Jorge Loría

Sept 25, 2017

Pocas veces se tiene la suerte de tener todos los datos en una misma tabla, o que únicamente se ocupan los datos de una sola tabla.

Pocas veces se tiene la suerte de tener todos los datos en una misma tabla, o que únicamente se ocupan los datos de una sola tabla.

Es por esto, que muchas veces se tienen que unir dataframes.

Pocas veces se tiene la suerte de tener todos los datos en una misma tabla, o que únicamente se ocupan los datos de una sola tabla.

Es por esto, que muchas veces se tienen que **unir** dataframes. El método de unión va a depender tanto de los datos de los que se dispone, como la organización que se les de.

Pocas veces se tiene la suerte de tener todos los datos en una misma tabla, o que únicamente se ocupan los datos de una sola tabla.

Es por esto, que muchas veces se tienen que **unir** dataframes. El método de unión va a depender tanto de los datos de los que se dispone, como la organización que se les de. Por el momento vamos a asumir que vienen acomodados de una forma *linda*, que luego definiremos.

Pocas veces se tiene la suerte de tener todos los datos en una misma tabla, o que únicamente se ocupan los datos de una sola tabla.

Es por esto, que muchas veces se tienen que **unir** dataframes. El método de unión va a depender tanto de los datos de los que se dispone, como la organización que se les de. Por el momento vamos a asumir que vienen acomodados de una forma *linda*, que luego definiremos.

Vamos a ver varios métodos para unión de tablas.

Datos de ejemplo

Vamos a ocupar las siguientes tablas para hacer los ejemplos de esta clase:

Más datos

```
y2 <- y1 %>%
  rename('Otro nombre' = 'nombre')
x2 \leftarrow data.frame(Otro nombre = c('a', 'b', 'c', 'a'),
                   Otro valor x = c('x1', 'x2', 'x3', 'x2'),
                   nuevo valor = c(15.7, 7.46, 6.19, 8.80),
                   stringsAsFactors = FALSE)
y3 \leftarrow data.frame(nombre = c('a', 'b', 'd', 'a'),
                   valor y = c('3y1', '3y2', '3y3', '3y4'),
                   stringsAsFactors = FALSE)
```

*_join

Hay 6 tipos de join, los cuales se parecen mucho entre sí. La gran diferencia es a *cual* de las tablas se le va a dar prioridad para conservar observaciones. Lo que se busca hacer con los join es obtener información que se tiene en otra tabla para poder realizar operaciones con variables de ambas tablas.

*_join

Hay 6 tipos de join, los cuales se parecen mucho entre sí. La gran diferencia es a *cual* de las tablas se le va a dar prioridad para conservar observaciones. Lo que se busca hacer con los join es obtener información que se tiene en otra tabla para poder realizar operaciones con variables de ambas tablas.

*_join	Prioridad
left	primer argumento
right	segundo argumento
full	ambos argumentos
inner	ambas con coincidencias
semi	primer argumento con coincidencias
anti	primer argumento sin coincidencias

*_join

Hay 6 tipos de join, los cuales se parecen mucho entre sí. La gran diferencia es a *cual* de las tablas se le va a dar prioridad para conservar observaciones. Lo que se busca hacer con los join es obtener información que se tiene en otra tabla para poder realizar operaciones con variables de ambas tablas.

*_join	Prioridad
left	primer argumento
right	segundo argumento
full	ambos argumentos
inner	ambas con coincidencias
semi	primer argumento con coincidencias
anti	primer argumento sin coincidencias
	·

Los primeros cuatro son para aumentar la cantidad de variables (como mutate). Los otros dos, son para eliminar observaciones (como filter).

left_join

Esta función busca en las columnas del primer argumento (x1) que se indiquen (con el parámetro by = 'nombre') cuales observaciones tienen coincidencias en la segunda tabla (y1) en la misma columna.

left_join

Esta función busca en las columnas del primer argumento (x1) que se indiquen (con el parámetro by = 'nombre') cuales observaciones tienen coincidencias en la segunda tabla (y1) en la misma columna.

```
left_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
##
     nombre valor x valor y
## 1
                 x1
          а
                          y1
## 2
          b
                 x2
                          y2
## 3
          b
                 x2
                          у5
               x3
                      <NA>
## 4
## 5
          а
                 x4
                          y1
```



NΑ

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible".

