実行するディレクトリの直下に配置されているものと仮定します。