NΑ

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible". Dependiendo de las circunstancias y la naturaleza de los datos estos se pueden tratar de varias formas, muchas de las funciones base tiene el parámetro na.rm que viene pre definido como FALSE, si se le llama con na.rm = FALSE se omite ese valor a la hora de realizar el llamado.

NA

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible". Dependiendo de las circunstancias y la naturaleza de los datos estos se pueden tratar de varias formas, muchas de las funciones base tiene el parámetro na.rm que viene pre definido como FALSE, si se le llama con na.rm = FALSE se omite ese valor a la hora de realizar el llamado. Los valores NA pueden estar en cualquier clase de vectores: lógicos, enteros, numéricos y caracteres.

NA

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible". Dependiendo de las circunstancias y la naturaleza de los datos estos se pueden tratar de varias formas, muchas de las funciones base tiene el parámetro na.rm que viene pre definido como FALSE, si se le llama con na.rm = FALSE se omite ese valor a la hora de realizar el llamado. Los valores NA pueden estar en cualquier clase de vectores: lógicos, enteros, numéricos y caracteres. En general las funciones al recibir un NA van a devolver un NA, incluso las comparaciones: NA == 1, NA == TRUE, NA == 'Hola' v NA == NA.

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible". Dependiendo de las circunstancias y la naturaleza de los datos estos se pueden tratar de varias formas, muchas de las funciones base tiene el parámetro na.rm que viene pre definido como FALSE, si se le llama con na.rm = FALSE se omite ese valor a la hora de realizar el llamado. Los valores NA pueden estar en cualquier clase de vectores: lógicos, enteros, numéricos y caracteres. En general las funciones al recibir un NA van a devolver un NA, incluso las comparaciones: NA == 1, NA == TRUE, NA == 'Hola' v NA == NA. Para este último caso, existe una función que se llama is.na que indica si el valor es NA o no, y se puede combiar con ifelse para hacer cambios sobre estos.

En general, muchas veces **no** hay datos para todas las observaciones, por lo que se puede poner NA para estos casos. Que representa "not available", o sea: "no disponible". Dependiendo de las circunstancias y la naturaleza de los datos estos se pueden tratar de varias formas, muchas de las funciones base tiene el parámetro na.rm que viene pre definido como FALSE, si se le llama con na.rm = FALSE se omite ese valor a la hora de realizar el llamado. Los valores NA pueden estar en cualquier clase de vectores: lógicos, enteros, numéricos y caracteres. En general las funciones al recibir un NA van a devolver un NA, incluso las comparaciones: NA == 1, NA == TRUE, NA == 'Hola' y NA == NA. Para este último caso, existe una función que se llama is.na que indica si el valor es NA o no, y se puede combiar con ifelse para hacer cambios sobre estos.

Calcule la media del vector seq(-120,30,by = 15)/(2*(-8:2)), primero usando na.rm = TRUE y luego usando na.rm = FALSE.

right_join

Esta función es similar al left_join solo que conserva los valores del **segundo** argumento (cuando se lee es el de la derecha):

right_join

Esta función es similar al left_join solo que conserva los valores del **segundo** argumento (cuando se lee es el de la derecha):

```
right_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
##
   nombre valor_x valor_y
## 1
             x1
                   y1
       а
## 2
         x4
                   y1
       a
       b
## 3
             x2 y2
## 4
    d <NA>
                   y3
## 5
             x2
                   y5
```



full_join

Conserva **todas** las filas posibles de ambos argumentos, independientemente de si tienen un valor en el otro lado:

full_join

Conserva **todas** las filas posibles de ambos argumentos, independientemente de si tienen un valor en el otro lado:

```
full_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
##
     nombre valor_x valor_y
## 1
                  x1
                          y1
          a
## 2
          b
                  x2
                          y2
## 3
          b
                  x2
                          у5
                  x3
                        <NA>
## 4
## 5
                  x4
                          y1
          а
          d
## 6
                <NA>
                           у3
```

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

```
inner_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

```
inner_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
##
    nombre valor_x valor_y
## 1
              x1
                    y1
        а
             x2
                  y2
## 2
        b
        b
            x2
## 3
                   у5
             x4
## 4
        a
                    y1
```

Con esta se tiene certeza de que no se van a tener NA nuevos por el join.

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

```
inner_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
##
   nombre valor_x valor_y
## 1
              x1
                    y1
        а
             x2 y2
## 2
        b
       b
           x2
## 3
                  у5
             x4
## 4
        a
                    y1
```

Con esta se tiene certeza de que no se van a tener NA nuevos por el join. ¿Porqué?

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

```
inner_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

Con esta se tiene certeza de que no se van a tener NA nuevos por el join. ¿Porqué? Si quisiera replicar un inner_join usando un full_join y varios filter, ¿cómo lo haría?

Conserva todas las observaciones que están en ambas tamblas:

```
inner_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

Con esta se tiene certeza de que no se van a tener NA nuevos por el join. ¿Porqué? Si quisiera replicar un inner_join usando un full_join y varios filter, ¿cómo lo haría? ¿Podría hacer lo mismo con un right_join o un left_join?

Conserva todas las observaciones del primer argumento que tienen al menos una coincidencia en el segundo argumento.

```
semi_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
## nombre valor_x
## 1 a x1
## 2 a x4
## 3 b x2
```

Conserva todas las observaciones del primer argumento que tienen al menos una coincidencia en el segundo argumento.

```
semi_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
## nombre valor_x
## 1 a x1
## 2 a x4
## 3 b x2
```

Con esta se tiene la misma garantía que la que se tiene con el inner_join.

Conserva todas las observaciones del primer argumento que tienen al menos una coincidencia en el segundo argumento.

```
semi_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
## nombre valor_x
## 1 a x1
## 2 a x4
## 3 b x2
```

Con esta se tiene la misma garantía que la que se tiene con el inner_join. ; Porqué?

semi_join

Conserva todas las observaciones del primer argumento que tienen al menos una coincidencia en el segundo argumento.

```
semi_join(x1,y1,by = 'nombre')
```

```
## nombre valor_x
## 1 a x1
## 2 a x4
## 3 b x2
```

Con esta se tiene la misma garantía que la que se tiene con el inner_join. ¿Porqué? ¿Como podría hacer lo mismo pero usando otro tipo de join?

Esta quita todas las observaciones del primer argumento que tienen un valor correspondiente en el segundo argumento:

Esta quita todas las observaciones del primer argumento que tienen un valor correspondiente en el segundo argumento:

¿Se obtiene un resultado distinto si se llama como primer argumento y1 y de segundo argumento x1?

Esta quita todas las observaciones del primer argumento que tienen un valor correspondiente en el segundo argumento:

¿Se obtiene un resultado distinto si se llama como primer argumento y1 y de segundo argumento x1?

¿Qué se obtiene al llamar con el mismo dataframe en ambos argumentos?

Esta quita todas las observaciones del primer argumento que tienen un valor correspondiente en el segundo argumento:

 ξ Se obtiene un resultado distinto si se llama como primer argumento y1 y de segundo argumento x1?

¿Qué se obtiene al llamar con el mismo dataframe en ambos argumentos?

¿Se puede garantizar lo mismo que con los join anteriores?

Esta quita todas las observaciones del primer argumento que tienen un valor correspondiente en el segundo argumento:

¿Se obtiene un resultado distinto si se llama como primer argumento y1 y de segundo argumento x1?

¿Qué se obtiene al llamar con el mismo dataframe en ambos argumentos?

¿Se puede garantizar lo mismo que con los join anteriores?

¿Como puede replicar este join usando otros tipos de *_join?

```
by =
```

by

Si las tablas que se están usando tienen nombres de columnas distintas, se puede usar un vector con nombres como parámetro para realizar el *_join, y se conservan los nombres del primer data.frame:

by :

Si las tablas que se están usando tienen nombres de columnas distintas, se puede usar un vector con nombres como parámetro para realizar el *_join, y se conservan los nombres del primer data.frame:

```
x1 %>%
left_join(y2, by = c('nombre' = 'Otro_nombre'))
```

```
##
     nombre valor_x valor_y
## 1
                 x1
          а
                          y1
## 2
                 x2.
                          y2
          b
                 x2
## 3
                          y5
             x3
## 4
                      <NA>
## 5
                 x4
                          y1
          а
```

Si las tablas que se están usando tienen nombres de columnas distintas, se puede usar un vector con nombres como parámetro para realizar el *_join, y se conservan los nombres del primer data.frame:

```
x1 %>%
left_join(y2, by = c('nombre' = 'Otro_nombre'))
```

```
##
    nombre valor x valor y
## 1
               x1
         а
                       y1
## 2
               x2.
                      y2
        b
          x2
## 3
                       y5
          x3 <NA>
## 4
               x4
## 5
                       y1
         а
```

¿Cómo queda el llamado anterior si se quiere poner de primer argumento y2?

```
by =
```

Se pueden indicar más columnas usando vectores de mayor longitud:

Se pueden indicar más columnas usando vectores de mayor longitud:

```
##
     nombre valor x Mi valor nuevo valor
## 1
                                       15.70
           а
                   x1
                                        7.46
## 2
           b
                  x2.
## 3
                  x3
                              3
                                        6.19
           C
## 4
                  x4
                              4
                                          NA
           а
                                        8.80
## 5
                  x2
                             NA
           a
```

Se pueden indicar más columnas usando vectores de mayor longitud:

```
##
     nombre valor x Mi valor nuevo valor
                                     15.70
## 1
          а
                  x1
                                      7.46
## 2
          b
                 x2.
## 3
              x3
                            3
                                      6.19
## 4
                x4
                            4
                                        NA
          а
                                      8.80
## 5
                  x2
                           NA
          a
```

Haga lo anterior (incluyendo el mutate) pero usando un left_join.

Se pueden indicar más columnas usando vectores de mayor longitud:

```
##
     nombre valor x Mi valor nuevo valor
                                     15.70
## 1
          а
                  x1
                                     7.46
## 2
          b
                 x2
## 3
             x3
                            3
                                      6.19
## 4
                x4
                            4
                                        NA
          а
                                      8.80
## 5
                 x2
                           NΑ
          a
```

Haga lo anterior (incluyendo el mutate) pero usando un left_join. Repita el ejercicio pero con un right_join.

```
by =
```

by :

Si los nombres por los que se va a unir son idénticos y son las únicas columnas que cumplen esto, se puede omitir el parámetro by, pero se imprime en consola una línea de aviso de cuales columnas se están usando:

by :

Si los nombres por los que se va a unir son idénticos y son las únicas columnas que cumplen esto, se puede omitir el parámetro by, pero se imprime en consola una línea de aviso de cuales columnas se están usando:

```
x1 %>% full_join(y1)
```

```
## Joining, by = "nombre"
```

```
##
     nombre valor x valor y
## 1
                  x1
           а
                           y1
## 2
           b
                  x2
                           у2
## 3
           b
                  x2
                           у5
## 4
                  x3 <NA>
## 5
                  x4
                           y1
           a
           d
                <NA>
##
                           у3
```

Hasta el momento a cada una de las llaves le corresponde una única observación en al menos una de las tablas por las que se realiza la unión. En caso de que ambas tablas presenten valores duplicados, se hacen todas las posibles combinaciones (i.e. producto cartesiano) entre las coincidencias que se encuentren:

Hasta el momento a cada una de las llaves le corresponde una única observación en al menos una de las tablas por las que se realiza la unión. En caso de que ambas tablas presenten valores duplicados, se hacen todas las posibles combinaciones (i.e. producto cartesiano) entre las coincidencias que se encuentren:

```
x1 %>% left_join(y3, by = c('nombre'))
```

##		nombre	valor_x	valor_y
##	1	a	x1	3y1
##	2	a	x1	3y4
##	3	b	x2	3y2
##	4	С	x3	<na></na>
##	5	a	x4	3y1
##	6	a	x4	3y4

Hasta el momento a cada una de las llaves le corresponde una única observación en al menos una de las tablas por las que se realiza la unión. En caso de que ambas tablas presenten valores duplicados, se hacen todas las posibles combinaciones (i.e. producto cartesiano) entre las coincidencias que se encuentren:

```
x1 %>% left_join(y3, by = c('nombre'))
```

```
##
     nombre valor x valor y
## 1
                   x1
                          3y1
           а
## 2
                   x1
                          3y4
           а
## 3
           h
                  x2
                          3y2
## 4
                  xЗ
                         <NA>
## 5
                  x4
                          3y1
           a
## 6
                   x4
                           3y4
           a
```

Note que ahora se obtienen 4 observaciones con nombre = 'a'.

bind_*

Estas funciones unen (pegan) data.frames en un sentido más literal que el que se usa para el join. Hay dos funciones de bind_*: bind_cols que pega columnas nuevas, y bind_rows que pega filas nuevas:

bind *

Estas funciones unen (pegan) data.frames en un sentido más literal que el que se usa para el join. Hay dos funciones de bind_*: bind_cols que pega **columnas** nuevas, y bind_rows que pega **filas** nuevas:

bind cols(x1,x2)

##		${\tt nombre}$	$valor_x$	${\tt Otro_nombre}$	${\tt Otro_valor_x}$	nuevo_valor
##	1	a	x1	a	x1	15.70
##	2	b	x2	Ъ	x2	7.46
##	3	С	х3	С	x3	6.19
##	4	a	x4	a	x2	8.80

bind *

Estas funciones unen (pegan) data.frames en un sentido más literal que el que se usa para el join. Hay dos funciones de bind_*: bind_cols que pega columnas nuevas, y bind_rows que pega filas nuevas:

bind_cols(x1,x2)

##		${\tt nombre}$	$valor_x$	${\tt Otro_nombre}$	${\tt Otro_valor_x}$	nuevo_valor
##	1	a	x1	a	x1	15.70
##	2	Ъ	x2	Ъ	x2	7.46
##	3	С	x3	С	x3	6.19
##	4	a	x4	a	x2	8.80

Si los argumentos no coinciden en la cantidad de columnas, se obtiene un error.

bind *

Estas funciones unen (pegan) data.frames en un sentido más literal que el que se usa para el join. Hay dos funciones de bind_*: bind_cols que pega columnas nuevas, y bind_rows que pega filas nuevas:

bind cols(x1,x2)

##		nombre	valor_x	Otro_nombre	Otro_valor_x	nuevo_valor
##	1	a	x1	a	x1	15.70
##	2	b	x2	Ъ	x2	7.46
##	3	С	x3	С	x3	6.19
##	4	a	x4	a	x2	8.80

Si los argumentos no coinciden en la cantidad de columnas, se obtiene un error. Obtenga ese error usando:

```
x2 %>%
filter(nuevo_valor < 10 ) %>%
bind_cols(x1)
```

Para esto, se ocupa que los dataframes que se pasan como argumento tengan los mismos nombres de columnas:

Para esto, se ocupa que los dataframes que se pasan como argumento tengan los mismos nombres de columnas:

##		nombre	valor_y
##	1	a	у1
##	2	b	у2
##	3	d	уЗ
##	4	b	у5
##	5	a	3y1
##	6	b	3y2
##	7	d	3у3
##	8	a	3y4

En caso de que no, toma todas las columnas de los dataframes que se le pasen, y une en las que coinciden:

En caso de que no, toma todas las columnas de los dataframes que se le pasen, y une en las que coinciden:

```
nombre valor_x valor_y
##
## 1
                          <NA>
           а
                   x1
## 2
           b
                   x2.
                          <NA>
## 3
                   x3
                          <NA>
           C
## 4
                   x4
                          <NA>
           а
## 5
                           3y1
                 <NA>
           а
## 6
           b
                 <NA>
                           3y2
                 < NA >
## 7
           d
                           3y3
## 8
                 <NA>
                           3y4
           а
```

Se puede incluir el parámetro .id para identificar a cual tabla pertenecen las filas que se obtienen:

```
y1 %>% bind_rows(y3,.id = 'id')
```

```
id nombre valor_y
##
## 1
     1
             а
                     у1
## 2 1
                     y2
## 3 1
             d
                     yЗ
## 4
                     y5
## 5 2
                    3y1
             a
## 6
             b
                    3y2
## 7 2
             d
                    3y3
## 8
                    3y4
             а
```



Nota sobre bind_*

Por ahora solo hemos usado dos argumentos para realizar los bind, sin embargo, pueden recibir tantos argumentos como se quiera:

Nota sobre bind *

Por ahora solo hemos usado dos argumentos para realizar los bind, sin embargo, pueden recibir tantos argumentos como se quiera:

```
x1 %>% bind_cols(x2,y1,y2,y3)
```

##		nombre	valor_x	Otro_nombre	Oti	ro_valor_x	${\tt nuevo_valor}$	no
##	1	a	x1	a		x1	15.70	
##	2	b	x2	Ъ		x2	7.46	
##	3	С	x3	С		хЗ	6.19	
##	4	a	x4	a		x2	8.80	
##		Otro_no	ombre1 va	alor_y1 nomb	re2	valor_y2		
##	1		a	у1	a	3y1		
##	2		Ъ	у2	b	3y2		
##	3		d	у3	d	3у3		
##	4		b	v5	а	3v4		

expand.grid

Algunas veces hay que completar *a pata* los datos que se tienen, o se quieren obtener todas las posibles combinaciones entre varios vectores. Para este tipo de tareas, existe la función expand.grid:

expand.grid

Algunas veces hay que completar a pata los datos que se tienen, o se quieren obtener todas las posibles combinaciones entre varios vectores. Para este tipo de tareas, existe la función expand.grid:

```
## Anno Nombre
## 1 2017 Pablo
## 2 2018 Pablo
## 3 2017 Ana
## 4 2018 Ana
```

En general, pueden ponerse tantos vectores como se quieran.

expand.grid

5

6

7

8

9

2017

2018

2017

2018

2017

10 2018

11 2017

3

3

2

3

Pablo

Pablo

Ana

Ana

Ana

Ana

Ana

Como el nombre se obtiene como un factor, se puede usar el parámetro stringsAsFactors, para obtenerlos como strings.

```
expand.grid(Anno = 2017:2018, Mes = 1:3,
            Nombre = c('Pablo', 'Ana'), stringsAsFactors = FA
##
      Anno Mes Nombre
     2017
## 1
               Pablo
## 2
     2018 1
                Pablo
## 3
     2017
            2
               Pablo
## 4
     2018
             2
               Pablo
```

Ejercicio

Complete la tabla de salarios que se usó la clase anterior, puede apoyarse en las funciones expand.grid, bind_*, y unique para obtener todos los nombres de la tabla.

Ejercicio

Complete la tabla de salarios que se usó la clase anterior, puede apoyarse en las funciones expand.grid, bind_*, y unique para obtener todos los nombres de la tabla.

Termine los ejercicios que se trabajaron el lunes, si ve la oportunidad de usar lo que vimos en la clase de hoy, hágalo.

Ejercicio

Complete la tabla de salarios que se usó la clase anterior, puede apoyarse en las funciones expand.grid, bind_*, y unique para obtener todos los nombres de la tabla.

Termine los ejercicios que se trabajaron el lunes, si ve la oportunidad de usar lo que vimos en la clase de hoy, hágalo.

bind_rows

Próximamente:

tidyr :)